

Extracellular vesicles released from chronic lymphocytic leukemia cells exhibit a disease relevant mRNA signature and transfer mRNA to bystander cells

Katrin S. Reiners,¹ Olga Shatnyeva,¹ Elena Vasyutina,^{1,2} Teresa Bösl,¹ Hinrich P. Hansen,¹ Michael Hallek,^{1,2,3} Marco Herling^{1,2,3} and Elke Pogge von Strandmann^{1,4}

¹Department I of Internal Medicine, University Hospital of Cologne; ²Cluster of Excellence Cellular Stress Responses in Aging-Associated Diseases, CECAD; ³Center of Integrated Oncology Köln Bonn, CIO and ⁴Clinic for Hematology, Oncology and Immunology, Experimental Tumor Research, Center for Tumor Biology and Immunology, Philipps University, Marburg, Germany

Correspondence: poggevon@staff.uni-marburg.de
doi:10.3324/haematol.2016.153197

Supplementary Material and Methods

Patients

Collection of blood samples from CLL patients was approved by the local ethics committee of the University of Cologne under IRB #11-140 and donors provided written consent in accordance with the Declaration of Helsinki. See Supplementary Table 1A and 1B for patient characteristics.

Cell culture

CLL and healthy B cells were purified using the RosetteSep Human B cell Enrichment Cocktail (StemCell) according to manufacturer's instructions and cultured in Panserin 411S medium (Pan-Biotech, Germany) for 38-45 hours with or without addition of 200nM CpG (ODN2006, sequence: TCgTCgTTTTgTCgTTTTgTCgTT, Thioate, PTO, produced at TIB Molbiol). Human Dermal Fibroblasts (HDF_n) and human monocytic cell line THP-1 were cultured in RPMI-1640 medium (Gibco) supplemented with 10% FBS.

Isolation of EVs, mRNA sequencing and bioinformatics

Vesicles were purified from cell supernatant by serial ultracentrifugation steps.¹ RNA extraction was performed with the RNeasy Mini Kit (Qiagen) according to manufacturer's instructions. RNA quantity and quality was assessed with Agilent 2200 TapeStation, NGS RNA sequencing was performed on the GAIIX (Illumina), and data were analyzed with DAVID Bioinformatics Resources 6.7 (NIAID/NIH). DAVID 6.7. was used for the KEGG pathway analysis and the functional annotation clustering was performed with the highest classification stringency. The KEGG-pathway function included in DAVID 6.7 was used to interpret the data in the context of biological processes, pathways and networks. Both up- and down-regulated identifiers were defined as value parameters for the analysis.

Co-culture with DIO-labeled cells and microscopy

Visualization of exosome uptake was performed after co-culture of CLL and HDF_n cells for 16 h. CLL cells were labeled with DiO (Molecularprobes) according to the manufacturer recommendations (cells were incubated with 5 µM DiO for 10 min). 0.5x10⁴ of HDF_n and 5.0x10⁵ of CLL cells were grown in 500 µl of RPMI in 4 Chamber 35 mm Glass Bottom Dishes (Cellvis) and live cell imaging was performed on Nikon Spinning Disc confocal microscope.

Quantitative real time PCR (qRT-PCR)

RNA from CLL B-cells, THP-1 macrophages or HDF fibroblasts was isolated using RNeasy Kit (Qiagen, Germany) according to manufacturer's instructions, and quality and quantity of RNA was assessed with Nanodrop1000 (Thermo Scientific, Schwerte, Germany). For cDNA synthesis, 1µg of total RNA was reverse transcribed using SuperScript® VILO™ cDNA Synthesis Kit (Thermo Fisher Scientific, Germany), and 50ng cDNA was used per 1 qRT-PCR reaction. Primer sequences were designed using LasergenePrimerSelect software (DNASTAR, USA) and are summarized in Supplementary Table 3. PCR was performed using SYBR® Green PCR Master Mix (Applied Biosystems, USA) on the Applied Biosystems 7500 Real-Time PCR machine. Levels of β-actin or β-tubulin transcripts served for normalization.

CD63, CD9, TCL1A Western blot

Western blots included SDS gel electrophoresis and transfers onto nitrocellulose membranes by standard methods.

The primary antibody against CD9, CD63 (Biolegend), β-actin (Sigma), TCL1A² and horseradish peroxidase (HRP)-labeled secondary antibodies (Cell Signaling) were used to detect specific signals. The activity of HRP was visualized with ECL substrate (Promega). Primary antibodies were diluted 1:200, secondary antibody was diluted 1:10.000.

References

1. Reiners KS, Topolar D, Henke A, et al. Soluble ligands for NK cell receptors promote evasion of chronic lymphocytic leukemia cells from NK cell anti-tumor activity. *Blood*. 2013;121(18):3658-3665.
2. Herling M, Patel KA, Khalili J, et al. TCL1 shows a regulated expression pattern in chronic lymphocytic leukemia that correlates with molecular subtypes and proliferative state. *Leukemia*. 2006;20(2):280-285.

Supplementary Table 1A, Summary patient characteristics

No. of patients	12
mean age (range)	63 (47-81)
male:female	7:5
Binet stage	
A	7/12
B	3/12
C	1/12
unknown	1
p53 mut.	
yes	1
no	5
not determined	6
IgVH mut.	
yes	9
no	2
unknown	1
β-2 microglobulin [mg/L]	2.8 (1.5-4.0)
CD38 Expression [%]	27.6 (0-73)
Zap70 [%]	10.3 (1-35)
Thymidinkinase [U/L]	20.2 (3.5-46)

performed were 16 analysis from 12 patients

Supplementary Table 1B, Patient characteristics from samples for mRNAseq

	CLL(1)	CLL(2)	CLL(3)
Binet Stadium	A	B	C
age	60	57	68
sex	m	w	m
Treatment*	no	no	yes
Leukozyten (x10E9/L)	79.47	89.98	149.95
IgVH	VH3-49	nd	VH2-70*11
β2-Micorglobulin (mg/l)	1.46	2.7	2.6
TP53 Mut.	nd	nd	no
CD19*CD5+Zap70+ (%)	1	14.7	18
cytogenetic	nd	nd	del(13.q14.3)/del

nd = not determined

*Treatment: immunoglobulins, cyclophosphamide, prednison and Rituximab

Supplementary Table 3: Primers used for quantitative RT-PCR

Gene	Primer ID	Primer sequence, 5'=>3'
YES1	qYES1_3	TACGGAAGGAGATTGGTGGGAAGC
	qYES1_4	TGGAATCTGCAGGCGCTACATAAT
LYN	qLYN_3	TCCACCCGGACGACTTGTCTTTCA
	qLYN_4	TGGCCAGATAGTTGCTGGGGATGA
SYK	qSYK_3	TGGAGCAGGCCATCATCAGTCAGA
	qSYK_4	CAGGGCGTAGGAGCCGTTGTTG
MCL1	qMCL1_3	TTGGTGCCTTTGTGGCTAAACACT
	qMCL1_4	AAAAGCCAGCAGCACATTCCTGAT
AKT2	qAKT2_3	ACCTGTCCCGGGAGCGTGTCTT
	qAKT2_4	GCCCGGCCATAGTCATTGTCCTC
STAT1	qSTAT1_1	TGGTGGCGGAACCCAGGAATCTGT
	qSTAT1_2	GACCATCGGGGCTGGCGTTAGGAG
RTL27	qRTL27_1	ACCGCTACCCCGCAAAGTGACA
	qRTL27_2	GTCGGGCCTTGCGTTTAAGAGCAG
STAT3	qSTAT3_3	GCGGCCAGCAAAGAATCACA
	qSTAT3_4	CCACAATCCGGGCAATCTCCAT
TNFα	TNF α _fw	TGCTTGTTCTCAGCCTCTT
	TNF α _rev	GGGTTTGCTACAACATGGGC
BCL2	BCL2_fw	GGGTGAACTGGGGGAGGATTGT
	BCL2_rev	GGGGCCGTACAGTTCCACAAAG
TCL1A	TCL1A_fw	CCGCCTGTGGGCCTGGGAGAAGTT
	TCL1A_rev	TGGGCCTATCTGGGTGGGGGTCAT
β-actin	β -actin_fw	GACAGGATGCAGAAGGAGAT
	β -actin_rev	TTGCTGATCCACATCTGCTG
β-tubulin	β -tubulin_fw	GTGCACATCCAGGCTGGTCAGTG
	β -tubulin_rev	GTCGCTGTCCCGTGGTAGGTG

Supplementary Table 4, qRT-PCR dCT overview (Fig. 2D)**HDF**

	dCt		CLL1		CLL2	
	Ut 1	Ut 2	CLL_43_1	CLL_43_2	CLL_64_1	CLL_64_2
Bact	18,04	18,13	18,31	18,18	18,08	18,04
TCL1	26,95	26,91	23,86	23,88	23,86	23,89
LYN	27,78	27,66	24,08	23,95	24,06	24,03
SYK	36,81	38,00	22,80	22,75	22,88	22,76
MCL1	22,89	22,96	22,32	22,37	22,13	22,71
AKT2	23,14	23,12	23,11	23,13	23,04	23,04
STAT1	27,23	26,64	27,39	27,52	27,07	27,49
STAT3	23,69	23,37	23,66	23,50	23,80	23,43
RLT27	21,64	21,66	21,96	21,61	21,69	21,77
TNF	35,38	34,94	30,17	30,07	30,24	30,52
BCL2	24,22	24,29	24,61	24,46	24,41	24,86
YES1	25,01	25,02	25,44	25,42	25,37	25,59

THP-1

	dCt		CLL1		CLL2	
	Ut 1	Ut_2	CLL_43_1	CLL_43_2	CLL_64_1	CLL_64_2
Bact	18,04	18,13	18,31	18,18	18,08	18,04
TCL1	35,79	36,96	26,66	26,50	26,80	26,57
LYN	23,93	23,94	23,56	23,60	23,80	23,75
SYK	21,83	21,64	21,45	22,02	21,60	21,62
MCL1	21,71	21,63	21,47	21,44	21,61	21,86
AKT2	22,92	22,91	22,92	22,83	23,30	23,46
STAT1	28,74	28,79	27,99	28,92	28,55	28,64
STAT3	23,86	23,82	23,75	23,74	24,05	24,03
RLT27	19,70	19,76	19,37	19,32	19,47	19,50
TNF	28,28	28,05	28,08	27,88	28,07	27,95
BCL2	25,00	25,08	24,82	24,73	24,86	24,96
YES1	25,31	25,34	25,58	25,23	25,43	25,39

Ut: untreated

Supplementary Table 2

Differential expression: mRNAseq data

EnsemblID	B cell(1) CpG	B cell(2)	B cell(1)	B cell(3) CpG	B cell(3)	CLL(1)	CLL(2)	CLL(3)	CLL(1) CpG	CLL(2) CpG	CLL(3) CpG
ENSG00000130175	0,9984	0,0193	0,8131	1,1227	0,7721	0,44	0,73	3,744	1,46	1,943	2,853
ENSG00000114353	0,8432	0,086	0,1911	0,7257	0,6487	0,95	0,942	4,012	1,163	1,813	2,477
ENSG00000162434	1,058	0,8463	0,1061	1,2625	1,1937	0,43	0,631	3,534	1,455	2,146	1,981
ENSG00000122085	0,711	0,5241	0,0831	0,8948	1,0976	0,16	-0	3,593	1,031	2,342	2,48
ENSG00000143420	1,1249	0,6212	0,3786	0,8029	0,6752	0,03	0,966	3,459	1,802	2,33	1,473
ENSG00000109332	0,6521	1,0605	0,7806	0,6038	0,126	-0,06	0,716	3,562	1,821	2,326	1,725
ENSG00000154832	1,3082	0,1415	1,0018	0,2816	1,239	0,29	-0,16	3,809	2,496	1,554	1,605
ENSG00000144028	1,143	0,0306	0,3344	0,77	0,918	0,58	0,159	4,096	1,957	1,397	1,502
ENSG00000124181	1,5571	0,0364	0,9504	0,3341	1,281	0,58	0,651	3,644	1,714	0,792	2,095
ENSG00000039523	1,9939	0,1997	1,1333	0,4563	0,9639	0,65	0,3	3,729	1,376	1,909	2,811
ENSG00000182149	0,8418	0,4908	0,7034	0,5819	0,9681	-0,41	0,603	3,999	1,812	1,462	1,601
ENSG00000106263	0,911	0,3941	0,6929	0,3639	0,62	0,09	0,502	3,54	2,119	1,665	1,65
ENSG00000156860	1,0715	0,631	0,5605	0,0977	1,3824		0,44	3,376	2,178	1,255	1,935
ENSG00000007202	1,1423	0,1529	0,461	0,3427	1,2841	-0,43	-0,04	3,726	1,588	1,431	1,072
ENSG00000130254	1,3643	0,7786	0,364	-0,255	1,2654	0,11	0,651	3,746	2,36	1,697	1,027
ENSG00000168137	1,7197	1,4669	0,2407	0,4685	0,7501	0,26	-0,28	4,224	1,764	1,683	2,12
ENSG00000135387	1,1279	1,0761	0,0338	0,6143	0,0512	-0,08	0,277	4,151	1,997	1,819	2,101
ENSG00000115935	0,8098	0,893	0,5656	0,3371	1,0622	-0,28	0,868	4,221	1,987	1,675	2,839
ENSG00000099995	0,8274	0,0314	0,8182	0,0142	1,0069	-0,32	1,126	4,112	1,494	1,591	2,973
ENSG00000078369	0,7262	0,5491	0,9955	0,0613	0,8153	0,22	1,53	4,174	2,641	1,64	2,676
ENSG00000146192	0,8897	0,1243	0,3212	0,2117	0,5293	0,52	0,8	4,043	2,521	1,312	2,156
ENSG00000186635	0,8358	0,3229	0,2183	0,108	0,6198	0,46	0,496	3,982	2,023	1,193	2,693
ENSG00000100664	1,1124	0,1171	0,4394		0,4916		1,42	3,716	2,859	1,868	2,092
ENSG00000130429	0,6392	-0,186	0,1454	0,1248	0,7244	-0,34	1,207	4,056	2,5	1,594	1,4
ENSG00000072864	0,4196	0,2875	0,0365	0,1822	0,5153	1,05	0,523	3,706	2,615	1,93	2,649
ENSG00000178252	0,694	0,0595	0,3721		0,3616	0,69	0,602	4,148	1,809	2,328	2,731
ENSG00000171316	1,006	0,2452	0,0799	0,3522	0,2046	0,38	0,797	3,8	1,543	2,278	2,145
ENSG00000100353	0,6495	0,0621	0,2308	-0,163		0,26	0,293	3,56	2,073	2,657	2,18
ENSG00000106105	0,7941	0,2163	0,6088	0,1053	0,1798	0,19	-0,27	3,673	2,675	1,53	3,044
ENSG00000124177	0,4587	0,2569	0,0396	0,2986	0,4394	0,51	0,414	3,393	2,384	1,799	2,478

ENSG00000095951	0,6876	0,3452	0,0587	0,2112	0,0000	-0,06	0,465	4,089	1,414	1,147	1,937
ENSG00000125826	0,7444	0,2711	0,2715	0,2276	0,0000	0,09	0,527	3,371	1,304	1,019	2,208
ENSG00000213015	1,46	0,0366	0,2251	0,0000	0,0505	-0,09	0,225	3,857	1,46	1,099	2,387
ENSG00000163681	0,779	0,0285	0,7043	0,1329	0,4647	-0,02	0,487	3,339	1,248	0,131	1,642
ENSG00000114316	0,6627	0,136	0,0385	0,2448	0,3499	-0,21	0,21	3,661	1,199	0,853	1,62
ENSG00000109118	0,8486	0,2519	0,4128	0,854	0,0198	0,14	0,504	3,614	1,186	0,577	2,273
ENSG00000175061	1,3297	0,6205	0,4565	0,5677	0,0000	0,07	0,368	3,691	2,108	0,428	3,099
ENSG00000173889	0,1614	0,6348	0,1724	0,5126	0,2556	0,08	0,794	3,363	2,317	0,046	2,841
ENSG00000175166	0,1964	0,8063	0,4421	0,0637	1,1012	0,62	-0,12	3,87	1,457	1,648	2,583
ENSG00000176953	0,2735	0,377	1,0436	0,1283	0,9482	-0,13	0,138	4,003	2,152	0,695	2,559
ENSG00000152689	0,086	0,5564	0,2262	0,0404	0,3215	0,32	0,977	4,177	1,563	1,134	2,395
ENSG00000197102	0,0689	0,4777	0,5558	0,0000	0,8637	1,05	0,571	4,179	1,974	0,685	1,98
ENSG00000122257	0,905	0,3423	0,3507	0,0771	0,2248	0,22	-0,03	3,573	2,142	1,459	1,1
ENSG00000120438	0,7195	0,392	0,0738	0,1573	0,0182	-0,95	0,453	3,432	1,747	1,335	1,394
ENSG00000166012	0,4001	0,0102	0,0879	0,7154	0,0643	0,00	0,177	3,6	1,919	0,704	1,301
ENSG00000189403	0,9653	0,0376	0,4183	0,1742	0,3437	-0,93	0,562	4,081	2,037	0,863	1,793
ENSG00000120948	0,933	0,373	0,2041	0,2347	0,002	0,25	-0,15	3,744	1,933	0,645	1,588
ENSG00000054267	0,7422	0,1831	0,6519	0,2252	0,1087	-1,51	-0,11	3,519	2,757	0,598	1,705
ENSG00000115419	0,6705	0,3579	0,1894	0,0012	0,0000	-1,2	0,00	3,731	1,808	0,874	1,366
ENSG00000244754	0,0261	0,0801	0,3992	0,4247	0,0000	-1,11	-0,23	3,814	1,706	0,914	0,735
ENSG00000129353	0,1057	0,0000	0,2688	0,0000	0,2184	-0,94	0,00	3,313	1,383	1,139	1,26
ENSG00000134294	1,0488	0,425	1,1616	0,3326	0,3215	0,00	0,075	3,855	2,063	1,257	0,799
ENSG00000139218	1,1059	0,9774	0,2774	0,0296	0,2009	-0,46	0,00	3,965	1,637	0,875	0,918
ENSG00000122218	0,1868	0,626	0,7076	0,8843	0,4019	0,00	-0,23	3,647	0,974	1,023	1,926
ENSG00000188529	0,0166	0,5518	0,88	0,0652	0,1466	-0,22	0,076	3,685	1,51	0,226	1,003
ENSG00000089737	-0,112	0,1241	0,2606	0,7272	0,1269	0,07	-0,31	3,853	1,478	1,734	1,572
ENSG00000048649	0,4495	0,4207	0,2181	0,1262	0,2429	-0,08	-0,32	3,79	1,619	1,538	2,034
ENSG00000169062	0,1571	0,0982	0,4903	0,486	0,757	0,11	-0,3	3,289	1,752	0,985	2,003

ENSG00000139613	0,1759	0,1297	0,7759	0,1473	0,6463	-0,01	0,804	3,587	1,266	1,412	1,991
ENSG00000204209	0,0079	0,4818	1,0251	0,3989	0,7056	-0,22	0,497	3,372	1,179	1,126	1,39
ENSG00000171681	0,1837	0,7981	0,8823	0,3369	0,5322	-0,3	0,041	4,193	1,946	1,927	2,107
ENSG00000132589	0,0723	0,2795	0,9452	0,7431	0,2887	0,02	0,001	3,729	1,561	2,073	1,329
ENSG00000101109	0,0001	0,0768	0,2575	0,4353	0,0214	-0,33	0,054	3,838	2,462	1,221	2,348
ENSG00000204560	1,0253	0,464	0,2222	0,4178	0,3313	-0,75	-0,32	3,755	2,193	1,436	2,161
ENSG00000115091	0,0188	0,4055	-0,399	0,9615	0,2641	-1,43	-0,21	3,82	2,706	2,118	1,911
ENSG00000132424	0,2667	0,2876	0,3452	0,3708	0,4708	-1,18	0,191	4,218	2,888	0,622	1,358
ENSG00000113013	0,0001	0,1264	0,2371	0,3903	0,1273	0,00	0,431	4,046	2,264	1,514	1,465
ENSG00000165525	0,2648	1,0255	0,1793	0,1935	0,1959	0,00	0,361	4,048	2,242	1,364	1,045
ENSG00000084070	0,1436	1,5552	0,2164	0,3336	0,0259	-1,08	-0,09	3,788	2,617	1,569	1,469
ENSG00000134744	0,417	1,4789	1,2405	0,7321	0,422	0,55	0,569	3,914	1,749	1,595	1,088
ENSG00000075292	0,8882	1,4551	1,34	0,7461	0,6994	0,25	0,908	3,578	1,535	1,216	0,5
ENSG00000133226	0,476	1,4246	1,1593	0,1486	1,2352	0,59	0,805	4,176	1,703	1,482	1,485
ENSG00000152061	0,8425	1,0214	1,6008	0,614	0,5843	-0,04	1,098	3,489	1,377	0,568	1,799
ENSG00000090060	1,0828	1,4294	1,0307	1,1559	0,7323	0,03	0,213	3,566	2,139	1,7	1,353
ENSG00000114416	-0,019	1,8401	1,0438	0,7597	0,438	-0,35	0,064	3,501	2,049	1,552	1,87
ENSG00000204120	0,4091	1,6337	0,8909	1,064	0,6047	0,63	1,547	3,776	1,81	1,756	1,977
ENSG00000073614	0,1548	1,2021	1,0666	1,1311	0,8781	-0,43	1,496	3,507	1,383	1,572	2,007
ENSG00000117360	0,3	0,8111	0,1856	0,2121	0,6995	0,36	0,327	3,526	1,789	0,697	1,535
ENSG00000198399	0,4726	0,857	0,2182	0,0411	0,0998	0,09	0,104	3,622	1,897	0,749	1,21
ENSG00000149187	0,4627	0,4645	0,1916	0,3643	0,1247	0,39	0,186	4,175	1,761	0,67	1,617
ENSG00000110696	0,2255	0,704	0,0357	0,095	0,2283	0,66	0,38	4,119	1,181	1,871	1,018
ENSG00000152234	0,2398	0,2277	0,3202	0,0587	0,6084	0,73	0,473	3,834	0,902	1,248	1,256
ENSG00000123338	0,6629	0,1272	0,3201	0,4659	0,2731	1,03	0,527	3,821	1,424	1,6	0,911
ENSG00000116478	0,5147	-0,337	0,3378	0,3326	0,3644	0,66	0,398	3,414	1,88	1,135	0,692
ENSG00000168421	0,5891	0,3462	0,3853	0,2795	0,2117	0,3	0,556	3,733	1,262	1,305	1,272
ENSG00000172661	0,3472	0,0165	0,0539	0,0129	0,3093	0,84	0,259	3,444	1,091	1,522	1,054
ENSG00000175387	0,0628	0,4135	0,1774	0,3639	0,1381	-0,42	-0,06	3,4	2,162	2,36	1,037
ENSG00000142864	0,3625	0,3158	0,3415	0,0796	0,2753	-0,75	0,301	3,766	1,187	1,935	0,788
ENSG00000058673	0,1297	0,8492	0,3774	0,0075	0,052	-0,01	0,237	3,746	0,927	1,469	1,498

ENSG00000196305	0,0747	0,5032	0,5544	-0,057	0,1334	0,279	0,279	3,828	0,714	1,235	1,528
ENSG00000100503	0,5616	0,7007	0,5523	0,3325	0,7197	0,076	0,076	3,538	0,252	1,589	1,275
ENSG00000135390	0,5158	0,1869	0,2549	0,5448	0,141	0,897	0,897	3,979	0,959	1,791	2,262
ENSG00000111786	0,0502	0,1016	0,0136	0,4281	0,1368	-0,01	0,441	3,338	0,327	1,1	2,204
ENSG00000087088	0,198	0,0061	0,0001	0,1275	0,1392	-1,53	0,276	3,32	0,866	1,663	2,085
ENSG00000135686	0,6706	0,0001	0,0001	0,0785	0,1657	0,377	0,377	3,334	0,973	1,062	1,973
ENSG00000184428	0,4121	0,0376	0,408	0,7564	0,99	0,328	0,328	3,378	0,741	2,187	1,78
ENSG00000182095	1,5817	0,345	0,0688	1,0157	1,3018	-0,39	-0,03	3,78	0,468	1,506	2,707
ENSG00000131446	1,5875	0,6291	0,6034	0,3414	0,7163	-0,09	-0,09	4,119	0,983	1,073	1,934
ENSG00000014216	1,0452	0,9192	0,4463	0,5123	1,097	0,32	0,563	3,366	1,204	1,501	1,597
ENSG00000178950	0,833	0,6476	0,2693	0,6847	1,0979	0,406	0,406	3,629	1,24	1,032	1,904
ENSG00000145833	0,9625	0,6646	0,4526	1,3445	0,9125	-1,57	-0,23	3,48	0,653	1,82	2,068
ENSG00000198624	0,544	0,7523	0,7015	0,7015	0,5076	0,62	1,179	4,245	1,937	2,119	1,86
ENSG00000111348	0,1688	1,0693	0,3415	0,5295	0,3243	0,7	1,117	4,15	0,693	1,605	1,57
ENSG00000131143	0,4389	0,2844	0,2077	0,2104	-0,02	1,447	1,447	3,881	1,842	2,205	2,281
ENSG00000231389	0,0542	0,3956	0,808	0,0209	-0,46	1,012	1,012	4,258	1,569	2,372	1,988
ENSG00000184007	0,1591	0,143	1,145	0,0961	0,0811	-0,03	1,253	3,365	1,275	2,641	1,949
ENSG00000145741	0,0037	0,2391	0,5885	0,1866	-0,37	1,337	1,337	3,479	1,623	2,453	2,243
ENSG00000197728	0,3814	0,313	0,0984	0,54	2,289	3,2	0,784	1,942	2,883		
ENSG00000137413	0,2499	0,0777	0,2554	0,0156	0,7204	0,68	0,668	2,265	0,339	3,556	0,723
ENSG00000137200	0,3042	1,0598	0,1208	0,2353	0,3813	0,45	-0,13	2,64	0,592	3,58	1,349
ENSG00000147677	0,4428	-1,4	0,0614	0,1543	0,3071	0,23	0,271	2,892	0,981	3,406	1,54
ENSG00000160285	0,9406	0,3752	0,5084	0,9137	0,3063	0,272	0,272	3,261	0,064	1,973	0,492
ENSG00000104365	1,988	1,0258	1,4147	1,0901	1,3196	1,23	1,369	3,519	1,818	1,192	2,04
ENSG00000175309	1,7227	0,8604	1,2757	1,1106	1,4907	1,11	1,463	3,612	1,769	1,034	2,272
ENSG00000169554	1,5027	1,1819	1,5454	0,863	1,1182	0,92	0,984	3,523	1,647	0,994	1,794
ENSG00000140992	1,9519	1,014	1,2093	1,035	1,1688	0,93	1,039	3,425	1,315	0,914	1,827
ENSG00000141551	1,6687	0,3652	1,5122	1,4497	1,0734	0,92	0,932	3,49	1,514	1,196	1,873
ENSG00000168259	1,3555	0,7424	1,1011	0,9155	1,1874	0,77	1,296	4,026	0,986	1,677	2,291
ENSG00000205352	1,3986	0,4008	0,7725	0,7005	0,8945	1,12	1,314	3,585	0,942	1,783	1,736
ENSG00000143799	1,5293	0,8212	0,7071	0,7835	0,2159	1,21	1,578	3,764	0,95	1,78	2,263

ENSG00000104133	1,5312	1,3561	1,0005	0,8892	1,3317	1,48	1,086	4,282	0,544	0,673	2,617
ENSG00000161010	1,6038	1,0857	0,8196	1,2275	1,6167	0,87	0,928	3,814	0,888	0,601	2,346
ENSG00000185404	1,3968	1,1038	0,7535	1,5129	1,0295	1,5	1,33	3,506	0,983	0,537	2,385
ENSG00000131018	0,9625	0,9807	1,2239	1,2498	0,9581	1,26	0,894	3,802	0,975	1,066	2,11
ENSG00000072135	1,3259	0,8446	1,7086	0,9189	1,2613	0,88	1,638	3,621	0,746	0,552	2,225
ENSG00000143442	0,9211	0,5402	1,4027	1,4817	1,864	0,56	1,242	3,481	0,015	1,439	2,542
ENSG00000159592	0,7315	0,8164	0,9924	0,0419	0,7033	0,22	0,597	4,028	0,65	1,182	1,512
ENSG00000101596	1,1115	0,4132	0,6396	0,2393	0,5187	0,33	0,629	3,646	0,659	1,244	1,439
ENSG00000089597	0,5832	0,7099	0,6949	0,2667	0,8971	0,75	0,784	3,459	0,646	1,274	1,455
ENSG00000172775	1,0665	0,5885	0,777	0,0236	0,3607	0,32	0,921	4,122	0,687	1,654	2,228
ENSG00000181789	2,0163	0,9621	1,6038	0,0465	1,2092	1,16	1,068	3,416	-0,05	1,562	2,276
ENSG00000244687	1,4174	0,8773	1,2302	1,0304	1,1134	1,19	1,636	3,464	1,41	1,515	1,002
ENSG00000181666	0,8834	0,3987	0,9089	0,6347	1,2287	0,98	1,527	3,61	1,283	1,15	1,231
ENSG00000187147	1,2041	0,6123	0,5503	0,9122	1,0373	0,95	0,764	3,541	1,546	1,448	1,785
ENSG00000105483	1,1533	0,4661	0,9892	0,7414	0,5774	0,33	0,935	3,52	1,123	1,528	1,425
ENSG00000266173	1,4629	0,9969	0,5598	0,7643	1,1927	0,83	0,478	3,502	0,807	1,692	0,624
ENSG00000133030	0,6828	0,282	1,4096	1,3751	1,3298	1,43	1,045	3,651	0,629	1,284	1,382
ENSG00000196187	1,3176	0,4764	0,6651	1,0693	1,582	1,4	1,286	3,465	0,174	1,076	0,986
ENSG00000161203	1,018	0,8085	1,3712	1,0385	1,35	0,928	3,391	1,639	1,577	0,653	
ENSG00000174353	1,5714	1,4249	1,1382	1,0898	1,5566	1,25	1,098	3,573	1,419	0,466	1,395
ENSG00000115464	1,4334	1,3345	1,3248	1,7803	1,0901	0,66	0,928	3,792	1,017	0,918	0,934
ENSG00000145191	0,8977	1,9093	1,0214	0,7576	1,1941	0,87	0,51	3,364	1,428	0,692	0,038
ENSG00000196295	1,6121	1,4523	1,6409	0,9322	1,6156	1,45	1,713	3,839	0,191	1,095	0,518
ENSG00000135164	2,2625	1,1103	0,8552	0,8511	0,0873	0,42	1,451	3,436	0,923	1,419	0,522
ENSG00000137337	0,2367	0,3345	3,3758	1,5702	0,2493	0,18	0,47	2,87	0,446	0,884	0,487
ENSG00000141298	0,3693	0,3327	0,5664	0,0337	0,3199	0,68	1,282	3,659	1,108	0,272	0,982
ENSG00000001084	0,2379	0,5466	0,7382	0,3303	0,2836	0,76	0,675	3,369	0,456	1,003	0,732
ENSG00000172432	0,1728	0,1358	0,3256	0,3364	0,7713	1,01	0,3	3,321	0,971	0,406	1,005
ENSG00000128915	0,6647	0,2225	0,5662	0,1693	0,3628	0,5	0,233	4,01	0,85	0,086	0,075
ENSG00000167232	0,306	0,4137	0,1855	0,603	0,6328	0,05	0,275	3,426	0,455	0,46	0,34
ENSG00000231074	0,6437	0,6094	1,3639	0,455	0,7362	0,79	0,205	4,177	0,186	0,041	0,724
ENSG00000168385	0,8708	0,321	0,8581	0,2525	0,6639	0,16	0,376	4,229	0,387	1,072	0,938
ENSG00000103994	0,1931	0,1837	0,3599	0,335	0,0202	0,25	0,623	3,457	0,37	0,42	0,688
ENSG00000090975	0,1743	0,3873	0,3072	0,2884	0,143	-0	0,402	3,639	0,44	0,731	0,915
ENSG00000100599	0,2098	0,9588	0,376	0,0427	0,2	1,009	3,345	0,206	0,134	1,636	
ENSG00000214425	0,3591	0,0874	0,3106	0,8655	0,6357	0,51	1,022	3,596	0,94	0,317	1,082
ENSG00000120733	0,0918	0,1917	0,5581	0,8506	0,314	0,58	0,387	3,378	0,28	0,28	1,274
ENSG00000143374	0,1165	0,0003	0,0684	1,0066	0,81	0,492	3,877	0,116	-0,28	0,502	

ENSG00000115085	0,5836	0,0863	0,0579	0,4584	0,9914	0,08	-0,07	3,327	0,017	-1,13	0,307
ENSG00000134684	0,9844	0,0996	0,7093	0,8215	0,7759	0,64	0,762	3,806	0,815	0,751	1,952
ENSG00000147548	1,0394	0,5946	0,6789	0,4693	0,6814	1,1	1,021	3,872	0,6	0,487	1,209
ENSG00000058272	1,2505	1,2371	0,967	0,9995	0,6845	0,74	0,143	3,988	1,137	0,01	1,547
ENSG00000114857	1,2874	0,5109	0,6833	0,6143	1,2809	0,29	0,303	3,479	1,231	0,163	0,816
ENSG00000188352	0,8494	1,4325	1,381	0,563	0,3185	0,37	0,409	4,263	0,652	-0,25	1,247
ENSG00000126456	0,3983	1,1397	0,4138	0,1536	0,9159	0,44	0,174	3,405	0,445	0,108	2,287
ENSG00000153914	0,5263	0,9763	0,368	0,0122	0,3714	-0,01	-0,04	3,51	0,39	0,26	1,787
ENSG00000007168	0,4215	1,151	1,099	0,4053	0,7998	0,46	0,149	3,359	0,482	-0,02	1,292
ENSG00000049618	0,4657	0,1564	0,3928	0,9147	0,5562	1,52	1,085	3,369	0,863	0,803	2,08
ENSG00000134954	0,0978	0,3373	0,0256	0,365	0,668	1,03	1,098	3,777	0,687	0,976	2,31
ENSG00000125637	1,4422	0,4002	0,2585	0,0661	0,3198	0,85	0,411	4,02	0,783	1,288	2,416
ENSG00000093000	0,6981	0,0845	0,2045	0,3136	0,4697	0,64	0,192	3,728	0,228	1,068	1,914
ENSG00000198911	1,2955	1,0916	0,1857	-0,26	0,1769	1,37	0,923	4,073	0,678	0,072	1,741
ENSG00000154803	0,8685	0,5419	0,3534	0,321	0,8854	0,82	1,488	3,753		1,111	2,228
ENSG00000176871	0,3553	-0,061	0,4424	0,0677	0,3694	1,03	1,004	3,75		0,762	2,168
ENSG00000177311	1,3906	0,3635	0,6718	0,888	0,3758	0,92	1,033	3,437		1,281	0,972
ENSG00000243302	1,3234	1,4087	0,2306	1,4277	0,7944	1,21	0,774	3,474	0,175	1,463	1,232
ENSG00000198837	0,5658	1,4581	0,1817	1,2458	1,1557	0,65	0,808	3,68	0,476	0,826	1,604
ENSG00000092148	0,68	1,3723	0,5219	0,7629	1,0358	0,12	0,764	3,582		1,494	1,783
ENSG00000140632	0,4375	0,2366	0,0913	0,3173	0,3531	0,93	0,579	3,682	0,717	0,721	1,904
ENSG00000131401		0,1033	0,1687	0,0623	0,1864	0,23	0,749	3,909	0,551	0,901	1,381
ENSG00000117713	0,2334		0,0253	0,3516	0,1175	0,51	0,226	4,123	0,323	0,51	1,597
ENSG00000086102	0,0349	0,4007	0,1987	0,5144	0,2208	0,46	0,607	3,411	0,039	0,554	0,865
ENSG00000160014	0,3958	0,2288	0,0647	0,2986	0,1053	0,36	-0,06	4,001	0,686	1,088	1,459
ENSG00000182670	0,1986	0,489	-0,061	0,4502	0,1038	0,37	0,094	3,907	-0,07	1,195	1,003
ENSG00000186918	0,2795	0,0628	0,7117		0,2927	0,39	-0,12	4,033	0,245	1,314	1,337
ENSG00000110446			0,3449	0,2902	0,2917	0,69	0,15	3,25	-0,14	1,185	2,44
ENSG00000175215	1,0472		1,2158	0,1949	0,0365	0,05	-0,02	3,785		0,736	0,586
ENSG00000008952	1,9308		0,6865	0,323	0,2834	0,21	0,759	4,011		0,737	1,805
ENSG00000214046	0,375	0,4982	0,4669	0,3823	1,1405	0,05	0,656	3,633	-2,17	0,744	0,942
ENSG00000115525	0,9213		0,2416		0,1724	0,68	1,264	4,256	-2,07	0,245	1,561

				0,1212							
ENSG00000105287	0,8997	0,1214	1,0377	0,0837	0,1761	-1,08	0,018	4,266	-0,03	1,55	3,111
ENSG00000240505	0,4324	-1,147	0,9102	0,4289			0,004	4,168	-1,38	1,786	3,614
ENSG00000214022	1,0493		0,3826		0,1745	-0,39	-0,32	3,72	-0,95	0,63	2,503
ENSG00000163644	0,4338		-0,101	0,4235	0,3542		-0,95	3,372	-1,13	0,308	1,982
ENSG00000118482	1,0182		0,5104	-0,188	0,1278			3,428		0,43	3,464
ENSG00000203326	0,2725	3,2166	0,2656	1,3063	2,5502	1,08	0,602	2,241		0,902	
ENSG00000144736	-0,935	0,2335	0,2772		3,4588		0,192	0,231	0,859	0,505	-0,14
ENSG00000060138	1,4699	2,3325	0,0068	0,2273	0,3651	-0,43	0,459	3,675	2,933	2,099	2,511
ENSG00000156273	1,2773	1,2785	0,4188	0,3404	0,4458	0,35	0,659	3,392	2,744	2,386	1,974
ENSG00000105701	-0,91	1,722	-1,742	0,0996	-0,348			3,173	1,972	1,378	2,474
ENSG00000130826	2,0652	1,3621	2,4215	0,3019	0,0904	0,15	0,695	3,355	0,595	1,446	1,734
ENSG00000073169	1,2381	2,9036	2,6056	1,6764	1,3287	-2,61	1,856	3,883	3,858	3,692	0,448
ENSG00000197386	2,0829	1,2448	0,6103	0,6443	0,9037	1,06	0,94	3,708	2,986	2,401	2,15
ENSG00000004534	1,9955	1,3254	0,4998	0,397	1,2144	1,16	0,754	3,746	2,873	1,917	1,977
ENSG00000133313	2,2809	1,3943	0,9522	1,281	1,3618	1,4	0,732	4,28	2,547	2,109	2,443
ENSG00000075856	1,5663	1,4028	1,3468	0,4659	1,4296	1,21	0,336	3,762	2,622	1,835	2,328
ENSG00000132780	1,5467	1,0692	1,5108	1,5614	1,4292	0,91	0,885	3,987	2,693	1,952	1,437
ENSG00000108799	1,5134	1,0958	1,4286	1,2897	0,667	1,29	1,095	3,442	2,599	2,576	1,657
ENSG00000105221	1,647	1,5851	1,565	1,1766	1,7632	1,06	1,019	3,748	3,232	1,341	2,07
ENSG00000140829	1,4644	0,7199	1,7148	1,3101	1,5985	0,69	1,042	3,851	2,891	1,472	2,33
ENSG00000153113	1,914	1,8688	1,4546	1,0527	0,9998	0,73	1,214	3,942	2,553	0,746	1,93
ENSG00000179335	1,8677	1,6111	1,0542	1,1287	1,7505	0,95	1,451	3,503	2,313	1,56	1,43
ENSG00000132676	2,1936	1,5554	0,8899	0,5741	1,9195	0,71	1,244	3,612	1,989	1,673	1,877
ENSG000000044115	1,8772	1,2183	0,7153	1,2937	1,3366	1,5	1,368	3,604	1,92	1,437	1,96
ENSG00000100226	1,4146	0,2787	0,6079	0,8663	1,0552	1,14	0,679	3,379	3,255	1,652	2,598
ENSG00000055609	1,3773	0,2159	0,9414	0,6017	0,6994	0,79	0,454	3,923	2,881	1,498	2,502
ENSG00000130811	1,6188	0,2865	0,3439	0,1509	1,3247	0,66	0,36	3,223	2,738	1,389	2,204
ENSG00000197971	2,0043	0,5115	0,9466	0,7621	0,7709	1,77	1,136	3,491	3,087	1,336	2,415
ENSG00000155849	1,5537	0,8363	0,74	1,0872	0,959	1,59	0,72	2,78	3,291	0,801	1,574
ENSG00000065357	1,6476	0,8628	0,5281	1,3658	1,1275	0,8	1,042	3,869	2,415	1,452	2,425
ENSG00000100083	1,5539	0,9448	0,6966	1,0149	1,5127	0,62	0,449	4,036	2,066	1,435	2,47
ENSG00000266714	1,1447	0,4136	0,6724	1,8968	1,4628	1,19	0,137	3,63	2,487	1,233	2,698
ENSG00000126457	2,2942	0,5954	1,0262	1,7644	2,0357	0,64	0,848	3,44	2,218	0,749	2,215
ENSG00000104714	1,5981	1,0302	0,4437	0,7319	0,9958	0,76	0,801	3,295	1,35	0,891	3,386
ENSG00000129667	1,3042	0,1265	0,8511	1,0227	1,1036	0,52	0,129	3,085	2,225	0,733	3,352
ENSG00000270647	1,348	1,0102	0,8767	0,9983	0,7843	1,05	1,158	3,926	1,65	2,003	2,899

ENSG00000163466	0,8728	0,75	0,6409	0,9918	0,9023	0,64	1,29	4,118	1,997	2,258	2,341
ENSG00000144645	1,1598	1,4284	0,5091	1,0497	1,2158	1,5	1,659	3,732	2,113	2,381	2,437
ENSG00000125755	1,0142	1,0322	0,9091	0,1155	1,132	1,03	1,634	3,727	1,814	1,317	2,385
ENSG00000198231	0,752	1,2254	0,1087	0,6574	0,6847	1,18	1,42	3,533	1,617	1,131	1,889
ENSG00000213983	0,7625	0,6271	0,3669	0,7411	0,79	1,2	1,515	3,41	2,753	2,01	1,42
ENSG00000178971	1,1993	0,3935	0,594	0,6504	0,559	0,96	1,484	3,462	1,9	1,888	1,115
ENSG00000108349	1,7321	0,3962	0,315	0,5554	0,8699	1,21	1,269	3,683	2,182	1,647	2,011
ENSG00000120899	1,4025	0,053	0,4153	1,0108	1,9213	1,07	1,244	3,812	1,725	2,382	1,844
ENSG00000122359	1,6667	0,1005	0,3651	0,4329	1,0021	2,05	1,578	3,489	1,131	2,165	2,05
ENSG00000123349	0,5652		0,7523	0,6419	0,7803	0,7	2,368	3,895	2,387	2,379	2,868
ENSG00000108312	1,0397		1,0982	1,0335	0,8804	0,99	1,599	4,186	1,716	1,583	2,552
ENSG00000003402	1,8363	1,5393	1,4263	1,3248	1,6664	0,49	1,363	4,264	2,245	2,264	2,893
ENSG00000105397	1,8061	1,3796	0,9109	1,2165	1,4248	0,94	1,628	4,178	2,303	2,698	2,269
ENSG00000099331	1,8774	1,2999	0,5646	0,7496	1,6549	0,69	1,054	4,241	1,751	1,981	2,544
ENSG00000124357	1,5854	0,8279	1,4783	0,5651	1,2165	0,67	1,543	4,137	2,189	2,482	2,571
ENSG00000087087	1,3242	1,352	1,4485	0,8507	1,4766	0,35	0,797	4,261	1,914	2,93	2,458
ENSG00000177731	0,987	0,956	0,2925	0,4489	1,4286	0,5	0,913	4,054	2,758	2,241	3,224
ENSG00000023902	1,0241	1,1422	0,6564	0,6846	0,8002	0,27	0,387	3,85	2,061	2,352	2,6
ENSG00000174243	1,1463	1,5326	1,2798	1,5206	1,8911	0,99	1,382	3,763	3,138	2,279	2,811
ENSG00000168488	1,5997	1,6488	0,5889	1,5698	1,5696	0,42	1,007	4,191	3,289	2,294	2,638
ENSG00000167460	0,9369	0,6843	1,0255	1,525	1,2871	0,72	1,077	4,235	3,868	2,906	2,687
ENSG00000130816	2,0004	1,0026	1,4561	1,7565	1,9601	1,62	1,428	3,721	2,916	1,434	3,387
ENSG00000275023	2,0272	1,1368	1,1642	1,3516	2,093	1,33	1,803	3,777	2,045	1,263	3,938
ENSG00000114867	1,7148	1,0524	1,0037	1,083	1,747	1,76	1,958	4,239	2,331	1,599	2,546
ENSG00000197226	1,7042	0,5137	0,7574	1,2995	1,4587	1,68	1,809	4,04	1,669	0,954	2,863
ENSG00000111203	1,5511	1,6192	1,0839	1,649	1,3081	2,1	2,224	3,979	1,755	1,754	2,262
ENSG00000153944	1,0657	1,8181	1,4922	0,8761	1,2281	2,34	1,391	4,186	1,574	1,227	2,887
ENSG00000133943	2,2049	1,38	1,8236	0,9926	1,5212	2,37	2,273	3,597	2,089	1,011	1,842
ENSG00000204469	1,583	1,1991	1,0571	0,8185	1,7073	1,53	1,513	4,228	1,411	2,176	2,948
ENSG00000116584	1,5477	0,9335	0,8363	0,9585	1,56	1,21	1,919	3,632	1,194	1,78	2,572
ENSG00000158517	1,9953	1,0917	1,5152	1,2657	1,3937	1,07	1,306	3,558	1,301	2,081	2,842
ENSG00000116580	1,7138	1,3633	1,5913	1,2483	1,6131	1,69	1,624	3,576	0,984	1,63	1,805
ENSG00000175115	1,1636	1,6147	1,2385	0,6021	1,5628	1,57	1,35	3,636	1,011	1,983	2,168
ENSG00000159352	0,8933	1,1882	1,1592	1,8009	1,5876	1,55	1,508	3,479	1,148	2,35	2,406
ENSG00000015133	1,8036	1,9569	1,8937	1,3873	2,1763	1,29	1,18	4,279	1,41	2,193	2,81
ENSG00000090621	1,3358	1,1256	0,8964	1,1599	1,2356	2,02	1,763	4,121	3,041	2,954	2,662
ENSG00000132716	1,261	1,179	1,7095	0,9846	1,1247	1,64	1,657	4,11	3,291	2,429	2,316
ENSG00000166387	1,1227	1,1457	1,7298	1,1867	0,8291	1,95	2,334	3,437	2,892	2,212	2,427
ENSG00000012124	1,7386	1,1672	1,5812	1,0593	1,1825	2,27	1,893	4,105	3,043	3,06	3,648
ENSG00000196535	1,4883	1,025	1,4102	1,237	1,7738	2,07	2,045	4,185	2,556	2,415	3,187
ENSG00000076928	2,2268	1,0991	1,1356	1,8321	2,3081	1,33	2,026	4,052	2,97	2,363	3,36
ENSG00000105323	1,6055	1,7867	0,9051	1,627	2,1614	1,11	2,045	4,049	2,169	2,913	2,894
ENSG00000184110	1,905	1,7362	2,0049	1,6271	2,4334	1,92	1,693	3,861	2,754	3,063	2,352
ENSG00000079805	2,6373	1,3069	1,5409	1,9852	2,3722	1,96	2,014	4,002	2,756	1,522	2,575
ENSG00000204843	2,4911	1,319	1,0485	1,6635	1,6438	2,18	1,512	3,522	2,415	2,003	2,271

ENSG00000140853	2,6411	1,7714	1,6779	1,7076	1,6884	1,93	1,648	3,411	3,647	1,832	2,23
ENSG00000243156	3,1323	1,5038	2,2341	1,7846	1,6929	1,17	1,439	3,097	3,159	2,147	3,059
ENSG00000083845	1,053	0,4399	0,0248	0,1997	0,2532	0,39	2,092	3,807	2,084	2,738	4,108
ENSG00000110700	0,8588	0,2859	0,0483	0,6308	0,4082	1,04	2,154	3,568	1,53	2,302	3,348
ENSG00000175826	0,6162	0,0064	0,3043	0,2698	0,7204		2,462	3,12	2,3	1,414	3,322
ENSG00000116251	0,4037	0,4199	0,15	0,2577	0,4379	0,16	1,777	3,55	1,784	1,59	2,688
ENSG00000182899	0,2293	1,3408	0,4054	0,2841	1,2833	1,32	2,604	3,565	0,658	1,296	3,989
ENSG00000196531	1,4482	1,6579	0,9658	0,6979	1,1814	1,3	3,069	4,242	3,591	3,795	3,666
ENSG00000265681	1,2222	1,1888	0,7982	1,0565	0,9208	1,98	2,76	4,207	3,341	3,431	4,248
ENSG00000134419	1,2088	0,1193	0,6996	0,8173	0,8511	1,99	3,158	3,634	2,926	3,602	3,939
ENSG00000162244	0,3374	0,6679	0,5308	0,2577	0,8961	1,39	2,815	4,125	2,899	2,821	3,863
ENSG00000221983	0,6587	0,1348	0,1441	0,0296	0,8116	0,46	2,575	4,152	3,001	3,282	3,768
ENSG00000198242	1,2825	0,8268	0,5349	0,2577	0,9892	1,13	3,185	4,238	3,756	3,649	4,161
ENSG00000104964	2,4844	0,0314	0,8301	0,4553	1,2745	1,33	2,672	4,154	2,944	2,468	2,658
ENSG00000275832	1,8408	1,7609	0,1739	0,9337	1,7794	0,49	1,026	3,996	4,063	4,256	3,048
ENSG00000141026	1,9089	1,2157	0,9569	1,5031	1,734	0,7	0,83	3,542	4,029	3,846	2,504
ENSG00000160714	2,2522	0,1953	0,9601	0,1778	1,0913	1,05	1,113	3,149	4,161	3,65	4,016
ENSG00000198938	2,8209	1,1274	1,7967	1,1852	1,5623	2,34	3,139	3,29	2,162	2,866	4,262
ENSG00000212907	3,3217	1,2423	2,329	1,0098	0,2577	2,6	2,751	3,423	2,598	3,544	3,953
ENSG00000273516	3,4474	2,6224	2,6967	1,7929	1,4652	2,23	2,18	2,178	3,963	1,806	2,15
ENSG00000252105	3,9282	2,6224	2,1562	2,3137	1,5527	1,8	1,88	1,889	3,963	1,806	2,15
ENSG00000277678	2,4727	2,4807	1,0187	2,4788	1,5527	2,7	2,364	1,889	3,963	1,806	2,15
ENSG00000203814	2,1633	1,0585	1,8655	1,0365	1,0444	1,01	1,798	0,572	3,513	1,294	1,524
ENSG00000108883	0,5127	1,6698	1,7395	0,9526	1,6781	1,37	1,244	3,422	2,634	1,717	0,885
ENSG00000184445	0,9551	1,8521	1,5072	1,165	1,5364	0,81	1,052	3,491	1,473	2,275	0,324
ENSG00000204842	1,3884	1,5834	1,4324	1,062	1,1481	1,12	1,456	2,795	1,565	3,71	0,9
ENSG00000145012	1,6343	2,2484	1,6849	1,3314	1,15	1,26	0,689	2,78	3,892	2,485	0,035
ENSG00000258154	4,0555	2,1613	1,1189	3,3834	1,8205	0,69	1,874	2,543	-0,11	2,19	2,291
ENSG00000251668	3,3411	0,6907	1,1653	2,5154	1,1916	-1,08	0,697	2,579	-0,07	2,23	2,816
ENSG00000241973	2,78	0,2231	1,4323	1,838	2,1081	1,21	1,609	3,432	0,716	2,005	2,269
ENSG00000004455	2,9774	0,8101	0,9047	0,552	2,5784	0,43	1,216	3,243	0,993	1,303	1,247
ENSG00000236383	1,9998	1,4964	1,4661	1,3839	1,986	1,8	1,386	4,173	0,93	0,571	2,348
ENSG00000168961	2,1209	0,0671	0,9019	1,6695	0,9524	1,64	1,04	4,193	-1,85	1,204	1,883
ENSG00000172053	0,986	0,3665	0,7906	0,2175	1,0867	1,11	1,3	3,698	2,43	2,372	2,166
ENSG00000013364	0,7389	0,6698	0,2131	0,2646	0,7931	1,01	1,148	4,035	2,22	2,036	2,454
ENSG00000136861	0,4017	0,0286	0,3646	0,716	0,4751	1,43	1,285	3,386	2,835	1,863	2,344
ENSG00000134516	0,7806	0,6597	0,7792	0,9819	0,6313	1,39	1,424	3,643	2,931	2,929	1,792
ENSG00000169057	0,2753	1,068	0,5623	0,2184	1,045	1,27	1,513	3,882	3,336	2,128	1,978
ENSG00000160799	1,3546	0,44	0,6646	0,7572	1,0647	1,29	1,121	3,157	3,03	2,996	1,748
ENSG00000214078	1,9192	0,0003	1,2608	0,5438	0,2538	1,13	1,296	4,081	2,684	2,007	1,291

ENSG00000156976	1,3178	0,3918	0,3892	0,0913	0,6434	0,31	0,965	4,095	3,818	2,052	1,476
ENSG00000101361	1,1345	0,4477	0,2542	0,0638	0,5146	0,09	0,208	3,828	3,328	1,963	1,485
ENSG00000071127	0,9996	-0,311	0,0192	0,5717	0,4651	-0,02	0,602	3,968	3,5	2,039	1,372
ENSG00000123329	1,8572	-0,221	0,209	0,7341	1,0752	0,61	1,079	3,961	3,604	1,63	1,425
ENSG00000133316	0,7115	0,0559	0,7687	0,8574	1,3508	0,44	1,076	2,802	3,358	2	0,782
ENSG00000100038	0,8217	0,2194	-0,232	0,1438	1,1818	0,6	1,331	2,782	3,922	1,473	0,791
ENSG00000068400	0,05	1,1567		0,6583	0,5551	1,74	1,796	3,606	3,857	1,97	2,286
ENSG00000161960	0,2801	0,9812	0,0571	0,9749	0,7548	0,36	1,476	3,92	3,249	2,629	2,191
ENSG00000168610	2,1091	0,7112	2,1152	0,7405	1,0106	0,71	1,794	3,441	3,942	1,996	1,949
ENSG00000072778	1,9526	0,0087	1,5043	1,4023	1,5837	0,91	1,49	2,934	3,975	2,097	2,445
ENSG00000168003	1,9603		1,3437	0,802	1,087	1,01	1,412	2,764	4,214	1,02	2,904
ENSG00000094631	1,178	0,9854	0,9368	0,4917	1,2074	2,06	2,081	3,071	4,058	1,513	2,806
ENSG00000198830	1,1481	0,1863	1,0744	0,686	1,09	0,26	0,786	3,993	2,698	2,435	1,84
ENSG00000076604	0,3625	0,4096	0,8622	0,2223	0,5606	0,23	0,623	3,904	2,892	2,693	1,79
ENSG00000108953	0,5964	0,2344	0,5009	0,4913	0,8122	-0,41	0,964	4,24	2,562	1,893	2,301
ENSG00000185811	1,2542	0,4199	0,5301	0,4605	0,3103	0,26	1,051	3,839	2,087	1,905	2,071
ENSG00000173039	0,9167	0,8765	0,5197	0,4212	1,3508	0,49	0,684	3,775	2,425	2,62	3,109
ENSG00000074370	0,8928	0,3062	0,3691	0,2665	1,0626	0,46	0,973	3,759	2,186	2,76	2,159
ENSG00000204642	0,5335	0,3649	0,1681	0,3439	0,4915	0,46	0,488	3,999	3,763	2,182	2,84
ENSG00000110047	0,9526		0,0809	0,0754	0,0578	-0,08	0,387	4,137	3,914	2,808	2,601
ENSG00000141002	0,9598	0,4525	0,5163	0,5823	1,5351	-0,23	1,106	3,406	3,582	1,831	3,088
ENSG00000140264	1,4518	1,5501	0,3286	0,2026	0,5901	0,8	0,889	4,088	3,473	3,332	2,779
ENSG00000182199	1,34	1,5832	0,0772	0,2166	0,8567	1,12	0,57	3,818	2,773	2,614	3,519
ENSG00000069399	1,1683	0,3349	0,1376	0,0681	0,5303	-0,08	-0,18	2,862	3,18	3,019	2,291
ENSG00000089094	0,7856	0,0621	0,042	0,0936	0,5596	-0,1	0,031	3,351	2,639	2,697	2,55
ENSG00000117676	0,8012	0,1008	1,0462	0,2246	0,5385	0,72	0,088	3,122	1,806	3,383	2,497
ENSG00000185624	0,6494	0,4114	0,0018	0,2701	1,1765	-1,09	0,863	3,475	2,688	1,739	3,002
ENSG00000204463	1,0843	0,1467	0,4054	0,1037	0,4835	-0,44	0,209	3,787	2,274	1,829	2,661
ENSG00000234741	1,0615	0,0006	0,2555	0,1105	0,1662	-1,05	0,235	3,703	3,714	1,257	2,798
ENSG00000167522	1,2476	0,5113	0,0954	0,7535	1,4862	0,75	0,521	3,762	3,352	2,073	2,088
ENSG00000075415	1,0982	0,5609	0,5391	0,5602	0,4572	-0,28	0,599	3,545	2,649	1,986	1,716
ENSG00000072818	0,994	1,1877		0,0788	0,8975	-1,18	0,346	3,863	2,721	1,756	2,665

			1,6269								
ENSG00000178685	0,9677	0,6613		0,5527	0,7228	-1,56	0,199	3,487	2,262	0,633	2,555
ENSG00000144381	0,7709	0,498	-0,334	0,0252	0,9691	-0,1	-0,41	3,583	3,543	1,548	1,262
ENSG00000101901	0,4521	0,3026	0,0999	0,0587	0,2069	-0,75	-0,25	3,546	3,4	1,111	0,552
ENSG00000156738	0,1296	1,1786	0,2403	-0,398	1,0674	-0,75	-0,06	3,364	3,221	1,459	1,188
ENSG00000163660	1,3468	0,6659	0,7623	0,5135	0,5029	-0,9	-0,12	4,085	3,619	1,941	0,731
ENSG00000189266	1,4911	0,9374		0,3945	0,8673	-1,13	1,906	3,742	3,156	1,518	0,733
ENSG00000115524	3,5972	0,3957	0,5754	0,4248	0,2092	0,13	0,33	3,83	2,399	0,729	1,44
ENSG00000196547	0,1085	0,3722	0,4761	0,6965	1,2169	0,31	0,061	3,491	3,006	1,377	1,168
ENSG00000149532	0,0835	0,316	0,3058	0,3209	0,5733	-0,28	-0,31	3,364	2,836	1,075	0,721
ENSG00000253816	0,3485	0,1175	-0,068	0,3494	0,4424	1,17	0,51	3,002	3,171	0,786	0,725
ENSG00000075539	0,8153	0,9297	0,9535	0,6663	0,2833	-0,07	-0,2	3,591	2,767	0,506	0,584
ENSG00000223509	0,3647	0,1555	0,3012	0,6359	0,0519	-0,18	-0,22	3,246	2,438	0,184	0,108
ENSG00000175265	0,7961			-0,213	0,1047	0,43	-0	3,926	3,964	1,116	1,817
ENSG00000090924	0,5146	0,0154	0,3137	0,5137	0,5318	-0,07	-0,22	2,76	3,316	0,604	2,301
ENSG00000125503	0,8923	0,4183	0,2362	0,5983	0,6177	-0,06	-0,9	2,994	3,037	1,444	1,997
ENSG00000105726	1,0851	0,3527	0,277	0,0544	0,9281	0,15	-0,9	3,567	2,436	0,39	1,806
ENSG00000134440	0,5945	0,0395	1,2204	0,0872	0,2376	0,71		3,589	2,724	0,209	0,809
ENSG00000267322	1,5233	0,3819	0,3863	0,2265	0,4125	1,19	0,854	3,247	4,135	1,988	1,417
ENSG00000126012	0,2479	0,6211	1,2068			1,52	1,12	2,513	3,26	1,428	1,346
ENSG00000065413	1,9141	0,5973	0,3253	0,3597	0,1115	1,4	1,044	3,365	2,591	1,03	0,42
ENSG00000197989	0,9667	0,0739	0,3254		0,1035		0,305	2,079	3,638	1,316	0,924
ENSG00000214756	1,7461	0,5225	0,8133	0,3745	0,5029		0,38	1,449	3,881	1,41	0,945
ENSG00000071242	0,2127	0,5705	0,2759	1,2106		0,4		1,15	3,316	0,006	1,306
ENSG00000175110	0,6476	0,2355	0,1707	0,1023	0,1747	0,2	0,678	-0,25	4,047	0,929	0,092
ENSG00000156299	0,3119	1,1736	0,1297	-0,324	0,4125	0,47	0,162	-0,02	3,435	0,094	0,266
ENSG00000149806	0,3547	1,0834	0,5027	1,0729	-0,09	1,33	2,613	3,984	4,005	3,699	3,409
ENSG00000118181	0,5969	1,1849		1,6128		0,86	2,363	3,929	3,597	3,672	3,747
ENSG00000241343	0,7355					2,11	2,641	3,793	3,897	3,953	4,009

			0,3873	0,1502	0,4478						
ENSG00000174748	0,617	0,1902	0,0862	0,4612	0,3799	0,94	2,628	4,183	2,346	3,451	3,758
ENSG00000163682	0,6169	0,0088	0,1756	0,2774	0,2841	0,94	2,829	3,81	1,513	2,981	3,466
ENSG00000171863	0,0931	0,9832		0,39	0,222	0,8	2,553	3,94	1,87	3,149	3,142
ENSG00000124614	0,1475	1,7785		0,3505	0,2447	0,69	2,471	3,468	2,461	2,384	3,76
ENSG00000233927	0,2893	0,9493	0,8955	1,2049	0,0679	0,54	1,79	3,981	2,569	3,048	4,101
ENSG00000279483	0,0011	1,1328	-1,368	0,2466	0,0132	0,83	2,027	2,943	1,896	2,388	3,115
ENSG00000131469	0,0001	-2,352	1,5441	0,4391	1,7758	1,32	2,679	3,865	2,915	2,714	4,125
ENSG00000235979	1,9695	1,0327	0,4826	0,608	0,9583	0,76	4,092	0,96	1,815	0,59	3,199
ENSG00000178075	2,6911	1,1444	0,222	0,3548	1,0566	-1,67	2,936	0,44	1,637	3,209	1,407
ENSG00000261236	0,5387	3,0542	1,0076	0,2273	0,0746	-2,35	3,745	1,758	0,368	0,157	0,213
ENSG00000261599	3,0058	3,5205	3,1739	3,4745	3,3751	3,34	2,912	0,101	1,163	2,11	2,254
ENSG00000260644	2,9351	3,4245	3,0612	3,3649	3,235	3,22	2,837	0,106	1,034	2,092	2,219
ENSG00000236008	2,8564	3,5079	3,0318	3,288	3,3332	2,92	2,981	0,36	0,761	2,392	2,077
ENSG00000275512	2,862	3,7152	3,1329	3,4622	3,4272	2,93	2,823	0,675	1,044	1,863	1,696
ENSG00000278895	2,5469	3,2381	2,783	3,2498	3,3056	3,08	2,76	0,62	0,304	2,292	2,127
ENSG00000008086	2,4262	3,1576	2,8545	2,9498	3,0923	3,1	2,967	0,173	0,672	2,308	2,055
ENSG00000258123	2,4951	3,3285	2,8693	3,1809	3,1326	2,92	2,655	1,147	0,793	1,894	2,227
ENSG00000241288	3,3222	2,7495	2,5074	3,0275	2,9334	2,35	2,316	0,328	1,353	2,069	1,441
ENSG00000204909	2,6856	3,0936	2,696	2,8461	3,3898	2,11	2,372	0,324	0,676	1,719	1,865
ENSG00000230612	2,6959	3,5804	3,2125	3,2433	3,2865	3,01	2,727		0,946	1,504	2,227
ENSG00000279734	2,7067	3,394	3,2735	3,317	3,2796	2,84	2,736	-0,02	0,878	1,179	1,466
ENSG00000249409	2,4009	2,834	2,9005	2,8818	3,1653	3,02	3,219	0,41	1,4	1,487	1,997
ENSG00000234520	2,0716	3,4031	1,8665	2,8638	2,4811	2,31	2,118	0,053	1,817	0,725	1,553
ENSG00000234665	3,6178	3,2328	3,2905	3,2957	2,6246	2,2	2,26	1,09	1,717	2,961	1,383
ENSG00000259048	3,48	2,9373	2,7727	3,4611	3,0501	1,52	2,141	0,43	1,7	2,699	1,831
ENSG00000277422	3,8429	2,7377	2,211	3,1981	3,2241	1,67	2,21	0,28	0,763	2,343	2,045
ENSG00000249339	2,3883	2,0274	1,9072	3,1144	3,0482	4,14	3,489	0,013	1,747	2,939	2,752
ENSG00000249427	2,1381	2,0441	1,9352	3,1025	2,9245	4,08	3,439	-0,08	1,521	2,794	2,662
ENSG00000250296	2,3939	2,1942	1,7771	3,0608	2,7143	4,12	3,494	-0,16	1,363	2,911	2,615
ENSG00000249329	2,4679	2,3151	2,1763	3,448	3,1185	4,19	3,685	0,141	2,011	3,048	2,865
ENSG00000250807	2,2823	2,2023	2,022	3,3629	3,0559	4,05	3,51	-0,01	1,86	3,214	2,749
ENSG00000250088	2,594	2,1364	2,1763	3,5719	3,0686	4,02	3,118	-0,01	1,046	2,79	2,267
ENSG00000276257	3,4842	1,8344	2,2486	2,0148	2,5715	3,7	3,862	0,197	0,445	3,247	2,949
ENSG00000234812	3,3152	2,0603	2,2486	2,0148	2,4947	3,56	3,752	0,197	0,445	3,107	2,992
ENSG00000159289	3,777	2,4522	2,8066	2,4839	2,7685	3,59	2,887	0,05	0,414	2,828	2,686
ENSG00000197462	2,9417	3,0316	3,0719	3,0775	2,7692	3,7	3,236	-1,7	0,387	1,686	2,626
ENSG00000143429	3,168	2,7993	3,0397	2,9693	3,0062	2,8	2,902	0,19	0,042	2,44	2,26
ENSG00000277870	3,5468	2,6648	3,0996	2,531	2,3406	3,43	3,18	-1,4	1,392	2,084	1,546

ENSG00000215498	3,7	2,3518	2,9853	2,6789	2,4528	2,8	2,475	-1,29	0,944	2,144	1,668
ENSG00000153684	3,1522	1,7802	2,8125	3,0295	2,6095	3,86	3,453	-2,07	1,789	2,721	2,483
ENSG00000183629	2,9493	1,7541	2,5968	2,6916	2,3864	3,63	3,118	-1,91	1,498	2,44	1,936
ENSG00000259692	2,8332	1,762	2,3292	2,2839	2,6135	3,7	3,019	-1	0,584	1,565	2,645
ENSG00000275239	2,5162	1,7022	2,8465	2,5978	1,8298	3,81	3,141	-1,6	0,6	1,678	2,432
ENSG00000278001	2,3567	2,5148	2,5473	1,8943	2,0483	3,62	2,74		1,148	1,548	1,89
ENSG00000235578	3,1519	1,34	2,712	2,2955	1,5306	3,23	2,515		0,622	2,104	1,926
ENSG00000276241	2,6374	1,5903	2,112	1,9186	1,9495	3,48	2,601	0,25	0,685	1,589	1,506
ENSG00000276795	2,4845	1,8138	2,4986	1,6125	2,0073	3,67	2,556	-1,03		0,915	2,021
ENSG00000254229	2,3879	1,4455	1,8256	2,7327	2,9787	2,33	2,829	0,1	-0,14	3,317	1,532
ENSG00000248861	1,6377	1,4955	1,3631	2,7545	2,466	3,55	2,9	-0,89	1,149	2,628	2,007
ENSG00000260218	3,1273	1,9016	2,0143	2,5255	1,0812	3,17	2,465	-1,36	1,254	2,553	2,399
ENSG00000273900	2,7701	1,0811	1,1973	2,3074	1,4016	3,43	3,121	-0,39	1,03	2,811	2,295
ENSG00000033170	3,4948	2,8176	2,6687	2,8053	3,1339	3,05	3,075	1,266	1,758	1,907	3,072
ENSG00000184206	3,3721	2,4561	3,0315	2,7855	2,7403	3,1	2,902	1,429	0,983	2,089	3,032
ENSG00000274808	3,9899	2,6338	3,4956	2,7086	2,8887	3,46	2,628	0,999	0,61	1,666	2,644
ENSG00000213071	3,3436	3,022	2,9135	2,7817	2,6778	3,31	2,814	0,417	0,672	1,99	1,9
ENSG00000248268	3,1444	2,2245	2,4329	2,4297	2,9609	3,7	3,102	0,628	0,193	1,491	2,868
ENSG00000225889	2,9107	1,9161	2,1791	2,5837	2,2272	3,39	2,935	1,012	0,778	1,831	2,64
ENSG00000215156	2,5077	1,8656	2,0031	1,2582	1,5561	3,64	2,276	1,69	0,631	1,201	2,335
ENSG00000279126	3,4441	3,446	2,9979	3,1553	4,1985	2,33	2,263	0,955	0,699	1,727	2,15
ENSG00000278938	3,3857	3,6889	3,1871	2,9658	4,0726	2,34	2,294	0,723	0,379	1,977	2,228
ENSG00000280298	3,3888	3,4682	2,9053	2,9881	4,1173	2,6	2,204	0,554	0,91	1,655	1,937
ENSG00000280170	3,5212	3,0602	3,0586	3,1692	3,9204	2,02	1,903	0,936	0,123	1,523	1,493
ENSG00000281657	2,8536	3,9411	3,1669	3,5126	3,5402	2,33	2,32	0,54	-0,22	1,157	1,657
ENSG00000152253	2,4468	3,1395	2,4582	2,9255	2,8475	2,45	2,367	-0,35	-0,04	1,347	1,395
ENSG00000130052	2,4955	3,3321	2,5667	3,013	2,8923	2,4	2,202	-0,31	-0,9	1,379	1,913
ENSG00000260975	2,3576	3,6826	3,4824	3,1893	3,3908	3,46	2,893	0,216		1,83	2,05
ENSG00000186960	3,9409	2,6275	2,9136	2,9825	3,5021	2,79	2,707	1,335	-0,96	1,41	2,459
ENSG00000249736	2,8033	2,8458	2,5791	2,3874	3,3941	3,38	2,989	0,816		0,445	2,658
ENSG00000224699	2,694	3,0194	2,4136	3,0935	3,0519	2,74	2,274	0,421	-2,47	3,25	1,137
ENSG00000280127	2,5337	2,6153	2,341	2,3013	3,2935	1,12	1,612	-0,88	-0,29	1,524	1,478
ENSG00000280403	2,569	2,4228	2,0716	2,3212	3,307	1,49	1,863	-0,9	-0,04	0,926	1,519
ENSG00000280141	2,838	3,2235	2,5294	2,5734	3,667	1,75	1,9	-0,11	-0,25	1,595	1,479
ENSG00000259752	3,0607	2,4011	1,9644	2,2198	3,1174	1,11	1,481	0,459	0,221	1,088	1,214
ENSG00000279654	2,7429	2,794	2,3544	2,2669	3,4585	1,06	1,223	0,274	-1,23	1,128	2,288
ENSG00000188185	3,3096	1,3911	1,5154	2,2611	2,5875	0,71	0,815	0,278	-0,32	1,522	1,743
ENSG00000279533	3,1077	2,961	2,0472	2,531	3,5725	1,58	1,747	1,925	0,91	1,678	2,078
ENSG00000267383	3,2146	2,4865	2,2533	2,8831	3,232	1,55	1,379	1,632	0,895	1,204	1,755
ENSG00000234072	3,0287	2,3399	2,0247	2,6462	3,3168	1,12	1,524	1,95	0,105	1,508	2,115
ENSG00000280230	3,4958	3,236	2,7654	3,4398	3,4117	1,46	1,61	1,571		2,346	1,249
ENSG00000279560	3,2288	2,5468	2,4686	3,1888	2,6546	1,79	2,051		0,03	0,126	1,101
ENSG00000167281	3,6183	1,1792	1,6822	3,3111	2,1785	0,95	1,657	-0,41		0,432	0,273
ENSG00000173597	2,9866	3,7411	3,4728	3,5521	3,6722	3,25	3,159	0,795	1,189	2,18	2,495
ENSG00000079482	2,8959	3,714	3,2138	3,4418	3,5417	3,2	3,038	0,811	1,201	2,369	2,274
ENSG00000275764	3,0888	3,516	3,3478	3,4778	3,4582	3,48	3,296	1,01	1,181	2,433	2,697
ENSG00000174607	3,0471	3,8577	3,3106	3,6993	3,6157	3,08	2,845	1,285	1,099	1,982	2,302

ENSG00000237515	3,3382	4,1194	3,6861	3,8131	3,9529	3,59	3,401	1,133	1,338	2,604	2,66
ENSG00000069431	3,2595	3,9603	3,5386	3,8004	3,8749	3,45	3,282	0,823	1,39	2,538	2,704
ENSG00000188596	3,1248	4,1216	3,5607	3,7684	3,7646	3,11	3,128	0,931	1,598	2,404	2,547
ENSG00000091651	3,5906	3,6003	3,0919	3,2426	4,2303	2,58	2,784	2,018	1,197	2,39	2,64
ENSG00000236778	3,2582	3,4491	3,66	3,5688	3,4765	3,68	3,452	1,926	2,337	2,199	2,729
ENSG00000112096	2,8755	3,4793	3,1574	3,2528	3,3752	3,39	3,097	1,367	2,615	2,095	2,313
ENSG00000013573	3,5537	2,5989	2,9211	2,816	2,8608	3,36	3,331	1,253	2,479	2,401	2,398
ENSG00000278932	3,8041	3,7148	3,1439	3,7402	3,6991	2,58	2,848	1,31	3,439	2,364	2,279
ENSG00000132297	3,5797	3,1382	3,1511	3,5116	3,0477	3,99	3,603	0,753	1,889	3,076	3,255
ENSG00000184224	3,6198	3,0866	3,3818	3,4103	3,2913	3,62	3,572	1,123	1,749	2,948	3,038
ENSG00000265992	3,2538	3,2548	2,9313	3,308	3,2615	3,26	3,053	-0,12	1,668	2,951	2,582
ENSG00000164265	3,8087	3,7118	3,6495	4,0748	3,4748	2,97	2,891	1,003	2,236	3,04	2,185
ENSG00000226429	3,7945	3,2797	4,0785	3,7824	2,9589	3,67	3,446	0,305	2,47	2,759	1,949
ENSG00000267834	3,5879	3,6732	3,4342	3,3021	3,821	3,85	3,483	0,987	0,751	2,277	2,587
ENSG00000263812	3,2004	3,6052	3,2997	3,6163	3,6629	3,88	3,432	0,115	1,079	2,235	2,279
ENSG00000235493	3,4757	3,8617	3,6668	3,8397	4,0051	3,77	3,749	0,13	0,939	1,708	2,944
ENSG00000258225	4,0952	3,0712	3,393	3,2667	3,6984	4,23	3,869	1,682	0,509	2,037	3,799
ENSG00000278250	3,9453	3,2258	3,3903	3,3414	3,8513	3,73	3,561	2,39	0,622	1,775	3,329
ENSG00000144306	3,5858	2,7989	2,8712	3,2806	3,5321	3,9	3,538	1,668	1,376	2,211	3,679
ENSG00000100181	3,8456	3,6759	3,704	3,5941	3,5637	3,96	3,949	2,733	1,632	3,114	3,35
ENSG00000269713	3,752	3,4477	3,7569	3,6862	3,7811	3,96	3,543	2,63	1,973	2,827	2,592
ENSG00000266754	3,4329	2,9113	2,9257	3,182	3,3936	3,82	2,598	1,861	0,98	2,333	2,532
ENSG00000276997	2,9541	2,4932	3,057	3,1762	3,3394	3,38	2,693	2,21	1,01	3,135	2,093
ENSG00000105808	4,226	2,4943	3,2605	3,3856	3,3657	3,54	3,441	2,332	0,585	3,7	3,043
ENSG00000168255	3,423	2,9044	2,9983	3,0756	3,6119	2,61	2,811	4,166	2,062	2,219	2,369
ENSG00000183426	3,46	3,1602	2,9895	3,1975	3,153	2,79	3,009	3,7	1,871	2,27	2,362
ENSG00000179818	3,6293	3,073	3,48	3,0346	3,317	3,23	3,297	3,916	2,416	2,832	3,106
ENSG00000168461	3,7519	3,5437	3,5365	3,2327	2,5524	4,2	2,792	2,691	3,011	4,26	2,24
ENSG00000198089	2,6297	2,8333	2,2665	2,5029	2,8266	2,59	2,685	3,884	2,216	2,984	2,588
ENSG00000228434	2,8025	2,7123	1,9566	2,4888	2,9016	2,9	2,582	3,936	1,329	2,294	2,644
ENSG00000109111	2,4677	2,2489	2,3612	1,9069	2,2019	2,56	2,698	3,846	0,901	2,211	2,713
ENSG00000179134	2,677	2,743	1,9721	1,8947	2,5983	1,94	2,007	3,646	1,521	1,235	2,056
ENSG00000108474	4,1098	2,7817	2,9253	3,4674	3,6934	2,26	2,202	2,805	1,674	1,988	2,579
ENSG00000139344	4,0817	2,3005	2,4333	3,502	3,8938	1,51	1,853	2,787	0,905	1,414	3,147
ENSG00000008710	3,8394	2,0588	2,3929	2,9583	3,0429	1,56	1,974	2,566	2,392	2,586	2,979
ENSG00000257900	4,1687	1,9908	2,7663	3,3874	3,774	2,24	2,14	3,171	0,99	2,314	3,311
ENSG00000176134	3,3628	1,7963	1,8499	2,6609	2,0184	2,44	2,64	-2,63	0,272	2,535	2,131
ENSG00000206142	3,3341	1,6998	2,5772	2,3604	2,0277	2,4	2,207	-1,74	0,238	1,426	1,384
ENSG00000065534	2,6717	0,9652	1,5451	1,8111	1,7773	3,1	2,829	-1,92	-0,01	2,539	0,967
ENSG00000184906	2,7338	2,3628	2,9359	2,0089	2,2866	2,73	2,882	-2,8	-1,96	2,442	1,381
ENSG00000260834	3,7463	2,4721	1,8312	2,3066	2,1566	2,46	1,932	-3,09	0,01	1,202	0,713
ENSG00000230615	1,9449	1,1969	4,1104	0,8559	2,9837	1,81	1,428	-2,47	0,437	1,756	0,35
ENSG00000280721	1,8207	0,1168	2,7568	1,027	1,1812	1,43	2,071	-3,05	0,01	3,445	0,426
ENSG00000270074	3,1609	2,1298	2,5567	3,6509	3,7208	3	3,034	-3,91	1,743	2,808	2,634
ENSG00000235355	2,0772	2,6983	1,381	2,5154	3,2401	0,43	0,379	-2,56	-1,09	-1,03	1,818
ENSG00000260908	2,968	0,6464	0,2372	0,3611	3,2965	0,91	0,718	-1,9	0,01	0,01	1,064

ENSG00000277770	3,6508	2,6465	2,2782	2,5208	2,2772	3,53	2,697	-2,72	-2,73	-0,98	2,453
ENSG00000134453	0,5241	0,202	0,035	0,0594	0,3462	-0,31	0,6	3,263	2,605	1,514	1,437
ENSG00000136527	0,8228	0,0843	0,1721	0,0529	0,1578	-0,36	0,184	3,242	2,781	1,404	0,929
ENSG00000184863	0,7474	-0,069	0,0642	0,4332	0,1314		0,282	3,876	3	1,06	1,769
ENSG00000092010	0,5891	0,4479	0,3683	0,3447	0,5842	-0,32	-0,38	3,092	3,001	1,347	1,044
ENSG00000167553	0,07	0,1991	0,2252	0,3648	0,1134		-0,07	3,233	2,94	1,168	1,249
ENSG00000095585	0,9371	0,3359	0,2305	0,6023	0,715	-0,02	0,704	3,975	2,128	1,617	1,668
ENSG00000205531	0,7188		0,249	0,0993	0,1937	-0,13	0,314	3,827	2,422	1,212	1,51
ENSG00000100897	0,8143	0,1788	0,4526	0,2543	0,2091	0,16	0,174	3,391	1,586	1,67	2,018
ENSG00000231925	0,9632	0,3209	0,1989	0,3334	0,3855	-0,3	-0,31	3,357	2,215	1,571	2,078
ENSG00000247982	0,3755		0,484	0,1652			0,602	3,592	3,214	2,565	1,899
ENSG00000011304	0,9398	0,4564	0,0471	0,2294	0,0538	-1,22	0,377	3,443	2,62	2,224	1,987
ENSG00000111669	1,3979		0,5464	0,2844	0,1814	-0,9	0,484	3,604	3,777	1,946	1,304
ENSG00000138834	0,5577	0,0422	0,0132	0,4208	0,6013	-1,5	0,32	3,365	2,644	1,31	2,004
ENSG00000081237	0,2891	0,2403	0,2406	0,5697	0,0114	-1,64	0,563	3,401	2,473	1,154	2,083
ENSG00000100297	0,1838	0,3676	0,4132	0,4442	0,7352	-1,03	0,451	3,07	2,784	1,193	1,093
ENSG00000233276	0,5666	2,1687	1,2049	0,3615	0,6318	-0,96	0,759	2,936	3,554	1,355	2,05
ENSG00000104783	0,2743	0,3421	0,074	0,3505	0,0633	0,11	0,556	3,369	1,996	0,733	0,359
ENSG00000227671	0,1964	1,0482	0,1307	0,4222	0,0864	-0,27	0,207	3,352	1,933	1,154	0,927
ENSG00000074800	0,7553	1,1411	0,2804		0,502	0,29	0,766	3,96	1,767	1,258	1,243
ENSG00000196924	0,2138	0,4334	0,1798	1,4485	0,2901	0,18	-0,15	3,268	2,645	1,935	1,045
ENSG00000178035	0,0357		0,0249	1,0616	0,0104	0,23	0,605	3,179	2,416	1,715	0,452
ENSG00000144218	0,3822	0,9648	0,0123		0,0209	-0,16	1,148	4,057	3,672	0,882	0,922
ENSG00000111142	0,0056	-0,308	1,418	0,9978		-0,25	0,047	3,698	2,483	2,256	1,331
ENSG00000152601	0,5976	1,0568	0,6611	1,1638	1,0584	-0,02	0,032	3,496	2,613	1,939	1,948
ENSG00000254505	1,2441	0,2159	0,88	1,6278	0,0353	-0,88	0,088	3,522	1,99	1,514	1,412
ENSG00000105063	0,5996			0,5686	0,9768	0,34	0,1	4,086	1,721	1,215	2,126

ENSG00000171456	0,3683	0,2587	0,5135	0,8857	0,4054	-0,12	0,431	3,713	1,307	1,374	1,481
ENSG00000147421	0,1716	0,3594	0,2441	0,1802	0,1473	0,58	0,482	3,71	1,287	1,134	1,774
ENSG00000002834	0,0231	-	0,4139	0,3174	0,4564	0,4	0,377	3,864	1,333	1,255	2,078
ENSG00000033327	0,2296	-	1,2356	0,1898	0,0161	0,13	0,2	3,37	1,833	1,063	1,697
ENSG00000136279	0,3798	-1,206	0,9147	0,1006	0,0652	0,15	0,02	3,511	1,67	0,506	1,111
ENSG00000167106	0,2135	0,3699	0,4101	0,1046	0,6425	0,79	0,082	3,465	2,306	0,275	2,674
ENSG00000177463	0,0849	0,2924	0,0294	0,3048	0,3501	0,35	-0,01	3,331	2,003	0,599	1,799
ENSG00000100307	0,0781	0,3075	0,3025	0,5115	0,7387	0,42	0,065	3,415	1,182	0,069	2,099
ENSG00000178982	0,0472	1,6561	0,0531	0,2708	0,4693	1,21	0,743	3,405	2,311	2,023	2,143
ENSG00000123143	0,1917	2,3118	0,3174	0,0369	0,7683	0,67	0,289	3,492	1,439	1,835	2,016
ENSG00000106948	0,0329	1,2838	0,9324	-0,307	0,06	0,37	0,502	4,22	2,226	1,673	2,379
ENSG00000126247	0,0232	1,5141	0,0258	1,2226	0,0923	0,1	0,254	4,149	1,948	1,712	2,062
ENSG00000099956	0,7678	1,5025	0,2824	0,4654	0,5437	0,31	0,247	3,638	1,375	1,032	1,461
ENSG00000143811	0,9007	1,6418	0,5524	0,0897	0,0261	0,08	0,212	3,356	1,417	0,757	1,665
ENSG00000087152	1,8351	-2,212	0,5113	0,2056	0,566	0,45	-0,22	3,482	0,945	0,722	1,936
ENSG00000089154	0,7009	2,0715	0,7756	0,0217	0,863	1,11	0,773	3,861	0,579	1,462	2,849
ENSG00000063244	0,697	0,9069	0,331	0,1621	0,4643	-1,01	-0,18	4,186	2,463	1,826	1,913
ENSG00000132507	0,8927	-	-	0,1583	0,8711	-1,1	-0,07	3,895	2,053	1,035	1,657
ENSG00000157873	0,3612	0,2903	0,2822	0,3174	0,0612	-1,14	0,011	3,653	1,679	0,445	2,235
ENSG00000126934	0,5349	1,1415	1,0167	0,4046	0,6791	-1,53	-0,35	3,535	1,381	1,066	2,336
ENSG00000116809	0,5405	0,1854	-1,159	0,2798	0,0055	-0,38	-1,16	4,027	2,423	1,662	2,145
ENSG00000162298	0,1466	-0,432	1,0085	-	0,0611	-	-1,55	3,399	2,554	1,685	1,328
ENSG00000107099	0,213	0,3097	1,1822	0,0596	0,9613	-0,25	-	3,876	2,186	0,876	1,762
ENSG00000060339	0,7047	0,0357	0,3135	0,2287	1,1122	-0,96	-1,25	3,634	1,551	1,117	1,575
ENSG00000257103	0,1422	0,1421	0,3135	1,3822	0,3581	-	-0,24	3,509	2,5	1,279	2,252
ENSG00000129347	0,0826	-	0,3135	0,8888	0,2899	-1,47	-1,05	3,08	2,339	1,651	2,951
ENSG00000186517	0,1248	0,2903	0,3135	0,3135	-	-1,54	-	4,179	1,513	1,172	2,321

ENSG00000124795	0,3093	0,1262	1,0734	0,9678	-	-1,99	-0,16	3,706	1,831	1,348	2,247
ENSG00000182158	0,0737	1,1686	0,9533	1,0184	-	-0,77	-1,1	3,783	1,78	0,836	1,856
ENSG00000143390	0,1125	0,8769	1,0384	1,2074	-	-1,05	-1,13	3,691	1,537	1,004	1,751
ENSG00000103549	0,7517	1,0546	0,7527	1,4857	-1,021	-0,87	-1,08	3,344	2,166	1,52	1,693
ENSG00000128159	0,3395	1,6933	0,8813	1,0253	-	-1,27	-1,22	3,214	2,085	1,195	1,694
ENSG00000071564	0,0624	0,7453	0,0024	0,7328	0,0292	-1,72	-0,42	3,889	1,831	2,266	2,363
ENSG00000180448	0,4405	-	-0,024	-0,35	0,8166	-1,86	-0,09	4,123	1,734	1,936	1,877
ENSG00000177548	0,4431	1,4309	0,2121	1,1817	-	-1,86	0,248	4,181	2,579	2,286	2,369
ENSG00000051108	1,15	1,3874	0,0323	0,1358	0,0788	-0,75	0,583	3,96	2,741	2,148	2,449
ENSG00000145016	0,2219	1,3545	0,0848	0,2829	0,2119	-0,41	0,231	3,888	2,246	2,115	2,587
ENSG00000087074	0,7672	0,9795	0,0228	0,2965	0,2444	-	0,093	3,052	3,278	2,307	3,273
ENSG00000161013	0,6327	2,0359	0,5724	0,0048	0,412	-0,51	-1,03	3,057	1,705	2,057	3,088
ENSG00000179218	0,1988	0,0283	0,2347	0,2305	0,1174	-0,33	-0,27	2,94	3,654	2,501	2,829
ENSG00000166598	0,0803	0,1157	0,7449	0,3838	0,1697	-0,55	-0,31	3,493	2,864	2,092	2,899
ENSG00000172183	0,2446	-	1,1306	0,8699	0,1134	-	-	3,411	3,647	2,752	2,872
ENSG00000169136	0,0233	0,5122	1,0094	0,5122	-0,053	-0,92	0,212	3,35	3,672	3,023	1,7
ENSG00000162191	0,0815	-0,891	1,2434	0,1917	0,2425	-0,9	0,207	3,23	2,737	2,212	2,147
ENSG00000152217	-	0,8674	1,0111	0,7897	0,3372	-0,19	-0,21	3,623	2,692	2,518	2,303
ENSG00000102096	0,7528	0,7528	1,6943	1,0587	-	-0,12	0,567	3,843	2,288	2,652	2,51
ENSG00000203879	0,4845	0,4845	-0,919	1,8168	0,8472	0,29	-0,25	3,084	3,349	2,044	1,568
ENSG00000072501	-	0,4458	1,7505	0,9839	0,4458	0,15	-0,12	3,654	2,762	0,995	1,781
ENSG00000204574	0,9137	1,0018	-1,436	1,3674	0,9561	0,42	-0,33	3,771	2,709	1,125	1,949
ENSG00000168016	0,3458	1,2517	1,3722	1,2973	1,0673	-0,23	-0,24	3,069	3,178	1,052	1,818
ENSG00000254701	0,3138	-0,94	-1,225	1,0607	0,1192	0,54	0,133	2,632	2,743	0,467	2,914
ENSG00000106266	0,0228	-0,355	2,0884	1,0201	0,3389	-0,96	-0,38	3,463	1,9	0,473	2,833
ENSG00000134046	0,7517	1,1416	1,5317	1,1381	1,3922	-0,77	-0,77	2,582	2,478	0,094	3,369
ENSG00000023191	0,4828	-	-	-	0,0204	-1,89	0,137	3,655	1,912	0,853	1,012

		1,0713	0,2735								
ENSG00000155368	0,2424	1,0194	0,2337	0,2835	0,2351	-2,44	1,017	3,594	1,706	1,02	1,229
ENSG00000136490	0,4162	1,5792	0,4733	1,1206		-1,34	0,44	4,273	1,656	1,064	1,245
ENSG00000239306	0,9848	0,5287	0,3661	0,2036	0,2727	-2,33	-0,39	3,418	1,063	1,051	1,13
ENSG00000179010	0,9736	0,9643			1,0692	-1,86	-0,07	3,48	1,287	0,99	1,634
ENSG00000123064	0,0422	0,8124	1,9839	0,1254	0,6211	-2,62	0,107	3,632	1,364	1,923	2,774
ENSG00000182446	1,1764	-0,244	0,0648	0,8211	0,7509	-1,89	-0,27	3,383	2,878	1,833	1,795
ENSG00000064961	1,2042	-0,971	0,3821	0,2224	0,2332	-1,13	-1,25	2,894	2,986	2,815	1,267
ENSG00000071894	0,1558	0,2568	1,4323	1,7419	1,0953	-0,4	-0,23	3,554	2,209	1,779	0,724
ENSG00000112081	0,1557	0,1576		0,2163	0,3776	-0,25	-0,18	3,674	1,987	1,174	1,189
ENSG00000132341	0,1692	0,1825	0,3978	0,3352	0,3492	-0,93	-0,18	3,694	1,449	1,577	1,701
ENSG00000100721		0,4252	0,2727	0,0314		-0,36	0,198	3,627	1,427	1,635	1,393
ENSG00000158711		0,4252	0,2727	0,2703		-0,35	-0,06	3,627	1,017	1,156	1,507
ENSG00000100836	-0,078	0,9689	0,5947	0,3643	0,2436	-0,84	0,19	3,728	2,302	1,784	2,147
ENSG00000100380	0,1959	0,2284	0,2582	0,2721	0,3633	-0,93	-0,14	3,706	2,209	1,314	1,865
ENSG00000198771	0,3144	0,2299	1,0124	0,2227	0,224	-0,55	0,629	3,916	1,824	1,232	1,851
ENSG00000089248	0,1152	0,2269	0,9959		0,1785	-0,01	-0,13	3,572	0,905	1,127	2,654
ENSG00000104856	0,9078	1,0036	0,9855	0,2543	0,4181	-0,26	-0,37	3,636	1,383	1,006	2,426
ENSG00000143761	0,3449			-1,046	0,2766	-0,29	-0,16	3,33	1,79	1,887	2,305
ENSG00000196684	0,3326	1,3352		0,3851	0,2239	-0,17	0,296	4,029	1,574	0,87	2,111
ENSG00000126353	0,0653	1,3274	0,8779	0,2642			0,062	3,356	2,078	0,679	2,687
ENSG00000088247	1,2176	1,1089	0,1812	-0,2	-0,319	-0,53	0,08	4,263	1,838	2,044	2,21
ENSG00000131370	1,1533		0,0941	0,1864	0,8024	-0,2	0,334	3,806	1,699	1,517	2,768
ENSG00000130749	0,7267	0,7482	0,3168	0,5051	0,4362	-0,17		3,959	1,335	1,347	2,493
ENSG00000133606	0,5577	0,5725	0,294	0,0024	-0,052	-0,24	-0,22	4,215	0,657	1,517	2,463
ENSG00000143321	0,4041	2,1853	0,7086	0,0556	0,2814	-0,25	0,415	3,74	1,263	0,705	1,964
ENSG00000146067	0,4223	1,4587	0,3855	0,3512	0,4765	-1,73		3,437	0,997	1,447	1,655

ENSG00000111371	0,2319	1,2903	0,2002	1,2668	0,2627	-1,16	-0,08	3,544	0,768	0,809	1,098
ENSG00000142546	0,8217	0,2649	0,3827	0,2403	0,7847		0,926	3,33	0,12	0,431	1,313
ENSG00000008130	0,9874	0,3147	0,3759	0,2859	0,7899	-0,99	0,506	3,453		0,381	1,399
ENSG00000038219	0,1944	0,1482	0,3121	0,1854	1,1662	-0,32	-0,32	3,449	0,088	0,409	0,998
ENSG00000106682	0,3813	0,3519	0,0128	0,1501	0,0464			3,692	0,269	0,63	2,069
ENSG00000234127	0,1861	0,2759	-0,001	-0,23	0,0295	-0,27	0,315	3,442	-0,07	0,636	1,622
ENSG00000031823	0,5944	0,308	0,6574	0,1291	0,5528	-0,27	-0,18	3,29	0,092	0,382	1,866
ENSG00000110367	0,1153	0,0784	0,2956	0,2789	0,0017	-0,27	0,058	3,828	0,412	0,432	1,153
ENSG00000162777	0,1369		0,3008	0,2286	-0,184	-0,32	-0,41	4,002	0,845	0,524	0,954
ENSG00000094916	0,0896	0,3301	0,1388	0,3813	0,3219			3,741	-0,04	-0,02	1,089
ENSG00000147457	1,0667	-1,03	0,3513	0,2862	0,0952	-1,43	0,277	4,095	0,111	0,34	1,117
ENSG00000006740	0,6313		0,1131	0,0107	0,3359	-0,04	0,204	3,472	0,832	-0,27	0,865
ENSG00000182606	0,1055		0,3277	0,0391	0,1426	-0,23	-0,39	3,321	0,716	-0,19	0,694
ENSG00000160752	0,5076	0,5069	0,0489	0,3958	0,1061	0,2	-0,01	3,891	0,972	0,761	0,651
ENSG00000063978	0,5841	1,1173	0,9957	0,0424	0,324	0,29	0,191	3,708	1,293	-0,22	1,043
ENSG00000176624	0,5196	0,2557	0,0471	0,2839	0,3215	-0,07	0,154	3,419	0,554	-0,09	0,906
ENSG00000158417	0,357	-0,954	0,1839	0,1068	1,0896	-0,38		3,378	0,416	-0,24	1,077
ENSG00000160294	0,4056	0,2055	0,3823	-0,014	0,6026	-0,28		4,206	1,222	0,89	2,227
ENSG00000176715	1,1731	0,2492	0,3571	0,2349	0,6146	-0,91		3,531	0,867	0,86	1,979
ENSG00000157637	1,4186	0,9288	0,2122	0,0641	0,9475	-1,9		3,461	0,973	0,804	2,183
ENSG00000071626	0,3938	0,1611	0,9897	0,0096	0,467	-1,75	-0,9	3,881	0,791	0,525	2,644
ENSG00000179950	0,6267	1,4798	0,3573	0,4596	0,8993	-1,02	-1,66	3,823	1,336	-0,22	0,999
ENSG00000058335	1,2381	0,3693	0,3827	0,2788	0,5829			3,984	0,928	0,336	1,12
ENSG00000127616	0,4758	0,0154	0,3163	0,4736	0,1934			3,663	0,582	0,426	1,661
ENSG00000183495	0,649	0,1045	0,1835	0,0463	0,0842			3,309	1,015	0,449	0,965
ENSG00000135829	0,9377	0,7857	0,3827	0,4549	0,0593		0,669	3,377	1,524	0,6	0,927
ENSG00000131196	0,4139	0,1141	0,2019		0,5893			3,927	1,287	0,731	-0,21

ENSG00000120802	0,1042	0,3016	0,2559	-1,046	0,3228	-1,37	0,33	3,496	1,034	1,227	0,271
ENSG00000133706	0,2053	0,6932	0,4571	1,2938	0,0248	-	-0,99	3,755	2,009	0,597	1,428
ENSG00000126001	0,4161	0,2416	-	1,6084	1,0443	-	-0,35	3,878	0,743	0,741	1,606
ENSG00000133835	0,4113	0,5748	0,1821	1,9469	0,1322	-0,91	0,276	3,296	0,785	0,605	1,27
ENSG00000009790	0,3079	0,7012	-	1,1017	-0,172	-0,29	0,208	3,772	0,92	1,038	1,347
ENSG00000156675	0,0095	0,1903	0,3187	-	0,4224	-0,27	0,282	3,41	0,736	1,022	1,233
ENSG00000145907	0,2945	0,1212	0,3666	0,0056	-	-	-0,34	3,727	0,694	0,801	1,14
ENSG00000116191	0,0756	0,4113	-	-	0,3859	-1,3	-0,28	4,134	0,793	0,731	1,238
ENSG00000125676	1,0334	0,807	-1,305	0,836	0,2342	-0,56	0,061	3,292	0,824	0,675	0,643
ENSG00000143851	1,1168	0,2705	0,2507	-	0,5087	0,14	0,589	3,803	0,49	0,085	0,842
ENSG00000167895	1,425	-	0,2114	1,6159	0,4982	0,15	0,027	3,817	0,781	0,468	1,675
ENSG00000012779	1,2974	0,0028	1,6615	-	0,0793	-	0,421	3,338	-0,1	1,27	0,852
ENSG00000157540	1,5285	1,6959	0,2207	-	1,7108	-1,62	-1,97	4,24	2,683	-0,17	2,665
ENSG00000185507	0,8734	2,7303	0,3301	0,8058	1,3388	-1,55	-1,62	3,026	2,101	0,736	2,852
ENSG00000166289	1,0211	1,1205	0,2227	0,0892	1,3194	-1,93	-3,14	3,17	3,011	1,473	2,547
ENSG00000025708	0,7113	-2,6	0,2958	1,3973	1,1708	-1,94	-2,26	1,914	3,222	-	1,795
ENSG00000196365	0,1862	0,4219	0,2297	1,6848	0,2207	-3,79	-1,58	3,212	1,55	0,364	2,694
ENSG00000197976	0,2584	1,8199	1,8095	1,5992	0,3358	-2,16	-1,44	3,451	2,118	0,198	2,461
ENSG00000090615	-	2,3123	1,7061	0,2898	0,2443	-2,5	-2,09	3,927	0,993	0,571	2,755
ENSG00000119408	1,0426	1,2806	1,2468	1,8155	0,7458	-2,54	-1,93	4,015	0,178	0,136	0,916
ENSG00000130589	0,6369	2,0349	-0,993	0,9874	-	-3,4	-1,74	3,594	0,288	-	2,31
ENSG00000165671	0,0366	0,3309	0,5917	0,3537	0,2138	0,19	0,338	3,728	2,368	-0,08	1,026
ENSG00000108559	-	0,3086	0,3308	0,2289	0,0606	-0,23	0,015	4,134	1,77	0,397	1,225
ENSG00000129566	0,2202	0,8918	0,2207	0,2207	0,0951	-0,29	0,278	3,665	1,929	-	2,029
ENSG00000130741	0,2385	0,3302	1,0135	0,9118	0,2432	-0,01	-0,21	3,322	2,186	0,006	0,93
ENSG00000061273	-0,081	0,3293	0,2207	0,4074	0,0405	-0,41	-0,89	2,939	2,981	0,689	1,159
ENSG00000113407	0,311	-	-	0,0949	-	-	-0,23	3,374	2,543	0,258	1,277

			0,4204								
ENSG00000006715	0,2355	0,4359	-0,094	0,0304			-1,04	3,408	2,528	0,279	0,978
ENSG00000162613	-0,163		1,8157	-0,46		-0,29		3,578	2,359	-0,14	0,557
ENSG00000132680	0,3383	0,2376	0,3773	1,3031	0,2659	-0,13	-1,12	3,159	2,639	-0,89	0,783
ENSG00000160551	0,2815	0,3062	0,4354	0,9028	0,0471	-0,89	-0,14	3,177	2,162	-1,9	0,873
ENSG00000140832	0,2398	0,4271	0,3926	0,3006	0,0791			2,865	3,135	-1,19	-0,34
ENSG00000100889	0,2905	0,3059	0,1859	0,4577	0,1615		0,188	2,602	3,123	1,323	0,826
ENSG00000109046	0,1051	0,3025	0,3015	0,3495	0,2929		-0,82	2,866	2,952	1,739	0,172
ENSG00000168906	0,1212	0,4354	0,537	0,5638	0,3137	0,54	0,43	3,252	3,279	1,778	0,209
ENSG00000163492	0,2928		0,2909	0,2648	0,2918	0,17	-0,46	3,74	2,204	1,926	0,754
ENSG00000167604	0,2497	0,9093	1,5609		0,3378	-0,51	-0,21	3,424	2,792	1,313	0,619
ENSG00000215301	-0,313	0,3025		0,9517	1,2743	-0,9	0,386	3,555	2,894	1,293	0,396
ENSG00000102317	0,2511	-1,512	-1,425	1,3246	0,9332	-0,43	0,745	3,607	3,041	1,503	0,069
ENSG00000184205	0,3998		1,6767	1,4808	1,3429	-1,14	-0,29	2,844	3,292	0,52	1,065
ENSG00000196302	1,3294		1,5869	1,2494		0,37	-0,34	2,577	3,235	0,34	-0,04
ENSG00000165494	0,8935	0,3025	0,3584			-0,92	-0,31	3,476	2,842	0,78	0,122
ENSG00000255026	0,5979	0,3025	0,877	1,2079			0,38	2,767	3,437	1,076	-0,27
ENSG00000118260	0,2999	0,4195	0,2518	1,5528	0,4025	-1,71	-0,13	2,622	3,026	0,038	-0,26
ENSG00000198597	0,1275	1,4643	0,2883	0,2121	0,8989	-1,03	-1,15	3,872	3,251	-0,29	-0,92
ENSG00000119707	1,0522	0,0233	0,5133	0,1778	0,5305	-1,08	-0,31	4,258	2,015	0,725	1,901
ENSG00000067955	1,4899	0,0695	-0,976	0,2095	0,4319	-0,51	0,54	3,559	1,668	0,967	1,647
ENSG00000115415	1,5275		1,2102	0,2487	-1,624	-0,92		4,159	2,154	0,278	2,445
ENSG00000158941	0,8975	0,3732	2,2184	0,3228	0,8449	-1,07		3,833	0,709	1,69	1,769
ENSG00000149781	0,2446	0,3025	2,8847	0,9207	0,9941	-1,08	0,54	3,65	1,851	0,981	1,877
ENSG00000147168	0,2812	0,0316	-0,149	1,4495	0,9781	-0,03	0,465	3,261	1,586	1,089	1,224
ENSG00000057608	0,1898		0,4475	1,1347	1,5992	-0,87	0,19	3,496	1,6	0,937	1,273
ENSG00000130985	0,2511	0,0167	1,7765	-0,983	1,4773	0	0,386	3,948	2,025	1,526	1,098

ENSG00000146963	0,9993	0,9904	0,8757	0,8117	1,2051	-	-	4,172	1,412	0,421	1,341
ENSG00000128604	0,3993	0,9904	1,0558	1,0082	0,2022	-1,51	-0,18	3,562	1,239	0,372	1,699
ENSG00000125944	-0,438	0,9737	0,8139	0,0885	1,3444	-1,53	-0,06	3,44	1,803	0,353	1,055
ENSG00000131236	0,2127	1,1251	0,8296	0,5211	0,7563	-1,34	0,117	3,425	1,343	0,318	0,642
ENSG00000067057	0,7364	1,5459	0,5149	0,2254	0,9316	-1,13	-0,18	3,458	0,935	1,774	0,395
ENSG00000069849	0,8258	1,3506	0,1481	0,2784	0,2725	-0,25	-0,82	3,619	0,506	0,526	0,385
ENSG00000197622	1,3272	1,1443	-	1,0449	1,4805	-	-0,14	3,617	0,694	0,398	0,762
ENSG00000132383	1,0063	0,2022	1,1494	0,8573	-	-0,25	-0,25	3,347	0,756	0,559	0,316
ENSG00000131828	1,2556	-	1,4763	1,3901	-1,08	-0,4	-0,44	3,524	1,387	0,591	0,38
ENSG00000129003	1,9819	0,1388	0,8097	1,0612	0,2022	-1,85	-0,35	3,915	0,831	0,392	0,588
ENSG00000155096	1,0026	0,2022	1,3841	1,1907	0,2022	-1,93	-0,1	3,618	1,346	0,646	0,881
ENSG00000048828	1,3348	1,0833	-1,61	1,5453	1,1051	-1,93	-0,1	3,668	0,964	0,755	1,203
ENSG00000143933	0,1819	0,2218	-0,18	1,0724	0,4231	-1,19	-0,27	3,618	1,867	0,911	0,306
ENSG00000175130	0,4089	0,5206	0,9608	1,1515	0,9813	-1	-	3,651	2,405	0,529	0,34
ENSG00000140995	0,3985	0,8618	0,2022	1,1451	0,0743	0,1	-1,48	3,219	1,894	1,372	-0,1
ENSG00000160299	0,1086	0,5206	0,2022	1,0034	0,2503	-2,72	-1,17	3,784	1,973	1,128	0,624
ENSG00000152795	0,2757	1,4695	0,2022	1,2193	1,1484	-1,87	-0,9	3,748	2,641	0,582	0,846
ENSG00000172009	0,1664	1,6108	0,7739	1,4683	0,2517	-1,55	-1,79	3,208	2,405	0,743	0,609
ENSG00000029725	0,5227	1,0315	0,3932	1,7884	1,0275	-1,7	-	3,489	0,991	1,395	0,596
ENSG00000136450	0,188	1,7017	0,8941	1,0034	1,0785	-2,86	-0,37	3,429	1,011	0,894	0,24
ENSG00000138071	1,1817	2,1866	0,7739	1,9268	1,2783	-1,59	-0,33	3,145	1,866	1,243	0,137
ENSG00000171608	0,1144	0,0926	0,2641	0,8316	0,4132	-1,56	-1,18	3,337	1,101	-0,04	1,769
ENSG00000083896	0,2022	0,2077	0,8702	-	1,0116	-1,92	-1,12	3,516	2,111	-	1,382
ENSG00000134899	0,3657	0,0793	0,0221	1,1866	0,9949	-1,2	-1,08	3,764	0,744	0,359	1,333
ENSG00000145216	0,4595	0,0065	0,0793	1,4426	-1,737	-1,5	-1,45	3,356	1,373	0,798	1,318
ENSG00000153207	0,5226	0,2183	-2,022	0,9845	1,9665	-2,35	-1	3,22	1,335	0,907	0,592
ENSG00000132485	-	-	-	-	-	-2,85	-1,74	3,079	2,485	0,07	0,437

			1,1879		1,7259						
ENSG00000147535	0,8976	0,9396	0,3918	0,4349	0,1939			3,609	0,322		0,6
ENSG00000171988	0,4601	0,7933	0,5513	0,5530	0,1205	-0,5	-1,11	3,895	0,765	-0,4	0,22
ENSG00000164190	0,9764	0,6755	0,3762	0,059		-0,1		3,752	0,743		0,598
ENSG00000116001	1,0177	0,7805	0,3435	0,8248	0,1514	0,03		3,519	-0,19	-1,26	0,76
ENSG00000147133	1,1764	0,8468	0,4388	1,5332	0,4062	0,56	0,225	3,715	1,86		1,319
ENSG00000121060	0,269	0,2194	0,4022	-0,958	1,4922	-0,17	0,714	3,552	-0,29	-1,84	1,642
ENSG00000158482	0,3158	1,0929	0,2529	0,2413		0,48	0,373	4,209	0,758	-2,64	0,387
ENSG00000214193	0,2131	1,7683	0,2011	0,8035		-0,23	-0,88	3,553	0,104	-0,1	2,449
ENSG00000121104	0,4115	1,4478		1,9958	0,2011	0,17	-0,45	3,249	0,259	0,421	1,346
ENSG00000065000	0,3879	0,2349		0,8531	0,1787	-1,09	-1,74	3,845	0,564	0,375	2,155
ENSG00000175467	0,0082	0,8482	1,2765	0,9132	0,2407	-1,15	-1,69	3,207	0,665	1,015	2,115
ENSG00000138398	-0,076	1,0207	0,7713	1,1043	0,0184	-0,94	-1,4	3,344	0,883	0,151	1,589
ENSG00000171604	0,4252		0,5004	1,0877		-0,85	-0,92	3,717	-0,44	1,146	0,968
ENSG00000196199	0,1422	1,0226	0,4539	1,1426	-0,431	-1,18	-0,93	3,728	0,132	0,914	0,89
ENSG00000096746	0,2971	0,3166	0,5013	0,7474	0,8664	-1,24	-1,21	3,721	-0,37	0,575	1,414
ENSG00000113742	0,1233	1,5461		1,0648	0,9928		-1,82	4,103	-0,15	0,89	0,941
ENSG00000135679		0,5336	0,1023	0,0459	0,8067	-0,76	-0,92	3,822	0,486		1,665
ENSG00000123200	0,0202		0,7751	0,8695	0,9858	-1,21	-0,99	3,273	-0,29	-0,32	1,884
ENSG00000132466	0,4806	0,5725	1,1582	0,2666	0,825	-1,56	-0,85	3,685	0,062	-0,39	1,329
ENSG00000054118	0,8679	1,1698		1,2099	1,3143	-1,42		4,262	0,358	-0,09	1,345
ENSG00000145734	1,4244	0,7486	0,5117	0,7611	0,8273	-1,32	-1,4	3,931	0,174	0,184	0,855
ENSG00000121579	0,7911	1,6908	1,578	1,6756	0,1959	-1,14	-1,64	3,4	0,237	0,501	0,888
ENSG00000108389	0,8678	0,0589	0,2459	0,1601	0,1048		0,149	3,465		1,503	0,768
ENSG00000149639	0,1437	0,4473	0,8648	0,2152	-0,265	0	-0,45	3,451	-1,15	1,106	1,422
ENSG00000157693	0,771	0,2887			0,7573			3,498	-0,94	0,644	1,045
ENSG00000182866	0,6415	-0,341	0,2241	-0,23	0,0105		-1,01	3,834	-1,39	0,913	0,048

ENSG00000040341	0,4072	0,3235	0,3438	1,0344	0,9248	-0,96	-0,04	3,812	0,006	0,106	-0,24
ENSG00000083223	0,5277	1,0739	0,4486	0,8744	1,8242	-1,14	-0,43	3,347	0,17	0,538	-0,24
ENSG00000244462	0,3652	0,8043	0,1526	0,4171	0,5442	0,06	-0,23	3,351	0,03	0,05	0,726
ENSG00000181555	1,0081	-0,462	0,157	0,5514	0,2002	0,25	-0,1	3,501	0,21	-0,38	1,212
ENSG00000111335	0,9547	-	0,333	0,8381	0,9405	-	-	3,851	-0,45	-	1,764
ENSG00000075785	0,8378	1,0678	0,1103	1,1911	0,0243	-0,13	0,386	3,575	0,124	-1,48	1,029
ENSG00000108651	0,1235	1,1663	-0,905	0,7616	0,6305	0,12	-0,25	3,417	0,385	-0,09	0,327
ENSG00000122986	0,2249	1,2247	-	1,6008	0,8063	-0,27	-	3,529	-0,02	-0,96	0,492
ENSG00000011021	0,101	0,9713	0,3858	-1,397	0,3853	-0,25	-1	3,255	-0,29	-0,84	-0,32
ENSG00000168701	-	0,8148	1,6274	0,2078	0,2532	-0,91	-0,34	4,07	-	0,051	0,398
ENSG00000100280	0,3677	1,1498	1,9062	-	0,3169	-1,22	-0,23	3,331	0,103	0,222	0,965
ENSG00000204257	0,2234	1,6507	1,0422	1,5788	0,2337	-0,33	0,222	3,759	-0,87	0,58	0,76
ENSG00000007129	1,3988	2,0231	0,8771	1,3808	0,3497	-0,43	-0,28	3,477	-	0,977	0,947
ENSG00000135870	2,4276	1,4066	-0,105	0,4137	1,6899	0,8	-1,71	3,211	0,469	-0,11	0,292
ENSG00000198825	2,5642	0,0507	1,4027	1,2174	0,3187	-1,36	-0,27	3,835	0,026	-0,97	-0,05
ENSG00000115760	-	1,3514	0,0496	0,6544	0,1989	0,19	-0,22	3,803	-	0,335	1,692
ENSG00000127124	-0,056	0,0001	0,1903	0,0772	0,1776	0,43	-0,01	3,488	-1,36	-	1,775
ENSG00000108510	0,3255	0,5646	0,554	1,0479	0,667	-	0,3	3,626	-0,15	-1,54	0,108
ENSG00000168386	0,4249	0,2144	0,1311	0,7983	0,2323	0,01	-0,27	3,947	-1,03	-	-
ENSG00000107290	0,9984	0,4786	0,5475	0,1417	0,2973	0,45	-0,33	4,124	-0,92	-	0,692
ENSG00000183283	0,3995	0,1828	0,288	0,0893	0,1157	-0,35	0,246	3,346	-	0,141	1,055
ENSG00000187742	0,1538	0,0267	0,1603	0,0701	-	-	0,205	3,444	-	-0,25	0,584
ENSG00000140199	0,0687	0,2857	0,4451	0,0642	0,0975	-1,26	0,28	3,275	-0,38	-	0,661
ENSG00000107554	0,0194	0,2308	-0,083	0,2308	-0,189	-	-0,08	3,335	-1,87	-	0,197
ENSG00000249592	0,592	0,2645	1,1626	0,2125	0,1056	-1,06	-	3,243	-1,59	-	1,476
ENSG00000069275	1,2001	1,1209	1,1306	1,2386	0,352	-2,06	-1,45	3,567	-1,23	-0,4	-0,2
ENSG00000170248	0,5887	1,6882	-	0,8908	-	-0,02	-0,24	3,49	1,341	0,626	-

			0,2133		0,1417						
ENSG00000188002	0,5008	0,5649	0,2309	0,4543	0,0825		-0,18	3,391	2,512		-1,53
ENSG00000159674	1,7668	0,1695	0,2999	0,5006	0,0607	0,27	0,028	3,526	-0,27		-1,42
ENSG00000011590	0,8842	0,4323	0,0617	-0,434	0,3046	-1,37	0,3	3,377	0,499	-0,41	-1,07
ENSG00000116793	0,6933	-0,028	0,0507	0,0829	0,7874	-1,45	-0,34	4,026	0,408	-1,18	-0,13
ENSG00000198858	0,3155	0,0654	1,4705	0,2441		-1,57	-0,79	2,448	0,978	3,798	1,039
ENSG00000100811	-0,421	0,7622	0,9549	0,8761	0,8443	-0,88	-0,57	2,678	0,417	3,1	1,196
ENSG00000156639	0,8658	0,2367	0,3546	1,2103	0,3238	-1,42	-0,99	2,283	0,872	3,974	0,479
ENSG00000163947	0,1287	0,0367		0,8888	1,1375	-1,01		2,012		3,32	-0,15
ENSG00000101849	1,4365		1,5116	2,2414	-1,354		0,172	1,864	0,313	3,35	0,742
ENSG00000101040	1,5764	-0,942	1,7942	1,3125	1,2391		-0,98	3,174	0,039	2,163	0,768
ENSG00000188976	-0,983	1,0293	2,3629	0,8847	0,1902	-2,76	-1,25	2,576	1,252	4,081	0,258
ENSG00000160191	1,3343	1,9444	0,2077	0,2816	1,9385		0,494	2,21	2,233	3,139	1,051
ENSG00000125878	2,3387	2,1467	2,4426	0,7532	1,8346	-1,28	-0,87	2,238	1,269	3,874	1,827
ENSG00000167785	1,0362	0,0743	0,4173	1,2114	0,0824	-0,16	-0,9	0,987	2,426	3,117	-1,59
ENSG00000112333	0,3382	2,5012	0,4106	-1,437	1,5946	-1,88	-1,77	1,805	3,06	3,507	-2,81
ENSG00000108256	0,1186	1,7847	1,5347	2,1357	1,9114	0,52	0,466	2,99	4,181	2,049	0,027
ENSG00000141682	0,2944	1,1953	1,4991	1,4504	1,9307	-1,11	-0,07	1,958	4,267	2,074	-0,03
ENSG00000117318	0,3497	1,4317	0,9514	1,4955	1,2189	-1,9	0,002	3,2	3,324	1,089	-0,9
ENSG00000158050	0,5722	1,4934	2,2087	2,0736	0,9454	-0,98		3,203	2,42	1,402	-0,35
ENSG00000120278	1,5038	2,2545	2,2195	-1,996	2,0518	-1,88	0,473	3,395	3,317	1,824	0,08
ENSG00000148334	0,2077	1,9475	1,9876	-1,071	1,6129	-2,21		2,364	3,987	0,503	-0,55
ENSG00000134460	0,3295	-1,862	1,3392	1,5477	-1,356	-1,06	-1,23	0,494	3,533	1,642	0,173
ENSG00000232810	1,1634	2,5935	2,4191	2,1992	1,5183	-1,32	-1,13	1,131	3,916	2,73	-0,29
ENSG00000262454	1,3581	1,0113	0,2807	2,7425	2,0421	-1,82	-1	3,419	-1,33	4,033	-2,69
ENSG00000131126	2,5988	2,2225	2,6288	4,2711	2,9805	-1,85	-1,17	1,933		3,26	-0,32
ENSG00000064886	2,4735	0,0881	0,1027	1,5257	3,1438	0,65	-0,24	3,915	-3,36	0,053	-1,21

ENSG00000157600	1,0994	1,1387	0,8898	2,2044	1,1106	0,59	-0,18	3,837	-2,06	0,899	1,467
ENSG00000171435	0,3903	0,3476	0,8954	0,0119	-	0,33	-0,02	3,315	-2,68	0,552	0,037
ENSG00000242574	0,0973	1,0002	0,5453	-	-0,319	-	0,175	3,949	-2,68	0,43	-0,24
ENSG00000196743	-	-0,945	0,9245	1,0154	0,1962	-0,35	-0,31	3,429	-1,12	-1,44	-0,19
ENSG00000236901	-	-1,327	-0,954	1,1073	1,0272	-	-0,98	3,356	-1,77	-	-0,36
ENSG00000259953	-	1,1355	1,0386	-1,324	0,2978	-1,03	-0,9	3,548	-2,49	-1,31	-0,17
ENSG00000236256	1,5439	0,4622	1,6285	1,1999	1,2249	-	-2,1	3,282	-1,1	-2,76	-2,67
ENSG00000099194	1,4727	1,6567	1,3112	1,3944	1,3889	-1,45	-1,14	3,424	-3,41	-2,34	-
ENSG00000185689	1,7623	2,3701	1,4934	-	2,4807	-0,93	-1,02	3,347	-0,88	-1,28	-1,18
ENSG00000170390	-0,108	1,9745	0,5273	-0,295	1,9795	-1,64	-1,38	3,972	-1,54	-2,1	0,42
ENSG00000271699	-	2,4382	0,7377	0,9574	1,0546	-	-1,25	3,497	-1,05	-2,68	-0,97
ENSG00000196735	1,5374	0,0012	0,4416	-5,583	1,4737	-1,42	-0,88	3,941	0,942	-0,52	0,856
ENSG00000101972	3,2797	0,0181	4,6688	2,3438	2,4093	-1,79	-0,76	3,882	1,301	0,278	-0,25
ENSG00000185883	-1,953	2,8377	3,2674	2,8035	2,1004	-3,1	-	3,207	-0,09	-1,88	1,629
ENSG00000275342	1,7496	2,6082	-2,365	2,3733	2,1133	-3,71	-2,08	3,179	-0,73	-0,35	0,446
ENSG00000172534	2,6119	2,1216	3,4524	3,4288	2,6685	-2,98	-2,95	3,263	-0,15	0,081	0,704
ENSG00000230715	1,3379	0,2756	0,0023	1,8032	0,0853	-3,97	-	3,252	0,135	1,488	0,951
ENSG00000213639	1,2786	0,3229	1,1517	0,5774	-1,64	-2,25	-0,92	3,392	0,041	1,75	1,258
ENSG00000126698	1,1803	0,2913	1,2501	0,7377	0,2207	-1,65	-0,8	3,312	-0,37	0,926	1,144
ENSG00000145287	1,3718	0,9013	0,7151	1,4437	1,6757	-1,1	-0,16	3,485	-0,42	-1,45	2,075
ENSG00000122176	1,4872	2,3555	-1,705	1,9681	1,6365	-1,61	-0,18	3,644	-0,98	-0,34	2,323
ENSG00000148396	0,5011	0,8755	1,4693	-1,182	0,4448	-2,51	-1,6	3,213	0,13	0,194	0,855
ENSG00000111276	0,0535	0,9639	1,5831	1,2925	-1,235	-2,51	-1,75	3,343	-1,57	-	0,78
ENSG00000144791	0,2141	0,9148	1,1844	1,0507	0,7552	-1,15	-	3,569	0,25	-0,03	0,322
ENSG00000198466	0,7554	1,1841	1,3088	0,9934	1,0602	-1,15	-1,41	3,375	-1,03	-0,04	0,738
ENSG00000166326	1,0395	1,7663	1,3138	0,9798	1,1124	-1,34	-1,32	3,553	-	-	0,38
ENSG00000089057	-	-	-1,756	-	-	-1,2	-1,33	3,869	0,7	-1,06	0,493

	1,5869	2,0474		1,4278	1,3195						
ENSG00000100393	1,4525	2,4688	2,4537	2,1064	1,9993	-1,63	-1,75	3,593	0,082		0,713
ENSG00000112787	0,2739	1,9413	1,0728		1,2329	-2,94	-1,49	3,385	-0,02		0,702
ENSG00000159958		-1,859	1,4069	1,6726	1,2338	-2,27	-1,03	3,585	-0,26	-0,34	-0,33
ENSG00000132819	1,0701	2,7092	1,4842	1,8041	1,7336	-2,06	-0,82	3,349	0,86	-1,18	0,595
ENSG00000120690	0,1931	2,4609	1,8567	-1,99	-2,049	-2,7	-1,38	3,317	0,397	-1,43	1,002
ENSG00000169710		2,7855	2,0492	1,6949	1,1413	-2,82	-2,09	3,993	2,182		
ENSG00000023892	0,1521	-1,217	2,6889	1,6944	2,7916	-1,34	-2,38	3,292	0,894	0,364	1,229
ENSG00000146232	-0,312	1,5361	2,1079	2,4261	2,7101	-2,46	-2,29	3,881	0,019		1,1
ENSG00000170606	1,2663	0,2009	1,7018	1,4252	2,5028	-2,66	-1,52	3,272	1,034	0,386	-0,45
ENSG00000103342	1,4547	1,2053	1,3119	1,3927	1,7627	-1,36	-1,42	3,254	1,145	0,351	0,543
ENSG00000162924	1,7428	1,6647	1,3542	1,7948	2,1448	-2,68	-1,62	3,365	0,866	0,395	0,613
ENSG00000079950	1,3824	1,7057	1,8623	1,7823	-1,833	-2,59	-1,58	3,17	0,697	-0,14	-1,16
ENSG00000124193	1,6061	1,5689	2,0494	-2,295	1,6202	-2,79	-1,38	3,17	0,777	-0,75	-0,23
ENSG00000172081	0,0768	1,6611	2,8129	0,2107	-0,929	-2,04	-0,77	4,149	1,601	0,87	0,28
ENSG00000196419	1,1362	-0,875	1,9357	2,5416	1,2641	-2,13	-0,35	3,532	1,45	0,214	0,723
ENSG00000187912	1,6183	1,6125	2,6858	2,4435	1,4943	-1,54	-0,93	3,768	0,52	0,098	0,222
ENSG00000143772	0,4452	1,6905	1,4787	1,4707	1,0321	-1,8	-1,34	3,704	0,182	0,491	1,16
ENSG00000160991	0,3034	2,4814	-1,626	-0,997	1,0475	-2,06	-1,2	3,228	0,381	0,908	1,117
ENSG00000235750	0,9672	0,9419	1,6072	1,3844	1,5593	-1,18	-0,49	3,941	0,447	0,742	0,626
ENSG00000135426	1,2267	1,1773	1,5054	0,9879	1,1136	-0,77	-1,13	3,633	0,19	0,462	0,567
ENSG00000009954		1,0594	2,3883	1,2055	0,9181	-1,14	-1,46	3,316	0,18	-0,04	0,65
ENSG00000110958	0,9616	1,2605	1,3726	1,6939	1,4412	-1,96	-1,2	3,416	0,913	0,228	0,733
ENSG00000134086		1,4106	1,9586	1,5286	0,9584	-1,71	-1,12	3,285	0,706	-0,22	0,465
ENSG00000277734	1,6961	2,9484	2,7594	1,4132	0,8104	-0,75	0,494	4,027	-0,39	0,562	-0,27
ENSG00000196126	1,8813	2,4803	3,4685	2,1677	1,9648	-1,04	0,106	4,181	0,908	0,829	0,003
ENSG00000259375	2,9506	2,0214	1,4146	-0,936	2,2018	-0,99	-0,73	3,513	-0,34	0,092	0,939

ENSG00000211772	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
ENSG00000165025	3,4822	2,5775	2,3761	1,7455	-2,085	-1,72	0,542	3,754	0,403	0,11	0,198
ENSG00000244509	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
ENSG00000105887	1,3209	2,5781	1,9462	1,5426	1,3538	-0,45	-0,42	3,392	0,73	1,088	1,22
ENSG00000237286	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
ENSG00000095370	0,3926	3,2303	2,7372	1,6895	1,5212	-1,65	-1,06	4,137	0,25	0,722	2,284
ENSG00000251143	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
ENSG00000189319	0,9561	2,1424	1,8076	1,2691	1,4865	-2,11	-1,14	3,463	-1,13	0,641	1,737
ENSG00000101445	-1,651	3,1471	1,7084	1,7366	1,6034	-1,85	-1,33	3,435	-0,41	0,946	1,797
ENSG00000101160	0,4909	1,7175	1,9408	1,2225	2,0468	-1,1	0,299	3,662	0,936	-	1,201
ENSG00000196821	0,8415	1,5342	0,9034	1,7039	1,1766	-0,9	-0,44	3,879	0,978	1,208	2,143
ENSG00000196230	0,8377	1,6676	1,5628	1,3785	1,4747	-1,34	-0,51	4,245	1,305	0,826	1,298
ENSG00000158195	-1,022	2,2747	1,3206	1,3416	1,5854	-1,27	-0,96	4,103	0,909	0,779	2,119
ENSG00000184985	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
ENSG00000137161	0,9988	3,6103	1,7099	1,0893	1,2085	-0,89	0,083	3,749	0,777	-0,14	1,708
ENSG00000105369	0,2949	3,1065	1,7667	1,8589	0,9098	-1,87	0,519	3,404	0,303	0,242	1,877
ENSG00000136840	0,2894	2,2701	0,7497	1,1972	-	-	-0,92	3,141	1,94	-	1,663
ENSG00000100030	1,4219	1,7007	1,4125	1,6414	-	-1,53	-0,76	3,328	1,937	-	1,055
ENSG00000111676	0,8108	3,0747	-1,099	1,9662	0,8008	-1,14	-0,77	3,253	0,347	-	0,987
ENSG00000150347	0,8108	1,6006	1,0549	1,5029	-0,914	-0,8	-0,42	3,257	0,908	-	-0,04
ENSG00000104812	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
ENSG00000183604	-	1,9191	1,2282	2,7176	-0,057	-0,92	-	3,361	1,397	-	0,464
ENSG00000183604	-	1,3014	0,7497	1,3418	1,3645	-1,74	-1,27	3,8	1,411	-1,18	0,351
ENSG00000028137	1,0256	1,9922	0,8959	1,4701	-	-1,86	-1,99	4,028	0,887	-1,13	1,002
ENSG00000165689	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
ENSG00000143970	-	2,0148	1,3644	-	0,8334	-1,75	-0,93	3,535	0,903	-1,64	0,896
ENSG00000143970	1,6266	1,9034	1,6825	1,0958	1,0136	-1,22	-1,2	3,229	1,091	-1,46	0,576
ENSG00000133243	0,6114	1,8171	1,7236	1,0769	0,1715	-1,57	0,532	3,31	3,704	3,423	3,053
ENSG00000099875	1,0172	-	-	-	-	-1,24	0,182	4,182	3,463	3,501	3,31

		3,2716	1,5066	1,7071	0,8678						
ENSG00000105401	0,4848	2,9695	1,6452	0,1416	0,8681	-0,95	-0,2	4,258	3,161	2,098	2,506
ENSG00000104904	0,0353	3,4353	0,9494		0,754	-0,89	1,188	3,926	2,644	2,405	2,324
ENSG00000128016	0,2269	2,2569	-1,705	1,0465	1,7886	-1,13	0,642	3,987	4,099	1,711	0,861
ENSG00000267598	0,9208	-2,067	2,5373	1,3903	1,1207	-2,13	0,642	3,487	3,222	2,177	1,472
ENSG00000140983	0,79	1,9166		0,2786	-1,03	-2,04		2,833	3,15	1,944	1,002
ENSG00000265206	0,6667	2,9572	1,0452	1,0656	0,9078	-2,71	-0,78	3,47	3,215	1,443	1,928
ENSG00000118503	0,9686	-2,539	0,3321	1,5156	-1,934	-2,54	-0,27	3,549	2,792	1,455	1,091
ENSG00000166228	0,7267	1,7067	-0,325	0,9399	1,1457		0,249	3,71	2,7	3,092	3,278
ENSG00000123144	0,0205	0,9756	0,0865	-1,518	1,7414	-1,23	0,012	3,976	2,273	1,868	2,799
ENSG00000176105	0,1169		1,2908	1,0759	1,8112	-1,57	-0,29	3,513	1,328	2,528	3,569
ENSG00000270112	0,3276	1,5076	1,4606		1,5394	-0,78	-0,92	2,647	2,959	3,352	2,537
ENSG00000179935	0,278	1,4145		1,2782	1,2559	-1,15	-1,09	2,109	3,069	3,816	2,168
ENSG00000100219	0,2903	1,5452	0,1454	-1,824	1,2859	-1,82	-1,46	3,054	3,022	2,379	2,153
ENSG00000124535	0,3907	1,4021	1,3501	1,3094	1,9057	-1,51	-1,31	2,924	2,564	1,989	2,389
ENSG00000148341	0,3306	1,0768	1,1264	1,1796	0,758	-1,71		3,131	1,605	2,641	1,371
ENSG00000149136	1,4527	1,7454	1,3213	1,2676	1,0775	-1,24		3,086	2,127	2,087	1,562
ENSG00000100401		2,0503	0,4382	1,7708	1,3199	-1,74	1,682	2,79	1,995	2,651	2,646
ENSG00000107223	-1,01	0,9466	2,0755	1,8136		-2,37	0,709	2,774	2,759	2,727	2,457
ENSG00000169100	-0,924	3,3472	3,0245	-2,403	1,4578	-1,1	0,464	4,167	3,384	2,838	2,924
ENSG00000130522	-0,013	4,7675	-2,452	2,2641	3,5894	-1,49	0,417	3,902	3,506	2,583	2,449
ENSG00000127528	0,2507	3,3123	2,5038	-2,505	2,7466	-2,14	0,418	3,522	3,076	1,082	2,884
ENSG00000170315	0,0288	1,1449	1,2794	-1,024	1,6012	-0,99	0,759	3,704	3,286	1,13	2,349
ENSG00000206503	0,1513	1,8863	1,6208	1,1535	1,3334	-0,68	-0,03	4,257	3,387	0,878	2,783
ENSG00000173020	0,0518	-1,756	2,8302	1,1478	1,1584	-1,04	0,364	3,885	2,774	0,974	2,666
ENSG00000254087	-0,968	-1,174	2,2547	1,1737	1,2623	-1,19	0,403	3,628	2,763	1,142	2,55
ENSG00000146278	0,4563	2,7209	1,3271	2,3261	1,3655		1,475	3,564	2,776	1,8	1,72

ENSG00000169564	-	2,0799	1,1694	2,1337	2,2522	-	0,666	4,039	1,815	1,773	1,828
ENSG00000253701	1,5447	1,3841	1,6755	2,2188	0,5706	-0	1,088	3,796	2,878	1,465	2,21
ENSG00000269968	2,0193	1,8156	1,1344	1,0861	3,0151	-0,05	1,05	3,723	2,019	2,214	3,029
ENSG00000100129	1,2423	1,0065	2,1763	1,0091	3,4029	-1,46	0,031	4,165	1,002	1,485	2,574
ENSG00000155011	2,6331	1,4374	1,7611	0,9739	1,2442	-1,23	0,798	3,46	1,281	-	3,185
ENSG00000147010	1,8729	-0,953	2,0481	2,4094	1,7819	-0,89	-0,23	3,055	2,903	-0,27	1,462
ENSG00000068308	3,0192	1,3118	3,1889	1,6159	1,9703	-	-0,17	3,201	2,142	-0,12	2,076
ENSG00000273841	0,6293	1,0822	1,7299	0,4094	-1,09	-1,78	-0,8	3,755	4,018	4,171	3,539
ENSG00000185049	-0,089	1,1591	1,7643	0,3787	0,0203	-1,15	-1,01	3,756	3,642	3,947	2,911
ENSG00000111199	0,1058	1,6116	1,5482	0,3172	1,7251	-2,88	-2,07	3,692	3,632	3,474	3,404
ENSG00000110057	0,4482	2,9564	1,2014	1,3813	-	-2,19	-1,6	3,326	3,069	3,05	2,196
ENSG00000132510	0,1683	1,5609	1,9475	0,2282	0,1716	-1,86	-2,82	3,207	3,653	2,968	2,108
ENSG00000166165	1,1411	0,3337	3,2147	-	0,4202	-1,06	0,379	3,514	3,921	3,2	3,377
ENSG00000182809	0,7677	2,2349	1,9243	1,1693	0,1135	-5,24	-0,75	4,15	2,272	2,707	2,813
ENSG00000137193	-	1,8718	1,6614	-	1,2528	-1,5	-0,19	3,838	2,589	2,372	3,053
ENSG00000143384	0,1792	-1,816	1,5946	0,7367	1,4497	-1,79	-0,51	3,796	2,75	1,719	2,397
ENSG00000091527	-	1,9088	0,809	0,9553	1,5916	-2,09	-0,15	3,947	2,249	1,777	2,458
ENSG00000151461	-0,353	1,5859	0,9693	0,5009	-	-1,13	-0,97	3,579	3,697	1,018	2,456
ENSG00000169813	1,7079	1,9891	1,5409	1,1032	1,5741	-1,19	-0,84	3,537	3,427	1,46	1,139
ENSG00000056558	-	1,9584	1,5283	1,1703	1,5965	-1,78	-1,4	3,268	2,507	2,128	1,183
ENSG00000168071	-	-	2,1726	-0,958	0,1164	-2,41	-0,87	3,375	3,035	1,702	2,894
ENSG00000125651	1,3991	1,6751	2,9743	0,9114	1,1799	-1,72	-1,45	3,163	2,237	1,916	2,835
ENSG00000138439	2,0635	-1,61	-1,759	1,8432	1,6365	-1,16	-1,79	3,152	3,614	3,283	3,177
ENSG00000176788	1,0963	2,3058	-1,013	1,9513	1,6303	-2,43	-1,45	2,732	1,838	2,308	3,327
ENSG00000130812	1,8923	-	-	-1,756	1,0809	-1,57	-3,13	3,912	1,234	1,174	2,891
ENSG00000163935	1,5107	-	1,4852	-2,64	1,6021	-1,84	-1,63	3,609	1,771	0,514	2,828
ENSG00000134109	-	-	-	-	-	-2,42	-2,4	3,942	2,028	0,7	2,86

	1,0925	-	2,2852	1,5639	1,9783	-	-	-	-	-	-
ENSG00000187634	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
	2,2808	-1,379	1,2615	2,5707	-	-3,47	-3,64	2,144	3,051	3,167	2,401
ENSG00000182196	1,2979	1,8944	-	2,5257	1,6493	-3,19	-2,97	2,866	2,517	1,985	1,977
ENSG00000054598	0,9928	2,2391	2,3607	1,9415	2,0059	-4,65	-2,66	1,545	2,406	3,04	1,382
ENSG00000086504	-1,743	2,4721	2,7922	1,0013	1,2735	-3,44	-2,15	3,057	3,773	3,124	2,006
ENSG00000108106	1,4891	1,6845	2,4387	1,4816	1,2104	-3,78	-2,68	1,815	3,235	1,367	2,463
ENSG00000071859	3,7457	-	-	-3,261	1,2663	-3,76	-1,59	3,363	3,834	0,841	1,952
ENSG00000169249	2,9626	1,3389	0,9918	3,4026	1,8067	-2,13	-1,12	2,271	3,09	-1,07	0,839
ENSG00000137478	2,5912	2,5072	1,8506	3,0016	2,8797	-1,45	-0,23	3,826	2,87	0,036	1,586
ENSG00000197714	2,7219	2,5259	1,9461	2,0652	2,3323	-2,56	-1,88	3,466	3,559	0,289	1,858
ENSG00000049089	0,2849	3,1298	2,9272	1,8401	0,2108	-1,69	-1,41	3,711	3,065	0,481	1,556
ENSG00000205220	0,2271	1,0463	2,5888	1,9617	-	-2,18	-1,23	3,199	2,047	1,197	1,428
ENSG00000124222	1,9095	2,0391	2,0514	-1,448	1,1826	-1,82	-1,12	3,456	2,317	0,984	1,456
ENSG00000133275	0,3978	1,3049	3,1276	2,4636	-	-3,81	-	3,014	2,498	0,302	2,171
ENSG00000178209	0,0687	2,8483	2,4883	1,3834	1,2856	-3,42	-1,12	3,774	1,558	0,16	2,196
ENSG00000112308	-0,99	2,2109	2,6325	1,8666	2,0363	-3,18	-1,17	3,747	1,106	0,343	1,094
ENSG00000271581	-	-2,679	1,6847	4,5949	1,6887	-3	-	1,758	3,269	0,856	0,908
ENSG00000089639	1,7473	2,1951	3,3435	3,2537	-1,962	-2,56	-1,94	3,085	2,281	1,435	1,222
ENSG00000152518	-1,29	3,3236	2,5675	3,1974	2,9278	-2,32	-0,32	3,264	1,007	0,592	0,694
ENSG00000077150	1,0804	2,9648	-	-1,118	1,0125	-	-	3,105	3,661	2,214	2,279
ENSG00000088992	0,4605	3,3691	0,2681	0,2127	1,2871	-0,31	0,456	2,174	3,204	2,456	2,039
ENSG00000144802	0,3981	1,4434	0,2445	0,3166	0,3619	-0,13	-	1,965	4,202	3,407	1,896
ENSG00000033050	1,7051	1,6352	1,5098	0,4191	0,2272	-0,02	0,068	1,848	2,894	3,156	0,664
ENSG00000158406	1,7484	1,6491	1,9583	0,1746	0,3445	-	-0,06	0,644	3,343	1,529	0,36
ENSG00000180596	0,3365	2,5575	2,7885	1,8585	1,7508	-1,79	0,554	1,458	4,222	2,729	3,328
ENSG00000171223	0,8282	2,7293	-1,441	1,4101	3,5793	-2,07	0,132	2,376	3,819	2,159	1,643
ENSG00000183598	1,6604	1,7444	2,0592	1,3235	2,5291	-1,77	0,108	0,587	3,959	1,225	0,868

ENSG00000197837	1,576	4,8149	-	-	0,0671	0,3308	-1,37	0,359	1,451	3,598	0,857	1,325
ENSG00000099860	1,2632	2,2122	0,3734	1,0837	1,0742	-3,22	-0,18	0,984	3,492	1,776	2,112	-
ENSG00000168209	1,441	-4,359	0,6049	1,1818	-0,763	-3,31	-0,36	1,226	3,89	1,11	0,666	-
ENSG00000264940	0,3882	3,9186	-	1,6027	1,5626	-2,07	-0,07	-1,46	3,641	2,682	-0,38	-
ENSG00000270882	0,0433	3,6829	1,4845	-1,023	2,1677	-2,35	-0,3	-	3,33	1,117	-	-
ENSG00000263934	0,606	2,1005	0,2135	0,8816	1,2713	-1,05	-0,15	-1,14	3,726	2,534	-0,3	-
ENSG00000262202	0,0964	0,8238	0,9231	1,8701	1,6638	-1,25	0,192	-1,24	4,235	2,558	-0,3	-
ENSG00000270022	0,5112	1,3036	1,2284	0,9786	1,4931	-2,86	-0,32	-1,31	3,883	2,386	-1,54	-
ENSG00000265185	0,4621	1,9819	1,9369	1,0282	1,6482	-1,74	-0,25	-2,5	3,344	2,287	-1,42	-
ENSG00000147439	0,0917	1,4229	0,3254	-0,276	0,253	0,41	0,127	1,605	0,147	0,325	3,665	-
ENSG00000067836	0,0866	0,9428	1,1046	-1,375	0,4568	-1,71	-1,09	1,282	1,121	0,416	3,865	-
ENSG00000158987	0,0094	0,4104	0,1901	2,4402	0,3254	-2,02	-0,34	2,199	-0,09	-1,36	3,65	-
ENSG00000198736	0,4072	0,3412	1,6184	0,1364	1,2603	-0,3	-0,3	0,736	-2,33	-0,89	3,242	-
ENSG00000178694	0,3745	0,3254	0,3487	0,9219	-	-1,84	-1,21	-	-0,97	-2,03	4,092	-
ENSG00000197421	1,1973	3,2872	1,1399	0,9605	0,3254	-0,25	-0,33	0,412	-3,58	-1,17	4,048	-
ENSG00000137959	0,031	0,1006	-0,045	0,3366	1,0626	-	-1,47	3,294	-3,9	-0,24	1,837	-
ENSG00000167716	0,0385	0,2631	0,9953	-	0,4095	-3,14	-2,01	3,561	-2,54	-0,98	2,083	-
ENSG00000270164	0,0922	2,2559	0,2865	2,2388	1,7194	-2,28	0,146	3,993	-3,66	-1,15	0,628	-
ENSG00000104219	3,6144	2,6714	2,9255	3,0166	3,4458	-4,06	-1,44	0,248	-3,09	-0,14	4,021	-
ENSG00000123268	2,8231	4,0223	2,2675	2,1748	3,3673	-1,98	-2,16	3,601	-4,04	-	-	-
ENSG00000106070	0,6821	0,6882	1,2786	1,261	0,145	1,87	1,27	-1,13	-0,93	0,054	3,364	-
ENSG00000147488	1,2611	1,2011	1,1353	1,0131	1,1539	0,78	0,948	-1,04	-3,6	0,485	3,872	-
ENSG00000211452	0,5978	0,941	0,4394	0,0909	-	-0,2	0,449	-3,44	-2,52	0,255	3,383	-
ENSG00000237596	2,4362	0,0289	3,1302	0,5062	0,1654	0,24	0,166	-2,43	-	2,974	2,796	-
ENSG00000275875	3,397	0,3454	0,181	2,0193	1,5351	-0	-	-1	0,553	-0,99	-1,97	-
ENSG00000229422	3,935	1,7584	0,9024	1,3891	0,7416	-1,82	0,642	-1,33	-0,22	-	-	-
ENSG00000186868	0,8871	0,1374	4,0204	0,0867	0,42	0,92	0,235	-4,03	-2,18	-	0,152	-
ENSG00000198704	2,3894	-	3,0912	1,4312	1,5318	-0,94	1,451	-5,37	-4,23	-2,26	-1,04	-

		0,1165									
ENSG00000261607	2,1054	0,3036	1,639	1,6194	0,6185	3,36	2,504	-1,29	1,333	0,827	0,45
ENSG00000268902	1,7709	0,1386	2,5102	1,1363		3,18	2,498	-1,97	0,929	0,807	1,572
ENSG00000144285	0,3972	0,0528	-0,316	0,1648	1,6697	3,63	0,78	-2,04	-2,11	-1,06	-2,77
ENSG00000008277	1,2671		0,9388	1,2964	1,1043	-1,17	-1,22	-5,61	2,848		2,722
ENSG00000145632	0,8852	1,3871	0,9268	0,0488	0,7369	0,81	0,326	-2,09	3,389	2,236	-2,52
ENSG00000170345	1,3456	0,9991	0,5353	0,0178		0,11	-0,1	-2,03	3,694	1,067	-1,34
ENSG00000131378	0,8472		-0,119	0,9917	0,9279	0,39	0,81	-1,73	3,397	2,176	0,88
ENSG00000127946	0,336	0,1991	0,3957		0,5756	0,47	0,659	-2,23	3,939	-2,49	-2,29
ENSG00000125319	0,3415	1,6795	0,7872	0,4227	-0,285	0,3	0,436	-3,52	3,503	0,78	-1,3
ENSG00000188580				0,2128	1,0127		-1,67	-2,95	4,242	-0,22	-1,59
ENSG00000184903	1,3033	0,9642	0,2823	0,2086	1,0658	-1,8	0,34	0,286	4,005	-1,21	0,81
ENSG00000130827	2,3775		2,1269	1,6739	0,7883	-2,45	0,72	-0,29	3,743	0,032	-2,44
ENSG00000112245	0,0825	3,7843	1,0952	1,0742	0,9502	-2,62	-2,34	1,322	-3,46	2,828	-1,18
ENSG00000136237	0,5351	0,8985	0,389	0,7909	0,3056	0,3	0,23	-2,36	-1,22	3,386	0,352
ENSG00000197085	0,0837	0,0338	0,9879	0,0632	0,9298	-1,1	0,1	-4,66	0,45	3,992	
ENSG00000114757	0,9963	0,2962		1,0593	1,2025	-2,3	-2,08	-4,19	-3,3	3,184	-4,37
ENSG00000166682	0,2908	1,9554	1,4088	1,8991	1,7115	-1,45	-1,59	-0,19	-3,46	3,744	-2,74
ENSG00000230701	1,2029	1,7424	1,4798	2,0886	0,9774	-1,87	-2,15	-2,41	-4,08	4,242	-1,49