

Supplementary Table S2b: 18546 Entrez gene identifiers covered by the ChIP-on-chip analysis (B-cell lines in comparison to plasma cell myeloma (PCM) cell lines) are shown.

The columns can be divided in five sections.

- 1) Columns A to D describe different identifiers like Entrez Gene, HUGO gene name and RefSeq.
- 2) Columns E to N cover the results of the ChIP-on-chip analysis.
- 3) Columns O to R cover the results for the expression analysis between PCM and B-cell lines.
- 4) Columns S to V cover information about the genomic location of a RefSeq transcript. Each row corresponds to a gene with at least one validated or reviewed RefSeq entry.

A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N
Name	Entrez Gene	RefSeq	Probe sets	L363	LP-1	U266	Mean PCM	SU-DHL6	SU-DHL4	Namalwa	Mean B-cell lines	Ratio	Acetylation p-value
ADM	133	NM_001124.1	202912_at	5114	5300	5574	220,3333333	0	0	0	0	-5,875119778	1,28E-05
ST3GAL6	10402	NM_006100.2	213355_at	4739	4075	3178	0	0	0	0	0	-5,575869162	1,97E-05
VIM	7431	NM_003380.2	201426_s_at	3477	3348	4550	0	0	0	0	0	-5,526947273	1,97E-05
CXXC4	80319	NM_025212.1	220277_at	2966	4395	3728	643,3333333	0	0	0	0	-5,498378722	2,11E-05
TERT	7015	NM_198255.2	207199_at	2011	4795	4812	40,66666667	0	0	0	0	-5,48336696	4,27E-05
LIMD1	8994	NM_014240.2	218850_s_at	3497	3605	3569	0	0	0	0	0	-5,472751477	1,86E-05
RUNX2	860	NM_004348.3	216994_s_at	2589	5642	3022	208,3333333	0	0	0	0	-5,46664262	3,40E-05
PLEKHH3	79990	NM_024927.3	220259_at	2281	4521	3061	208,3333333	0	0	0	0	-5,355319777	3,20E-05
C1orf106	55765	NM_018265.1	219010_at	2029	3933	3936	1817,333333	0	0	0	0	-5,353733913	3,52E-05
CNTNAP1	8506	NM_003632.1	219400_at	2281	3949	2982	543	0	0	0	0	-5,301716372	2,92E-05
GAS2	2620	NM_177553.1	205848_at	2221	4192	2327	0	0	0	0	0	-5,23051962	3,73E-05
VPS37B	79720	NM_024667.1	221704_s_at	2419	2893	2524	312,6666667	0	0	0	0	-5,16262903	2,64E-05
ATP8B2	57198	NM_020452.2	216873_s_at	1575	2503	3168	1842	0	0	0	0	-5,048046111	4,52E-05
ELL2	22936	NM_012081.5	214446_at	3449	1912	1717	2043,666667	0	0	0	0	-5,015593475	4,91E-05
EFNA5	1946	NM_001962.1	214036_at	3126	738	3970	893,6666667	0	0	0	0	-4,947501238	0,00025499
CABLES1	91768	NM_001100619.1	X	1074	2362	3396	0	0	0	0	0	-4,925739923	9,67E-05
ITGA8	8516	NM_003638.1	214265_at	1369	3375	1861	0	0	0	0	0	-4,924688288	6,69E-05
BEND6	221336	NM_152731.2	X	1985	2143	2003	231	0	0	0	0	-4,921183734	3,33E-05

SBF2	81846	NM_030962.2	217202_s_at	1569	1878	2883	753	0	0	0	0	-4,920417414	4,71E-05
GUCY1A3	2982	NM_000856.3	221942_s_at	3305	3067	804	0	0	0	0	0	-4,908329186	0,00018586
ZNF217	7764	NM_006526.2	203739_at	5444	8052	7632	0	0	0	646	0	-4,877590766	0,00647258
SNX18	112574	NM_001102575.1	X	1938	1798	2043	0	0	0	0	0	-4,861733152	3,58E-05
NCRNA00173	400077	NM_207436.1	X	1719	1623	2519	3791,666667	0	0	0	0	-4,85760706	4,38E-05
RHOB	388	NM_004040.2	212099_at	2226	1904	1630	1327,333333	0	0	0	0	-4,851860677	3,91E-05
GPR25	2848	NM_005298.2	221363_x_at	1565	1703	2549	1161	0	0	0	0	-4,846423148	4,61E-05
YES1	7525	NM_005433.3	202933_s_at	2219	1461	1920	0	0	0	0	0	-4,817450662	4,38E-05
RBM47	54502	NM_001098634.1	218035_s_at	976	2052	2538	478	0	0	0	0	-4,751147303	9,08E-05
PPARGC1A	10891	NM_013261.3	219195_at	3366	966	1558	1448,333333	0	0	0	0	-4,750362854	0,00013256
STBD1	8987	NM_003943.2	203986_at	625	1652	4788	0	0	0	0	0	-4,744364819	0,00043996
DDR2	4921	NM_006182.2	205168_at	1761	987	2829	1307,333333	0	0	0	0	-4,740229464	9,89E-05
FBXO3	26273	NM_012175.3	218432_at	1547	2031	1562	0	0	0	0	0	-4,738831087	4,43E-05
C3orf59	151963	NM_178496.2	X	1057	1998	2289	1717,333333	0	0	0	0	-4,734304729	7,29E-05
ABCD2	225	NM_005164.2	207583_at	1181	2551	1420	803,333333	0	0	0	0	-4,693870335	7,44E-05
PMEPA1	56937	NM_020182.3	217875_s_at	1085	2867	1187	0	0	0	0	0	-4,645632249	0,0001132
C12orf40	283461	NM_001031748.2	X	1181	2142	1420	0	0	0	0	0	-4,635993702	6,36E-05
PRDM1	639	NM_001198.2	217192_s_at	938	1589	2398	0	0	0	0	0	-4,634782051	9,49E-05
GALM	130589	NM_138801.1	X	926	1878	1697	0	0	0	0	0	-4,571376081	8,13E-05
CCR10	2826	NM_016602.2	220565_at	1461	1171	1686	0	0	0	0	0	-4,563417858	5,62E-05
TUBG2	27175	NM_016437.1	203894_at	1085	1563	1693	0	0	0	0	0	-4,56196891	6,10E-05
IRF4	3662	NM_002460.1	216986_s_at	625	3684	1217	389	0	0	0	0	-4,556509836	0,00037257
TMEM173	340061	NM_198282.1	X	1497	796	2343	582	0	0	0	0	-4,55362503	0,00012718
DPF3	8110	NM_012074.3	X	829	2105	1553	1111,333333	0	0	0	0	-4,543576487	0,00010657
FBXL7	23194	NM_012304.3	213249_at	1354	1112	1610	2415,333333	0	0	0	0	-4,50608761	6,02E-05
DST	667	NM_183380.2	212254_s_at	1196	1726	1114	1581	0	0	0	0	-4,488784548	6,62E-05
KANK1	23189	NM_153186.3	213005_s_at	1643	2060	661	208,333333	0	0	0	0	-4,48104208	0,00016395
WDR13	64743	NM_017883.3	222138_s_at	936	1609	1457	0	0	0	0	0	-4,47346276	7,43E-05
HSPB1	3315	NM_001540.2	X	950	1265	1814	0	0	0	0	0	-4,471372501	8,01E-05
CADM1	23705	NM_001098517.1	220666_at	2217	1024	926	0	0	0	0	0	-4,45981995	0,00011858
FRMD6	122786	NM_152330.3	X	625	968	3367	1425	0	0	0	129,67	-4,451383074	0,00039207
ANKRD16	54522	NM_019046.1	X	1311	3299	469	0	0	0	0	0	-4,451255891	0,00052966
PIF1	80119	NM_025049.2	X	1020	915	2148	0	0	0	0	0	-4,444147371	0,00011656

ZNF281	23528	NM_012482.3	218401_s_at	1095	995	1817	537,3333333	0	0	0	0	-4,439611282	8,32E-05
MARCH3	115123	NM_178450.2	213256_at	1204	942	1696	0	0	0	0	0	-4,430090731	7,93E-05
KCTD3	51133	NM_016121.3	217894_at	949	1486	1281	105,3333333	0	0	0	0	-4,409288467	7,20E-05
SHROOM3	57619	NM_020859.2	X	2548	828	834	484	0	0	0	0	-4,401936422	0,00020716
FBXO18	84893	NM_178150.1	X	1311	2788	468	770	0	0	0	0	-4,394744591	0,00044273
DACH1	1602	NM_080760.3	205471_s_at	2862	1358	428	231,6666667	0	0	0	0	-4,386225312	0,00053706
C1orf21	81563	NM_030806.3	221272_s_at	663	1714	1428	785,3333333	0	0	0	342,33	-4,37492491	0,00014022
GYG1	2992	NM_004130.2	211275_s_at	887	1806	980	0	0	0	0	0	-4,363449245	0,00010473
BOLA1	51027	NM_016074.2	219345_at	516	1645	1713	2359,333333	0	0	0	0	-4,339968083	0,00024448
SMOC1	64093	NM_022137.4	X	1121	927	1392	964	0	0	0	0	-4,336112776	7,58E-05
MDFIC	29969	NM_199072.3	211675_s_at	625	1204	1878	0	0	0	0	0	-4,329673951	0,00017028
PHAX	51808	NM_032177.2	X	1419	1320	716	0	0	0	0	0	-4,311724149	0,0001088
RNF11	26994	NM_014372.4	208924_at	899	1402	1033	0	0	0	0	0	-4,301538691	8,20E-05
CD99L2	83692	NM_031462.2	X	766	1068	1568	1171,333333	0	0	0	0	-4,296997284	0,00010657
GPATCH2	55105	NM_018040.2	219078_at	1391	343	2476	838,6666667	0	0	0	0	-4,275108657	0,00072063
CD59	966	NM_203330.1	200983_x_at	956	1134	1102	0	0	0	0	0	-4,273074981	7,26E-05
ZMYND11	10771	NM_006624.3	202136_at	2185	284	1776	0	0	0	0	0	-4,254345004	0,00099295
N4BP2L1	90634	NM_001079691.1	213375_s_at	774	774	1767	294,6666667	0	0	0	0	-4,234291215	0,00015482
AGAP1	116987	NM_014914.3	204066_s_at	986	1168	915	715	0	0	0	0	-4,231865875	7,85E-05
FAM18B2	201158	NM_145301.1	218446_s_at	1231	622	1337	531,6666667	0	0	0	0	-4,223217669	0,00013489
AGK	55750	NM_018238.2	222132_s_at	735	2674	513	940,6666667	0	0	0	0	-4,220647848	0,00050252
CCND2	894	NM_001759.2	200953_s_at	2734	3462	5127	654,3333333	0	725	0	0	-4,198454807	0,01389189
SPRY1	10252	NM_199327.1	212558_at	876	1686	620	0	0	0	0	0	-4,186930138	0,00017854
HTN3	3347	NM_000200.1	206786_at	1365	664	1009	0	0	0	0	0	-4,185927036	0,00012307
TCEAL1	9338	NM_001006640.1	204045_at	1354	1051	634	333	0	0	0	0	-4,181595514	0,00013092
RHOC	389	NM_175744.4	200885_at	660	1067	1279	277,3333333	0	0	0	0	-4,180874007	0,00011839
IFT81	28981	NM_014055.2	219372_at	695	1147	1072	356,6666667	0	0	0	0	-4,163396397	0,00010505
RGS1	5996	NM_002922.3	216834_at	662	1241	1034	1082,333333	0	0	0	0	-4,161600208	0,00011655
DNPEP	23549	NM_012100.2	38703_at	666	1190	1053	365	0	0	0	0	-4,155729856	0,00011329
KLF2	10365	NM_016270.2	219371_s_at	857	962	1001	673,3333333	0	0	0	0	-4,1515847	8,40E-05
CCR1	1230	NM_001295.2	205098_at	2012	68	4884	212,3333333	0	0	0	0	-4,135262844	0,01201528
CRY1	1407	NM_004075.2	209674_at	1143	704	879	0	0	0	0	0	-4,101288729	0,00010805
TOM1L2	146691	NM_001082968.1	X	845	573	1375	0	0	0	0	0	-4,082189253	0,00016892

SPATA17	128153	NM_138796.2	X	1277	343	1486	833,3333333	0	0	0	0	-4,078071966	0,0004843
LRRC48	83450	NM_031294.2	208140_s_at	832	558	1360	246,3333333	0	0	0	0	-4,064881606	0,00017607
OSBPL9	114883	NM_024586.3	218047_at	662	694	1337	0	0	0	0	0	-4,055572151	0,00015631
GDNF	2668	NM_199234.1	221359_at	6276	0	6678	484,3333333	0	0	0	0	-4,0465308	0,06522463
XKRY	9082	NM_004677.2	X	990	625	909	624	0	0	0	0	-4,026257488	0,0001194
C16orf7	9605	NM_004913.2	205781_at	1150	1170	414	0	0	0	0	0	-4,025093578	0,00027691
ULK3	25989	NM_001099436.1	X	625	761	1168	0	0	0	0	0	-4,022426319	0,00013833
NOXO1	124056	NM_144603.2	X	961	1160	493	421,6666667	0	0	0	0	-4,019605619	0,00018764
SYNGR3	9143	NM_004209.4	205691_at	961	1160	493	663,3333333	0	0	0	0	-4,019605619	0,00018764
MREG	55686	NM_018000.2	219648_at	734	665	1095	0	0	0	0	0	-4,009598824	0,00012632
LAIR2	3904	NM_021270.2	207509_s_at	1471	513	690	0	0	0	0	0	-4,002328903	0,00024814
TOR3A	64222	NM_022371.3	218459_at	2690	3075	2682	0	0	634	0	0	-3,982381922	0,0147437
OTUD7B	56957	NM_020205.2	220031_at	905	1217	442	0	0	0	0	0	-3,980433534	0,00023834
SPAG4	6676	NM_003116.1	219888_at	674	625	1097	287,3333333	0	0	0	0	-3,962158106	0,00014539
GRM3	2913	NM_000840.2	205814_at	697	697	943	350	0	0	0	0	-3,958950999	0,0001178
EHBP1	23301	NM_015252.2	212653_s_at	1015	1360	306	268,6666667	0	0	0	0	-3,93693787	0,00054869
KIF21A	55605	NM_017641.2	X	625	724	903	0	0	0	0	0	-3,921604295	0,00012549
SLC9A3R1	9368	NM_004252.2	201349_at	625	1563	394	506,6666667	0	0	0	0	-3,904982077	0,00044471
ZNF276	92822	NM_152287.2	213778_x_at	789	1170	414	0	0	0	0	0	-3,901467879	0,00026676
NFIL3	4783	NM_005384.2	203574_at	4729	4412	1227	243,6666667	0	0	1035	0	-3,870648597	0,02885299
NPY2R	4887	NM_000910.2	210729_at	1151	289	1025	258,6666667	0	0	0	0	-3,867062486	0,00055691
ALDH7A1	501	NM_001182.2	213591_at	867	874	448	292,3333333	0	0	0	0	-3,861955247	0,00019601
GPC6	10082	NM_005708.2	X	625	1577	331	554	0	0	0	0	-3,852167572	0,00060843
HSPA1L	3305	NM_005527.3	210189_at	1080	2563	4467	121,6666667	0	582	0	0	-3,817695322	0,01931701
FAM123A	219287	NM_152704.2	X	3189	0	6484	248,3333333	0	0	0	0	-3,811819501	0,06695079
TNFRSF13B	23495	NM_012452.2	207641_at	2324	2479	3855	0	1097	0	0	0	-3,803371934	0,02825643
RNF122	79845	NM_024787.2	219897_at	2662	3096	2391	222	0	982	0	0	-3,800007088	0,02564808
CASP8	841	NM_001080125.1	213373_s_at	1165	1702	2191	440,6666667	220	0	0	160	-3,781617954	0,00645947
GFER	2671	NM_005262.2	204660_at	961	1160	226	0	0	0	0	585,33	-3,771044114	0,00091159
KIF14	9928	NM_014875.1	206364_at	560	434	1026	0	0	0	0	408	-3,761726465	0,00025933
PCTP	58488	NM_021213.2	218676_s_at	659	441	839	0	0	0	0	0	-3,753834504	0,00019978
BAZ2B	29994	NM_013450.2	203080_s_at	660	1075	331	3774,333333	0	0	0	241,67	-3,743644613	0,00039589
TMEM65	157378	NM_194291.2	X	2562	3767	2236	658	0	0	1285	0	-3,741766452	0,03356711

LCE2D	353141	NM_178430.2	X	1164	154	953	765,3333333	0	0	0	0	-3,651134033	0,00193147
AFF1	4299	NM_005935.2	211826_s_at	2775	2929	3315	243,6666667	0	0	2228	0	-3,633459667	0,0521064
SPTBN1	6711	NM_178313.2	215918_s_at	2421	3283	3048	447	0	0	2431	46,667	-3,569341507	0,05812571
HSP90B1	7184	NM_003299.1	200599_s_at	2354	4033	3337	0	0	0	3349	663,67	-3,552175818	0,07049458
VWC2	375567	NM_198570.2	X	2415	0	3913	0	0	0	0	1388,7	-3,551810601	0,06733799
TSHR	7253	NM_000369.2	215442_s_at	957	2223	3640	0	0	0	843	0	-3,541946855	0,03326296
PLEKHO1	51177	NM_016274.4	218223_s_at	3197	0	2797	389	0	0	0	0	-3,533399975	0,06688256
CREB3L2	64764	NM_194071.2	212345_s_at	2333	3344	3128	0	0	0	2736	0	-3,532610215	0,0641518
HSPA1B	3304	NM_005346.3	202581_at	1157	4651	5833	363,3333333	0	3601	0	0	-3,5263851	0,0815483
EDEM3	80267	NM_025191.2	220342_x_at	2174	3501	1883	0	0	1675	0	0	-3,518750375	0,04955621
IDH3A	3419	NM_005530.2	202070_s_at	661	717	245	289,6666667	0	0	0	132	-3,516168206	0,00054451
NRG2	9542	NM_004883.1	206879_s_at	0	2210	3753	654,3333333	0	0	0	345,33	-3,508570476	0,06763864
OXSM	54995	NM_017897.1	219133_at	1794	948	1686	0	341	0	0	0	-3,506174452	0,01436158
IL6ST	3572	NM_002184.2	212195_at	2062	2320	2686	423,6666667	1582	0	0	0	-3,501280599	0,04775887
SIAH1	6477	NM_001006610.1	202980_s_at	2263	1369	1708	2703,3333333	688	0	0	194	-3,481383741	0,02707783
MEIS1	4211	NM_002398.2	204069_at	0	2915	2537	462	0	0	0	0	-3,470429981	0,06713789
UAP1	6675	NM_003115.4	209340_at	1150	2608	1581	0	0	0	673	0	-3,452638961	0,02836136
ERN1	2081	NM_001433.3	207061_at	1510	2728	3298	0	0	0	1983	0	-3,445388074	0,05920848
LAIR1	3903	NM_002287.3	208071_s_at	2176	874	4316	776,3333333	0	1301	0	228,33	-3,419103934	0,05183227
CPNE8	144402	NM_153634.2	X	0	2819	2033	1015,6666667	0	0	0	83	-3,385987668	0,06773326
MYEOV	26579	NM_138768.2	X	1943	0	2897	333,3333333	0	0	0	0	-3,380057943	0,06790253
TSC22D3	1831	NM_001015881.1	207001_x_at	0	2152	2554	1245,3333333	0	0	0	597,67	-3,372090199	0,06758701
KCNK1	3775	NM_002245.2	204678_s_at	1302	0	4099	0	0	0	0	0	-3,363054123	0,07113128
NGLY1	55768	NM_018297.2	220742_s_at	1794	948	1088	1100,3333333	341	0	0	94	-3,361780261	0,01690247
ERMP1	79956	NM_024896.2	218342_s_at	959	661	1367	951,3333333	0	159	0	83	-3,351245228	0,00769947
TRAM2	9697	NM_012288.3	202369_s_at	1448	2494	2494	0	0	0	1774	261	-3,346003669	0,06007853
PDE3B	5140	NM_000922.2	214582_at	0	3966	1203	208,3333333	0	0	0	0	-3,326051123	0,07167807
ARHGAP10	79658	NM_024605.3	219431_at	0	2625	1748	1183,3333333	0	0	0	450	-3,312401992	0,06824414
SOX12	6666	NM_006943.2	204432_at	701	65	1199	0	0	0	0	369	-3,31107739	0,00779988
SLITRK5	26050	NM_015567.1	214930_at	2145	0	2131	1826,6666667	0	0	0	534,67	-3,311041341	0,06778689
PSMA1	5682	NM_148976.1	201676_x_at	0	3966	1139	920,3333333	0	0	0	0	-3,308059123	0,07217938
TUFT1	7286	NM_020127.1	205807_s_at	1728	0	2557	0	0	0	0	0	-3,299900576	0,06827333
FHIT	2272	NM_002012.1	206492_at	0	2342	1884	782,6666667	0	0	0	713	-3,299375737	0,06797574

ELK3	2004	NM_005230.2	206127_at	992	1942	2033	494,3333333	0	894	0	298,33	-3,296690783	0,04115483
QPCT	25797	NM_012413.3	205174_s_at	2217	0	1959	1426	0	0	0	337	-3,29412338	0,06791031
FAM46C	54855	NM_017709.3	220306_at	1578	0	2734	208,3333333	0	0	0	309	-3,292088799	0,06873418
RANBP3L	202151	NM_145000.2	X	3201	1281	0	1249,666667	0	0	0	457,67	-3,275610368	0,0703607
NES	10763	NM_006617.1	218678_at	2926	0	1375	310,6666667	0	0	0	0	-3,269154521	0,06962872
PIIF	10105	NM_005729.3	201489_at	1262	1221	2275	0	0	885	0	278,33	-3,263238808	0,04187914
SLC7A11	23657	NM_014331.3	207528_s_at	1188	1881	1606	2812,333333	0	0	915	658,33	-3,259862977	0,04227893
AHNAK	79026	NM_024060.2	211986_at	0	3098	1247	0	0	0	0	0	-3,25589827	0,07045478
DUSP6	1848	NM_022652.2	208891_at	1664	0	2300	3880,333333	0	0	0	1200,3	-3,252339407	0,06837477
BHLHE41	79365	NM_030762.1	221530_s_at	1692	0	2251	0	0	0	0	733	-3,250721254	0,06831537
IRAK1	3654	NM_001569.3	201587_s_at	0	1516	2466	0	0	0	0	0	-3,244664326	0,0687996
INHBE	83729	NM_031479.3	210587_at	898	1914	2955	1410	0	0	1381	993,33	-3,24011448	0,0602244
C10orf57	80195	NM_025125.2	218174_s_at	0	2082	1727	1217	0	0	0	515,33	-3,231650595	0,06827673
KLF13	51621	NM_015995.2	219878_s_at	1714	1670	1761	0	0	0	1438	0	-3,223150729	0,0584196
ATXN1	6310	NM_000332.2	203232_s_at	3354	888	1866	0	0	1601	0	0	-3,221280995	0,06765559
C5orf43	643155	NM_001048249.3	X	1636	1975	2534	0	2353	0	0	621	-3,220860456	0,07796756
RORA	6095	NM_134262.1	210426_x_at	0	1155	3000	0	0	0	0	0	-3,220004578	0,07093314
SCARB2	950	NM_005506.2	201646_at	625	2340	3886	0	0	0	1658	0	-3,21875943	0,07436982
PDE4C	5143	NM_001098819.1	211818_s_at	1540	1799	1767	1094,333333	0	1418	0	339,67	-3,218128744	0,05827721
PHPT1	29085	NM_014172.3	X	0	1950	1765	0	0	0	0	0	-3,217171922	0,06827712
MOSPD3	64598	NM_001040098.1	219070_s_at	1536	1697	2458	0	1873	0	0	0	-3,215295413	0,06946533
RNF157	114804	NM_052916.1	200779_at	1522	0	2245	1008	0	0	0	572,33	-3,214869145	0,06870847
MBOAT1	154141	NM_001080480.1	X	0	1396	2441	642,666667	0	0	0	273	-3,214080946	0,06919206
CADPS2	93664	NM_017954.9	219572_at	2860	0	1178	178	0	0	0	418	-3,210644658	0,0706259
ZNF503	84858	NM_032772.3	X	1180	2793	0	218,666667	0	0	0	0	-3,203342942	0,07054104
MYOM2	9172	NM_003970.2	205826_at	0	1731	1894	1283,333333	0	0	0	242	-3,201105719	0,06835488
TNIK	23043	NM_015028.1	213107_at	1111	0	2945	652,333333	0	0	0	399,67	-3,201090318	0,07117917
SLAMF7	57823	NM_021181.3	219159_s_at	0	1361	2404	1330,666667	0	0	0	376	-3,200648376	0,06930331
ACOT2	10965	NM_006821.4	202982_s_at	1773	1804	0	0	0	0	0	0	-3,192931577	0,06837422
NEURL2	140825	NM_080749.2	X	1307	2422	0	1358,666667	0	0	0	896,33	-3,189774557	0,06953818
SPRED2	200734	NM_181784.1	212458_at	986	0	3181	3006,333333	0	0	0	742,67	-3,187436561	0,07254836
EPB41L4A	64097	NM_022140.3	220120_s_at	0	1358	2189	684,666667	0	0	0	237,67	-3,168894058	0,06919742
BHLHA15	168620	NM_177455.3	X	0	1776	1634	1057	0	0	0	132	-3,160784441	0,06856582

CD28	940	NM_006139.1	211861_x_at	1021	0	2796	471	0	0	0	600	-3,156105864	0,07169581
KLF9	687	NM_001206.2	203543_s_at	0	923	3078	0	0	0	0	0	-3,154848773	0,07304799
TMEM55A	55529	NM_018710.1	X	0	1868	1516	1291	0	0	0	254	-3,152732507	0,06872274
SRGN	5552	NM_002727.2	201859_at	1426	2217	945	217,3333333	0	0	1060	857	-3,151500954	0,05378441
CTSA	5476	NM_000308.2	200661_at	1224	2299	0	254,6666667	0	0	0	0	-3,150897462	0,06982594
PRR19	284338	NM_199285.2	X	1341	0	1993	354,6666667	0	0	0	0	-3,133696182	0,06918308
RAB27A	5873	NM_183235.1	210951_x_at	0	1043	2540	919	0	0	0	388,33	-3,131280904	0,07118375
SDF2L1	23753	NM_022044.2	218681_s_at	1566	2062	2080	1145,6666667	0	0	2533	92,667	-3,130879025	0,08738457
LEFTY2	7044	NM_003240.2	206012_at	0	1056	2504	0	0	0	0	0	-3,130621648	0,07104216
LRIG3	121227	NM_153377.3	X	1760	1503	0	1324,6666667	0	0	0	376	-3,130201419	0,06879026
IGF2BP2	10644	NM_006548.4	218847_at	0	1565	1674	0	0	0	0	0	-3,126990547	0,06874441
CASP10	843	NM_032974.3	205467_at	0	1787	1460	0	0	0	0	0	-3,125655102	0,06886582
NCOR1	9611	NM_006311.2	200854_at	999	1799	2534	1085	1760	0	0	419,33	-3,123582705	0,07509786
RYBP	23429	NM_012234.4	201846_s_at	990	1123	1760	1088	0	762	0	420,33	-3,119928462	0,04338511
NPEPPS	9520	NM_006310.2	201455_s_at	756	1388	1101	0	448	0	0	212	-3,119245047	0,02857226
FAM127B	26071	NM_001078172.1	217948_at	0	1418	1761	1174,3333333	0	0	0	599	-3,111181316	0,06896774
MCC	4163	NM_002387.2	206132_at	1111	2236	0	59,33333333	0	0	0	315	-3,109818749	0,07037708
C20orf103	24141	NM_012261.2	219463_at	697	0	3539	0	0	0	0	0	-3,109268839	0,07719407
CAV1	857	NM_001753.3	212097_at	0	1049	2332	367,6666667	0	0	0	356,33	-3,104861155	0,07088374
HDAC7	51564	NM_001098416.1	217937_s_at	625	3111	3823	492,3333333	0	3074	0	0	-3,10332709	0,11012997
CHST12	55501	NM_018641.3	218927_s_at	0	1623	1502	776	0	0	0	838,67	-3,103206947	0,06888365
ARID5A	10865	NM_212481.1	213138_at	1767	0	1377	208,3333333	0	0	0	0	-3,102629349	0,06906578
HYAL3	8372	NM_003549.2	211728_s_at	843	0	2822	1562,3333333	0	0	0	564,33	-3,096335377	0,07356813
NAT6	24142	NM_012191.2	210874_s_at	843	0	2812	1737	0	0	0	1290	-3,095158352	0,07355092
IRF2BP2	359948	NM_001077397.1	X	1014	3304	2237	0	0	0	3166	442,33	-3,094094748	0,10457718
CCR5	1234	NM_001100168.1	206991_s_at	664	0	3450	557	0	0	0	505,33	-3,084996212	0,07770151
PPIL2	23759	NM_014337.3	209299_x_at	0	1238	1826	60,33333333	0	0	0	0	-3,078419911	0,06949591
TP53INP2	58476	NM_021202.1	X	0	1882	1201	0	0	0	0	364	-3,078416877	0,06965985
CXorf65	158830	NM_001025265.1	X	0	1702	1324	275,3333333	0	0	0	0	-3,077303935	0,06921839
GFI1	2672	NM_005263.2	206589_at	2208	0	1018	459,6666667	0	0	0	0	-3,07691166	0,07095549
GPRIN3	285513	NM_198281.2	X	817	0	2742	0	0	0	0	0	-3,076543483	0,07376073
NFU1	27247	NM_001002755.1	218946_at	0	2103	1054	349,3333333	0	0	0	0	-3,072202012	0,0705922
CA13	377677	NM_198584.1	X	1233	1797	0	526	0	0	0	0	-3,071794544	0,06950714

MAMDC4	158056	NM_206920.2	X	0	1562	1418	298,6666667	0	0	0	121,67	-3,071568204	0,06907851
OR4X2	119764	NM_001004727.1	X	2578	841	0	1337,3333333	0	0	0	952	-3,065580253	0,07317013
C9orf119	375757	NM_001040011.1	X	823	1326	542	924,3333333	0	268	0	880	-3,064402308	0,02006555
XPO7	23039	NM_001100161.1	212166_at	1756	2548	1188	1859	0	2462	0	0	-3,063301083	0,0930483
SOX2	6657	NM_003106.2	213721_at	1032	0	2085	1545,3333333	0	0	0	0	-3,062425477	0,07071639
FRAT1	10023	NM_005479.2	219889_at	0	1667	1267	881,6666667	0	0	0	117	-3,055938359	0,06938766
CLEC7A	64581	NM_022570.4	221698_s_at	1612	0	1306	0	0	0	0	426,33	-3,05484567	0,06929283
KDM5B	10765	NM_006618.3	217491_x_at	0	523	3928	121	0	0	0	265	-3,050485097	0,08251421
USP7	7874	NM_003470.2	201499_s_at	0	2302	894	699,6666667	0	0	0	725,67	-3,048091072	0,07213385
PTPDC1	138639	NM_177995.1	X	0	2330	878	1500,3333333	0	0	0	0	-3,04617562	0,07233993
TRPS1	7227	NM_014112.2	218502_s_at	1451	0	1394	646,6666667	0	0	0	200,33	-3,041609331	0,06923266
SNRPB2	6629	NM_198220.1	202505_at	0	1472	1374	623	0	0	0	0	-3,041584962	0,06924319
SPRYD3	84926	NM_032840.1	X	1280	943	1556	802	0	944	0	905,67	-3,036196638	0,05460984
SLC1A4	6509	NM_003038.2	212810_s_at	706	766	5398	271	1493	0	0	0	-3,034377694	0,08941741
GPHN	10243	NM_001024218.1	220773_s_at	0	1149	1703	366,3333333	0	0	0	0	-3,03081111	0,06980871
MAML2	84441	NM_032427.1	X	0	1595	1227	0	0	0	0	0	-3,030789106	0,06952242
ZNF212	7988	NM_012256.2	203985_at	0	1776	1098	673,6666667	0	0	0	215,33	-3,029747784	0,07007008
PSAT1	29968	NM_058179.2	220892_s_at	1582	800	2468	0	0	0	1614	0	-3,028157012	0,07971274
TMPRSS11D	9407	NM_004262.2	207602_at	1473	1288	0	2036	0	0	0	533,67	-3,02050413	0,06941716
PARP6	56965	NM_020214.2	219639_x_at	0	1195	1567	3241,3333333	0	0	0	1116,3	-3,016240128	0,06963007
HNRNPL	3191	NM_001005335.1	202072_at	761	1064	820	290,3333333	0	351	0	114	-3,015546825	0,02538707
MGST3	4259	NM_004528.2	201403_s_at	1144	238	1919	0	0	0	282	0	-3,015405156	0,03323561
LMNA	4000	NM_170707.2	203411_s_at	0	2828	655	264	0	0	0	0	-3,014597474	0,07658466
SH3RF1	57630	NM_020870.3	X	0	1607	1152	315	0	0	0	563	-3,012502155	0,06977976
OLFML2A	169611	NM_182487.2	213075_at	977	0	1873	1725,6666667	0	0	0	600,67	-3,008965351	0,07085836
MTG1	92170	NM_138384.2	212767_at	1128	1448	2638	445,6666667	0	0	2362	163,67	-3,007802516	0,09642932
NQO1	1728	NM_001025433.1	210519_s_at	0	1171	1558	2185	0	0	0	1055,3	-3,00766036	0,06971237
PLA2G4A	5321	NM_024420.2	210145_at	2017	0	902	0	0	0	0	0	-3,00726096	0,07162766
TMEM169	92691	NM_138390.2	X	625	2883	0	0	0	0	0	0	-3,005714632	0,07734847
PIGL	9487	NM_004278.3	205873_at	703	1516	2819	0	1666	0	0	0	-3,005448616	0,08499143
CRYZ	1429	NM_001889.2	202950_at	1503	1503	1461	657	1832	0	0	0	-3,003323513	0,08275502
MED9	55090	NM_018019.2	218372_at	0	865	2062	208,3333333	0	0	0	555,33	-3,000833776	0,07204012
MNX1	3110	NM_005515.3	214614_at	696	0	2553	642,6666667	0	0	0	807,33	-3,000484897	0,07521199

ZNF365	22891	NM_199451.2	206448_at	789	0	2243	0	0	0	0	0	-2,998577871	0,07320255
C20orf165	128497	NM_080608.3	X	968	1821	0	0	0	0	0	0	-2,996617763	0,07086505
BTN3A2	11118	NM_007047.3	204820_s_at	2017	1577	1632	1048	0	0	2941	0	-2,996180074	0,10542427
KIAA1279	26128	NM_015634.2	212453_at	0	1026	1689	313,6666667	0	0	0	0	-2,990856791	0,07039172
RNLS	55328	NM_001031709.1	220564_at	1143	1514	0	1511	0	0	0	724,67	-2,990239487	0,06981717
BMP8B	656	NM_001720.3	207865_s_at	845	0	2037	0	0	0	0	0	-2,989134064	0,07220053
GOLGA2	2801	NM_004486.4	204384_at	820	1131	503	529,6666667	0	268	0	270,33	-2,986630855	0,02176517
C22orf39	128977	NM_173793.3	X	1630	964	1691	359,6666667	0	0	1556	0	-2,986121998	0,07828591
LOC26010	26010	NM_001100423.1	222154_s_at	1146	0	1488	629,3333333	0	0	0	952,67	-2,98538499	0,06981205
EML2	24139	NM_012155.1	204399_s_at	837	0	2032	517,6666667	0	0	0	671,67	-2,98520557	0,07227504
DOK2	9046	NM_003974.2	214054_at	1647	2114	908	0	0	1861	0	586	-2,984605448	0,08750517
PAFAH1B3	5050	NM_002573.2	203228_at	1088	0	1549	264	0	0	0	0	-2,981563513	0,0700316
GNPTG	84572	NM_032520.3	X	0	1355	1230	998,6666667	0	0	0	0	-2,977785475	0,0696596
ARHGAP21	57584	NM_020824.2	X	0	558	2956	0	0	0	0	0	-2,977146397	0,07919362
RRAGA	10670	NM_006570.4	201628_s_at	1283	936	1283	326	930	0	0	137,33	-2,975796176	0,05718849
MAPKAPK2	9261	NM_004759.3	201460_at	1631	0	1013	0	0	0	0	548	-2,975124475	0,07042694
PPAPDC1B	84513	NM_001102559.1	X	1352	499	2704	950	1129	0	0	0	-2,970743324	0,07454447
AHCYL2	23382	NM_015328.1	215672_s_at	662	2654	1239	950,6666667	0	0	1355	0	-2,967519241	0,07908977
SNAPC2	6618	NM_003083.2	204104_at	919	0	1755	1062,6666667	0	0	0	624	-2,967370287	0,07114572
RAB36	9609	NM_004914.2	211471_s_at	871	0	1848	257	0	0	0	219,33	-2,966853306	0,07166025
CHST2	9435	NM_004267.3	203921_at	0	1263	1276	348,3333333	0	0	0	0	-2,966707875	0,06969979
SDC1	6382	NM_002997.4	201287_s_at	1049	0	1531	403,6666667	0	0	0	396,33	-2,965705499	0,07020199
MAGEB18	286514	NM_173699.2	X	1833	0	872	0	0	0	0	0	-2,964534611	0,0716301
CSNK1E	1454	NM_001894.4	202332_at	1036	1199	1199	2283,6666667	0	0	933	552,67	-2,963464803	0,05770329
KLHL9	55958	NM_018847.2	213233_s_at	0	1367	1149	292,6666667	0	0	0	0	-2,958268077	0,06986011
DUSP5	1847	NM_004419.3	209457_at	1242	0	1258	429,6666667	0	0	0	723	-2,956504802	0,0697671
SPARC	6678	NM_003118.2	200665_s_at	807	0	1919	0	0	0	0	578	-2,954328556	0,07240338
ARMCX6	54470	NM_001009584.1	214749_s_at	625	630	3064	424,3333333	0	788	0	717,67	-2,952874508	0,06349565
SOCS5	9655	NM_014011.4	209647_s_at	697	1462	731	831,3333333	0	0	490	0	-2,946637654	0,0386604
SEMA3C	10512	NM_006379.2	203788_s_at	1250	0	1200	1177	0	0	0	489,67	-2,943075452	0,06986179
CTSO	1519	NM_001334.2	203758_at	750	2208	1388	0	1540	0	0	0	-2,942508534	0,08392036
IKIP	121457	NM_201612.1	X	1304	914	1493	1115,3333333	1196	0	0	212,33	-2,940658431	0,06993543
RORB	6096	NM_006914.3	206443_at	1032	1442	0	3456	0	0	0	345	-2,940572872	0,07026738

ACOT1	641371	NM_001037161.1	202982_s_at	1177	1237	0	257,3333333	0	0	0	0	-2,933261666	0,0699308
KCNMB2	10242	NM_181361.1	221097_s_at	1047	1388	0	420,6666667	0	0	0	0	-2,932725627	0,07020741
LANCL1	10314	NM_006055.1	202020_s_at	1255	1142	0	0	0	0	0	0	-2,928085835	0,06998882
DMRTA1	63951	NM_022160.1	X	1040	1343	0	360	0	0	0	396,33	-2,919654651	0,07024851
AQP3	360	NM_004925.3	39249_at	1074	1281	0	505,6666667	0	0	0	0	-2,914650866	0,07016066
BLVRB	645	NM_000713.1	202201_at	0	1116	1224	1748	0	0	0	845	-2,912272319	0,07009634
SMAP1	60682	NM_001044305.1	218137_s_at	848	1593	0	0	0	0	0	0	-2,909020246	0,07151902
LETM1	3954	NM_012318.1	218939_at	0	1330	1011	368,6666667	0	0	0	780,67	-2,907157305	0,07037221
EIF3M	10480	NM_006360.3	202232_s_at	1108	1202	0	1334	0	0	0	0	-2,903934215	0,07014757
TP53BP2	7159	NM_001031685.2	203120_at	852	0	1558	1558,3333333	0	0	0	305	-2,903226159	0,07144476
CIR	9541	NM_004882.3	209571_at	774	1661	1704	0	1658	0	0	0	-2,901985168	0,089267
TMCC3	57458	NM_020698.1	X	1444	0	914	1338	0	0	0	209,67	-2,901171628	0,07089966
EIF4EBP2	1979	NM_004096.3	208770_s_at	1139	573	1164	175,6666667	0	576	0	0	-2,900740625	0,04594426
EMD	2010	NM_000117.1	209477_at	0	1176	1120	752	0	0	0	0	-2,900278699	0,0701578
HSPA6	3310	NM_002155.3	213418_at	0	1338	976	0	0	0	0	0	-2,897564587	0,07052914
UBE2E1	7324	NM_182666.1	212519_at	1548	959	1159	138,3333333	0	0	1334	0	-2,893575459	0,07803521
UFSP2	55325	NM_018359.1	218449_at	1082	1297	1374	0	1494	0	0	0	-2,893559637	0,08250381
KCNA3	3738	NM_002232.3	207237_at	1062	1296	1324	971,3333333	0	0	1423	660,33	-2,891016522	0,08049062
FZD3	7976	NM_017412.2	219683_at	813	889	2985	357	0	1693	0	424,33	-2,891010435	0,09595259
CHD1L	9557	NM_004284.3	212539_at	836	2211	1307	0	0	0	1893	966	-2,890454476	0,09701083
PCDH8	5100	NM_002590.2	206935_at	0	1022	1250	0	0	0	0	0	-2,890271402	0,07036743
AP2M1	1173	NM_004068.3	200613_at	0	853	1492	1262	0	0	0	467	-2,889322504	0,07136614
TRIM47	91107	NM_033452.2	X	0	1142	1106	1192,3333333	0	0	0	0	-2,886487249	0,07025023
CSRP1	1465	NM_004078.1	200621_at	1000	0	1256	1167,3333333	0	0	0	310	-2,88470092	0,0704492
MAFF	23764	NM_012323.2	36711_at	896	0	1389	909,6666667	0	0	0	0	-2,881841027	0,07098379
SUB1	10923	NM_006713.2	214512_s_at	0	833	1491	0	0	0	0	0	-2,881330881	0,07152541
IMPA2	3613	NM_014214.1	203126_at	0	768	1612	1509	0	0	0	747,67	-2,880508467	0,07230489
GLDC	2731	NM_000170.2	204836_at	575	2115	0	852	0	0	0	242	-2,875966464	0,07655593
C9orf150	286343	NM_203403.1	X	0	409	2936	1388,3333333	0	0	0	525,67	-2,874510809	0,08458676
SP100	6672	NM_001080391.1	210218_s_at	661	1397	1082	580,3333333	0	0	826	383,67	-2,872865964	0,06060182
PHKA2	5256	NM_000292.1	209438_at	1111	1088	0	208,3333333	0	0	0	577,67	-2,872038475	0,07035155
DENND1B	163486	NM_144977.2	X	589	1557	1196	832,3333333	0	918	0	0	-2,869458104	0,06666393
RNF24	11237	NM_007219.2	210706_s_at	699	834	2062	1574,3333333	0	1013	0	902	-2,867383708	0,0721901

TMTC2	160335	NM_152588.1	X	919	2239	1425	1038	0	2493	0	624	-2,862998407	0,11251722
NR6A1	2649	NM_001489.3	207742_s_at	624	0	1873	474,3333333	0	0	0	0	-2,862359133	0,0749016
KRTAP19-7	337974	NM_181614.1	X	794	0	1475	0	0	0	0	0	-2,862076638	0,07184592
TRIM44	54765	NM_017583.3	217759_at	0	2708	427	0	0	0	0	0	-2,861566324	0,08305925
OSBPL1A	114876	NM_018030.3	209485_s_at	1146	0	1017	864,6666667	0	0	0	0	-2,860063509	0,07048988
ENTPD6	955	NM_001247.1	201704_at	0	995	1168	55	0	0	0	0	-2,859138024	0,07053922
WDR59	79726	NM_030581.3	218505_at	1047	1109	0	55	0	0	0	0	-2,858819277	0,07045828
ENC1	8507	NM_003633.1	201340_s_at	844	1373	0	0	0	0	0	0	-2,85842922	0,07132988
PDLIM3	27295	NM_014476.1	210170_at	625	0	1822	0	0	0	0	0	-2,853752286	0,07475393
EML4	27436	NM_019063.2	220386_s_at	758	1501	0	0	0	0	0	0	-2,852669738	0,0722344
SLC25A39	51629	NM_016016.1	X	885	0	1286	1259,6666667	0	0	0	314,67	-2,85239428	0,07101488
PSD	5662	NM_002779.3	208102_s_at	0	1188	958	0	0	0	0	526	-2,852285799	0,07066693
FBXL15	79176	NM_024326.2	218938_at	0	1188	958	386,3333333	0	0	0	0	-2,852285799	0,07066693
C6orf105	84830	NM_032744.2	215100_at	893	0	1274	0	0	0	0	0	-2,852255326	0,0709659
LRRC1	55227	NM_018214.4	218816_at	1464	1883	1499	0	3621	0	0	0	-2,851816006	0,13034796
STARD13	90627	NM_052851.1	213103_at	1880	0	600	1111,3333333	0	0	0	0	-2,850831994	0,07537973
ASB16	92591	NM_080863.4	X	0	556	2021	387	0	0	0	0	-2,850010395	0,07673729
CASP7	840	NM_033340.2	207181_s_at	0	1195	941	1127	0	0	0	0	-2,848344383	0,07073693
TSHB	7252	NM_000549.3	214529_at	878	0	1262	1014	0	0	0	579,33	-2,843585012	0,07105295
LRRC50	123872	NM_178452.4	222068_s_at	0	662	1667	0	0	0	0	0	-2,843103237	0,07376682
F8	2157	NM_019863.2	205756_s_at	625	1373	1751	163,6666667	0	0	1373	0	-2,840613385	0,08705547
ZNF483	158399	NM_001007169.1	X	625	1739	0	0	0	0	0	0	-2,838340649	0,07454436
CAV2	858	NM_001233.3	203323_at	0	1111	975	376	0	0	0	0	-2,83601045	0,07067924
SSR4	6748	NM_006280.1	201004_at	762	1895	1180	799,3333333	0	1593	0	605,33	-2,832451161	0,09353353
NOS1AP	9722	NM_014697.1	215153_at	372	2818	0	1568,6666667	0	0	0	0	-2,83047193	0,08613145
RCN2	5955	NM_002902.1	201486_at	0	1487	710	259,6666667	0	0	0	0	-2,828208028	0,07274793
APOBEC3C	27350	NM_014508.2	209584_x_at	743	1290	1582	1196,3333333	1438	0	0	0	-2,827679263	0,08825699
CD44	960	NM_001001392.1	212063_at	1874	559	0	0	0	0	0	493,67	-2,826777287	0,07624047
CHRNA10	57053	NM_020402.2	220210_at	1357	775	0	0	0	0	0	0	-2,826652451	0,07187777
LRFN3	79414	NM_024509.1	219346_at	0	1687	621	343,3333333	0	0	0	0	-2,826219157	0,07448359
ABCA10	10349	NM_080282.3	X	1444	725	0	0	0	0	0	0	-2,825352111	0,07250061
SCRN2	90507	NM_138355.2	X	0	1105	946	1118	0	0	0	705,33	-2,824319324	0,07079487
PDXK	8566	NM_003681.4	218019_s_at	0	1492	696	0	0	0	0	0	-2,822816075	0,07292934

CAMSAP1L1	23271	NM_203459.1	212765_at	0	489	2105	0	0	0	0	0	-2,821882411	0,07883245
KDM1	23028	NM_015013.2	212348_s_at	1403	1378	487	282,6666667	0	0	917	0	-2,820461528	0,07184523
CLTB	1212	NM_001834.2	211043_s_at	0	762	1339	1987,666667	0	0	0	0	-2,816719467	0,0719766
SPRED1	161742	NM_152594.1	X	3226	1426	2798	3557	100	1617	0	0	-2,816064248	0,0671306
IMPDH1	3614	NM_183243.2	204169_at	834	0	1221	0	0	0	0	0	-2,815864807	0,07132366
TMEM216	51259	NM_016499.3	X	0	698	1452	0	0	0	0	0	-2,814785265	0,07283056
MYST4	23522	NM_012330.2	212452_x_at	0	413	2425	336,3333333	0	0	0	0	-2,814258704	0,0827515
GBP2	2634	NM_004120.3	202748_at	663	0	1521	0	0	0	0	0	-2,813327933	0,07342987
ALDOC	230	NM_005165.2	202022_at	625	1976	1536	269,6666667	1910	0	0	0	-2,808577998	0,10701702
KIAA0831	22863	NM_014924.3	204568_at	0	625	1580	0	0	0	0	0	-2,806665596	0,07414967
F8A1	8263	NM_012151.3	203274_at	625	1350	1575	1279	0	0	1350	0	-2,805619023	0,08859125
TYW3	127253	NM_138467.1	X	1242	1242	1174	232	1832	0	0	0	-2,805471977	0,09970183
GBAS	2631	NM_001483.1	201816_s_at	918	0	1071	0	0	0	0	496	-2,8041871	0,07094908
SULF2	55959	NM_198596.1	X	0	1098	892	0	0	0	0	0	-2,802952133	0,07103369
UBE4A	9354	NM_004788.2	202038_at	1096	1277	1314	0	1883	0	0	0	-2,80149605	0,10158359
ITCH	83737	NM_031483.3	209744_x_at	0	916	1063	599,3333333	0	0	0	586,67	-2,801007209	0,07096775
MED10	84246	NM_032286.2	X	0	1398	694	794	0	0	0	0	-2,800408502	0,07278339
OR51S1	119692	NM_001004758.1	X	1031	941	0	253,3333333	0	0	0	0	-2,799795385	0,07092382
TEX19	400629	NM_207459.1	X	953	0	1017	234,3333333	0	0	0	0	-2,799461877	0,07091048
ATP5D	513	NM_001687.4	203926_x_at	838	0	1152	718,3333333	0	0	0	430	-2,798283593	0,07129559
KIAA1024	23251	NM_015206.1	215081_at	1319	0	731	0	0	0	0	422,33	-2,798187475	0,0722533
NFE2L3	9603	NM_004289.5	204702_s_at	1549	448	2168	0	0	0	1577	0	-2,797445854	0,10354238
RARRES3	5920	NM_004585.3	204070_at	737	1303	0	0	0	0	0	0	-2,796835546	0,07217345
APBB2	323	NM_173075.2	216750_at	625	1530	0	975	0	0	0	235,33	-2,796048988	0,07402871
FLNA	2316	NM_001456.2	213746_s_at	0	854	1120	0	0	0	0	0	-2,795210218	0,07121271
NKAP	79576	NM_024528.1	X	625	0	1520	0	0	0	0	0	-2,793884478	0,07400478
NPAS3	64067	NM_022123.1	220316_at	1646	0	576	670,3333333	0	0	0	544	-2,793630242	0,07522065
GPR125	166647	NM_145290.2	210473_s_at	958	991	0	0	0	0	0	0	-2,792673677	0,07095168
IDH3G	3421	NM_174869.1	202471_s_at	762	1930	1180	0	0	1831	0	0	-2,792494085	0,10421284
C5orf30	90355	NM_033211.2	221823_at	1268	2065	425	0	0	0	1189	668	-2,791449745	0,090189
PPP1R9A	55607	NM_017650.2	221088_s_at	767	1227	0	790,6666667	0	0	0	419,67	-2,790077534	0,07182736
SLC15A4	121260	NM_145648.2	X	0	1228	762	0	0	0	0	0	-2,78820768	0,07187033
OPTN	10133	NM_021980.4	202074_s_at	762	1228	0	208,3333333	0	0	0	0	-2,78820768	0,07187033

FCER1A	2205	NM_002001.2	211734_s_at	1250	744	0	697,3333333	0	0	0	0	-2,786242925	0,07204903
PRR4	11272	NM_001098538.1	204919_at	1297	1254	713	0	0	0	1261	0	-2,782669206	0,08530508
IL6R	3570	NM_181359.1	205945_at	0	3049	294	526,3333333	0	0	0	568	-2,781572469	0,09229417
PRH1	5554	NM_006250.2	205272_s_at	1294	1251	710	459	0	0	1258	0	-2,780525341	0,08538715
HSDL1	83693	NM_031463.3	X	0	662	1368	0	0	0	0	0	-2,777860401	0,07313286
C19orf26	255057	NM_152769.2	215325_x_at	838	0	1077	619,3333333	0	0	0	0	-2,776141767	0,07132568
C16orf42	115939	NM_001001410.2	213105_s_at	0	1014	889	1286,3333333	0	0	0	438,67	-2,775690565	0,07114982
TNPO1	3842	NM_002270.3	212635_at	716	0	1251	804,6666667	0	0	0	0	-2,773976887	0,07232137
SPTBN4	57731	NM_020971.2	220185_at	0	911	983	0	0	0	0	0	-2,773509036	0,071122
TRIM71	131405	NM_001039111.1	X	178	0	4689	558,6666667	0	0	0	601,67	-2,767586092	0,11243553
DGKH	160851	NM_152910.3	X	625	0	1402	838,3333333	0	0	0	514,33	-2,767221671	0,07373062
EREG	2069	NM_001432.2	205767_at	1310	669	0	0	0	0	0	0	-2,767008418	0,07293759
RHOBTB3	22836	NM_014899.3	202976_s_at	0	948	924	668	0	0	0	0	-2,766256163	0,07116016
CENPE	1062	NM_001813.2	205046_at	1580	546	0	359	0	0	0	0	-2,76274984	0,07566189
ZNF419	79744	NM_001098491.1	219826_at	625	1382	0	1115,6666667	0	0	0	0	-2,762483378	0,07368601
IDS	3423	NM_000202.3	212221_x_at	877	0	982	0	0	0	0	0	-2,7607055	0,07125334
TMEM150	129303	NM_001031738.1	X	0	620	1381	351,6666667	0	0	0	0	-2,759630293	0,07376031
ABHD11	83451	NM_148912.2	221927_s_at	816	1035	0	0	0	0	0	0	-2,754358279	0,07147982
OR52R1	119695	NM_001005177.2	X	923	910	0	408,3333333	0	0	0	640,33	-2,752481095	0,07127046
AASS	10157	NM_005763.2	214829_at	911	920	0	221	0	0	0	0	-2,751773454	0,07127585
PNPLA6	10908	NM_006702.3	203718_at	702	0	1189	873	0	0	0	0	-2,750793355	0,072394
INPP5K	51763	NM_016532.2	202782_s_at	902	1192	934	879	1209	0	0	0	-2,748809876	0,08478641
ZNF18	7566	NM_144680.2	X	1032	796	0	502,3333333	0	0	0	0	-2,745283954	0,0715996
PGBD1	84547	NM_032507.2	X	1550	520	0	0	0	0	0	0	-2,740602483	0,07616786
WIPI1	55062	NM_017983.5	213836_s_at	1163	0	693	2430,6666667	0	0	0	680,33	-2,739305685	0,07245892
FXR1	8087	NM_005087.2	201637_s_at	2101	2066	1726	0	0	586	219	0	-2,732711769	0,04013744
FZD8	8325	NM_031866.1	216587_s_at	1075	728	0	0	0	0	0	0	-2,729509539	0,07207696
CIAPIN1	57019	NM_020313.2	208968_s_at	963	807	0	1152,3333333	0	0	0	644	-2,727049888	0,07160809
FANK1	92565	NM_145235.3	X	0	698	1107	0	0	0	0	0	-2,725416368	0,07236047
RAD51L3	5892	NM_002878.2	209965_s_at	662	0	1165	0	0	0	0	0	-2,724946863	0,07279925
ABCA3	21	NM_001089.2	204343_at	774	995	0	984,6666667	0	0	0	342,33	-2,724123843	0,07176281
RHOBTB1	9886	NM_014836.3	212651_at	934	816	0	979,3333333	0	0	0	342,33	-2,720646064	0,07160978
ANKDD1A	348094	NM_182703.3	X	691	0	1092	477,3333333	0	0	0	0	-2,717641256	0,07241766

TET2	54790	NM_017628.3	X	661	1425	1437	39	0	0	1797	0	-2,717000592	0,1105407
ABHD2	11057	NM_007011.5	205566_at	803	933	0	0	0	0	0	0	-2,715038812	0,07167535
ATRX	546	NM_000489.3	208860_s_at	734	1014	0	0	0	0	0	0	-2,712993772	0,07202919
C4orf31	79625	NM_024574.3	219747_at	654	0	1125	311,3333333	0	0	0	0	-2,709489066	0,07284111
ENPP4	22875	NM_014936.3	204161_s_at	1333	1011	1368	397,3333333	2524	0	0	467	-2,705394888	0,12732909
COL4A5	1287	NM_000495.3	213110_s_at	770	0	938	0	0	0	0	0	-2,703066073	0,07184702
LAYN	143903	NM_178834.3	X	897	0	805	233	0	0	0	0	-2,702947976	0,07173546
FOXD4L6	653404	NM_001085476.1	X	922	783	0	0	0	0	0	401,33	-2,702897159	0,07179788
CCDC92	80212	NM_025140.1	218175_at	1484	479	0	0	0	0	0	0	-2,699662871	0,07700655
ZNF664	144348	NM_152437.1	X	1484	479	0	575,6666667	0	0	0	0	-2,699662871	0,07700655
SMR3A	26952	NM_012390.3	214565_s_at	904	0	788	354	0	0	0	290,67	-2,698513478	0,07180375
KCNH4	23415	NM_012285.1	220802_at	0	763	933	94	0	0	0	0	-2,698326875	0,07189495
HCRT	3060	NM_001524.1	207642_at	0	763	933	0	0	0	0	0	-2,698326875	0,07189495
MMGT1	93380	NM_173470.1	X	625	904	1564	0	1247	0	0	0	-2,697582623	0,09401509
IFIH1	64135	NM_022168.2	219209_at	487	0	1443	447,3333333	0	0	0	406,33	-2,695773543	0,07664513
Sep 11	55752	NM_018243.2	201307_at	660	1826	845	443	0	0	1447	413	-2,695349406	0,10289623
IMPG1	3617	NM_001563.2	207054_at	625	0	1119	0	0	0	0	0	-2,692958086	0,07318564
DGKE	8526	NM_003647.1	207518_at	625	0	1105	253	0	0	0	0	-2,688817246	0,07316551
ANO10	55129	NM_018075.3	218910_at	806	0	854	589,6666667	0	0	0	0	-2,687255278	0,07183813
LGALS1	3956	NM_002305.3	201105_at	0	497	1372	0	0	0	0	0	-2,685707548	0,0761468
PIGY	84992	NM_001042616.1	X	589	1157	0	973,6666667	0	0	0	489,67	-2,684646922	0,0737547
ADD1	118	NM_001119.3	214736_s_at	0	458	1480	321,6666667	0	0	0	467,67	-2,684292157	0,07760269
TMEM9	252839	NM_016456.2	X	926	0	736	208,3333333	0	0	0	0	-2,684082796	0,072073
OR51A4	401666	NM_001005329.1	X	625	0	1070	1302,333333	0	0	0	0	-2,678234347	0,07311932
SULT1E1	6783	NM_005420.2	219934_s_at	843	780	0	398	0	0	0	493,33	-2,672281937	0,0719827
C10orf125	282969	NM_198472.2	X	625	1049	0	0	0	0	0	0	-2,671719481	0,07309472
ZNF75D	7626	NM_007131.2	214813_at	0	1018	640	1495,333333	0	0	0	794,67	-2,669585768	0,07289252
EXPH5	23086	NM_015065.1	213929_at	763	845	0	0	0	0	0	680,67	-2,665852837	0,07205925
C22orf40	150383	NM_207327.4	X	691	0	932	0	0	0	0	0	-2,665604643	0,072397
MYH10	4628	NM_005964.1	213067_at	689	934	0	506,3333333	0	0	0	551	-2,665362251	0,07241216
ANP32C	23520	NM_012403.1	208538_at	655	982	0	878	0	0	0	0	-2,66530936	0,07271566
BCOR	54880	NM_017745.4	219433_at	700	0	912	0	0	0	0	0	-2,662711902	0,07234095
DSCC1	79075	NM_024094.1	219000_s_at	931	1466	1039	861,6666667	2218	0	0	0	-2,661953819	0,12558658

NR2F2	7026	NM_021005.2	209120_at	0	1208	519	329	0	0	0	0	-2,657785857	0,07513026
FNDC8	54752	NM_017559.2	220499_at	662	0	948	0	0	0	0	0	-2,657208094	0,07264362
ISCA1	81689	NM_030940.3	221425_s_at	0	695	903	313,3333333	0	0	0	800,67	-2,657120653	0,07238675
KBTBD7	84078	NM_032138.4	X	0	895	700	0	0	0	0	689	-2,656542247	0,07235734
TTC18	118491	NM_145170.2	X	0	1836	336	390,3333333	0	0	0	279	-2,656055711	0,08436733
MAMSTR	284358	NM_182574.1	X	790	0	790	1389	0	0	0	0	-2,655194718	0,07211185
TMEM53	79639	NM_024587.2	219462_at	894	696	0	0	0	0	0	0	-2,654305707	0,07238795
FBXO16	157574	NM_172366.2	X	625	663	3245	278,3333333	0	2174	0	442	-2,654265813	0,13862824
PLCD3	113026	NM_133373.3	X	691	887	0	0	0	0	0	0	-2,649376452	0,07243269
FJX1	24147	NM_014344.2	219522_at	696	880	0	392	0	0	0	0	-2,649131915	0,07240354
SIX4	51804	NM_017420.3	X	625	979	0	282,6666667	0	0	0	397	-2,649034994	0,07303249
PPM1H	57460	NM_020700.1	212686_at	883	693	0	289,6666667	0	0	0	916	-2,64883792	0,0724221
CCDC44	51204	NM_016360.2	221069_s_at	625	978	0	318	0	0	0	0	-2,648699479	0,07303185
FECH	2235	NM_000140.2	203116_s_at	0	733	833	340	0	0	0	0	-2,648061071	0,07224753
DUSP16	80824	NM_030640.1	X	1100	0	546	0	0	0	0	511,67	-2,643410062	0,07433306
LIPJ	142910	NM_001010939.1	X	659	913	0	733,6666667	0	0	0	367,33	-2,643387147	0,07267834
TTLL11	158135	NM_194252.2	X	0	876	683	460,6666667	0	0	0	460,67	-2,641487709	0,07250526
Sep 10	151011	NM_144710.2	212698_s_at	625	0	947	975	0	0	0	576	-2,638127408	0,07301594
NACA2	342538	NM_199290.2	222018_at	734	807	0	920,6666667	0	0	0	0	-2,638126325	0,0723082
NEK2	4751	NM_002497.2	211080_s_at	625	1147	1184	618	0	0	1442	656	-2,636124687	0,10618274
HNRPLL	92906	NM_138394.2	X	625	371	615	719	0	240	0	533,33	-2,635220473	0,0299832
GNS	2799	NM_002076.2	212334_at	1070	1094	817	973	1636	0	0	0	-2,633048283	0,11155488
CREB5	9586	NM_004904.2	205931_s_at	625	928	0	637,3333333	0	0	0	423,67	-2,631478019	0,07301024
POU3F2	5454	NM_005604.2	207084_at	0	625	926	637,3333333	0	0	0	423,67	-2,630770305	0,07300983
CNTNAP3	79937	NM_033655.3	220436_at	1430	0	401	0	0	0	0	0	-2,63014982	0,07935957
RPIA	22934	NM_144563.2	212973_at	1040	1145	1551	0	0	0	3175	0	-2,629958203	0,14961818
IL27RA	9466	NM_004843.2	222062_at	0	933	614	0	0	0	0	0	-2,627461786	0,07313192
FAM122C	159091	NM_138819.2	X	0	922	621	0	0	0	0	0	-2,627260481	0,07305172
MPPE1	65258	NM_023075.4	209858_x_at	625	1557	656	0	0	1135	0	0	-2,622241221	0,09739091
EFNA3	1944	NM_004952.4	210132_at	625	0	900	1046,666667	0	0	0	275,33	-2,621430613	0,07300808
PLA2G12A	81579	NM_030821.3	221027_s_at	625	874	1287	287,6666667	0	1251	0	332,33	-2,621168077	0,1002261
OR52J3	119679	NM_001001916.2	X	625	0	886	0	0	0	0	0	-2,616291011	0,07301002
HOXB8	3218	NM_024016.3	221278_at	703	0	786	0	0	0	0	0	-2,615410038	0,07253844

SMARCA2	6595	NM_139045.2	212257_s_at	1207	455	0	292	0	0	0	0	-2,614958811	0,076667
GNAS	2778	NM_001077489.1	200780_x_at	625	938	1072	0	0	0	1145	0	-2,613328094	0,0954738
KRTAP2-4	85294	NM_033184.2	220970_s_at	660	0	828	412,3333333	0	0	0	0	-2,611859749	0,07274427
C7orf53	286006	NM_182597.1	X	873	625	0	524,6666667	0	0	0	0	-2,611446506	0,07301377
HOXD10	3236	NM_002148.3	207373_at	744	0	729	525,3333333	0	0	0	0	-2,609314137	0,07254404
ITGA6	3655	NM_001079818.1	201656_at	866	625	0	444,3333333	0	0	0	0	-2,608808467	0,0730166
CXorf56	63932	NM_022101.2	219805_at	1393	722	951	521,6666667	1765	0	0	354	-2,608402739	0,11986472
NKRF	55922	NM_017544.2	205004_at	0	389	1367	7042,6666667	0	0	0	215,33	-2,605533827	0,07955293
ACTN1	87	NM_001102.2	200943_at	721	0	739	0	0	0	0	511,67	-2,603507362	0,072601
LENG9	94059	NM_198988.1	X	688	769	0	1114	0	0	0	306	-2,601221837	0,07267548
WDR44	54521	NM_019045.3	219297_at	625	698	1804	0	1492	0	0	0	-2,601005058	0,11543352
RREB1	6239	NM_002955.4	203704_s_at	729	0	723	586,3333333	0	0	0	0	-2,599961486	0,07263305
TMTC1	83857	NM_175861.2	X	685	765	0	0	0	0	0	431,67	-2,598091284	0,07270525
SRPK2	6733	NM_182692.1	203182_s_at	0	415	1254	617,6666667	0	0	0	220	-2,597889758	0,07808465
KCNJ16	3773	NM_018658.1	219564_at	804	648	0	723,6666667	0	0	0	0	-2,596252891	0,07287618
ANGPTL1	9068	NM_004673.3	X	703	0	740	59	0	0	0	276	-2,595695639	0,0726861
CDGAP	57514	NM_020754.1	X	1684	0	303	757,3333333	0	0	0	0	-2,594582034	0,08573731
SEPLG	6404	NM_003006.3	209879_at	2067	3937	4144	856,3333333	0	481	1917	751,67	-2,591718035	0,09858524
DUSP1	1843	NM_004417.2	201041_s_at	0	232	2150	70,33333333	0	0	0	0	-2,591154525	0,09463891
CDH19	28513	NM_021153.2	206898_at	734	698	0	0	0	0	0	0	-2,590706667	0,07273463
TFE3	7030	NM_006521.3	206649_s_at	0	501	1019	370,6666667	0	0	0	0	-2,590398806	0,07497964
SNTG1	54212	NM_018967.2	X	625	0	810	396,6666667	0	0	0	0	-2,586917053	0,07306211
COQ9	57017	NM_020312.1	212228_s_at	625	807	0	0	0	0	0	0	-2,585702723	0,07306581
NDUFAB1	4706	NM_005003.2	202077_at	702	718	0	899,3333333	0	0	0	437	-2,585373713	0,07277823
BMI1	648	NM_005180.5	202265_at	3856	5441	4347	524	731	0	3520	784	-2,584393639	0,12689444
PDLIM5	10611	NM_006457.2	216804_s_at	794	625	0	449,3333333	0	0	0	0	-2,580388897	0,07308347
FGG	2266	NM_000509.4	219612_s_at	625	0	793	0	0	0	0	0	-2,579976611	0,07308494
C3orf38	285237	NM_173824.2	X	765	1555	722	129,3333333	1738	0	0	0	-2,578509474	0,12371769
ZNF140	7699	NM_003440.2	204523_at	396	1221	0	1792,6666667	0	0	0	443,33	-2,574042817	0,07861622
SCG5	6447	NM_003020.2	203889_at	625	0	778	0	0	0	0	0	-2,573730332	0,07310903
PCDHGA2	56113	NM_018915.2	205717_x_at	696	0	695	475	0	0	0	0	-2,571945666	0,07290993
PCDHGA3	56112	NM_018916.3	205717_x_at	696	0	695	0	0	0	0	0	-2,571945666	0,07290993
GRIN3A	116443	NM_133445.1	X	658	0	733	2094,333333	0	0	0	1120,3	-2,571015968	0,07297212

CXADR	1525	NM_001338.3	203917_at	625	767	0	715,3333333	0	0	0	0	-2,569074172	0,07312921
SQSTM1	8878	NM_003900.3	201471_s_at	0	278	1693	585,3333333	0	0	0	0	-2,569050194	0,08766857
OR1D2	4991	NM_002548.1	221464_at	1054	0	451	434	0	0	0	0	-2,567521381	0,07622772
MFF	56947	NM_020194.4	219137_s_at	625	762	0	937,6666667	0	0	0	1432,3	-2,566936042	0,07313911
FLJ45983	399717	NM_207423.1	X	625	0	761	62	0	0	0	0	-2,566506765	0,07314115
CSMD1	64478	NM_033225.4	X	625	761	0	1742	0	0	0	980,33	-2,566506765	0,07314115
TNFRSF21	27242	NM_014452.3	214581_x_at	731	645	0	1413	0	0	0	767,67	-2,563621678	0,07306546
UBE2D3	7323	NM_181890.1	200668_s_at	1390	640	1292	483,3333333	0	0	2467	0	-2,558332388	0,14638399
SUFU	51684	NM_016169.2	X	691	1206	696	0	1256	0	0	0	-2,556684489	0,10666144
EXOG	9941	NM_005107.2	205521_at	0	699	660	1472,666667	0	0	0	372	-2,556498417	0,07308178
TBX3	6926	NM_016569.3	219682_s_at	660	694	0	0	0	0	0	0	-2,554155938	0,07310227
TCIRG1	10312	NM_006019.2	204158_s_at	0	491	929	0	0	0	0	0	-2,553520811	0,07496366
KLHL26	55295	NM_018316.1	219354_at	625	0	729	811	0	0	0	0	-2,552469603	0,07321691
MYO3B	140469	NM_138995.2	X	625	0	729	0	0	0	0	0	-2,552469603	0,07321691
F2RL2	2151	NM_004101.2	206795_at	661	0	688	447,6666667	0	0	0	0	-2,551816522	0,07312211
CDYL	9425	NM_170751.1	203099_s_at	625	0	723	473,3333333	0	0	0	0	-2,549770533	0,07323353
ADO	84890	NM_032804.5	212502_at	0	487	913	0	0	0	0	0	-2,54517715	0,07500733
SSH1	54434	NM_018984.2	221753_at	1057	358	1342	2123,333333	0	1165	0	1577,3	-2,540840434	0,1113306
EPB41	2035	NM_004437.2	207793_s_at	0	1382	314	232,3333333	0	0	0	1695	-2,540679903	0,08336842
IL17RD	54756	NM_001080973.1	X	663	662	0	0	0	0	0	0	-2,540239386	0,07323477
IL7R	3575	NM_002185.2	205798_at	625	0	700	400,3333333	0	0	0	0	-2,539216772	0,07330504
WDR42B	139425	NM_001017930.1	X	661	0	661	291,6666667	0	0	0	0	-2,538761917	0,0732502
PAK1	5058	NM_002576.3	209615_s_at	625	694	0	1002	0	0	0	0	-2,536407767	0,07332584
CCL1	6346	NM_002981.1	207533_at	1455	291	0	329,3333333	0	0	0	216,33	-2,533500793	0,08531324
HOMER1	9456	NM_004272.3	213793_s_at	829	0	514	0	0	0	0	0	-2,531013508	0,07439778
TNFRSF17	608	NM_001192.2	206641_at	1440	2631	2923	0	350	1034	0	0	-2,528503239	0,07804693
MAN1A1	4121	NM_005907.2	208116_s_at	2261	1036	450	296	0	0	2497	0	-2,528258214	0,15893121
PGRMC1	10857	NM_006667.2	201121_s_at	767	0	549	739,6666667	0	0	0	338,67	-2,526936197	0,07389813
AGFG1	3267	NM_004504.3	218092_s_at	466	884	0	609	0	0	0	0	-2,520349967	0,07537213
H2AFB1	474382	NM_001017990.1	214412_at	475	713	866	518,3333333	0	0	713	458,67	-2,519787538	0,08038281
PSMD9	5715	NM_002813.4	207805_s_at	0	351	1146	282,6666667	0	0	0	0	-2,514523304	0,08010511
GALNT2	2590	NM_004481.2	217787_s_at	704	832	1854	0	0	0	2720	0	-2,507577914	0,16044826
RAB11B	9230	NM_004218.2	34478_at	956	410	0	0	0	0	0	0	-2,504771745	0,07701899

PHF21A	51317	NM_016621.3	203278_s_at	1673	961	278	0	0	0	1160	0	-2,503270347	0,1216727
SGTB	54557	NM_019072.2	X	1500	465	1618	0	0	0	2917	290,33	-2,49853015	0,16955381
UBE2A	7319	NM_003336.2	201899_s_at	1024	541	805	323	1155	0	0	0	-2,498409065	0,10841375
GPR175	131601	NM_016372.1	218855_at	0	469	815	969,6666667	0	0	0	0	-2,495803402	0,07517272
ZNF449	203523	NM_152695.4	X	0	866	440	527,6666667	0	0	0	527,67	-2,495084881	0,07591421
C5orf15	56951	NM_020199.1	203024_s_at	1276	363	1715	250	2116	0	0	0	-2,491165413	0,15466984
ZNF426	79088	NM_024106.1	205964_at	0	367	992	223,3333333	0	0	0	0	-2,481350366	0,07864858
FLI1	2313	NM_002017.2	204236_at	3836	1621	3365	520,6666667	0	703	1151	520,67	-2,478624834	0,10022006
ANKRD20A5	440482	NM_001029999.2	X	337	0	1057	0	0	0	0	0	-2,474937372	0,08028192
ATP7A	538	NM_000052.3	205198_s_at	374	0	947	0	0	0	0	506	-2,472164464	0,07817424
USP18	11274	NM_017414.3	219211_at	324	0	1040	630,3333333	0	0	0	314,67	-2,45706525	0,08083074
C11orf84	144097	NM_138471.1	X	316	0	1060	830,6666667	0	0	0	314,67	-2,455364638	0,08137186
FILIP1	27145	NM_015687.2	X	0	799	417	356	0	0	0	0	-2,451428517	0,07630358
GATA3	2625	NM_001002295.1	209604_s_at	480	0	687	0	0	0	0	0	-2,447463588	0,07489687
ABCA5	23461	NM_018672.2	213353_at	371	0	881	0	0	0	0	0	-2,44589246	0,07798824
RBM28	55131	NM_018077.1	218593_at	741	718	1240	223	0	0	2003	0	-2,444705109	0,14739882
TOM1	10043	NM_005488.1	202807_s_at	961	329	0	159,6666667	0	0	0	402	-2,436001281	0,08013065
ATP2B1	490	NM_001682.2	212930_at	2093	144	0	140,3333333	0	0	0	620,67	-2,435432903	0,10935671
HSFY2	159119	NM_001001877.1	X	955	325	0	242,6666667	0	0	0	576	-2,430047096	0,08029083
ADAMTS8	11095	NM_007037.4	220677_s_at	763	403	0	0	0	0	0	0	-2,425369185	0,07657438
DYNLRB1	83658	NM_014183.2	217918_at	698	661	932	0	1404	0	0	0	-2,421721837	0,12759818
ZIC1	7545	NM_003412.3	206373_at	695	0	435	1065,3333333	0	0	0	0	-2,419470717	0,07570353
ADAMTS5	11096	NM_007038.2	219935_at	625	0	476	634,3333333	0	0	0	0	-2,413937301	0,07503592
CCNJ	54619	NM_019084.3	219470_x_at	1330	1371	2068	0	0	404	443	0	-2,402366869	0,06459348
VBP1	7411	NM_003372.4	201472_at	625	442	1134	1105	1102	0	0	0	-2,399432215	0,11968988
OR4D10	390197	NM_001004705.1	X	923	299	0	999,6666667	0	0	0	825	-2,392347511	0,08147507
B3GNT2	10678	NM_006577.5	219326_s_at	625	0	443	1866,6666667	0	0	0	0	-2,390745653	0,07555809
DYNLT1	6993	NM_006519.1	201999_s_at	0	277	988	0	0	0	0	390	-2,390468063	0,08328866
TRIB1	10221	NM_025195.2	202241_at	3140	3342	3864	0	792	0	2610	0	-2,388223132	0,14012895
NLN	57486	NM_020726.3	X	1244	465	1362	0	0	0	2917	0	-2,379993724	0,18502006
EIF2AK2	5610	NM_002759.1	213294_at	1064	1064	334	0	0	0	1455	0	-2,371177924	0,14440813
S100A11	6282	NM_005620.1	200660_at	0	2409	93	0	0	0	0	0	-2,353068391	0,12899236
C5orf40	408263	NM_001001343.3	X	625	394	0	0	0	0	0	0	-2,353027643	0,07656238

IL15RA	3601	NM_002189.2	207375_s_at	625	860	625	679	0	0	1357	452,33	-2,35234501	0,13455632
APOL2	23780	NM_030882.2	221013_s_at	0	633	388	3751	0	0	0	0	-2,352242285	0,07671548
DDX47	51202	NM_016355.3	220890_s_at	1033	1171	311	0	0	0	1543	0	-2,350873066	0,15258684
LRFN1	57622	NM_020862.1	X	442	551	0	0	0	0	0	0	-2,349059022	0,07574067
ZNF821	55565	NM_017530.1	205494_at	776	0	309	0	0	0	0	0	-2,34598036	0,0800533
CDH9	1007	NM_016279.3	207729_at	296	0	809	340	0	0	0	0	-2,345954347	0,08092242
HEATR4	399671	NM_203309.1	X	458	524	0	526	0	0	0	0	-2,344236852	0,07564215
ARHGEF12	23365	NM_015313.1	201334_s_at	2108	2382	3003	0	1965	442	0	0	-2,343774207	0,12455898
CISD2	493856	NM_001008388.1	X	1107	504	1068	590	0	0	2467	0	-2,343113949	0,17724873
CXCL3	2921	NM_002090.2	207850_at	625	368	0	0	0	0	0	456,67	-2,331134254	0,07723923
SLCO5A1	81796	NM_030958.1	220984_s_at	625	1480	282	0	1146	0	0	0	-2,330648139	0,14021541
GGH	8836	NM_003878.1	203560_at	1403	110	2325	0	1718	0	0	0	-2,323170987	0,20064456
RRAGB	10325	NM_016656.2	205540_s_at	906	239	0	0	0	0	0	0	-2,315564634	0,08561517
SPAG11B	10407	NM_058206.3	210884_s_at	877	246	0	1064	0	0	0	0	-2,313962046	0,08478138
GAA	2548	NM_001079804.1	202812_at	869	0	242	0	0	0	0	0	-2,305810915	0,08505003
C12orf23	90488	NM_152261.1	X	410	757	826	1075,333333	0	0	1204	0	-2,304592949	0,13578954
HNF4G	3174	NM_004133.4	207456_at	659	0	318	353,333333	0	0	0	855,33	-2,3017574	0,07906279
FLCN	201163	NM_144997.4	215645_at	1430	1868	1976	0	1712	195	0	0	-2,301193208	0,11611357
IRS1	3667	NM_005544.1	204686_at	0	625	331	321	0	0	0	0	-2,29726885	0,07843225
COMMD3	23412	NM_012071.2	218048_at	2246	4786	2468	830,6666667	731	0	2462	202,67	-2,293261845	0,15280483
ITGB8	3696	NM_002214.2	211488_s_at	3262	2493	3718	609,333333	1981	1106	0	0	-2,272654983	0,15343518
FLRT3	23767	NM_013281.2	219250_s_at	664	121	1546	0	0	695	0	0	-2,268330854	0,13894985
UBXN8	7993	NM_005671.2	215983_s_at	0	2260	932	442,333333	0	158	0	0	-2,24056421	0,19981736
CLASP2	23122	NM_015097.1	212308_at	0	193	854	463,333333	0	0	0	0	-2,229593601	0,09004144
ZNF862	643641	NM_001099220.1	213444_at	0	157	1033	184,6666667	0	0	0	0	-2,228677646	0,09770287
MAEL	84944	NM_032858.1	X	614	268	0	0	0	0	0	0	-2,224492584	0,08130201
UBE2D1	7321	NM_003338.3	211764_s_at	625	0	263	0	0	0	0	0	-2,224329629	0,08166816
MEX3B	84206	NM_032246.3	X	1220	1304	1504	1083	448	0	448	0	-2,215252865	0,08382817
CHSY1	22856	NM_014918.3	203044_at	3000	2886	3155	0	0	1591	1536	0	-2,2031485	0,16515241
NEIL3	55247	NM_018248.2	219502_at	661	480	1331	140,333333	2694	0	0	587	-2,201736035	0,20807288
ACSS1	84532	NM_032501.2	X	625	243	0	0	0	0	0	0	-2,199442453	0,08300278
TMEM184B	25829	NM_012264.3	202027_at	1086	170	1217	536,6666667	1619	0	0	0	-2,175279143	0,1965895
DACT1	51339	NM_001079520.1	219179_at	106	1254	0	0	0	0	0	0	-2,17522487	0,11415594

SYTL3	94120	NM_001009991.2	X	0	153	897	400,3333333	0	0	0	0	-2,174501189	0,09694439
SERPINH1	871	NM_001235.2	207714_s_at	0	1973	1464	524	0	278	0	0	-2,168594347	0,23685358
MRPL55	128308	NM_181441.1	X	2406	0	1933	0	471	0	0	0	-2,157411872	0,27114515
PTPN21	11099	NM_007039.3	40524_at	701	0	187	0	0	0	0	0	-2,155282487	0,08917018
DPYSL2	1808	NM_001386.4	200762_at	2050	1994	2326	725	207	4525	0	0	-2,155067155	0,19396544
ITPK1	3705	NM_014216.3	210740_s_at	115	1086	0	269,3333333	0	0	0	398,33	-2,151802728	0,10902282
OR4K1	79544	NM_001004063.1	X	662	0	193	417,6666667	0	0	0	637	-2,14636965	0,0880006
TMEM170A	124491	NM_145254.1	X	0	881	139	405	0	0	0	0	-2,139597538	0,09976448
MXI1	4601	NM_001008541.1	202364_at	2782	4791	4770	825	0	1770	4052	390	-2,127093204	0,22146357
BHLHE40	8553	NM_003670.1	201170_s_at	0	3640	4797	635,6666667	0	0	1975	1028,7	-2,126259777	0,36386592
MED13L	23389	NM_015335.2	216109_at	1313	1989	1989	398,6666667	587	990	0	905,33	-2,125393263	0,13114468
ADRB2	154	NM_000024.4	206170_at	625	372	1815	664,6666667	0	3466	0	774	-2,120262942	0,24740442
DEPDC6	64798	NM_022783.1	218858_at	2486	2056	1193	242	735	980	0	0	-2,108696009	0,141952
FOSL2	2355	NM_005253.3	218880_at	86	1193	0	473	0	0	0	0	-2,098580498	0,12239024
NRSN2	80023	NM_024958.1	218359_at	0	2931	1610	619,3333333	582	0	0	0	-2,093833126	0,29366911
ALKBH5	54890	NM_017758.3	X	2596	2754	3632	0	1716	1911	0	0	-2,089228311	0,19577467
RAB40AL	282808	NM_001031834.1	215782_at	625	165	0	1152	0	0	0	752,33	-2,079441542	0,09138595
PVRL3	25945	NM_015480.1	213325_at	693	0	147	701,6666667	0	0	0	494,67	-2,077980009	0,09550288
NEUROG2	63973	NM_024019.2	215632_at	661	152	0	701,3333333	0	0	0	494,67	-2,072695495	0,09409228
RCCD1	91433	NM_033544.2	X	0	147	662	291,3333333	0	0	0	0	-2,063055735	0,09506707
STAG2	10735	NM_001042749.1	209023_s_at	2322	1883	2376	0	464	0	3082	0	-2,055568768	0,19293613
CFL2	1073	NM_138638.3	X	1974	356	1895	0	183	1002	0	407,33	-2,048506078	0,1461243
XBP1	7494	NM_005080.2	X	3661	3731	4795	1052,3333333	2132	0	4443	0	-2,044714739	0,24515601
GRPR	2925	NM_005314.2	207929_at	316	296	0	0	0	0	0	0	-2,041936962	0,08052679
PLXNC1	10154	NM_005761.1	206471_s_at	919	1695	2012	410	1476	320	0	0	-2,022884729	0,15669925
PSEN1	5663	NM_000021.2	207782_s_at	1672	1308	1840	1210	857	723	0	323,67	-2,020406924	0,14739016
GOT1	2805	NM_002079.1	208813_at	390	366	1229	0	1977	0	0	0	-2,019926292	0,22454378
GSTM4	2948	NM_147148.1	210912_x_at	1794	0	1862	1031	0	516	0	415,67	-2,018382433	0,29415924
PHF6	84295	NM_001015877.1	X	1605	317	187	0	1123	0	0	0	-2,016818693	0,2025564
C12orf57	113246	NM_138425.2	X	692	0	2355	401	0	249	0	0	-2,015892199	0,25327789
C1orf35	79169	NM_024319.2	219063_at	1809	0	1332	834	373	0	0	0	-2,015122269	0,2733142
ECOP	81552	NM_030796.3	208091_s_at	2978	0	4314	0	0	0	2041	544,67	-2,013518509	0,38282793
PANX1	24145	NM_015368.3	204715_at	165	0	504	0	0	0	0	601,33	-2,009586777	0,08983705

TRPV2	51393	NM_016113.3	219282_s_at	1723	0	2291	0	0	629	0	0	-2,009337026	0,30885462
PIP4K2C	79837	NM_024779.3	218942_at	684	0	116	1489	0	0	0	610,67	-2,002915888	0,10302453
PTPN6	5777	NM_080548.3	206687_s_at	692	0	2162	451,3333333	0	249	0	0	-1,987578141	0,25565661
SREBF1	6720	NM_001005291.1	202308_at	2788	996	3845	0	996	1842	0	533	-1,98736675	0,20700717
TXNDC5	81567	NM_030810.2	221253_s_at	6062	6337	9790	335,3333333	1646	370	1509	0	-1,987308998	0,0164593
HIVEP1	3096	NM_002114.2	204512_at	3295	3765	2232	522	1959	0	2463	0	-1,982819849	0,23176645
ANKRD37	353322	NM_181726.2	X	1679	3670	4121	242	0	1756	2531	0	-1,981576493	0,23309071
PHF17	79960	NM_199320.2	218517_at	1336	1732	1535	0	0	313	1954	0	-1,977973657	0,17629544
SFXN4	119559	NM_213649.1	X	1356	1264	1701	0	797	0	685	292,33	-1,955416628	0,15350629
PACS1	55690	NM_018026.2	220557_s_at	0	2461	1518	349,6666667	0	731	0	0	-1,942201904	0,32908441
DENND2C	163259	NM_198459.3	X	2391	0	2547	0	1256	0	0	0	-1,926218302	0,36612421
RFFL	117584	NM_057178.3	X	1473	0	2377	0	0	0	726	0	-1,923007501	0,33149015
NQO2	4835	NM_000904.3	203814_s_at	802	2369	0	458,6666667	0	396	0	0	-1,918510236	0,29517494
KIF21B	23046	NM_017596.2	204411_at	996	2460	2534	1063,333333	0	805	1639	0	-1,91594696	0,20453807
AMMECR1	9949	NM_015365.2	204976_s_at	3010	3642	1339	0	0	892	3510	473,33	-1,914684959	0,24525796
HOXB9	3219	NM_024017.4	216417_x_at	0	0	4662	244,6666667	0	0	0	0	-1,914120652	0,29997903
IL2RG	3561	NM_000206.1	204116_at	0	2657	1324	0	0	0	760	0	-1,90978255	0,3375891
VDAC2	7417	NM_003375.2	211662_s_at	807	2768	2783	363	1053	0	1295	453,67	-1,906769892	0,21045316
FAM164A	51101	NM_016010.1	205308_at	1881	1157	0	732,3333333	0	0	474	0	-1,904518654	0,30520909
SOX4	6659	NM_003107.2	201416_at	879	3538	4178	0	2152	1380	0	0	-1,89420874	0,24835964
HTATIP2	10553	NM_001098523.1	209448_at	1861	0	1485	110	637	0	0	0	-1,887340918	0,32731613
ZMYM2	7750	NM_003453.2	210281_s_at	1391	1151	1451	60,66666667	0	1207	441	11,667	-1,887114724	0,17194369
ZC3H14	79882	NM_207661.2	213063_at	295	0	187	0	0	0	0	456	-1,876246531	0,08590841
RAP2C	57826	NM_021183.3	218668_s_at	1720	0	2698	854,6666667	1116	0	0	0	-1,875221776	0,36741813
UROS	7390	NM_000375.1	203031_s_at	2325	2061	1787	0	2485	0	827	0	-1,874960222	0,22782461
VDAC3	7419	NM_005662.4	208846_s_at	1442	1241	1541	598	692	0	956	0	-1,874096174	0,17608637
MLLT3	4300	NM_004529.2	204917_s_at	1657	3572	3469	454	1451	0	3458	464	-1,870555491	0,26400242
BTRC	8945	NM_003939.3	204901_at	0	231	235	0	0	0	0	0	-1,870230684	0,08443885
MIDN	90007	NM_177401.4	X	838	0	1077	641,3333333	0	213	0	401	-1,869043291	0,25315327
RAB35	11021	NM_006861.4	221819_at	649	3111	1431	59	643	1102	0	0	-1,868897044	0,19817408
LRRC61	65999	NM_023942.1	218907_s_at	0	1719	3761	364,6666667	0	1604	0	861,33	-1,865664177	0,39356919
TFAP4	7023	NM_003223.1	205688_at	2701	2463	2106	789,3333333	0	1456	2397	803,33	-1,863935342	0,24471482
EXOC6	54536	NM_019053.3	X	625	0	79	615,6666667	0	0	0	474,67	-1,862887519	0,11726198

ZNF827	152485	NM_178835.3	X	0	1836	2064	0	0	0	961	443,33	-1,857203604	0,35980119
BCCIP	56647	NM_016567.2	218264_at	2273	2009	1748	30	2485	0	827	0	-1,851720113	0,23289745
LRP12	29967	NM_013437.2	220253_s_at	0	3813	0	789,3333333	0	0	0	803,33	-1,847349184	0,30091734
MRFAP1L1	114932	NM_152301.3	212199_at	841	1679	2447	0	0	276	3221	280,33	-1,844126937	0,24099624
HOMER3	9454	NM_004838.2	215489_x_at	0	0	3758	723	0	0	0	399,33	-1,842525173	0,30098896
PLEKHA7	144100	NM_175058.3	201406_at	0	3718	0	435,3333333	0	0	0	0	-1,838972426	0,30104206
LIME1	54923	NM_017806.2	219541_at	0	2102	1712	0	966	0	0	0	-1,838424563	0,36335559
AASDH	132949	NM_181806.2	X	1283	2486	1786	496,3333333	526	0	2888	0	-1,838051243	0,23749471
TES	26136	NM_015641.2	202719_s_at	0	1598	1374	0	589	0	0	0	-1,836855341	0,32961144
HIST1H3F	8968	NM_021018.2	214509_at	5210	3516	3741	650	952	176	1508	624,67	-1,835582346	0,03830308
NOL3	8996	NM_003946.3	221567_at	0	0	3647	537	0	0	0	80	-1,832571508	0,30113847
KLF7	8609	NM_003709.2	204334_at	0	3639	0	244,6666667	0	0	0	0	-1,831842512	0,30114951
NCALD	83988	NM_001040626.1	211685_s_at	0	3589	0	1083,6666667	0	0	0	1217,7	-1,827249806	0,30121937
BCL6B	255877	NM_181844.3	X	1169	4165	950	552,6666667	958	1351	0	0	-1,826257373	0,22972795
CHD2	1106	NM_001271.3	203461_at	1771	1260	834	1615,3333333	286	0	1777	1207	-1,825415449	0,20310532
C7orf29	113763	NM_138434.2	X	0	1118	3160	445,6666667	0	1011	0	216,67	-1,818071315	0,37369885
MAF	4094	NM_005360.3	206363_at	0	3486	0	0	0	0	0	365,33	-1,817584573	0,30136805
C5orf35	133383	NM_153706.2	X	1490	2592	2909	545	2832	1156	0	226,67	-1,811842253	0,26015452
MYL1	4632	NM_079420.2	209888_s_at	625	65	0	1081,6666667	0	0	0	149,33	-1,80913147	0,12647286
BRPF1	7862	NM_004634.2	204481_at	1128	988	1410	0	289	1569	0	0	-1,807101023	0,1960612
NAT5	51126	NM_181527.2	X	0	1338	1357	720,3333333	0	0	534	410,67	-1,805985265	0,32749831
FBXL14	144699	NM_152441.1	213145_at	977	1025	1233	146,6666667	0	754	482	0	-1,804755151	0,16669035
C17orf59	54785	NM_017622.1	219417_s_at	688	0	1273	701	0	254	0	645	-1,804480406	0,27613435
WNT10A	80326	NM_025216.2	X	764	0	2920	1219,3333333	676	0	0	610,67	-1,798761251	0,35288598
GAB1	2549	NM_002039.2	207112_s_at	0	1278	2767	951,3333333	0	0	1078	847,67	-1,796971354	0,37978157
APOBEC3D	140564	NM_152426.2	X	743	2540	2302	0	2614	504	0	0	-1,796735501	0,24934946
DCC	1630	NM_005215.2	206939_at	0	0	3273	233,3333333	0	0	0	0	-1,796661518	0,30169786
GYPC	2995	NM_016815.2	202947_s_at	1435	0	2272	0	0	1009	0	0	-1,791597674	0,37486607
RALYL	138046	NM_001100391.1	213967_at	0	3204	0	220,3333333	0	0	0	0	-1,789591943	0,30181182
PGDS	27306	NM_014485.2	206726_at	3172	0	0	0	0	0	0	0	-1,786261704	0,30186595
HIST1H4G	8369	NM_003547.2	208551_at	4737	3007	3140	0	952	176	1145	590,33	-1,78469719	0,03535372
C5orf36	285600	NM_173665.1	X	1446	0	1361	0	0	0	625	0	-1,781431351	0,34269349
SLC38A10	124565	NM_001037984.1	212890_at	2370	1737	0	0	0	1333	0	0	-1,777013394	0,39544453

INTS10	55174	NM_018142.2	X	728	2653	1129	106,3333333	0	1129	626	401,67	-1,776233598	0,21317766
STARD3NL	83930	NM_032016.2	X	0	1061	1543	1554	528	0	0	0	-1,775668149	0,33225175
FAM115C	285966	NM_173678.1	X	1994	1902	1122	2405,666667	1947	0	711	1826,7	-1,774245915	0,23578371
HIST1H2BH	8345	NM_003524.2	208546_x_at	4393	3384	3593	3287,666667	1181	176	1145	0	-1,772711712	0,03887395
LENG1	79165	NM_024316.1	X	625	110	664	0	1178	0	0	0	-1,770025406	0,252238
GGT1	2678	NM_001032365.1	209919_x_at	0	0	2996	0	0	0	0	0	-1,767325776	0,30217936
TERF1	7013	NM_003218.2	203448_s_at	625	1322	0	2185,666667	0	0	272	1844,7	-1,764039779	0,2880333
ZNF510	22869	NM_014930.1	206053_at	0	913	981	534,6666667	296	0	0	0	-1,762978626	0,29132631
SLC2A4RG	56731	NM_020062.3	218494_s_at	0	1703	1617	153,3333333	934	0	0	0	-1,761006213	0,37417074
ZBTB33	10009	NM_006777.3	214631_at	2399	1648	1676	1008,666667	2059	1096	0	0	-1,760064617	0,25306184
LCP2	3937	NM_005565.3	205269_at	0	0	2908	2276,666667	0	0	0	0	-1,757438521	0,30234688
AKT3	10000	NM_181690.1	212607_at	2892	0	0	0	0	0	0	377,67	-1,7556089	0,30237818
PECR	55825	NM_018441.3	221142_s_at	0	2883	0	1922,333333	0	0	0	460,33	-1,754575307	0,3023959
PPP1R3D	5509	NM_006242.3	204554_at	1560	2150	1381	738	813	0	2003	940	-1,74887564	0,2455324
TBCE	6905	NM_003193.3	203714_s_at	867	0	1192	0	362	0	0	503,33	-1,745929963	0,30938659
MED12	9968	NM_005120.2	203506_s_at	0	2471	1324	148	0	0	1169	469,33	-1,7444682	0,3937112
SLC11A2	4891	NM_000617.1	203124_s_at	1386	1834	1806	2094,666667	0	1353	1218	769,67	-1,742707352	0,24118951
SLC38A9	153129	NM_173514.1	X	0	1443	1263	327,3333333	653	0	0	0	-1,741844724	0,35259053
LCORL	254251	NM_153686.5	X	2443	1331	972	824,3333333	0	873	1309	913,67	-1,740410386	0,2332271
DUSP4	1846	NM_057158.2	204014_at	2761	0	0	1758	0	0	0	635,67	-1,740238707	0,30264485
PRDM5	11107	NM_018699.2	220792_at	0	0	2728	0	0	0	0	0	-1,73625243	0,30271513
PITPNC1	26207	NM_012417.2	219155_at	0	0	2701	2483,333333	0	0	0	572,33	-1,732955096	0,30277361
C1orf53	388722	NM_001024594.1	X	735	2094	0	554,6666667	572	0	0	126,33	-1,730322455	0,34999626
SLC25A24	29957	NM_013386.3	204342_at	0	0	2673	1194,333333	0	0	0	0	-1,729500834	0,30283521
SAMD10	140700	NM_080621.4	X	0	1662	1621	1107,333333	0	1019	0	822,33	-1,725177008	0,38652509
NCAPD3	23310	NM_015261.2	212789_at	0	3059	2185	0	0	0	2535	0	-1,725016241	0,44532887
ITM2C	81618	NM_030926.4	221004_s_at	0	2630	0	893	0	0	0	822,33	-1,724125381	0,30293179
SSTR3	6753	NM_001051.2	214491_at	0	2610	0	0	0	0	0	0	-1,721595325	0,30297755
FAM70A	55026	NM_001104544.1	219895_at	0	0	2581	3070,666667	0	0	0	0	-1,717892292	0,30304487
PHACTR1	221692	NM_030948.1	213638_at	2566	0	0	0	0	0	0	262,33	-1,715960666	0,30308015
OTUD5	55593	NM_017602.2	X	0	2558	0	155,3333333	0	0	0	0	-1,71492587	0,3030991
NCOA2	10499	NM_006540.2	205731_s_at	1393	3040	2084	1655,666667	1188	0	2919	1165,7	-1,712976951	0,28703277
MPRIIP	23164	NM_015134.2	214694_at	2298	1958	2328	664,6666667	1675	2461	0	774	-1,712621655	0,28646569

HTATSF1	27336	NM_014500.3	202601_s_at	0	1351	1141	325	608	0	0	842	-1,709922123	0,35309484
GMDS	2762	NM_001500.2	214106_s_at	2548	1651	2627	426,6666667	1918	2296	0	801,33	-1,708697248	0,29079673
TMPRSS4	56649	NM_019894.3	218960_at	2503	0	0	374,3333333	0	0	0	1129,7	-1,707723338	0,3032319
CBX4	8535	NM_003655.2	206724_at	1025	1280	1350	73,66666667	0	803	878	0	-1,707550852	0,21364492
CNO	55330	NM_018366.2	X	771	1277	1878	412,3333333	0	276	2620	226,67	-1,7062699	0,25727974
LCT	3938	NM_002299.2	206945_at	2491	0	0	943	0	0	0	190,67	-1,706130978	0,30326148
ZBTB39	9880	NM_014830.1	205256_at	0	1249	2610	385,3333333	0	1316	0	594	-1,70437891	0,40948366
NME2	4831	NM_002512.2	201577_at	0	1625	1768	47,33333333	0	0	1180	833,33	-1,698184158	0,40146555
MGC16385	92806	NM_145039.2	X	0	2113	812	1102,333333	0	706	0	624	-1,697351069	0,36991943
CCDC146	57639	NM_020879.2	X	0	1290	1238	0	665	0	0	0	-1,692370425	0,36257323
FBXO9	26268	NM_033480.2	212987_at	810	2177	1127	0	2137	0	386	0	-1,690774958	0,25285191
C10orf26	54838	NM_017787.4	202808_at	0	2338	0	0	0	0	0	0	-1,685132063	0,30365906
SMAD7	4092	NM_005904.2	204790_at	344	4591	2642	453,6666667	689	0	2651	0	-1,683409119	0,31619152
ERAP1	51752	NM_016442.3	214012_at	466	1709	1070	799,3333333	0	260	1384	922,67	-1,683090238	0,22666138
SUOX	6821	NM_001032387.1	204067_at	0	0	2319	1308,666667	0	0	0	965,33	-1,682429537	0,30371126
C17orf71	55181	NM_018149.6	218514_at	965	980	1826	1447	0	532	1394	0	-1,681741658	0,23252591
C20orf177	63939	NM_022106.1	X	1364	2146	1185	764,3333333	749	0	1999	774	-1,681007002	0,26095557
CNOT6L	246175	NM_144571.2	X	2902	2094	1520	1271,666667	0	1423	2826	598,67	-1,679198563	0,29831709
PPARG	5468	NM_015869.4	208510_s_at	2285	0	0	516,3333333	0	0	0	191,33	-1,677538067	0,30380636
ASTN2	23245	NM_198188.1	209693_at	0	1584	1729	0	1201	0	0	0	-1,676566018	0,40674204
TCOF1	6949	NM_001008656.1	202385_s_at	662	1938	678	1201,333333	618	0	618	1355	-1,675610719	0,20662818
STT3A	3703	NM_152713.2	202223_at	1501	2987	3732	1520	0	2950	2557	1066,3	-1,66815126	0,32588967
SP1	6667	NM_138473.2	214732_at	0	1097	1459	1518,333333	0	726	0	971,67	-1,66453324	0,37434019
PTPRK	5796	NM_002844.2	203038_at	625	1390	0	53	0	393	0	226	-1,663314461	0,33217097
C17orf49	124944	NM_174893.1	X	1794	5059	1681	588,3333333	2518	2777	0	1110	-1,662906242	0,3277743
SPCS3	60559	NM_021928.1	221844_x_at	2565	2659	2369	133	2874	0	2582	680,33	-1,66152745	0,32205982
ADAM23	8745	NM_003812.2	206046_at	2175	0	0	0	0	0	0	1391	-1,661202207	0,30412981
STK35	140901	NM_080836.2	X	1753	2100	0	850	1698	0	0	629	-1,660120878	0,43273936
SSBP3	23648	NM_001009955.2	217991_x_at	0	2166	0	435	0	0	0	1269	-1,659829522	0,30415741
ICK	22858	NM_016513.4	204569_at	810	1907	1327	868,6666667	2419	0	386	1307	-1,65970613	0,26667911
OR6F1	343169	NM_001005286.1	X	0	2163	0	1529,333333	0	0	0	353,33	-1,659370701	0,30416664
ZNF205	7755	NM_001042428.1	206416_at	0	0	2153	1329,333333	0	0	0	576,67	-1,65783672	0,30419758
FBXO39	162517	NM_153230.1	X	2152	0	0	1047	0	0	0	124,33	-1,657682933	0,30420069

H1FX	8971	NM_006026.2	204805_s_at	0	2151	0	687	0	0	0	1339,7	-1,657529075	0,3042038
GK	2710	NM_203391.1	217167_x_at	0	0	2146	1446,333333	0	0	0	157	-1,656758718	0,30421938
ZNF785	146540	NM_152458.5	X	1153	2455	2455	653,6666667	0	1301	2493	84,667	-1,656450603	0,29748786
PRPF6	24148	NM_012469.3	208879_x_at	0	2026	1625	484,6666667	0	1546	0	811,67	-1,654171521	0,42791028
HLA-C	3107	NM_002117.4	216526_x_at	0	2675	1111	995,6666667	1401	0	0	53	-1,653360602	0,42417195
FASTKD5	60493	NM_021826.4	219016_at	1430	1524	0	585,3333333	0	0	1027	772,33	-1,65260177	0,40067154
ZNF197	10168	NM_001024855.1	205855_at	2112	0	0	0	0	0	0	378,33	-1,651472538	0,30432683
DHRS4L2	317749	NM_198083.2	218021_at	1082	927	1845	1210,6666667	0	788	1112	763,33	-1,650984024	0,24082395
MBD2	8932	NM_003927.3	202484_s_at	1857	2306	1089	0	1771	1252	0	0	-1,650340049	0,2806039
CNTLN	54875	NM_017738.2	220095_at	2104	0	0	0	0	0	0	664	-1,650216452	0,3043525
RASA1	5921	NM_002890.1	210621_s_at	0	1557	1555	233	0	1150	0	719,67	-1,650136101	0,40886888
UBOX5	22888	NM_014948.2	219016_at	1422	1516	0	1245	0	0	1027	812	-1,649013953	0,40136391
NSUN3	63899	NM_022072.3	219458_s_at	2016	2293	2186	0	2772	0	1758	0	-1,645295912	0,31089545
LOC389257	389257	NM_001080478.1	X	0	2070	0	1218,6666667	0	0	0	908	-1,644824644	0,30446336
PROSC	11212	NM_007198.2	209384_at	1516	844	2114	1556	0	1059	1241	1192,3	-1,643323386	0,26179435
CLIP4	79745	NM_024692.3	219944_at	2060	0	0	805,3333333	0	0	0	1037,7	-1,643222077	0,30449651
ZNF263	10127	NM_005741.3	203707_at	836	2396	2168	325	1688	0	1256	842	-1,642302737	0,28562517
CPEB4	80315	NM_030627.1	X	1198	1054	3248	1218,6666667	1634	1226	0	172	-1,642028603	0,28452317
ZNF385D	79750	NM_024697.1	220117_at	2052	0	0	0	0	0	0	595	-1,641934453	0,30452321
MTX1	4580	NM_198883.2	210386_s_at	0	2655	1831	0	0	0	2384	2228,7	-1,639917568	0,45822835
GTF2B	2959	NM_001514.4	208066_s_at	2289	0	1045	1059,6666667	0	1174	0	736,33	-1,639836037	0,41458184
IL17A	3605	NM_002190.2	216876_s_at	0	0	2039	150,6666667	0	0	0	884,67	-1,639831396	0,30456696
TNFAIP3	7128	NM_006290.2	202644_s_at	625	2908	2750	449,6666667	2274	0	1087	626,67	-1,639275782	0,30606436
WNT10B	7480	NM_003394.2	206213_at	0	0	2023	1361,333333	0	0	0	537,33	-1,637224671	0,3046214
GULP1	51454	NM_016315.2	204235_s_at	2019	0	0	0	0	0	0	293,33	-1,636569792	0,30463511
MUC13	56667	NM_033049.2	218687_s_at	2004	0	0	449	0	0	0	376	-1,634102472	0,30468693
CALML4	91860	NM_001031733.2	64408_s_at	0	1993	0	733,3333333	0	0	0	1571,3	-1,632281427	0,30472532
VPS26B	112936	NM_052875.3	X	0	2794	1929	3097,333333	0	0	2706	1474	-1,632093957	0,46740283
BZW1	9689	NM_014670.2	200777_s_at	1288	1420	1383	1746,6666667	1040	0	1221	1400,3	-1,631720248	0,25710306
UGT1A1	54658	NM_000463.2	207126_x_at	1989	0	0	0	0	0	0	0	-1,631616754	0,30473936
TP53I3	9540	NM_004881.2	210609_s_at	0	1984	0	169,6666667	0	0	0	88	-1,630784044	0,30475698
UEVLD	55293	NM_001040697.1	220775_s_at	0	1303	2453	84	1622	0	0	650,33	-1,628787774	0,43722924
AGAP3	116988	NM_031946.4	X	662	0	3330	1814,333333	1128	0	0	1537	-1,62781046	0,42165499

EMP3	2014	NM_001425.1	203729_at	0	0	1963	2844,666667	0	0	0	1765	-1,62726377	0,30483173
PPA2	27068	NM_176866.2	220741_s_at	769	2295	0	230,6666667	0	901	0	1285,3	-1,627115086	0,40134913
PPM2C	54704	NM_018444.2	218273_s_at	0	1612	1498	1155,666667	0	1231	0	1202,3	-1,626866307	0,41805792
SCAND3	114821	NM_052923.1	X	0	1960	0	665	0	0	0	886,33	-1,626757825	0,30484252
FASTK	10922	NM_006712.3	210975_x_at	662	0	3312	1999	1128	0	0	1833	-1,626011895	0,42194995
BTBD3	22903	NM_014962.2	202946_s_at	0	1935	0	451,3333333	0	0	0	0	-1,622511483	0,30493339
ZNF350	59348	NM_021632.3	219266_at	0	1925	0	1955,666667	0	0	0	1307,7	-1,620797684	0,30497026
THEM4	117145	NM_053055.3	X	0	1922	0	1078,333333	0	0	0	412	-1,620281821	0,30498137
GFM1	85476	NM_024996.5	X	896	1291	0	773	0	0	601	292	-1,619323347	0,36935793
TSEN15	116461	NM_052965.1	X	0	2745	1671	1155	2396	0	0	840,33	-1,619084339	0,46304133
DHFRL1	200895	NM_176815.3	X	1912	2293	2186	473,3333333	2772	0	1818	761	-1,616680967	0,31988698
AMPD2	271	NM_004037.6	212360_at	0	0	1901	771	0	0	0	812,33	-1,616648252	0,30505998
F8A3	474384	NM_001007524.1	203274_at	0	2161	1575	604,6666667	0	0	1793	1675,7	-1,616235387	0,44515952
KIAA1539	80256	NM_025182.2	211433_x_at	0	2343	1188	1616	0	1469	0	535	-1,615865391	0,43361776
THBS3	7059	NM_007112.3	209561_at	0	2489	1750	305,3333333	0	0	2303	967	-1,615013492	0,46109068
GALNT4	8693	NM_003774.3	X	1885	0	0	1479,333333	0	0	0	1054,3	-1,613852988	0,3051208
SAR1B	51128	NM_001033503.1	218254_s_at	0	0	1872	222	0	0	0	891	-1,611564448	0,30517082
ZNF746	155061	NM_152557.3	X	0	1858	0	0	0	0	0	0	-1,609082167	0,3052253
GIMAP2	26157	NM_015660.2	X	0	1858	0	534,6666667	0	0	0	816,67	-1,609082167	0,3052253
ARMCX3	51566	NM_177948.2	217858_s_at	0	399	3313	393,6666667	0	724	0	797,67	-1,607548218	0,40364072
PTPN13	5783	NM_080683.1	204201_s_at	0	0	1842	49,33333333	0	0	0	453,67	-1,606222453	0,30528836
ARHGEF11	9826	NM_198236.1	202913_at	0	1840	0	0	0	0	0	404,67	-1,605863258	0,3052963
TEAD1	7003	NM_021961.4	214600_at	0	1838	0	736,6666667	0	0	0	1108,3	-1,605503675	0,30530426
CTHRC1	115908	NM_138455.2	X	0	1829	0	1257,333333	0	0	0	869	-1,603880734	0,30534024
H2AFB3	83740	NM_080720.1	214412_at	0	1491	838	0	0	0	685	99,333	-1,602280473	0,38315272
WNT5A	7474	NM_003392.3	205990_s_at	1943	0	1707	1841	0	1827	0	1281,7	-1,60142103	0,44908722
PDE6A	5145	NM_000440.1	206623_at	1810	0	0	1635,666667	0	0	0	1955	-1,600428355	0,30541712
PPARGC1B	133522	NM_133263.2	217524_x_at	1052	0	1254	543,6666667	0	727	0	268	-1,600397092	0,38649649
SLC26A11	284129	NM_173626.2	X	0	0	1805	1205,666667	0	0	0	917,67	-1,59951386	0,30543757
STK36	27148	NM_015690.2	X	1098	1526	1930	0	1956	915	0	736,67	-1,599495783	0,28647611
GDF9	2661	NM_005260.3	221314_at	1677	839	1606	0	1587	0	789	0	-1,599246219	0,27281933
LEAP2	116842	NM_052971.2	X	1677	839	1606	916,6666667	1587	0	789	1198,3	-1,599246219	0,27281933
EYA1	2138	NM_000503.3	214608_s_at	0	1799	0	506,3333333	0	0	0	1159,3	-1,598413143	0,30546222

P2RX7	5027	NM_002562.4	207091_at	0	1795	0	1109	0	0	0	678	-1,597677308	0,30547872
SLC9A6	10479	NM_006359.2	203909_at	0	1794	0	970,3333333	0	0	0	1116,7	-1,597493095	0,30548286
FCHO1	23149	NM_015122.1	213669_at	0	0	1791	303,3333333	0	0	0	608	-1,596939844	0,30549529
GRAMD3	65983	NM_023927.1	218706_s_at	1790	0	0	0	0	0	0	0	-1,596755223	0,30549944
GJC2	57165	NM_020435.2	207025_at	1315	1052	1530	946,3333333	0	1257	942	638,67	-1,596040108	0,26484279
CPT1A	1374	NM_001031847.1	210688_s_at	625	0	1762	0	0	0	617	0	-1,595736803	0,38022211
CNTN1	1272	NM_175038.1	211203_s_at	1781	0	0	672	0	0	0	970	-1,595089016	0,30553696
WNT1	7471	NM_005430.2	208570_at	0	0	1771	1156	0	0	0	1027	-1,593227853	0,305579
SPACA1	81833	NM_030960.2	220982_s_at	1769	0	0	357,6666667	0	0	0	410,33	-1,592854371	0,30558746
STARD10	10809	NM_006645.2	X	0	1765	0	1413,333333	0	0	0	892,67	-1,592106147	0,30560441
MAGEA1	4100	NM_004988.4	207325_x_at	0	0	1763	499,3333333	0	0	0	464	-1,591731405	0,30561291
HSPC159	29094	NM_014181.2	219998_at	1759	0	0	0	0	0	0	385,33	-1,590980654	0,30562995
SAMD9L	219285	NM_152703.2	X	0	1759	0	131,6666667	0	0	0	119,33	-1,590980654	0,30562995
ZNF615	284370	NM_198480.2	X	1935	1746	0	0	0	0	1922	0	-1,590758632	0,45446098
KAAG1	353219	NM_181337.2	X	1757	0	0	2611,333333	0	0	0	0	-1,590604643	0,3056385
PSMB2	5690	NM_002794.3	201404_x_at	918	1045	1663	1235	953	0	953	841	-1,5904243	0,25600563
FAM55C	91775	NM_145037.1	217540_at	0	0	1755	668,6666667	0	0	0	742,67	-1,590228208	0,30564706
TPH1	7166	NM_004179.1	X	1754	0	0	0	0	0	0	0	-1,590039831	0,30565134
NPM1	4869	NM_002520.5	221923_s_at	0	2645	2566	1638,333333	0	0	3870	849,33	-1,589695046	0,49631872
ZNF26	7574	NM_019591.2	219595_at	0	1752	0	1522	0	0	0	1624	-1,589662757	0,30565993
LHX9	56956	NM_001014434.1	X	735	1363	0	0	572	0	0	0	-1,588462212	0,37282928
SKIL	6498	NM_005414.2	206675_s_at	651	1189	414	0	0	600	303	1357,7	-1,588142455	0,1965996
HIST1H2BE	8344	NM_003523.2	214455_at	1463	1678	1351	220	0	1279	1493	303,67	-1,586753766	0,28687099
TMPRSS3	64699	NM_032404.1	220177_s_at	0	1732	0	555	0	0	0	637,33	-1,58586837	0,30574663
ACCN5	51802	NM_017419.2	X	1731	0	0	1021,333333	0	0	0	300,33	-1,585677512	0,30575101
PFKFB3	5209	NM_004566.2	202464_s_at	0	0	1727	2497,666667	0	0	0	802,33	-1,584912985	0,30576855
USP51	158880	NM_201286.2	X	0	1724	0	270,3333333	0	0	0	876,67	-1,584338438	0,30578175
ZNF498	221785	NM_145115.2	X	0	1846	1891	1242,666667	2034	0	0	1235,7	-1,582824664	0,45962265
SAMD3	154075	NM_152552.2	X	1716	0	0	0	0	0	0	317,33	-1,582801451	0,30581714
NDFIP1	80762	NM_030571.2	217800_s_at	1008	1175	1460	1321,333333	567	0	1771	0	-1,582120737	0,27069356
RUSC1	23623	NM_014328.3	206949_s_at	0	1712	0	0	0	0	0	787,33	-1,582030292	0,30583493
MAP3K13	9175	NM_004721.3	211083_s_at	0	0	1711	342	0	0	0	748,67	-1,581837224	0,30583939
ASF1B	55723	NM_018154.2	218115_at	1931	855	1169	2815,666667	0	703	1605	211,33	-1,581325697	0,27521489

ZNF500	26048	NM_021646.1	213639_s_at	0	1199	1279	1060,666667	0	899	0	1505	-1,580429558	0,40561555
E1F1AX	1964	NM_001412.3	201016_at	1124	1535	982	622,6666667	864	0	1151	720	-1,580165826	0,2619616
FAM127A	8933	NM_001078171.1	201828_x_at	0	0	1702	1468,333333	0	0	0	930,33	-1,580094553	0,3058797
CYBA	1535	NM_000101.2	203028_s_at	0	1164	1773	582	0	0	1217	0	-1,578943504	0,42759423
SIRPD	128646	NM_178460.1	X	1694	0	0	826,6666667	0	0	0	883,33	-1,578537827	0,30591582
OR8D4	338662	NM_001005197.1	X	1689	0	0	0	0	0	0	0	-1,577561169	0,30593853
MSMP	692094	NM_001044264.1	X	1688	0	0	646,3333333	0	0	0	1431,7	-1,577365493	0,30594308
TBC1D25	4943	NM_002536.2	X	0	1686	0	490	0	0	0	956,33	-1,576973797	0,3059522
GLI1	2735	NM_005269.1	206646_at	771	1652	3151	486,6666667	0	2012	1192	953	-1,575902116	0,31395845
SGSH	6448	NM_000199.2	35626_at	0	0	1679	175	0	0	0	122	-1,575599225	0,30598427
SLC6A13	6540	NM_016615.2	207184_at	1676	0	0	1779,666667	0	0	0	224,33	-1,575008383	0,30599808
KLHL21	9903	NM_014851.2	203068_at	0	2796	1399	1563,333333	0	0	2347	1774,3	-1,573386407	0,47186897
OR13D1	286365	NM_001004484.1	X	1663	0	0	0	0	0	0	424,67	-1,572435895	0,30605837
C1orf104	284618	NM_001039517.1	X	0	1661	0	1202	0	0	0	1350,7	-1,57203836	0,30606771
COX4NB	10328	NM_006067.3	218057_x_at	1989	1104	1646	0	1278	0	1707	0	-1,571418005	0,2993372
ARFRP1	10139	NM_003224.2	203174_s_at	0	2325	956	131,6666667	0	1345	0	245	-1,570980832	0,43816855
BMP8A	353500	NM_181809.3	207866_at	0	0	1654	1352	0	0	0	0	-1,570643241	0,30610055
HAGH	3029	NM_001040427.1	205012_s_at	0	1652	0	0	0	0	0	0	-1,570243561	0,30610997
CXorf61	203413	NM_001017978.1	X	1651	0	0	258	0	0	0	0	-1,570043541	0,30611469
GNGT1	2792	NM_021955.3	207166_at	1650	0	0	478,6666667	0	0	0	752,33	-1,5698434	0,30611941
EPHA6	285220	NM_001080448.2	X	0	0	1647	298	0	0	0	0	-1,569242258	0,3061336
ERCC8	1161	NM_001007233.1	205162_at	1619	1726	1984	480,6666667	1871	1802	0	766,67	-1,568732606	0,31567272
CLEC6A	93978	NM_001007033.1	X	0	1641	0	266,6666667	0	0	0	358,33	-1,568036711	0,30616212
LRRC20	55222	NM_207119.1	218550_s_at	0	0	1634	0	0	0	0	556,67	-1,566624707	0,3061956
DNASE1L1	1774	NM_001009933.1	203912_s_at	0	0	1632	1617,333333	0	0	0	0	-1,566220176	0,3062052
FUT4	2526	NM_002033.2	209893_s_at	1629	0	0	233,3333333	0	0	0	1094,3	-1,565612458	0,30621965
PLSCR1	5359	NM_021105.1	202446_s_at	1626	0	0	0	0	0	0	723,67	-1,56500363	0,30623414
SPA17	53340	NM_017425.2	205406_s_at	1713	1640	0	1235,666667	0	1728	0	0	-1,56495433	0,45300516
SLC16A13	201232	NM_201566.1	X	0	1623	0	0	0	0	0	0	-1,564393688	0,30624867
ZNF610	162963	NM_173530.1	X	0	1623	0	949	0	0	0	1203,7	-1,564393688	0,30624867
SULT2A1	6822	NM_003167.2	206292_s_at	0	1622	0	1123,333333	0	0	0	749,67	-1,564190125	0,30625352
OXR1	55074	NM_181354.3	218197_s_at	915	2874	690	0	0	855	1317	0	-1,563689275	0,28802664
NDUFAF2	91942	NM_174889.3	X	1499	1713	1984	1348	1871	1682	0	935	-1,563583929	0,31454193

IGFBP2	3485	NM_000597.2	202718_at	1618	0	0	0	0	0	0	0	-1,563374631	0,30627298
ZNF323	64288	NM_030899.3	222016_s_at	0	1617	0	438,6666667	0	0	0	354,33	-1,563170445	0,30627786
HCN1	348980	NM_021072.2	X	1612	0	0	0	0	0	0	0	-1,562147635	0,30630232
OR5AS1	219447	NM_001001921.1	X	1610	0	0	243,6666667	0	0	0	0	-1,561737631	0,30631213
FRG2	448831	NM_001005217.1	X	1610	0	0	664,6666667	0	0	0	0	-1,561737631	0,30631213
XPR1	9213	NM_004736.2	X	0	1607	0	458	0	0	0	488,33	-1,561121678	0,30632689
VWA5A	4013	NM_014622.4	210102_at	1603	0	0	422,6666667	0	0	0	634,33	-1,560298632	0,30634664
SCRN3	79634	NM_024583.3	219234_x_at	0	1696	1704	349	1803	0	0	0	-1,560262934	0,45670286
TMCO4	255104	NM_181719.3	X	0	0	1599	0	0	0	0	254,33	-1,559473549	0,30636647
KIR2DS4	3809	NM_012314.3	X	1596	0	0	809	0	0	0	1060	-1,558853394	0,3063814
ASPN	54829	NM_017680.3	219087_at	1596	0	0	220,3333333	0	0	0	1798,3	-1,558853394	0,3063814
RNF25	64320	NM_022453.2	218861_at	1006	1577	1852	714	1904	967	0	1341,7	-1,558723774	0,29859707
GUK1	2987	NM_000858.4	200075_s_at	1340	1052	1530	209,6666667	0	1435	942	657,33	-1,558589915	0,28149975
FGB	2244	NM_005141.2	204988_at	1593	0	0	1340,6666667	0	0	0	2053,7	-1,558232083	0,30639637
SLITRK6	84189	NM_032229.2	X	1588	0	0	603,3333333	0	0	0	340	-1,557193984	0,30642141
MST150	85027	NM_032947.3	X	1585	0	0	1145	0	0	0	833	-1,556569569	0,3064365
C1orf51	148523	NM_144697.2	X	0	0	1585	338,6666667	0	0	0	1340	-1,556569569	0,3064365
PDK3	5165	NM_005391.2	221957_at	0	1578	0	0	0	0	0	736,67	-1,555108036	0,30647189
RBM46	166863	NM_144979.2	X	1578	0	0	760	0	0	0	1450,7	-1,555108036	0,30647189
OR10T2	128360	NM_001004475.1	X	1577	0	0	1672,6666667	0	0	0	886	-1,554898722	0,30647697
FBXW9	84261	NM_032301.2	X	0	0	1577	1369	0	0	0	444,33	-1,554898722	0,30647697
C22orf31	25770	NM_015370.1	206839_at	0	0	1574	283,3333333	0	0	0	0	-1,554269988	0,30649222
SAGE1	55511	NM_018666.2	220793_at	0	0	1574	244,6666667	0	0	0	0	-1,554269988	0,30649222
GCC1	79571	NM_024523.5	218912_at	818	1681	1002	0	0	1147	766	620,67	-1,553050189	0,26717332
SAMSN1	64092	NM_022136.3	220330_s_at	1567	0	0	1245,6666667	0	0	0	995,67	-1,552798316	0,306528
TMEM136	219902	NM_174926.1	X	0	0	1565	844,6666667	0	0	0	549,67	-1,552376642	0,30653828
MORC2	22880	NM_014941.1	203956_at	763	2342	0	121	0	0	1146	0	-1,552261415	0,43314548
WDR51B	282809	NM_172240.1	220442_at	1563	0	0	0	0	0	0	0	-1,551954433	0,30654857
OR6T1	219874	NM_001005187.1	X	1562	0	0	282,3333333	0	0	0	328,33	-1,551743129	0,30655372
WFS1	7466	NM_006005.2	202908_at	0	0	1561	0	0	0	0	1998,7	-1,55153169	0,30655888
TEX9	374618	NM_198524.1	X	0	1558	0	901,3333333	0	0	0	1311,3	-1,550896567	0,30657439
PPP3CB	5532	NM_021132.1	215586_at	0	1773	2692	1386	3079	0	0	901	-1,549059671	0,49220343
B9D1	27077	NM_015681.3	210535_at	0	0	1549	860,6666667	0	0	0	1631,3	-1,548983907	0,3066212

ANKRD55	79722	NM_024669.2	220112_at	1548	0	0	891,6666667	0	0	0	1096	-1,54877071	0,30662643
IYD	389434	NM_203395.1	X	1546	0	0	618,6666667	0	0	0	0	-1,548343906	0,3066369
CFHR4	10877	NM_006684.2	207874_s_at	1545	0	0	242,3333333	0	0	0	278,67	-1,5481303	0,30664214
SNAI1	6615	NM_005985.2	219480_at	0	1545	0	635,6666667	0	0	0	642,33	-1,5481303	0,30664214
CAMK2G	818	NM_172170.3	212757_s_at	0	1543	0	55	0	0	0	1058	-1,547702675	0,30665265
TRHDE	29953	NM_013381.1	219937_at	1540	0	0	697,6666667	0	0	0	1637,7	-1,547060208	0,30666845
EXOSC7	23016	NM_015004.2	212627_s_at	1882	1489	1731	1023,6666667	1567	2011	0	972,33	-1,546893726	0,31950918
OLFML3	56944	NM_020190.2	218162_at	0	1538	0	0	0	0	0	0	-1,546631207	0,30667901
ADA	100	NM_000022.2	204639_at	0	0	1538	0	0	0	0	305	-1,546631207	0,30667901
HS3ST5	222537	NM_153612.2	X	1536	0	0	269	0	0	0	330,67	-1,546201654	0,30668959
LEF1	51176	NM_016269.2	221557_s_at	1473	1366	1930	1194,3333333	0	1151	2196	972,33	-1,546061292	0,31338964
GUCY2F	2986	NM_001522.2	208053_at	0	0	1533	1606,6666667	0	0	0	526,67	-1,545556284	0,3067055
SLMAP	7871	NM_007159.2	X	0	961	3566	791	2243	0	0	1429,3	-1,545525004	0,47871025
SLC25A20	788	NM_000387.3	203658_at	846	1549	2071	0	1488	1193	0	0	-1,545370031	0,30092021
PCDH20	64881	NM_022843.2	X	1531	0	0	0	0	0	0	0	-1,545125343	0,30671614
APAF1	317	NM_181861.1	204859_s_at	1304	0	1404	0	1196	0	0	290,33	-1,545028295	0,43280959
ZNF649	65251	NM_023074.2	X	0	1530	0	470	0	0	0	1591,7	-1,544909663	0,30672146
RWDD2A	112611	NM_033411.3	213555_at	0	1528	0	264,6666667	0	0	0	318,33	-1,544477884	0,30673213
LOC196913	196913	NM_001014830.1	X	1526	0	0	715,3333333	0	0	0	1078,3	-1,544045545	0,30674283
CAPSL	133690	NM_144647.3	X	1526	0	0	336,6666667	0	0	0	312	-1,544045545	0,30674283
DNAJC1	64215	NM_022365.3	218409_s_at	1642	1247	0	0	0	0	1342	0	-1,544045067	0,44106848
ZNF277	11179	NM_021994.2	218645_at	0	2474	1240	0	0	0	2013	0	-1,543890529	0,46864502
ZNF391	346157	NM_001076781.1	215523_at	0	1520	0	0	0	0	0	0	-1,542745153	0,30677504
RHAG	6005	NM_000324.2	206146_s_at	1520	0	0	332,3333333	0	0	0	1371,7	-1,542745153	0,30677504
FLJ45422	441140	NM_001004349.1	X	0	1517	0	0	0	0	0	0	-1,54209305	0,30679122
PALLD	23022	NM_016081.3	200897_s_at	1515	0	0	116,3333333	0	0	0	189,67	-1,541657604	0,30680204
CD5L	922	NM_005894.1	206680_at	1512	0	0	247,6666667	0	0	0	0	-1,541003368	0,30681831
CALCOCO1	57658	NM_020898.1	209002_s_at	0	1509	0	143	0	0	0	0	-1,540347845	0,30683463
MS4A6E	245802	NM_139249.2	X	0	0	1509	655,6666667	0	0	0	1679,7	-1,540347845	0,30683463
OR5L2	26338	NM_001004739.1	X	0	1508	0	49,33333333	0	0	0	529,33	-1,540129051	0,30684008
RNF125	54941	NM_017831.3	207735_at	0	1507	0	549,6666667	0	0	0	553,67	-1,539910112	0,30684553
TMEM223	79064	NM_001080501.2	220934_s_at	0	0	1505	485	0	0	0	945	-1,539471804	0,30685647
MAGEA2B	266740	NM_153488.3	214603_at	0	0	1504	741	0	0	0	1093,7	-1,539252434	0,30686194

RTKL1	51750	NM_032957.3	206092_x_at	0	1331	1040	1012,333333	0	0	920	926,67	-1,539197275	0,41597819
DGKB	1607	NM_004080.1	216307_at	1503	0	0	716,6666667	0	0	0	1118	-1,539032919	0,30686742
SPAG1	6674	NM_003114.3	210117_at	625	1418	1998	118	958	0	1236	0	-1,538747412	0,28989797
CCDC83	220047	NM_173556.3	X	0	1501	0	1953,6666667	0	0	0	0	-1,538593455	0,3068784
C1orf150	148823	NM_145278.2	X	1499	0	0	0	0	0	0	0	-1,538153411	0,3068894
RFT1	91869	NM_052859.2	X	1664	1863	2068	0	2068	2068	0	0	-1,538100558	0,33420402
SLC46A1	113235	NM_080669.3	X	0	0	1498	775	0	0	0	1100,7	-1,537933171	0,30689491
SLC17A1	6568	NM_005074.3	206872_at	1498	0	0	0	0	0	0	0	-1,537933171	0,30689491
NCRNA00153	55857	NM_018474.3	219961_s_at	0	1497	0	279	0	0	0	606	-1,537712785	0,30690043
MDS1	4197	NM_004991.1	220960_x_at	914	1104	0	267,3333333	674	0	0	0	-1,537002658	0,39372126
C1orf105	92346	NM_139240.2	214357_at	0	0	1485	790,3333333	0	0	0	306,67	-1,535056729	0,30696708
PLS1	5357	NM_002670.1	205190_at	1483	0	0	970,3333333	0	0	0	1239,7	-1,534611988	0,30697827
ARF5	381	NM_001662.2	201526_at	802	1423	1002	0	0	1089	708	0	-1,53436846	0,26497513
FSCN3	29999	NM_020369.1	220379_at	802	1423	1002	1353	0	1089	708	934	-1,53436846	0,26497513
HYLS1	219844	NM_145014.1	X	1480	0	0	693,3333333	0	0	0	1498,7	-1,533943762	0,3069951
CDR1	1038	NM_004065.2	207276_at	0	0	1478	0	0	0	0	1146,3	-1,533497532	0,30700636
P4HA2	8974	NM_001017973.1	202733_at	1477	0	0	0	0	0	0	0	-1,533274193	0,30701199
FKTN	2218	NM_006731.2	205283_at	0	1477	0	1931	0	0	0	1793	-1,533274193	0,30701199
ZNF628	89887	NM_033113.2	X	0	0	1475	1953,333333	0	0	0	2125,7	-1,532827066	0,30702328
TM7SF2	7108	NM_003273.2	210130_s_at	0	1474	0	0	0	0	0	0	-1,532603277	0,30702894
NR1D1	9572	NM_021724.2	31637_s_at	760	1660	3238	615,6666667	1538	0	1813	1014	-1,532264208	0,3315199
DNAJC18	202052	NM_152686.2	X	0	0	1471	517,3333333	0	0	0	590,67	-1,531931008	0,30704594
SYNPR	132204	NM_144642.3	X	1469	0	0	244	0	0	0	302,33	-1,531482074	0,3070573
ZYX	7791	NM_003461.4	215706_x_at	0	1737	1205	0	0	1426	0	0	-1,531325537	0,44802406
TCEAL8	90843	NM_001006684.1	X	0	0	1466	414	0	0	0	828	-1,530807538	0,30707439
ZMIZ2	83637	NM_031449.3	221525_at	0	1329	2128	0	0	1932	0	0	-1,530424103	0,468132
GREB1	9687	NM_148903.2	205862_at	1464	0	0	391	0	0	0	678	-1,530357087	0,30708582
CPA3	1359	NM_001870.1	205624_at	1464	0	0	1701,333333	0	0	0	1547,7	-1,530357087	0,30708582
MSL3	10943	NM_006800.2	214009_at	1463	0	0	553,3333333	0	0	0	0	-1,530131633	0,30709154
FRAG1	27315	NM_014489.1	41858_at	0	0	1461	0	0	0	0	681,67	-1,529680268	0,307103
SLC25A45	283130	NM_182556.2	X	1526	1260	2013	0	0	1260	2104	668,67	-1,529414147	0,31970408
C16orf75	116028	NM_152308.1	X	1458	0	0	0	0	0	0	0	-1,529002072	0,30712024
ACOX3	8310	NM_001101667.1	204241_at	625	1641	965	486,6666667	1641	411	0	0	-1,528843734	0,27935206

TNFRSF9	3604	NM_001561.4	207536_s_at	0	0	1453	887,3333333	0	0	0	661	-1,527868669	0,30714911
RAB39B	116442	NM_171998.2	X	0	0	1453	1411	0	0	0	1293,3	-1,527868669	0,30714911
OR4N5	390437	NM_001004724.1	X	1452	0	0	1012,666667	0	0	0	158	-1,527641526	0,3071549
HLA-F	3134	NM_001098479.1	204806_x_at	0	1452	0	969,3333333	0	0	0	0	-1,527641526	0,3071549
RASEF	158158	NM_152573.2	X	1452	0	0	377,3333333	0	0	0	729,67	-1,527641526	0,3071549
RPAP2	79871	NM_024813.1	219504_s_at	1425	0	1496	458,3333333	0	0	1469	442,33	-1,527459577	0,45034766
POSTN	10631	NM_006475.1	210809_s_at	1450	0	0	1457,666667	0	0	0	0	-1,527186773	0,3071665
RPL17P6	645441	NM_001093734.1	X	1449	0	0	781,3333333	0	0	0	533,33	-1,526959164	0,30717231
ITGA3	3675	NM_005501.1	X	0	0	1448	0	0	0	0	0	-1,5267314	0,30717813
USP54	159195	NM_152586.3	X	0	1445	0	993	0	0	0	757	-1,526047171	0,30719562
FAM23A	653567	NM_001098844.1	X	1443	0	0	458,3333333	0	0	0	478,67	-1,525590237	0,30720732
COLEC10	10584	NM_006438.2	207420_at	1443	0	0	1412,666667	0	0	0	1530,3	-1,525590237	0,30720732
GPSN2	9524	NM_138501.4	208336_s_at	0	0	1441	230,6666667	0	0	0	0	-1,525132676	0,30721904
CSTB	1476	NM_000100.2	201201_at	0	1440	0	0	0	0	0	0	-1,52490366	0,30722491
PGM3	5238	NM_015599.1	210041_s_at	0	1438	0	490,3333333	0	0	0	0	-1,524445154	0,30723666
SIRT4	23409	NM_012240.1	222248_s_at	0	0	1435	0	0	0	0	0	-1,523756211	0,30725435
FGF23	8074	NM_020638.2	221166_at	1434	0	0	891	0	0	0	0	-1,523526247	0,30726026
MET	4233	NM_000245.2	203510_at	1434	0	0	499,3333333	0	0	0	1023,7	-1,523526247	0,30726026
LRRC33	375387	NM_198565.1	X	625	4044	3582	1806	0	1494	4265	428,33	-1,523018196	0,38380292
STEAP1	26872	NM_012449.2	205542_at	0	1431	0	779,3333333	0	0	0	875	-1,522835401	0,30727803
TRPC5	7224	NM_012471.2	220552_at	1431	0	0	0	0	0	0	0	-1,522835401	0,30727803
RPN2	6185	NM_002951.2	213399_x_at	0	1638	1505	0	1724	0	0	0	-1,522565665	0,46186172
SH3BP5L	80851	NM_030645.1	X	1725	1518	2570	846,3333333	1646	0	2861	0	-1,522240676	0,34613376
KIF1B	23095	NM_015074.2	X	0	0	1425	0	0	0	0	0	-1,521449397	0,30731374
HSF5	124535	NM_001080439.1	X	1425	0	0	244	0	0	0	712,33	-1,521449397	0,30731374
MUCL1	118430	NM_058173.2	X	1424	0	0	0	0	0	0	0	-1,521217835	0,30731971
PLOD2	5352	NM_182943.2	202620_s_at	0	1423	0	0	0	0	0	0	-1,520986112	0,3073257
SKAP1	8631	NM_003726.3	205790_at	0	0	1423	0	0	0	0	0	-1,520986112	0,3073257
HSD17B3	3293	NM_000197.1	206985_at	1421	0	0	1322,666667	0	0	0	1850	-1,520522183	0,30733768
LRRC52	440699	NM_001005214.2	X	1417	0	0	528,3333333	0	0	0	0	-1,519592382	0,30736173
BAMBI	25805	NM_012342.2	203304_at	0	1417	0	306,6666667	0	0	0	367,33	-1,519592382	0,30736173
UNKL	64718	NM_001037125.1	221064_s_at	0	2526	930	699,3333333	0	0	1662	190,67	-1,519561983	0,46349675
FBXO17	115290	NM_024907.5	220233_at	0	0	1415	1307,333333	0	0	0	792,33	-1,519126507	0,3073738

GLUL	2752	NM_001033056.1	217202_s_at	0	1413	0	2740	0	0	0	1835,7	-1,518659981	0,30738589
SERF2	10169	NM_001018108.2	210183_x_at	1050	1594	893	383,3333333	1009	0	1051	2038	-1,518050664	0,28245403
COL9A1	1297	NM_078485.2	222008_at	1409	0	0	432,6666667	0	0	0	2038	-1,517724964	0,30741017
TUBGCP5	114791	NM_052903.4	214876_s_at	1587	0	1705	0	1920	0	0	117,33	-1,517724964	0,46976889
GPR3	2827	NM_005281.2	214613_at	0	0	1408	999	0	0	0	543,67	-1,517490799	0,30741625
FNDC3A	22862	NM_001079673.1	215910_s_at	0	1287	1626	2048,3333333	0	0	1487	784,33	-1,517371627	0,45350522
NUDT12	83594	NM_031438.2	X	1407	0	0	0	0	0	0	0	-1,51725647	0,30742234
RAB11FIP1	80223	NM_001002233.1	219681_s_at	1407	0	0	570,3333333	0	0	0	0	-1,51725647	0,30742234
ZFP37	7539	NM_003408.1	207068_at	1407	0	0	0	0	0	0	0	-1,51725647	0,30742234
CYB561D1	284613	NM_182580.1	X	0	0	1406	539	0	0	0	0	-1,517021976	0,30742844
CASP5	838	NM_004347.1	207500_at	1406	0	0	851,3333333	0	0	0	0	-1,517021976	0,30742844
KLHL32	114792	NM_052904.3	X	1404	0	0	1272,3333333	0	0	0	1432,3	-1,516552492	0,30744066
ERRFI1	54206	NM_018948.2	X	1400	0	0	517,6666667	0	0	0	785,67	-1,515611536	0,30746518
GSG1	83445	NM_031289.2	221252_s_at	1400	0	0	0	0	0	0	0	-1,515611536	0,30746518
OR1Q1	158131	NM_012364.1	X	1399	0	0	295,3333333	0	0	0	361,33	-1,515375882	0,30747133
OSTC	58505	NM_021227.2	X	0	979	1329	0	0	0	932	0	-1,514597811	0,42223597
GRSF1	2926	NM_002092.3	215030_at	1172	1886	1775	627	0	1530	1843	1308,7	-1,513735109	0,32560649
ZNF200	7752	NM_003454.2	214706_at	0	1390	0	1208,6666667	0	0	0	635,33	-1,51324746	0,30752698
XKR4	114786	NM_052898.1	X	1388	0	0	331,6666667	0	0	0	683,33	-1,512772626	0,30753943
TBC1D7	51256	NM_016495.2	X	0	1241	1977	1279,3333333	1769	0	0	572,67	-1,512639424	0,46636082
FAM73A	374986	NM_198549.2	X	0	0	1387	0	0	0	0	0	-1,512534955	0,30754566
OR5T3	390154	NM_001004747.1	X	0	0	1385	269,3333333	0	0	0	2040,3	-1,512059105	0,30755815
BCAS3	54828	NM_001099432.1	220488_s_at	0	1384	0	1047,6666667	0	0	0	1423	-1,511820925	0,30756441
LOC441956	441956	NM_001013729.1	X	1384	0	0	267,6666667	0	0	0	1430,3	-1,511820925	0,30756441
ZNF133	7692	NM_001083330.1	216960_s_at	0	1381	0	475,6666667	0	0	0	1115,3	-1,511105361	0,30758322
FTMT	94033	NM_177478.1	X	1381	0	0	0	0	0	0	0	-1,511105361	0,30758322
RPS6KA4	8986	NM_003942.2	204632_at	0	0	1380	392	0	0	0	960,33	-1,510866498	0,3075895
ATP2B4	493	NM_001684.3	212136_at	0	1379	0	630,6666667	0	0	0	885,33	-1,510627463	0,30759579
TMEM2	23670	NM_013390.1	218113_at	0	1377	0	0	0	0	0	396,33	-1,51014888	0,3076084
COX4I1	1327	NM_001861.2	202698_x_at	1810	1292	1870	1211	1582	0	2011	1415,3	-1,509585682	0,33136755
CFLAR	8837	NM_003879.3	209939_x_at	341	2326	3102	0	0	2338	780	0	-1,509350591	0,3511315
RIT2	6014	NM_002930.2	206984_s_at	1373	0	0	0	0	0	0	0	-1,509189647	0,3076337
AKR1B1	231	NM_001628.2	201272_at	0	0	1372	0	0	0	0	0	-1,508949406	0,30764004

EVI5	7813	NM_005665.4	209717_at	1372	0	0	641,3333333	0	0	0	1732,7	-1,508949406	0,30764004
MACROD1	28992	NM_014067.2	219188_s_at	0	1370	0	0	0	0	0	0	-1,508468406	0,30765275
DRG2	1819	NM_001388.3	203267_s_at	849	1021	1651	1415	2485	416	0	0	-1,508223904	0,30904029
NDST4	64579	NM_022569.1	208334_at	0	0	1368	541	0	0	0	0	-1,50798671	0,30766549
MAGED4	728239	NM_001098800.1	221261_x_at	0	1367	0	0	0	0	0	0	-1,507745601	0,30767187
NSFL1C	55968	NM_016143.3	217830_s_at	0	1090	1365	245,3333333	0	0	1090	0	-1,507262859	0,43464019
ANKRD53	79998	NM_024933.2	X	1364	0	0	93,66666667	0	0	0	0	-1,507021226	0,30769106
MID1P1	58526	NM_001098791.1	218251_at	943	0	1597	1488,3333333	0	0	1105	904,33	-1,506981512	0,43654156
PPP2R2D	55844	NM_018461.2	221772_s_at	1363	0	0	0	0	0	0	0	-1,506779417	0,30769747
TIE1	7075	NM_005424.2	204468_s_at	1362	0	0	0	0	0	0	0	-1,506537433	0,30770389
TGFB2	7042	NM_003238.1	209908_s_at	1362	0	0	582,6666667	0	0	0	0	-1,506537433	0,30770389
ZFH3	463	NM_006885.3	208033_s_at	1361	0	0	391,6666667	0	0	0	613	-1,506295272	0,30771032
TMEM101	84336	NM_032376.2	X	0	1361	0	391,6666667	0	0	0	479,33	-1,506295272	0,30771032
METTL1	4234	NM_005371.4	204027_s_at	0	1325	1672	0	0	0	1631	0	-1,505659464	0,46209263
TPM4	7171	NM_003290.1	209344_at	1939	1031	2480	1408	1632	2240	0	549,33	-1,505580101	0,34266356
C10orf25	220979	NM_001039380.1	X	1357	0	0	0	0	0	0	0	-1,505324869	0,3077361
DIO2	1734	NM_000793.4	203699_s_at	1357	0	0	971,3333333	0	0	0	1268,7	-1,505324869	0,3077361
ADRB1	153	NM_000684.2	208214_at	0	0	1354	0	0	0	0	442	-1,504595208	0,30775552
STMN3	50861	NM_015894.2	218207_s_at	0	1198	1040	0	0	0	920	0	-1,504517075	0,4231658
TIMM13	26517	NM_012458.2	218188_s_at	0	774	1293	1375,6666667	0	741	0	1994,7	-1,503643092	0,4087562
DRD3	1814	NM_033663.3	214559_at	1350	0	0	209,6666667	0	0	0	814,33	-1,503619836	0,30778151
TRADD	8717	NM_003789.3	1729_at	0	1729	1459	832	1872	0	0	578	-1,50295931	0,47144718
TRIM32	22954	NM_012210.3	203846_at	0	1252	1649	138,6666667	1533	0	0	305,67	-1,502872515	0,45872805
ZC3H12A	80149	NM_025079.2	218810_at	807	2386	2330	1299	2518	1327	0	733	-1,502765168	0,34618692
NGFRAP1	27018	NM_206917.1	217963_s_at	1346	0	0	0	0	0	0	0	-1,502641601	0,30780763
CHMP2B	25978	NM_014043.2	202538_s_at	0	1073	1345	0	1073	0	0	0	-1,502396593	0,43460052
FOXO4	4303	NM_005938.2	205451_at	1344	0	0	0	0	0	0	584,67	-1,502151404	0,30782074
RASSF7	8045	NM_003475.2	40359_at	0	1340	0	0	0	0	0	0	-1,501168844	0,30784705
ZNF222	7673	NM_013360.1	206175_x_at	0	1340	0	887,3333333	0	0	0	529,67	-1,501168844	0,30784705
COL6A3	1293	NM_004369.2	201438_at	0	0	1336	322,6666667	0	0	0	0	-1,500183379	0,30787349
SYT10	341359	NM_198992.2	X	1336	0	0	0	0	0	0	0	-1,500183379	0,30787349
ZGPAT	84619	NM_032527.3	57539_at	0	2651	831	261	0	1656	0	0	-1,499875377	0,46870755
C19orf60	55049	NM_001100419.1	218958_at	0	1333	0	0	0	0	0	0	-1,499442363	0,3078934

SOX6	5553	NM_033326.2	X	1332	0	0	1179	0	0	0	686,67	-1,499194992	0,30790005
OPCML	4978	NM_001012393.1	X	1331	0	0	1467	0	0	0	1613,3	-1,498947436	0,30790671
BBS2	583	NM_031885.2	X	0	0	1331	850,6666667	0	0	0	313,33	-1,498947436	0,30790671
NUDT17	200035	NM_001012758.1	X	0	1330	0	708,6666667	0	0	0	0	-1,498699697	0,30791338
UBXN2A	165324	NM_181713.3	X	0	1327	0	1277,6666667	0	0	0	1318,7	-1,497955372	0,30793344
OVCH1	341350	NM_183378.2	X	1327	0	0	1235,6666667	0	0	0	336,33	-1,497955372	0,30793344
GLMN	11146	NM_053274.2	207153_s_at	1064	0	1634	291,6666667	0	0	1311	665,67	-1,497913972	0,44980345
C6orf142	90523	NM_138569.2	X	1326	0	0	395	0	0	0	963	-1,497706894	0,30794014
OTOR	56914	NM_020157.2	221209_s_at	1324	0	0	1657,3333333	0	0	0	1197,7	-1,497209382	0,30795357
FLJ35220	284131	NM_173627.2	X	0	1323	0	276,3333333	0	0	0	0	-1,496960347	0,3079603
CALD1	800	NM_033139.2	212077_at	1322	0	0	0	0	0	0	0	-1,496711125	0,30796703
BTN3A1	11119	NM_007048.4	209770_at	395	0	1269	4548	0	0	379	1417	-1,496497178	0,36508215
PPP1R3A	5506	NM_002711.2	211169_s_at	1321	0	0	0	0	0	0	248,33	-1,496461718	0,30797377
GPR37	2861	NM_005302.2	209631_s_at	0	1321	0	0	0	0	0	0	-1,496461718	0,30797377
WDR67	93594	NM_145647.2	214061_at	0	1652	1804	268	2257	0	0	388,33	-1,496119027	0,48455526
AVPI1	60370	NM_021732.1	218631_at	0	0	1319	579,3333333	0	0	0	767,67	-1,495962342	0,30798728
COL3A1	1281	NM_000090.3	215076_s_at	1318	0	0	948,3333333	0	0	0	0	-1,495712373	0,30799405
IQGAP3	128239	NM_178229.4	X	0	0	1315	600,3333333	0	0	0	254,67	-1,49496134	0,3080144
ACER3	55331	NM_018367.4	X	0	1352	1445	1088,3333333	0	1487	0	1292,7	-1,494654173	0,45826416
RAB22A	57403	NM_020673.2	213405_at	940	0	807	1044,3333333	576	0	0	1613,3	-1,494528506	0,39070304
FAM50A	9130	NM_004699.1	203262_s_at	0	1313	0	653,3333333	0	0	0	0	-1,49445971	0,30802801
MYOCD	93649	NM_153604.1	X	1312	0	0	0	0	0	0	0	-1,494208611	0,30803483
NFKBIA	4792	NM_020529.1	201502_s_at	0	1363	2867	0	2980	0	0	475,67	-1,493959505	0,50319515
AK3L1	205	NM_203464.1	204348_s_at	0	1311	0	466,3333333	0	0	0	392,67	-1,493957323	0,30804166
PLS3	5358	NM_005032.3	201215_at	0	0	1311	1361	0	0	0	0	-1,493957323	0,30804166
TOLLIP	54472	NM_019009.2	217930_s_at	0	1309	0	1050,3333333	0	0	0	1158	-1,493454178	0,30805533
FARP2	9855	NM_014808.1	204511_at	0	1307	0	778,3333333	0	0	0	741,67	-1,492950273	0,30806904
SLC44A1	23446	NM_080546.3	222364_at	0	1307	0	523	0	0	0	1428,3	-1,492950273	0,30806904
UQCRCQ	27089	NM_014402.4	201568_at	1938	1178	1206	571,6666667	2188	0	962	430	-1,492887209	0,32411076
ABCG1	9619	NM_207174.1	204567_s_at	1304	0	0	0	0	0	0	0	-1,492192984	0,30808967
STOM	2040	NM_004099.4	201061_s_at	0	1302	0	515	0	0	0	794,67	-1,491687167	0,30810347
SIAE	54414	NM_170601.3	X	1713	1263	0	0	0	1663	0	0	-1,491454499	0,4665923
GNAT2	2780	NM_005272.3	210604_at	0	0	1300	295,3333333	0	0	0	241	-1,491180581	0,3081173

NDRG1	10397	NM_006096.2	200632_s_at	0	0	1300	0	0	0	0	0	-1,491180581	0,3081173
MAP2	4133	NM_001039538.1	210015_s_at	1299	0	0	208,3333333	0	0	0	263	-1,490926999	0,30812423
PTPMT1	114971	NM_175732.1	X	0	1428	1295	1047,666667	1428	0	0	1315	-1,489910738	0,4566381
ZXDC	79364	NM_025112.4	218639_s_at	0	1293	0	1458,666667	0	0	0	1851,3	-1,489401444	0,30816598
CHD1	1105	NM_001270.2	204258_at	1377	0	1098	0	1170	0	0	0	-1,489254312	0,44345515
CNOT7	29883	NM_013354.5	218250_s_at	0	2140	1439	519	0	2383	0	535	-1,489059708	0,48987685
SNAP25	6616	NM_130811.1	202508_s_at	1288	0	0	864	0	0	0	1011,7	-1,488124792	0,30820101
FAHD1	81889	NM_001018104.1	X	0	1287	0	355	0	0	0	0	-1,487868874	0,30820804
DIP2C	22982	NM_014974.1	212503_s_at	0	1286	0	648	0	0	0	567,33	-1,487612759	0,30821508
KRTAP20-2	337976	NM_181616.1	X	0	1286	0	0	0	0	0	0	-1,487612759	0,30821508
MRI1	84245	NM_032285.2	X	0	0	1286	806	0	0	0	357,67	-1,487612759	0,30821508
CNTNAP2	26047	NM_014141.4	219302_s_at	1286	0	0	528,3333333	0	0	0	867,33	-1,487612759	0,30821508
MAP3K1	4214	NM_005921.1	214786_at	0	2797	3662	161,3333333	32	2522	0	554	-1,487539524	0,49832653
DCTN2	10540	NM_006400.3	200932_s_at	1328	1649	1461	435,3333333	1694	1469	0	213,33	-1,487507172	0,3264488
MYADM	91663	NM_001020818.1	X	0	0	1285	0	0	0	0	1193	-1,487356447	0,30822213
FAM92A1	137392	NM_145269.3	X	1284	0	0	376,6666667	0	0	0	544	-1,487099939	0,30822919
CHFR	55743	NM_018223.1	218803_at	0	1283	0	0	0	0	0	0	-1,486843232	0,30823626
MAFB	9935	NM_005461.3	218559_s_at	0	0	1282	222	0	0	0	0	-1,486586328	0,30824334
PDGFD	80310	NM_033135.3	219304_s_at	1282	0	0	221	0	0	0	0	-1,486586328	0,30824334
ADPRHL1	113622	NM_138430.3	X	1282	0	0	632,6666667	0	0	0	971	-1,486586328	0,30824334
ZNF439	90594	NM_152262.2	X	1281	0	0	3108	0	0	0	861,67	-1,486329225	0,30825042
FBXL8	55336	NM_018378.2	220080_at	0	1729	1385	889,6666667	1872	0	0	563,67	-1,485790125	0,47528085
MYO18B	84700	NM_032608.5	X	0	0	1278	1058,666667	0	0	0	1507,3	-1,485556726	0,30827173
PLA2G16	11145	NM_007069.2	209581_at	1277	0	0	0	0	0	0	0	-1,485298828	0,30827885
CSAG1	158511	NM_001102576.1	X	0	0	1277	0	0	0	0	0	-1,485298828	0,30827885
ANKRD20A4	728747	NM_001098805.1	X	0	0	1275	0	0	0	0	0	-1,484782432	0,30829312
PRICKLE1	144165	NM_153026.1	X	0	1274	0	96,66666667	0	0	0	369,67	-1,484523934	0,30830027
ZNF280B	140883	NM_080764.2	215048_at	0	1274	0	0	0	0	0	0	-1,484523934	0,30830027
KCND2	3751	NM_012281.2	207103_at	1273	0	0	0	0	0	0	0	-1,484265235	0,30830743
NDP	4693	NM_000266.2	206022_at	1273	0	0	0	0	0	0	0	-1,484265235	0,30830743
BRWD3	254065	NM_153252.3	X	0	1272	0	472,3333333	0	0	0	0	-1,484006335	0,3083146
GNG10	2790	NM_001017998.2	201921_at	0	1271	0	0	0	0	0	0	-1,483747235	0,30832177
NIACR2	8843	NM_006018.2	205220_at	1271	0	0	0	0	0	0	0	-1,483747235	0,30832177

PPP2R2A	5520	NM_002717.2	202313_at	0	1265	0	0	0	0	0	0	-1,482188385	0,30836502
ZNF530	348327	NM_020880.2	X	0	0	1264	1215,666667	0	0	0	0	-1,481927867	0,30837226
BBS5	129880	NM_152384.2	X	1264	0	0	0	0	0	0	0	-1,481927867	0,30837226
EXOC5	10640	NM_006544.3	218748_s_at	1179	1878	1488	0	1534	1700	0	0	-1,481872478	0,33119794
ATRN	8455	NM_139321.1	212517_at	0	1263	0	1045	0	0	0	0	-1,481667145	0,30837951
ZBTB9	221504	NM_152735.3	X	0	1263	0	1407,666667	0	0	0	1228	-1,481667145	0,30837951
VPS54	51542	NM_016516.2	218423_x_at	0	1262	0	0	0	0	0	0	-1,481406218	0,30838677
ACYP2	98	NM_138448.3	206833_s_at	0	1456	1262	1579,666667	1456	0	0	995	-1,481406218	0,45984238
ADAM8	101	NM_001109.3	205179_s_at	0	0	1259	0	0	0	0	0	-1,480622212	0,30840861
USP44	84101	NM_032147.2	X	1259	0	0	513	0	0	0	0	-1,480622212	0,30840861
HIST1H2AA	221613	NM_170745.3	X	1258	0	0	774,666667	0	0	0	539,33	-1,480360466	0,3084159
ATP6AP2	10159	NM_005765.2	201444_s_at	1258	0	0	0	0	0	0	0	-1,480360466	0,3084159
ACOXL	55289	NM_001105516.1	220845_at	0	0	1254	0	0	0	0	0	-1,479311422	0,30844518
MRPL45	84311	NM_032351.3	X	0	1405	535	0	0	0	601	446	-1,479011088	0,40166834
PARP10	84875	NM_032789.3	X	0	0	1251	0	0	0	0	0	-1,478522467	0,30846724
STC2	8614	NM_003714.2	203438_at	0	976	1430	0	0	0	1118	0	-1,477968224	0,44317165
COX8A	1351	NM_004074.2	201119_s_at	0	1247	0	0	0	0	0	0	-1,477467614	0,30849679
BSCL2	26580	NM_032667.4	208906_at	625	1258	1809	1888,666667	0	1117	1026	1618,7	-1,477219472	0,30390325
WDR63	126820	NM_145172.2	X	1246	0	0	0	0	0	0	0	-1,477203378	0,3085042
ZNF557	79230	NM_001044388.1	220444_at	879	952	0	779,333333	0	0	671	0	-1,476992147	0,40593911
ADAM22	53616	NM_016351.3	208226_x_at	733	0	3122	715,333333	1850	0	0	1000,7	-1,476452884	0,48323012
ARPP-21	10777	NM_016300.4	220359_s_at	1243	0	0	0	0	0	0	0	-1,476409412	0,30852649
HLA-A	3105	NM_002116.5	213932_x_at	0	2943	1133	0	0	0	2689	0	-1,475835861	0,50220712
LRRC26	389816	NM_001013653.2	X	0	0	1240	0	0	0	0	301,33	-1,47561355	0,30854886
LRRN1	57633	NM_020873.5	X	0	1239	0	0	0	0	0	0	-1,47534784	0,30855634
AHSA2	130872	NM_152392.2	X	0	2703	1309	962,333333	0	2856	0	1370	-1,475199483	0,50477579
RHOT1	55288	NM_001033568.1	222148_s_at	0	0	1238	332,666667	0	0	0	228,67	-1,475081918	0,30856383
CT45A6	541465	NM_001017438.1	X	0	0	1237	291,666667	0	0	0	499,67	-1,474815784	0,30857133
RNF26	79102	NM_032015.3	X	0	1235	0	0	0	0	0	0	-1,474282876	0,30858635
MTMR15	22909	NM_014967.3	203678_at	0	0	1235	226,333333	0	0	0	743	-1,474282876	0,30858635
LMCD1	29995	NM_014583.2	218574_s_at	0	0	1234	0	0	0	0	0	-1,474016103	0,30859388
TMC3	342125	NM_001080532.1	X	1234	0	0	700,333333	0	0	0	1055	-1,474016103	0,30859388
FGFBP3	143282	NM_152429.3	X	0	0	1230	329	0	0	0	0	-1,472946869	0,30862409

NEIL2	252969	NM_145043.1	X	0	1230	0	609,6666667	0	0	0	0	-1,472946869	0,30862409
MYO1D	4642	NM_015194.1	212338_at	0	0	1228	406,6666667	0	0	0	0	-1,472410963	0,30863925
PLTP	5360	NM_006227.2	202075_s_at	0	1227	0	773,3333333	0	0	0	500,67	-1,472142687	0,30864685
ERBB2	2064	NM_001005862.1	210930_s_at	1227	0	0	154	0	0	0	0	-1,472142687	0,30864685
UPP2	151531	NM_173355.2	X	1226	0	0	225	0	0	0	0	-1,471874195	0,30865446
UBA3	9039	NM_198195.1	209115_at	698	2168	1689	554	1286	1629	0	0	-1,471614743	0,33340661
MITF	4286	NM_198159.1	207233_s_at	0	1224	0	248	0	0	0	0	-1,47133656	0,3086697
PARD3	56288	NM_019619.2	221527_s_at	0	0	1221	0	0	0	0	0	-1,470528479	0,30869265
HKDC1	80201	NM_025130.3	220585_at	1221	0	0	1284,333333	0	0	0	566	-1,470528479	0,30869265
STARD5	80765	NM_181900.2	213820_s_at	0	0	1220	1675,333333	0	0	0	857	-1,470258683	0,30870031
SNX24	28966	NM_014035.1	218705_s_at	0	0	1220	371,3333333	0	0	0	429,33	-1,470258683	0,30870031
RELA	5970	NM_021975.2	209878_s_at	1056	1671	2310	0	2037	1642	0	0	-1,470184367	0,34796859
HSPA13	6782	NM_006948.4	202558_s_at	660	3095	2503	0	2944	0	1434	0	-1,469675038	0,37320638
NXT2	55916	NM_018698.3	209628_at	0	1217	0	0	0	0	0	1881	-1,469447981	0,30872338
PGAP3	93210	NM_033419.3	55616_at	1217	0	0	488,6666667	0	0	0	0	-1,469447981	0,30872338
FAM109B	150368	NM_001002034.2	X	0	771	1077	0	0	0	682	0	-1,469295779	0,40932985
APOL6	80830	NM_030641.3	219716_at	0	0	1215	462	0	0	0	0	-1,468906416	0,30873881
ACACA	31	NM_198837.1	214358_at	1215	0	0	577	0	0	0	891	-1,468906416	0,30873881
NRAP	4892	NM_198060.2	207089_at	1214	0	0	0	0	0	0	0	-1,468635303	0,30874654
ZNF226	7769	NM_001032375.1	219603_s_at	0	1213	0	1478,333333	0	0	0	1163,7	-1,468363969	0,30875428
ZNF773	374928	NM_198542.1	X	0	1212	0	748,6666667	0	0	0	1253,3	-1,468092415	0,30876203
PAIP1	10605	NM_183323.1	210283_x_at	1105	1114	0	0	0	1016	0	0	-1,467945614	0,43812094
NENF	29937	NM_013349.3	218407_x_at	0	0	1211	417	0	0	0	0	-1,467820638	0,30876979
PRDM7	11105	NM_052996.2	X	1207	0	0	484,3333333	0	0	0	0	-1,466731313	0,30880093
ERMN	57471	NM_001009959.1	X	1207	0	0	117,3333333	0	0	0	0	-1,466731313	0,30880093
OTUD7A	161725	NM_130901.1	X	0	0	1206	0	0	0	0	527,67	-1,466458424	0,30880875
TRIM62	55223	NM_018207.1	219272_at	1206	0	0	0	0	0	0	0	-1,466458424	0,30880875
TUSC1	286319	NM_001004125.2	X	1206	0	0	0	0	0	0	0	-1,466458424	0,30880875
TBC1D13	54662	NM_018201.2	44696_at	0	0	1205	1515	0	0	0	1078	-1,466185312	0,30881657
MICAL2	9645	NM_014632.2	212473_s_at	1205	0	0	424,6666667	0	0	0	0	-1,466185312	0,30881657
WDFY1	57590	NM_020830.3	X	0	0	1203	19,66666667	0	0	0	0	-1,465638416	0,30883225
SUMF1	285362	NM_182760.2	X	0	1201	0	375,3333333	0	0	0	0	-1,46509062	0,30884797
PRPF18	8559	NM_003675.3	221547_at	0	1199	0	0	0	0	0	0	-1,464541924	0,30886373

FAM109A	144717	NM_144671.3	X	0	1199	0	1063,333333	0	0	0	0	-1,464541924	0,30886373
NAT2	10	NM_000015.2	206797_at	1199	0	0	192	0	0	0	0	-1,464541924	0,30886373
RPS6KA3	6197	NM_004586.2	203843_at	1651	0	1206	585,333333	0	0	1661	867,33	-1,464463605	0,47252205
ZBED2	79413	NM_024508.3	219836_at	1198	0	0	0	0	0	0	0	-1,464267236	0,30887163
PRAF2	11230	NM_007213.1	203456_at	0	1196	0	1730,333333	0	0	0	581,67	-1,463717181	0,30888746
NCOA5	57727	NM_020967.2	X	655	1245	1412	370,6666667	1080	0	894	999,67	-1,463523131	0,29688715
NTNG1	22854	NM_014917.2	X	1194	0	0	0	0	0	0	274,33	-1,463166217	0,30890333
C17orf47	284083	NM_001038704.1	X	1194	0	0	0	0	0	0	0	-1,463166217	0,30890333
AGPHD1	123688	NM_001083612.1	X	0	0	1193	855,333333	0	0	0	0	-1,462890392	0,30891128
C20orf79	140856	NM_178483.2	X	1191	0	0	1735,666667	0	0	0	1311	-1,462338059	0,30892721
ARMC5	79798	NM_001105247.1	X	688	2274	2905	419,6666667	1875	0	2048	0	-1,462089095	0,36639688
NLE1	54475	NM_018096.3	203866_at	0	0	1190	1271,333333	0	0	0	1361,3	-1,462061548	0,3089352
ISOC2	79763	NM_024710.1	218893_at	0	0	1189	449,333333	0	0	0	946,33	-1,461784808	0,30894319
CAMK2D	817	NM_172128.1	X	2475	3198	2101	0	0	3609	3868	0	-1,461511315	0,40379443
CDC20B	166979	NM_152623.1	X	1187	0	0	1109,666667	0	0	0	680	-1,461230638	0,30895922
POP1	10940	NM_015029.1	X	1187	0	0	1327	0	0	0	253,33	-1,461230638	0,30895922
CBARA1	10367	NM_006077.2	216903_s_at	904	1484	1836	1385	1593	1306	0	0	-1,460793326	0,33022335
MUC1	4582	NM_002456.4	211695_x_at	0	1184	0	0	0	0	0	0	-1,460397651	0,30898333
NPVF	64111	NM_022150.3	221322_at	1184	0	0	291,333333	0	0	0	0	-1,460397651	0,30898333
SPERT	220082	NM_152719.1	X	0	0	1183	0	0	0	0	0	-1,460119526	0,30899139
HDLBP	3069	NM_203346.2	221767_x_at	0	0	1182	0	0	0	0	0	-1,459841168	0,30899946
MYBL2	4605	NM_002466.2	201710_at	0	1180	0	1457,333333	0	0	0	1339,3	-1,459283754	0,30901564
ATOX1	475	NM_004045.3	203454_s_at	711	1277	2071	0	0	2007	795	0	-1,459191162	0,329539
REXO2	25996	NM_015523.2	218194_at	1396	1391	0	142,333333	1646	0	0	0	-1,459110905	0,47279519
ENPP2	5168	NM_006209.3	209392_at	1179	0	0	0	0	0	0	413,67	-1,459004698	0,30902375
LRRC4C	57689	NM_020929.1	X	1178	0	0	308,333333	0	0	0	510,33	-1,458725407	0,30903186
C16orf46	123775	NM_001100873.1	X	1178	0	0	502,333333	0	0	0	142	-1,458725407	0,30903186
RXFP2	122042	NM_130806.3	X	0	1178	0	84	0	0	0	349,33	-1,458725407	0,30903186
STK3	6788	NM_006281.2	204068_at	0	0	1177	900,333333	0	0	0	0	-1,458445882	0,30903999
TK1	7083	NM_003258.3	202338_at	0	1176	0	1371	0	0	0	2314,7	-1,458166123	0,30904813
RHOQ	23433	NM_012249.3	214449_s_at	1217	636	0	792,6666667	0	660	0	1001	-1,457380298	0,41095297
THNSL1	79896	NM_024838.4	219800_s_at	0	1173	0	0	0	0	0	0	-1,457325433	0,30907261
RSAD2	91543	NM_080657.4	213797_at	1173	0	0	0	0	0	0	0	-1,457325433	0,30907261

ZNF707	286075	NM_173831.3	X	0	0	1173	0	0	0	0	1842,3	-1,457325433	0,30907261
RNF146	81847	NM_030963.2	221430_s_at	661	1617	796	711,3333333	721	0	1009	684	-1,45709018	0,28848982
LAMA5	3911	NM_005560.3	210150_s_at	0	1172	0	151,3333333	0	0	0	0	-1,457044731	0,3090808
KIF5A	3798	NM_004984.2	205318_at	1197	1371	1204	0	1416	1191	0	0	-1,456915706	0,31863028
POP5	51367	NM_198202.1	204839_at	625	1693	1133	343,6666667	1681	0	609	1241	-1,456698247	0,31176941
SERTAD4	56256	NM_019605.2	X	1170	0	0	0	0	0	0	0	-1,456482617	0,3090972
ENKUR	219670	NM_145010.2	X	0	1169	0	421	0	0	0	0	-1,456201205	0,30910542
FAM36A	116228	NM_198076.4	X	1581	1367	3049	0	1361	0	4138	0	-1,455815617	0,38086415
VEZF1	7716	NM_007146.2	202172_at	0	1167	0	550,3333333	0	0	0	1908,3	-1,455637666	0,30912189
CACNG7	59284	NM_031896.3	X	1167	0	0	1299,6666667	0	0	0	1178,7	-1,455637666	0,30912189
CCDC57	284001	NM_198082.2	214818_at	0	0	1166	449	0	0	0	1010,7	-1,455355538	0,30913014
AP3M2	10947	NM_006803.2	203410_at	0	1164	0	0	0	0	0	0	-1,454790566	0,30914668
LRRC18	474354	NM_001006939.2	X	1164	0	0	0	0	0	0	0	-1,454790566	0,30914668
SLITRK3	22865	NM_014926.2	206732_at	1164	0	0	0	0	0	0	0	-1,454790566	0,30914668
DEFB112	245915	NM_001037498.1	X	1164	0	0	700,3333333	0	0	0	928,33	-1,454790566	0,30914668
SEMG1	6406	NM_003007.2	206442_at	0	1163	0	587,6666667	0	0	0	0	-1,454507721	0,30915497
LIX1	167410	NM_153234.3	X	1163	0	0	221	0	0	0	1079,7	-1,454507721	0,30915497
PET112L	5188	NM_004564.1	204300_at	0	1161	0	208,3333333	0	0	0	0	-1,453941309	0,30917158
GPR155	151556	NM_152529.5	X	0	0	1161	0	0	0	0	0	-1,453941309	0,30917158
COMMD1	150684	NM_152516.2	X	0	1159	0	1218,3333333	0	0	0	0	-1,453373933	0,30918823
MECR	51102	NM_001024732.1	218664_at	1158	0	0	633,6666667	0	0	0	0	-1,453089883	0,30919658
PCOLCE2	26577	NM_013363.2	219295_s_at	1157	0	0	795,6666667	0	0	0	382	-1,45280559	0,30920494
ZC3HC1	51530	NM_016478.3	X	0	0	1157	329,3333333	0	0	0	0	-1,45280559	0,30920494
TRAF1	7185	NM_005658.3	205599_at	726	0	1630	625,6666667	0	1027	0	862,67	-1,452182955	0,44505244
HEPH	9843	NM_014799.2	203903_s_at	1154	0	0	0	0	0	0	0	-1,451951253	0,30923008
ZNF721	170960	NM_133474.2	X	0	1153	0	0	0	0	0	0	-1,451665987	0,30923848
HGSNAT	138050	NM_152419.2	218017_s_at	963	0	1049	1182,3333333	0	878	0	0	-1,450887853	0,43152629
ALS2	57679	NM_020919.2	X	0	1828	684	322	1091	0	0	346	-1,450748439	0,45078526
OR5D16	390144	NM_001005496.1	X	1149	0	0	0	0	0	0	1254,3	-1,450522476	0,30927222
DERL3	91319	NM_198440.2	X	0	1639	1058	542	0	0	1512	0	-1,450018371	0,46996551
XKR9	389668	NM_001011720.1	X	0	1147	0	1391,3333333	0	0	0	1238	-1,449949245	0,30928916
ZRANB1	54764	NM_017580.2	X	1146	0	0	0	0	0	0	179,33	-1,44966226	0,30929765
FRG2B	441581	NM_001080998.1	X	1146	0	0	0	0	0	0	767	-1,44966226	0,30929765

HPCAL1	3241	NM_134421.1	212552_at	0	1145	0	0	0	0	0	0	-1,449375028	0,30930615
HHAT	55733	NM_018194.2	219687_at	0	0	1145	896,6666667	0	0	0	0	-1,449375028	0,30930615
PCDHB8	56128	NM_019120.2	221319_at	1145	0	0	0	0	0	0	0	-1,449375028	0,30930615
NT5C	30833	NM_014595.1	219214_s_at	0	0	1142	310,6666667	0	0	0	0	-1,448511842	0,30933172
RPAP1	26015	NM_015540.2	218441_s_at	1141	1656	0	428	1656	0	0	0	-1,448223616	0,47612156
GAPT	202309	NM_152687.2	X	1141	0	0	351	0	0	0	456	-1,448223616	0,30934027
C19orf12	83636	NM_031448.3	X	1139	0	0	1904,3333333	0	0	0	1370	-1,447646415	0,30935741
ARAP1	116985	NM_015242.3	212516_at	660	1525	772	1238,3333333	727	0	942	0	-1,447091933	0,28754202
SPTLC3	55304	NM_018327.2	X	1136	0	0	1252	0	0	0	540,67	-1,446778736	0,3093832
ODAM	54959	NM_017855.3	220133_at	1136	0	0	293,3333333	0	0	0	376,67	-1,446778736	0,3093832
LECT2	3950	NM_002302.2	207409_at	1134	0	0	0	0	0	0	0	-1,446199026	0,30940046
NEO1	4756	NM_002499.2	204321_at	0	1132	0	512,6666667	0	0	0	0	-1,445618305	0,30941776
PPP2R5E	5529	NM_006246.2	203338_at	1906	1969	2469	445,3333333	3490	2340	0	0	-1,445601629	0,3886252
DERA	51071	NM_015954.2	218102_at	1131	0	0	2130,3333333	0	0	0	1530	-1,445327565	0,30942644
SLC37A3	84255	NM_032295.2	X	0	0	1128	2165	0	0	0	1510	-1,444453821	0,30945253
ELMOD2	255520	NM_153702.1	X	0	1127	0	220,3333333	0	0	0	416,33	-1,444162063	0,30946125
TRPC4	7223	NM_016179.1	220817_at	0	0	1127	0	0	0	0	0	-1,444162063	0,30946125
PDGFRA	5156	NM_006206.3	203131_at	1126	0	0	0	0	0	0	0	-1,44387005	0,30946998
WASH1	375690	NM_182905.2	X	1126	0	0	597	0	0	0	0	-1,44387005	0,30946998
FBXL17	64839	NM_022824.1	X	1348	958	957	0	1144	0	960	0	-1,443794268	0,30447103
PRMT8	56341	NM_019854.3	207772_s_at	1123	0	0	0	0	0	0	406	-1,442992471	0,30949627
ALB	213	NM_000477.3	211298_s_at	1123	0	0	0	0	0	0	0	-1,442992471	0,30949627
JUB	84962	NM_032876.4	X	1052	0	455	791	426	0	0	0	-1,442747956	0,38196561
KLC2	64837	NM_022822.1	218906_x_at	0	1122	0	0	0	0	0	584,67	-1,442699431	0,30950505
CRYGC	1420	NM_020989.2	207531_at	1121	0	0	1472	0	0	0	798,67	-1,442406133	0,30951385
DNAJB14	79982	NM_024920.3	219237_s_at	0	1121	0	361,6666667	0	0	0	0	-1,442406133	0,30951385
SCN7A	6332	NM_002976.2	207864_at	1119	0	0	247,3333333	0	0	0	0	-1,441818761	0,30953149
ADAMTS4	9507	NM_005099.4	X	974	1639	1157	0	1241	0	1333	405	-1,441332779	0,32421545
KCNG4	93107	NM_172347.1	X	1116	0	0	0	0	0	0	0	-1,440935758	0,30955804
PDCD2L	84306	NM_032346.1	X	0	0	1115	1251,6666667	0	0	0	877,33	-1,440640904	0,30956691
ACBD4	79777	NM_024722.1	219413_at	0	1112	0	0	0	0	0	0	-1,439754771	0,30959362
ASF1A	25842	NM_014034.2	203427_at	1112	0	0	81,66666667	0	0	0	431,33	-1,439754771	0,30959362
ALG10B	144245	NM_001013620.3	X	1286	0	1799	0	2080	0	0	0	-1,439606359	0,49244888

DLX2	1746	NM_004405.3	207147_at	0	0	1111	1923	0	0	0	1039,3	-1,439458869	0,30960255
ANKRD1	27063	NM_014391.2	206029_at	1111	0	0	1700,666667	0	0	0	1192,7	-1,439458869	0,30960255
C4orf29	80167	NM_001039717.1	219980_at	0	1111	0	84,66666667	0	0	0	0	-1,439458869	0,30960255
TMEM35	59353	NM_021637.1	219685_at	1110	0	0	1204,666667	0	0	0	2416,3	-1,439162705	0,30961149
MEIS2	4212	NM_172315.1	207480_s_at	1678	1723	2042	818,6666667	2368	2243	0	952	-1,439117052	0,37251092
CANT1	124583	NM_138793.2	46323_at	1070	784	0	545,3333333	760	0	0	1606,7	-1,437260994	0,42442889
KRTAP24-1	643803	NM_001085455.1	X	1102	0	0	707,3333333	0	0	0	594,33	-1,436783866	0,30968349
PZP	5858	NM_002864.1	207330_at	1101	0	0	0	0	0	0	0	-1,436485314	0,30969255
FAM129A	116496	NM_052966.2	217967_s_at	0	1099	0	0	0	0	0	0	-1,435887406	0,30971072
ATP6VOD2	245972	NM_152565.1	X	1099	0	0	1424,666667	0	0	0	849,33	-1,435887406	0,30971072
ASRGL1	80150	NM_001083926.1	218857_s_at	1098	0	0	0	0	0	0	0	-1,43558805	0,30971982
FOS	2353	NM_005252.2	209189_at	1097	0	0	0	0	0	0	0	-1,435288425	0,30972893
LARGE	9215	NM_004737.3	215543_s_at	625	0	1326	1300	0	758	0	320,33	-1,434769937	0,42692233
CAMK4	814	NM_001744.3	210349_at	0	1095	0	469	0	0	0	0	-1,434688364	0,3097472
CYP27B1	1594	NM_000785.3	205676_at	0	1152	1510	0	0	0	1589	316,33	-1,434545111	0,47632193
OR9K2	441639	NM_001005243.1	X	1094	0	0	0	0	0	0	0	-1,434387929	0,30975636
VPS37A	137492	NM_152415.1	X	0	2296	1208	333,3333333	0	2539	0	1149,3	-1,433677169	0,50683665
CHST6	4166	NM_021615.4	X	1091	0	0	0	0	0	0	0	-1,433484994	0,30978391
DMWD	1762	NM_004943.1	33768_at	0	1090	0	353,6666667	0	0	0	630	-1,433183471	0,30979312
NAALAD2	10003	NM_005467.2	222161_at	1090	0	0	1497,333333	0	0	0	924	-1,433183471	0,30979312
OPRK1	4986	NM_000912.3	207553_at	1090	0	0	0	0	0	0	0	-1,433183471	0,30979312
ATIC	471	NM_004044.4	208758_at	1099	1099	722	220,3333333	0	1099	729	0	-1,432736359	0,29523952
NDRG2	57447	NM_201541.1	206453_s_at	1088	0	0	0	0	0	0	0	-1,432579606	0,30981158
TPPP2	122664	NM_173846.3	X	1088	0	0	208,3333333	0	0	0	0	-1,432579606	0,30981158
A1CF	29974	NM_138932.1	220951_s_at	1087	0	0	468,6666667	0	0	0	0	-1,432277263	0,30982083
C11orf35	256329	NM_173573.1	X	0	1087	0	381,3333333	0	0	0	684,67	-1,432277263	0,30982083
C15orf44	81556	NM_030800.1	221265_s_at	0	1087	0	0	0	0	0	0	-1,432277263	0,30982083
MMP16	4325	NM_005941.4	207013_s_at	0	0	1086	900	0	0	0	889	-1,431974645	0,3098301
STAP2	55620	NM_001013841.1	221610_s_at	0	0	1085	0	0	0	0	0	-1,431671753	0,30983938
MPND	84954	NM_032868.3	X	0	0	1085	0	0	0	0	0	-1,431671753	0,30983938
ST8SIA2	8128	NM_006011.3	221285_at	0	1084	0	660,6666667	0	0	0	447,33	-1,431368584	0,30984867
OTX1	5013	NM_014562.2	X	0	1084	0	695	0	0	0	661,67	-1,431368584	0,30984867
ITGBL1	9358	NM_004791.1	205422_s_at	1082	0	0	138	0	0	0	0	-1,43076142	0,3098673

AMAC1L2	83650	NM_054028.1	X	1081	0	0	1965	0	0	0	2025,7	-1,430457422	0,30987664
UBE3A	7337	NM_000462.2	211285_s_at	0	1081	0	0	0	0	0	0	-1,430457422	0,30987664
PTPN12	5782	NM_002835.2	202006_at	0	0	1081	436,3333333	0	0	0	0	-1,430457422	0,30987664
ARHGEF3	50650	NM_019555.1	218501_at	0	1079	0	0	0	0	0	341	-1,429848594	0,30989535
PTRH1	138428	NM_001002913.1	X	0	1077	0	600	0	0	0	645,67	-1,429238652	0,30991412
ADSSL1	122622	NM_152328.3	X	1076	0	0	501,6666667	0	0	0	0	-1,428933262	0,30992353
TOX2	84969	NM_001098797.1	X	0	1074	0	0	0	0	0	0	-1,428321641	0,30994238
NKX3-1	4824	NM_006167.2	209706_at	1073	0	0	0	0	0	0	0	-1,428015409	0,30995183
SHISA2	387914	NM_001007538.1	X	1072	0	0	868,3333333	0	0	0	1163,7	-1,427708895	0,3099613
AKAP7	9465	NM_138633.1	205771_s_at	1072	0	0	0	0	0	0	476,67	-1,427708895	0,3099613
CYB5A	1528	NM_148923.2	209366_x_at	0	1072	0	1269,6666667	0	0	0	0	-1,427708895	0,3099613
SEMA3E	9723	NM_012431.1	201780_s_at	1071	0	0	0	0	0	0	0	-1,4274021	0,30997078
TIGD2	166815	NM_145715.2	X	0	1070	0	716,6666667	0	0	0	0	-1,427095022	0,30998027
AKR1C3	8644	NM_003739.4	209160_at	1070	0	0	0	0	0	0	0	-1,427095022	0,30998027
OR5M9	390162	NM_001004743.1	X	1070	0	0	0	0	0	0	474,33	-1,427095022	0,30998027
ARIH2	10425	NM_006321.2	201230_s_at	0	1493	1421	550,3333333	1981	0	0	1855	-1,427068547	0,49191459
OR9Q2	219957	NM_001005283.1	X	1067	0	0	0	0	0	0	0	-1,426172086	0,31000884
RAPGEF2	9693	NM_014247.2	203096_s_at	1067	0	0	533	0	0	0	0	-1,426172086	0,31000884
ETV1	2115	NM_004956.3	206501_x_at	1067	0	0	1221,6666667	0	0	0	0	-1,426172086	0,31000884
IGBP1	3476	NM_001551.2	202105_at	0	1066	0	0	0	0	0	0	-1,425863872	0,31001839
C20orf74	57186	NM_020343.2	X	1066	0	0	0	0	0	0	0	-1,425863872	0,31001839
ZFPM2	23414	NM_012082.2	219778_at	0	1065	0	0	0	0	0	0	-1,425555373	0,31002796
MID1	4281	NM_000381.2	203636_at	0	1065	0	1641,6666667	0	0	0	0	-1,425555373	0,31002796
HMGB3	3149	NM_005342.2	203744_at	1065	0	0	0	0	0	0	0	-1,425555373	0,31002796
CAMTA1	23261	NM_015215.1	213268_at	1031	1024	906	550,6666667	0	690	1300	0	-1,425454241	0,30281416
RALB	5899	NM_002881.2	202100_at	0	0	1064	0	0	0	0	0	-1,425246588	0,31003754
SUMF2	25870	NM_001042468.1	X	1063	0	0	0	0	0	0	0	-1,424937517	0,31004713
DOCK4	9732	NM_014705.3	X	0	2255	1021	266,6666667	0	0	2167	0	-1,424870055	0,49995135
GTF3C3	9330	NM_012086.2	218343_s_at	0	1451	921	0	1259	0	0	0	-1,424647107	0,46357699
PANK4	55229	NM_018216.1	218771_at	0	920	881	484,6666667	0	0	764	733	-1,424141898	0,42735864
AMIGO3	386724	NM_198722.1	X	0	208	1195	487,6666667	0	236	0	0	-1,424014757	0,35337658
PAQR3	152559	NM_001040202.1	213372_at	0	1060	0	0	0	0	0	0	-1,42400858	0,31007601
CUGBP2	10659	NM_001025077.2	202156_s_at	1059	0	0	806	0	0	0	442	-1,423698358	0,31008567

GFRAL	389400	NM_207410.2	X	1059	0	0	0	0	0	0	0	-1,423698358	0,31008567
NAGPA	51172	NM_016256.2	205090_s_at	1058	0	0	0	0	0	0	0	-1,423387847	0,31009534
LHFPL1	340596	NM_178175.3	X	1057	0	0	0	0	0	0	0	-1,423077047	0,31010502
DHX38	9785	NM_014003.3	209178_at	1712	2760	735	0	2720	1213	0	0	-1,422513762	0,37310203
TTC16	158248	NM_144965.1	X	0	1055	0	91,33333333	0	0	0	1102,7	-1,422454575	0,31012444
CTSB	1508	NM_001908.3	213274_s_at	0	0	1055	701,33333333	0	0	0	1113,7	-1,422454575	0,31012444
SLC4A8	9498	NM_001039960.1	207056_s_at	1054	0	0	0	0	0	0	0	-1,422142903	0,31013417
AMELX	265	NM_001142.2	208410_x_at	1053	0	0	140	0	0	0	212	-1,421830939	0,31014391
LYZL4	131375	NM_144634.2	X	1051	0	0	0	0	0	0	0	-1,421206135	0,31016345
TPST2	8459	NM_003595.3	204079_at	0	0	1050	733	0	0	0	0	-1,420893292	0,31017324
ZNF25	219749	NM_145011.2	X	0	1049	0	1314,33333333	0	0	0	0	-1,420580156	0,31018304
FRZB	2487	NM_001463.2	203697_at	1049	0	0	269,66666667	0	0	0	0	-1,420580156	0,31018304
SPIN2A	54466	NM_019003.3	211704_s_at	1049	0	0	155	0	0	0	0	-1,420580156	0,31018304
BID	637	NM_197967.1	211725_s_at	880	0	1717	0	0	1442	0	0	-1,420556933	0,47448879
VDR	7421	NM_000376.2	204255_s_at	0	1048	0	0	0	0	0	0	-1,420266726	0,31019287
ZNF577	84765	NM_032679.1	X	1048	0	0	0	0	0	0	0	-1,420266726	0,31019287
OXCT2	64064	NM_022120.1	220256_s_at	0	0	1047	509,33333333	0	0	0	0	-1,419953	0,3102027
LRRTM4	80059	NM_024993.4	220345_at	1047	0	0	751,33333333	0	0	0	946,33	-1,419953	0,3102027
OBSL1	23363	NM_015311.1	214928_at	1046	0	0	381,66666667	0	0	0	0	-1,419638979	0,31021256
CRELD1	78987	NM_015513.3	203368_at	0	0	1046	2007,33333333	0	0	0	1544,3	-1,419638979	0,31021256
TBC1D23	55773	NM_018309.1	X	1045	0	0	717,33333333	0	0	0	1907	-1,419324662	0,31022242
ABCG2	9429	NM_004827.2	209735_at	0	1045	0	1255,66666667	0	0	0	1305,3	-1,419324662	0,31022242
FRK	2444	NM_002031.2	207178_s_at	1045	0	0	208,33333333	0	0	0	0	-1,419324662	0,31022242
C7orf69	80099	NM_025031.2	221172_at	1045	0	0	0	0	0	0	0	-1,419324662	0,31022242
FASLG	356	NM_000639.1	211333_s_at	1043	0	0	630,33333333	0	0	0	0	-1,418695137	0,3102422
DYNLRB2	83657	NM_130897.1	X	1043	0	0	290	0	0	0	0	-1,418695137	0,3102422
OCEL1	79629	NM_024578.1	205441_at	0	0	1042	685,66666667	0	0	0	465,67	-1,418379928	0,31025212
SNX7	51375	NM_015976.2	205573_s_at	1042	0	0	905	0	0	0	0	-1,418379928	0,31025212
WDYHV1	55093	NM_018024.1	219060_at	0	1041	0	1408,66666667	0	0	0	0	-1,418064421	0,31026205
ZNF418	147686	NM_133460.1	60794_f_at	0	1040	0	662,33333333	0	0	0	0	-1,417748615	0,31027199
UGT1A5	54579	NM_019078.1	207126_x_at	1040	0	0	0	0	0	0	0	-1,417748615	0,31027199
TTF1	7270	NM_007344.2	204772_s_at	0	1039	0	330,33333333	0	0	0	0	-1,417432509	0,31028196
C9orf171	389799	NM_207417.1	X	0	1039	0	0	0	0	0	0	-1,417432509	0,31028196

COX6A2	1339	NM_005205.2	206353_at	1039	0	0	286,3333333	0	0	0	0	-1,417432509	0,31028196
TMLHE	55217	NM_018196.1	218790_s_at	0	720	1349	1027,6666667	0	937	0	0	-1,417144034	0,44551544
KLKB1	3818	NM_000892.3	206541_at	1038	0	0	469,3333333	0	0	0	0	-1,417116104	0,31029193
AKAP4	8852	NM_003886.2	207019_s_at	1038	0	0	4062,3333333	0	0	0	2191,7	-1,417116104	0,31029193
SHQ1	55164	NM_018130.2	219083_at	1365	1731	1339	346,6666667	1719	1772	0	481,67	-1,417070031	0,35661841
GARNL1	253959	NM_194301.2	214855_s_at	0	1036	0	0	0	0	0	0	-1,41648239	0,31031193
KIFC3	3801	NM_005550.3	209661_at	0	0	1036	0	0	0	0	0	-1,41648239	0,31031193
RBM17	84991	NM_032905.3	X	1464	1359	885	1398,3333333	1470	0	1158	782,33	-1,416152533	0,33373177
GZMB	3002	NM_004131.3	210164_at	1031	0	0	0	0	0	0	0	-1,414892815	0,31036222
TAZ	6901	NM_181311.1	203977_at	0	0	1031	283	0	0	0	0	-1,414892815	0,31036222
NAT15	79903	NM_001083600.1	45526_g_at	702	1707	949	0	891	0	1242	0	-1,414612035	0,31953348
APOBEC3B	9582	NM_004900.3	206632_s_at	0	0	1030	544	0	0	0	0	-1,414573988	0,31037232
BMP10	27302	NM_014482.1	208292_at	1029	0	0	475	0	0	0	263,33	-1,414254856	0,31038244
PDGFB	5155	NM_033016.1	216061_x_at	1029	0	0	407	0	0	0	478	-1,414254856	0,31038244
DUB3	377630	NM_201402.2	X	0	0	1029	221	0	0	0	467,67	-1,414254856	0,31038244
LSM6	11157	NM_007080.2	205036_at	731	1086	0	429,3333333	773	0	0	0	-1,413717149	0,43131702
BTNL2	56244	NM_019602.1	221457_s_at	1027	0	0	0	0	0	0	327,33	-1,413615674	0,31040273
SNX16	64089	NM_022133.2	219793_at	0	1200	1088	303	1272	0	0	600,67	-1,413389655	0,46612944
RGS8	85397	NM_001102450.1	X	1025	0	0	429	0	0	0	0	-1,412975264	0,31042308
CCDC36	339834	NM_178173.2	X	1025	0	0	106,3333333	0	0	0	0	-1,412975264	0,31042308
TSPY2	64591	NM_022573.2	207918_s_at	1025	0	0	240,3333333	0	0	0	0	-1,412975264	0,31042308
C8A	731	NM_000562.1	206305_s_at	1024	0	0	0	0	0	0	0	-1,412654597	0,31043328
CX3CR1	1524	NM_001337.3	205898_at	1024	0	0	896,3333333	0	0	0	1089,7	-1,412654597	0,31043328
WIPI2	26100	NM_016003.3	202031_s_at	0	1023	0	0	0	0	0	0	-1,412333621	0,3104435
CCDC52	152185	NM_144718.2	215094_at	1166	1276	1730	0	1564	0	1612	0	-1,411569573	0,35090329
ZNF470	388566	NM_001001668.3	X	0	1020	0	268,6666667	0	0	0	0	-1,411368835	0,31047425
CXCL10	3627	NM_001565.2	204533_at	0	1020	0	0	0	0	0	0	-1,411368835	0,31047425
DIABLO	56616	NM_019887.3	219350_s_at	1020	0	0	1773,6666667	0	0	0	1410,7	-1,411368835	0,31047425
SPO11	23626	NM_198265.1	222259_s_at	1020	0	0	1009,3333333	0	0	0	1201,3	-1,411368835	0,31047425
HMOX1	3162	NM_002133.1	203665_at	0	1018	0	208,3333333	0	0	0	0	-1,410724089	0,31049484
MFRP	83552	NM_031433.1	X	1018	0	0	0	0	0	0	610,33	-1,410724089	0,31049484
TAS2R1	50834	NM_019599.2	221324_at	1018	0	0	789	0	0	0	1039	-1,410724089	0,31049484
SNRPN	6638	NM_022806.2	206042_x_at	1017	0	0	411,3333333	0	0	0	0	-1,410401248	0,31050515

IL1RL1	9173	NM_003856.2	207526_s_at	1017	0	0	618,6666667	0	0	0	859,33	-1,410401248	0,31050515
GLT25D2	23127	NM_015101.2	209883_at	0	1017	0	0	0	0	0	0	-1,410401248	0,31050515
IL1F9	56300	NM_019618.2	220322_at	0	1017	0	0	0	0	0	0	-1,410401248	0,31050515
SLC25A1	6576	NM_005984.1	210010_s_at	0	1017	0	0	0	0	0	0	-1,410401248	0,31050515
UGT2B10	7365	NM_001075.3	X	1016	0	0	240	0	0	0	311	-1,410078094	0,31051549
PPFIA3	8541	NM_003660.2	215280_s_at	0	0	1016	0	0	0	0	0	-1,410078094	0,31051549
MS4A6A	64231	NM_152852.1	219666_at	0	1015	0	0	0	0	0	0	-1,409754627	0,31052584
FAM19A2	338811	NM_178539.3	X	1014	0	0	315,6666667	0	0	0	0	-1,409430845	0,31053621
FNDC3B	64778	NM_022763.2	218618_s_at	0	0	1014	46,66666667	0	0	0	0	-1,409430845	0,31053621
SGSM3	27352	NM_015705.4	215519_x_at	0	1013	0	302,3333333	0	0	0	0	-1,409106748	0,31054659
C1QTNF5	114902	NM_015645.2	X	1012	0	0	1703,6666667	0	0	0	1778,7	-1,408782336	0,31055699
LOC150786	150786	NM_001077637.1	210406_s_at	0	0	1011	485,6666667	0	0	0	0	-1,408457608	0,31056741
SLC16A14	151473	NM_152527.3	X	0	1010	0	0	0	0	0	0	-1,408132563	0,31057784
OR7D2	162998	NM_175883.1	X	0	0	1009	362,3333333	0	0	0	0	-1,407807201	0,31058829
CELSR3	1951	NM_001407.2	40020_at	0	1009	0	0	0	0	0	0	-1,407807201	0,31058829
	387851	NM_001002921.1	X	0	1007	0	1653,3333333	0	0	0	0	-1,407155523	0,31060925
CORT	1325	NM_001302.3	210182_at	1007	0	0	0	0	0	0	526	-1,407155523	0,31060925
FRMPD2L2	728603	NM_001042515.1	X	1007	0	0	0	0	0	0	181	-1,407155523	0,31060925
PFKP	5214	NM_002627.3	201037_at	0	0	1006	1145,3333333	0	0	0	739,33	-1,406829206	0,31061975
HYAL2	8692	NM_003773.2	206855_s_at	625	1081	769	0	430	0	1196	175,33	-1,406657812	0,29111116
CLIC5	53405	NM_016929.2	217628_at	0	1005	0	746	0	0	0	306,67	-1,406502568	0,31063027
GALNT10	55568	NM_198321.2	212256_at	0	0	1004	0	0	0	0	0	-1,406175611	0,31064081
RBPMS	11030	NM_006867.2	209487_at	1004	0	0	0	0	0	0	0	-1,406175611	0,31064081
TXNL4B	54957	NM_017853.1	218794_s_at	1661	2760	900	0	2720	1512	0	360	-1,40616605	0,38182744
CSNK1D	1453	NM_001893.3	207945_s_at	0	0	1003	0	0	0	0	0	-1,405848332	0,31065136
PORCN	64840	NM_203475.1	219483_s_at	0	0	1000	340,3333333	0	0	0	0	-1,404864563	0,31068313
MAGEA12	4111	NM_005367.4	210467_x_at	0	0	1000	0	0	0	0	0	-1,404864563	0,31068313
DMPK	1760	NM_001081560.1	37996_s_at	0	1000	0	0	0	0	0	0	-1,404864563	0,31068313
TUBA1C	84790	NM_032704.3	211750_x_at	0	999	0	238,3333333	0	0	0	1296	-1,404535994	0,31069375
SPINK5L2	408187	NM_001001325.1	X	0	0	999	0	0	0	0	0	-1,404535994	0,31069375
CRYM	1428	NM_001888.2	205489_at	999	0	0	0	0	0	0	0	-1,404535994	0,31069375
C6orf191	253582	NM_001010876.1	X	998	0	0	0	0	0	0	0	-1,404207101	0,31070439
STEAP4	79689	NM_024636.2	220187_at	998	0	0	0	0	0	0	0	-1,404207101	0,31070439

CYP3A5	1577	NM_000777.2	214234_s_at	998	0	0	208,3333333	0	0	0	0	-1,404207101	0,31070439
CD58	965	NM_001779.1	216942_s_at	625	0	1303	0	0	0	819	0	-1,403685096	0,43958336
FHDC1	85462	NM_033393.2	X	0	996	0	561,6666667	0	0	0	403	-1,403548339	0,31072573
SMPD3	55512	NM_018667.2	219695_at	996	0	0	0	0	0	0	0	-1,403548339	0,31072573
FAM186B	84070	NM_032130.1	X	995	0	0	0	0	0	0	0	-1,40321847	0,31073642
PYGB	5834	NM_002862.3	201481_s_at	0	0	994	0	0	0	0	0	-1,402888273	0,31074713
SASH1	23328	NM_015278.3	41644_at	993	0	0	55,66666667	0	0	0	0	-1,402557749	0,31075786
SDR16C5	195814	NM_138969.2	X	0	992	0	776,3333333	0	0	0	0	-1,402226897	0,31076861
SLC15A1	6564	NM_005073.2	211349_at	991	0	0	499	0	0	0	0	-1,401895717	0,31077937
PTTG1IP	754	NM_004339.2	200677_at	991	0	0	1079,666667	0	0	0	0	-1,401895717	0,31077937
KLHL22	84861	NM_032775.2	49329_at	0	0	991	836	0	0	0	722,67	-1,401895717	0,31077937
C7orf54	27099	NM_014411.2	X	991	0	0	661,3333333	0	0	0	0	-1,401895717	0,31077937
ICA1	3382	NM_004968.2	204002_s_at	989	0	0	253,6666667	0	0	0	0	-1,401232366	0,31080096
PROS1	5627	NM_000313.1	207808_s_at	988	0	0	0	0	0	0	0	-1,400900196	0,31081178
ARL13B	200894	NM_144996.2	X	988	0	0	0	0	0	0	0	-1,400900196	0,31081178
ARL6IP5	10550	NM_006407.3	200760_s_at	698	2398	1464	0	1340	1859	0	380	-1,400597184	0,36365706
PP8961	650662	NM_001080113.2	X	987	0	0	435	0	0	0	1259	-1,400567694	0,31082261
COL4A4	1286	NM_000092.4	214602_at	987	0	0	0	0	0	0	1096	-1,400567694	0,31082261
UCP1	7350	NM_021833.3	221384_at	987	0	0	0	0	0	0	0	-1,400567694	0,31082261
PJA1	64219	NM_145119.2	218667_at	987	0	0	225,6666667	0	0	0	0	-1,400567694	0,31082261
PEMT	10400	NM_148173.1	221242_at	0	987	0	303,6666667	0	0	0	0	-1,400567694	0,31082261
ZNF251	90987	NM_138367.1	X	0	0	987	315,6666667	0	0	0	315,67	-1,400567694	0,31082261
ADAMTS3	9508	NM_014243.1	214913_at	0	986	0	0	0	0	0	0	-1,400234859	0,31083347
EDARADD	128178	NM_145861.2	X	986	0	0	220,6666667	0	0	0	0	-1,400234859	0,31083347
MUDENG	55745	NM_018229.2	218139_s_at	839	1818	1098	312	1144	1488	0	0	-1,399957786	0,34123144
GCA	25801	NM_012198.2	203765_at	985	0	0	0	0	0	0	0	-1,399901693	0,31084434
LAGE3	8270	NM_006014.3	219061_s_at	985	0	0	244,6666667	0	0	0	0	-1,399901693	0,31084434
LACTB2	51110	NM_016027.1	218701_at	0	984	0	993,3333333	0	0	0	0	-1,399568193	0,31085523
OR14C36	127066	NM_001001918.1	X	984	0	0	0	0	0	0	0	-1,399568193	0,31085523
	56959	NM_020207.2	X	983	0	0	230,6666667	0	0	0	220,67	-1,399234358	0,31086614
CLSTN2	64084	NM_022131.1	X	982	0	0	447,3333333	0	0	0	1097,7	-1,39890019	0,31087707
TXK	7294	NM_003328.2	206828_at	982	0	0	0	0	0	0	0	-1,39890019	0,31087707
STK38L	23012	NM_015000.2	212572_at	0	1090	1079	0	1198	0	0	0	-1,398764829	0,46540207

DAB2	1601	NM_001343.2	210757_x_at	0	981	0	0	0	0	0	0	-1,398565685	0,31088801
NUDCD1	84955	NM_032869.2	X	661	2833	1668	656,6666667	2962	0	1079	0	-1,398193666	0,38396244
MT1X	4501	NM_005952.2	208581_x_at	0	1397	1242	0	0	0	1770	297	-1,398007244	0,49154987
RNF14	9604	NM_183401.1	201823_s_at	625	845	1731	0	704	0	1330	0	-1,397807484	0,32188472
ABCA4	24	NM_000350.2	210082_at	0	0	978	908,6666667	0	0	0	0	-1,397560154	0,31092096
KRTAP6-3	337968	NM_181605.3	X	977	0	0	2947,3333333	0	0	0	1420	-1,397224302	0,31093198
CD82	3732	NM_002231.3	203904_x_at	0	976	0	0	0	0	0	285,67	-1,396888111	0,31094302
ACAA1	30	NM_001607.2	202025_x_at	661	2004	4070	0	2708	2052	0	0	-1,396744816	0,40648304
HSPB3	8988	NM_006308.1	206375_s_at	975	0	0	208,3333333	0	0	0	0	-1,396551581	0,31095408
WDR40C	340578	NM_001013628.1	X	975	0	0	0	0	0	0	0	-1,396551581	0,31095408
DSG1	1828	NM_001942.2	206642_at	974	0	0	1021,3333333	0	0	0	0	-1,39621471	0,31096515
SPP2	6694	NM_006944.2	214478_at	974	0	0	0	0	0	0	0	-1,39621471	0,31096515
NLRP3	114548	NM_004895.3	207075_at	973	0	0	0	0	0	0	0	-1,395877499	0,31097625
ASB5	140458	NM_080874.2	X	0	973	0	0	0	0	0	0	-1,395877499	0,31097625
OR5D14	219436	NM_001004735.1	X	0	0	972	675,3333333	0	0	0	398,33	-1,395539946	0,31098736
NLGN1	22871	NM_014932.2	205893_at	0	972	0	208,3333333	0	0	0	0	-1,395539946	0,31098736
RPH3A	22895	NM_014954.2	205230_at	971	0	0	0	0	0	0	0	-1,395202051	0,31099849
FBXO27	126433	NM_178820.3	X	0	0	971	0	0	0	0	0	-1,395202051	0,31099849
SYS1	90196	NM_033542.2	X	0	971	0	767,3333333	0	0	0	1375,3	-1,395202051	0,31099849
NEK10	152110	NM_001031741.1	X	970	0	0	1053	0	0	0	1062,7	-1,394863813	0,31100964
CNIH4	29097	NM_014184.2	218728_s_at	0	0	969	0	0	0	0	351,33	-1,394525232	0,31102081
NTS	4922	NM_006183.3	206291_at	0	0	969	0	0	0	0	0	-1,394525232	0,31102081
KIAA1383	54627	NM_019090.2	X	0	968	0	0	0	0	0	0	-1,394186306	0,311032
PTHLH	5744	NM_198966.1	211756_at	968	0	0	0	0	0	0	0	-1,394186306	0,311032
CA12	771	NM_001218.3	204509_at	0	967	0	0	0	0	0	0	-1,393847036	0,31104321
GNPNAT1	64841	NM_198066.2	X	0	0	966	0	0	0	0	0	-1,393507419	0,31105444
CPM	1368	NM_001874.3	206100_at	0	965	0	275,3333333	0	0	0	617	-1,393167457	0,31106568
DCTN1	1639	NM_004082.2	201082_s_at	964	0	0	1010,6666667	0	0	0	0	-1,392827147	0,31107695
PLEKHG4	25894	NM_015432.2	X	0	0	963	409	0	0	0	0	-1,39248649	0,31108823
C20orf132	140699	NM_152503.3	X	0	1351	1085	2245	1523	0	0	1586,7	-1,392139716	0,48329267
MYCN	4613	NM_005378.4	209757_s_at	0	961	0	1227	0	0	0	640,67	-1,391804128	0,31111086
RBM41	55285	NM_018301.2	X	0	960	0	208,3333333	0	0	0	0	-1,391462423	0,3111222
KRTDAP	388533	NM_207392.1	X	959	0	0	0	0	0	0	0	-1,391120368	0,31113356

GALNTL5	168391	NM_145292.2	X	959	0	0	911,3333333	0	0	0	0	-1,391120368	0,31113356
KCNG3	170850	NM_133329.4	X	958	0	0	235,3333333	0	0	0	645,33	-1,39077796	0,31114495
TH1L	51497	NM_198976.1	220607_x_at	0	958	0	375,3333333	0	0	0	810	-1,39077796	0,31114495
LIG3	3980	NM_013975.2	204123_at	0	0	957	0	0	0	0	0	-1,390435201	0,31115635
SLC18A2	6571	NM_003054.3	205857_at	957	0	0	208,3333333	0	0	0	0	-1,390435201	0,31115635
RFK	55312	NM_018339.4	203224_at	957	0	0	728	0	0	0	0	-1,390435201	0,31115635
UNC45B	146862	NM_173167.2	X	0	0	956	208,3333333	0	0	0	0	-1,390092089	0,31116777
ANKRD57	65124	NM_023016.3	219496_at	0	0	955	812	0	0	0	1136	-1,389748623	0,31117921
C12orf71	728858	NM_001080406.1	X	955	0	0	0	0	0	0	0	-1,389748623	0,31117921
TP63	8626	NM_003722.3	207382_at	0	0	954	1274,3333333	0	0	0	1335,7	-1,389404804	0,31119067
FKRP	79147	NM_024301.3	219853_at	0	0	951	1072,6666667	0	0	0	589,67	-1,388371211	0,31122517
FLJ40504	284085	NM_173624.3	X	0	0	950	321,3333333	0	0	0	979,33	-1,388025967	0,31123671
SLC8A1	6546	NM_021097.2	211805_s_at	0	950	0	0	0	0	0	0	-1,388025967	0,31123671
HRSP12	10247	NM_005836.2	203790_s_at	950	0	0	618	0	0	0	253,33	-1,388025967	0,31123671
TMEM66	51669	NM_016127.4	200847_s_at	1157	1255	893	0	0	1005	1359	0	-1,387797983	0,33193019
GPR61	83873	NM_031936.4	X	949	0	0	0	0	0	0	0	-1,387680365	0,31124827
ID4	3400	NM_001546.2	209293_x_at	949	0	0	452,3333333	0	0	0	1207,3	-1,387680365	0,31124827
OR5AR1	219493	NM_001004730.1	X	948	0	0	168,3333333	0	0	0	0	-1,387334404	0,31125985
C2orf88	84281	NM_001042519.1	X	948	0	0	0	0	0	0	280,67	-1,387334404	0,31125985
UMOD	7369	NM_001008389.1	206716_at	947	0	0	431	0	0	0	748,67	-1,386988083	0,31127145
PATE2	399967	NM_212555.1	X	0	0	947	1413,6666667	0	0	0	1741	-1,386988083	0,31127145
CSRNP1	64651	NM_033027.2	X	0	0	947	0	0	0	0	0	-1,386988083	0,31127145
IRS4	8471	NM_003604.1	207403_at	0	947	0	266,3333333	0	0	0	943	-1,386988083	0,31127145
ZDHHC2	51201	NM_016353.3	X	0	946	0	390	0	0	0	1179,7	-1,386641403	0,31128307
IL1RAPL2	26280	NM_017416.1	221112_at	946	0	0	268,3333333	0	0	0	364,67	-1,386641403	0,31128307
MRPL37	51253	NM_016491.2	X	977	1383	0	1214,3333333	1430	0	0	779,33	-1,386202076	0,48078944
RAB27B	5874	NM_004163.3	207018_s_at	0	944	0	0	0	0	0	0	-1,385946958	0,31130637
SLCO1B3	28234	NM_019844.2	206354_at	943	0	0	0	0	0	0	0	-1,385599192	0,31131805
C15orf17	57184	NM_020447.3	X	660	1285	2102	1111,3333333	0	1618	1173	391,33	-1,38544557	0,35587657
GPRC5D	55507	NM_018654.1	221297_at	0	942	0	0	0	0	0	0	-1,385251063	0,31132975
TFPI2	7980	NM_006528.2	209278_s_at	942	0	0	0	0	0	0	0	-1,385251063	0,31132975
C9orf106	414318	NM_001012715.3	X	0	942	0	0	0	0	0	0	-1,385251063	0,31132975
UBE2G1	7326	NM_003342.4	209141_at	0	941	0	1428,3333333	0	0	0	518,67	-1,384902571	0,31134148

FAM187B	148109	NM_152481.1	X	941	0	0	0	0	0	0	0	-1,384902571	0,31134148
ZNF193	7746	NM_006299.3	205181_at	0	941	0	233	0	0	0	0	-1,384902571	0,31134148
OR1L4	254973	NM_001005235.1	X	941	0	0	1059,666667	0	0	0	0	-1,384902571	0,31134148
SLC4A4	8671	NM_001098484.1	210739_x_at	940	0	0	397	0	0	0	375,33	-1,384553713	0,31135322
C8orf41	80185	NM_025115.2	219124_at	0	940	0	0	0	0	0	0	-1,384553713	0,31135322
OR5W2	390148	NM_001001960.1	X	939	0	0	1047,666667	0	0	0	574,67	-1,38420449	0,31136498
ATF3	467	NM_001040619.1	202672_s_at	938	0	0	0	0	0	0	0	-1,383854901	0,31137677
COL4A6	1288	NM_033641.2	210945_at	0	0	938	381,666667	0	0	0	984	-1,383854901	0,31137677
CHRFAM7A	89832	NM_139320.1	210123_s_at	0	938	0	1594,333333	0	0	0	1580	-1,383854901	0,31137677
TTLL7	79739	NM_024686.4	219882_at	937	0	0	0	0	0	0	0	-1,383504945	0,31138857
COL4A3	1285	NM_031365.2	216893_s_at	936	0	0	0	0	0	0	0	-1,38315462	0,3114004
TRAK1	22906	NM_001042646.1	214924_s_at	936	0	0	402,666667	0	0	0	925,33	-1,38315462	0,3114004
GRINA	2907	NM_000837.1	212090_at	0	0	936	208,333333	0	0	0	0	-1,38315462	0,3114004
SCUBE3	222663	NM_152753.2	X	934	0	0	0	0	0	0	0	-1,382452866	0,31142411
AFMID	125061	NM_001010982.2	X	0	934	0	856	0	0	0	1171	-1,382452866	0,31142411
TRIM65	201292	NM_173547.2	X	780	1588	2046	0	1165	0	2331	0	-1,382377967	0,37194583
DUS3L	56931	NM_020175.1	X	0	932	0	521,666667	0	0	0	0	-1,381749631	0,31144791
MSC	9242	NM_005098.3	209928_s_at	0	932	0	798,666667	0	0	0	0	-1,381749631	0,31144791
TEK	7010	NM_000459.2	217711_at	932	0	0	0	0	0	0	0	-1,381749631	0,31144791
FBXL19	54620	NM_001099784.2	X	0	1121	1011	0	1220	0	0	0	-1,380605058	0,47097985
TNFRSF25	8718	NM_148965.1	211282_x_at	928	0	0	897,666667	0	0	0	0	-1,380338694	0,31149576
PHLDB3	653583	NM_198850.3	X	0	0	928	478	0	0	0	1091,7	-1,380338694	0,31149576
NAT13	80218	NM_025146.1	217745_s_at	3251	2264	2469	0	4319	0	4513	0	-1,380035581	0,44071974
PEX16	9409	NM_057174.1	221603_at	660	1687	1349	155,333333	1349	1205	0	0	-1,379871887	0,34766115
ABCA1	19	NM_005502.2	203505_at	1565	739	1363	522,333333	1024	1663	0	0	-1,379846289	0,34900143
SEMA4B	10509	NM_020210.3	X	0	182	1413	0	0	284	0	0	-1,379580032	0,3843639
SLC22A18	5002	NM_002555.3	204981_at	0	925	0	479,333333	0	0	0	0	-1,379276558	0,31153187
SLC25A21	89874	NM_030631.2	220474_at	0	0	924	839,666667	0	0	0	866,33	-1,378921759	0,31154396
SPATA20	64847	NM_022827.2	218164_at	0	0	924	0	0	0	0	307,67	-1,378921759	0,31154396
NUDT19	390916	NM_001105570.1	X	0	924	0	0	0	0	0	0	-1,378921759	0,31154396
SUCNR1	56670	NM_033050.3	X	923	0	0	1865	0	0	0	1378,7	-1,378566583	0,31155606
C10orf72	196740	NM_144984.1	X	0	0	922	1005,666667	0	0	0	373,67	-1,378211027	0,31156818
ASAH2B	653308	NM_001079516.1	X	0	0	922	0	0	0	0	0	-1,378211027	0,31156818

KIRREL	55243	NM_018240.4	220825_s_at	0	922	0	0	0	0	0	1060,7	-1,378211027	0,31156818
COMMD8	54951	NM_017845.3	218351_at	922	0	0	0	0	0	0	592,33	-1,378211027	0,31156818
BTG4	54766	NM_017589.2	220766_at	0	0	920	0	0	0	0	0	-1,377498776	0,31159249
RAVER2	55225	NM_018211.2	X	918	0	0	0	0	0	0	0	-1,376785	0,31161689
ZNF230	7773	NM_006300.3	205791_x_at	917	0	0	0	0	0	0	0	-1,376427538	0,31162913
DEFB4	1673	NM_004942.2	207356_at	917	0	0	0	0	0	0	0	-1,376427538	0,31162913
NPHS2	7827	NM_014625.1	220424_at	916	0	0	283,6666667	0	0	0	0	-1,376069692	0,31164138
PROX1	5629	NM_002763.3	207401_at	916	0	0	258,6666667	0	0	0	0	-1,376069692	0,31164138
HNF4A	3172	NM_175914.3	214832_at	916	0	0	0	0	0	0	447,33	-1,376069692	0,31164138
NIPSNAP1	8508	NM_003634.1	201709_s_at	0	915	0	0	0	0	0	0	-1,375711462	0,31165366
ALG1L	200810	NM_001015050.1	X	0	915	0	329,3333333	0	0	0	0	-1,375711462	0,31165366
TNIP3	79931	NM_024873.3	220655_at	915	0	0	0	0	0	0	0	-1,375711462	0,31165366
TLR6	10333	NM_006068.2	207446_at	0	0	914	831	0	0	0	693	-1,375352846	0,31166596
ZNF829	374899	NM_001037232.2	X	914	0	0	0	0	0	0	0	-1,375352846	0,31166596
FLOT1	10211	NM_005803.2	208748_s_at	0	850	1113	164,6666667	0	1036	0	648,33	-1,375127789	0,46115586
PAK7	57144	NM_177990.1	213990_s_at	913	0	0	0	0	0	0	0	-1,374993844	0,31167828
LEPROTL1	23484	NM_015344.1	202595_s_at	0	912	0	0	0	0	0	0	-1,374634455	0,31169062
LCE2B	26239	NM_014357.3	207710_at	910	0	0	551	0	0	0	1424,7	-1,373914512	0,31171538
COLQ	8292	NM_080541.2	206073_at	910	0	0	1028	0	0	0	1202	-1,373914512	0,31171538
FBXW5	54461	NM_018998.2	X	0	910	0	2519,6666667	0	0	0	1024,7	-1,373914512	0,31171538
C8G	733	NM_000606.1	210324_at	0	910	0	0	0	0	0	0	-1,373914512	0,31171538
LCN12	286256	NM_178536.3	X	0	910	0	0	0	0	0	0	-1,373914512	0,31171538
ANK3	288	NM_001149.2	207950_s_at	909	0	0	0	0	0	0	0	-1,373553957	0,31172779
PTMS	5763	NM_002824.4	X	909	0	0	0	0	0	0	0	-1,373553957	0,31172779
LAG3	3902	NM_002286.4	206486_at	909	0	0	0	0	0	0	0	-1,373553957	0,31172779
CCDC117	150275	NM_173510.1	X	0	909	0	2899,3333333	0	0	0	1636,3	-1,373553957	0,31172779
OXGR1	27199	NM_080818.3	X	0	0	908	515,6666667	0	0	0	0	-1,373193011	0,31174022
EPN2	22905	NM_001102664.1	203464_s_at	0	0	908	0	0	0	0	0	-1,373193011	0,31174022
FIGN	55137	NM_018086.2	X	908	0	0	0	0	0	0	0	-1,373193011	0,31174022
OR8S1	341568	NM_001005203.2	X	907	0	0	208,3333333	0	0	0	0	-1,372831674	0,31175268
ZNF696	79943	NM_030895.1	220967_s_at	0	0	907	168	0	0	0	524,33	-1,372831674	0,31175268
MRPL9	65005	NM_031420.2	211594_s_at	0	1463	1536	906	2475	0	0	485,33	-1,372337358	0,5183306
FRMD4A	55691	NM_018027.3	208475_at	905	0	0	411,6666667	0	0	0	0	-1,372107823	0,31177766

SLC15A2	6565	NM_021082.2	205316_at	905	0	0	302	0	0	0	1052	-1,372107823	0,31177766
KLHDC10	23008	NM_014997.2	210111_s_at	0	1191	808	0	0	0	1065	0	-1,371751352	0,46422163
KLRD1	3824	NM_002262.2	207796_x_at	904	0	0	1255,666667	0	0	0	0	-1,371745307	0,31179019
	9598	NM_004909.3	X	0	0	903	661	0	0	0	1909	-1,371382397	0,31180274
YAP1	10413	NM_006106.2	213342_at	902	0	0	0	0	0	0	0	-1,37101909	0,31181531
ZNF177	7730	NM_003451.1	207417_s_at	902	0	0	330,3333333	0	0	0	0	-1,37101909	0,31181531
PDC	5132	NM_022576.2	211496_s_at	0	901	0	0	0	0	0	459	-1,370655388	0,3118279
B3GALT1	8708	NM_020981.2	220829_s_at	901	0	0	0	0	0	0	0	-1,370655388	0,3118279
DCBLD2	131566	NM_080927.3	213865_at	0	900	0	757,3333333	0	0	0	1429,7	-1,370291288	0,31184052
CRYGD	1421	NM_006891.2	207532_at	0	899	0	649,6666667	0	0	0	1429,7	-1,36992679	0,31185316
MEOX2	4223	NM_005924.4	206201_s_at	0	899	0	466,6666667	0	0	0	0	-1,36992679	0,31185316
TACSTD2	4070	NM_002353.1	202287_s_at	899	0	0	0	0	0	0	0	-1,36992679	0,31185316
TMEM27	57393	NM_020665.3	X	899	0	0	584	0	0	0	0	-1,36992679	0,31185316
F5	2153	NM_000130.4	204714_s_at	898	0	0	1907,666667	0	0	0	1051,7	-1,369561893	0,31186582
GPX2	2877	NM_002083.2	202831_at	0	898	0	270,6666667	0	0	0	1425,7	-1,369561893	0,31186582
L3MBTL	26013	NM_015478.5	216077_s_at	0	898	0	3790	0	0	0	834	-1,369561893	0,31186582
LGALS3	3958	NM_002306.2	208949_s_at	896	0	0	0	0	0	0	0	-1,368830899	0,31189122
IL1B	3553	NM_000576.2	205067_at	0	896	0	0	0	0	0	0	-1,368830899	0,31189122
HRH2	3274	NM_022304.1	220805_at	896	0	0	0	0	0	0	0	-1,368830899	0,31189122
ZEB1	6935	NM_030751.3	212764_at	856	0	492	1238,666667	0	470	0	0	-1,368651296	0,4043192
CD164L2	388611	NM_207397.2	X	0	0	895	0	0	0	0	0	-1,368464799	0,31190395
UCN	7349	NM_003353.2	206072_at	894	0	0	0	0	0	0	0	-1,368098298	0,31191671
C9orf68	55064	NM_001039395.2	X	0	894	0	854,3333333	0	0	0	874	-1,368098298	0,31191671
KRTAP19-1	337882	NM_181607.1	X	890	0	0	155,3333333	0	0	0	893,33	-1,366628248	0,31196798
NRF1	4899	NM_001040110.1	204651_at	888	0	0	433,3333333	0	0	0	0	-1,365890784	0,31199376
SLC25A43	203427	NM_145305.1	X	0	0	888	675,6666667	0	0	0	0	-1,365890784	0,31199376
GMPPB	29925	NM_021971.1	219920_s_at	0	208	1552	0	0	372	0	0	-1,365871707	0,40703741
CRYAB	1410	NM_001885.1	209283_at	887	0	0	0	0	0	0	0	-1,36552144	0,31200668
HSPB2	3316	NM_001541.2	205824_at	887	0	0	721	0	0	0	0	-1,36552144	0,31200668
C11orf52	91894	NM_080659.2	X	887	0	0	428,6666667	0	0	0	0	-1,36552144	0,31200668
SLITRK4	139065	NM_173078.2	X	887	0	0	1686,666667	0	0	0	1142,3	-1,36552144	0,31200668
DTNA	1837	NM_032975.2	210091_s_at	0	886	0	0	0	0	0	0	-1,365151686	0,31201963
ATP6V1A	523	NM_001690.2	201972_at	4085	2264	2454	0	5488	0	4638	0	-1,36514548	0,45599279

SLC30A5	64924	NM_022902.2	220181_x_at	0	1237	1130	0	1577	0	0	0	-1,364953633	0,49189903
DLG2	1740	NM_001364.2	206253_at	885	0	0	632,3333333	0	0	0	1180,3	-1,364781521	0,3120326
SATB1	6304	NM_002971.2	203408_s_at	0	884	0	0	0	0	0	477,33	-1,364410944	0,3120456
HS3ST1	9957	NM_005114.2	205466_s_at	884	0	0	368,6666667	0	0	0	570	-1,364410944	0,3120456
EPB41L3	23136	NM_012307.2	206710_s_at	883	0	0	428	0	0	0	0	-1,364039956	0,31205862
MLST8	64223	NM_022372.3	220587_s_at	0	0	882	220,6666667	0	0	0	638,33	-1,363668554	0,31207167
C19orf73	55150	NM_018111.2	220151_at	0	0	882	510	0	0	0	0	-1,363668554	0,31207167
HIC2	23119	NM_015094.2	212964_at	0	0	882	0	0	0	0	0	-1,363668554	0,31207167
TMEM38B	55151	NM_018112.1	218772_x_at	726	993	546	331,6666667	0	342	1294	449,33	-1,363546744	0,30469379
IFLTD1	160492	NM_152590.1	X	881	0	0	766,6666667	0	0	0	549,67	-1,363296737	0,31208474
SCN2A	6326	NM_001040143.1	206381_at	881	0	0	177,3333333	0	0	0	0	-1,363296737	0,31208474
R3HDML	140902	NM_178491.2	X	881	0	0	0	0	0	0	0	-1,363296737	0,31208474
KCNMB3	27094	NM_171828.1	221125_s_at	881	0	0	0	0	0	0	416,67	-1,363296737	0,31208474
IGJ	3512	NM_144646.2	212592_at	1565	3286	1287	1256,3333333	0	2389	3140	796,33	-1,363044803	0,41565722
GPR87	53836	NM_023915.2	219936_s_at	880	0	0	0	0	0	0	0	-1,362924506	0,31209783
B4GALNT3	283358	NM_173593.3	X	879	0	0	0	0	0	0	0	-1,362551858	0,31211095
MAPK8IP2	23542	NM_012324.3	205050_s_at	879	0	0	0	0	0	0	0	-1,362551858	0,31211095
SLC22A1	6580	NM_003057.2	207201_s_at	0	0	879	0	0	0	0	988,67	-1,362551858	0,31211095
SH3KBP1	30011	NM_001024666.1	X	0	0	879	0	0	0	0	0	-1,362551858	0,31211095
NEGR1	257194	NM_173808.2	X	878	0	0	1534,3333333	0	0	0	755,67	-1,362178793	0,3121241
OR2T2	401992	NM_001004136.1	X	878	0	0	1277,3333333	0	0	0	1487,3	-1,362178793	0,3121241
FAM23B	340843	NM_001013629.1	X	878	0	0	0	0	0	0	0	-1,362178793	0,3121241
FLJ21511	80157	NM_025087.2	220724_at	878	0	0	489	0	0	0	1212	-1,362178793	0,3121241
SPRR2D	6703	NM_006945.4	208539_x_at	0	878	0	1314,6666667	0	0	0	2182	-1,362178793	0,3121241
LRFN4	78999	NM_024036.3	219491_at	0	878	0	282,6666667	0	0	0	0	-1,362178793	0,3121241
PLOD3	8985	NM_001084.4	202185_at	663	2440	2492	291	2609	1767	0	0	-1,361958156	0,40517516
PTER	9317	NM_001001484.1	218967_s_at	0	877	0	0	0	0	0	0	-1,36180531	0,31213727
NUAK1	9891	NM_014840.2	204589_at	0	0	877	268,6666667	0	0	0	0	-1,36180531	0,31213727
SORBS3	10174	NM_005775.4	209253_at	877	0	0	265	0	0	0	0	-1,36180531	0,31213727
FAM84B	157638	NM_174911.3	X	0	877	0	0	0	0	0	991	-1,36180531	0,31213727
SCN1A	6323	NM_006920.4	210383_at	0	876	0	0	0	0	0	0	-1,361431409	0,31215046
RAB19	401409	NM_001008749.1	X	0	0	876	0	0	0	0	668	-1,361431409	0,31215046
KIAA1797	54914	NM_017794.3	218503_at	0	876	0	0	0	0	0	0	-1,361431409	0,31215046

HS6ST2	90161	NM_001077188.1	X	876	0	0	0	0	0	0	0	-1,361431409	0,31215046
FAM119B	25895	NM_015433.2	213861_s_at	0	1152	1510	0	0	0	1983	946,33	-1,36132972	0,50761975
SLC24A5	283652	NM_205850.2	X	875	0	0	1205	0	0	0	479,33	-1,361057087	0,31216368
CALCR	799	NM_001742.2	207886_s_at	875	0	0	0	0	0	0	0	-1,361057087	0,31216368
MARK1	4139	NM_018650.3	221047_s_at	0	875	0	370,3333333	0	0	0	0	-1,361057087	0,31216368
UBE2U	148581	NM_152489.1	X	874	0	0	0	0	0	0	0	-1,360682345	0,31217693
IL12RB2	3595	NM_001559.2	206999_at	874	0	0	0	0	0	0	0	-1,360682345	0,31217693
NAT14	57106	NM_020378.2	X	0	0	874	503	0	0	0	0	-1,360682345	0,31217693
KCNB2	9312	NM_004770.2	208123_at	874	0	0	0	0	0	0	0	-1,360682345	0,31217693
RAI1	10743	NM_030665.3	X	778	0	1061	74,66666667	0	945	0	0	-1,360615159	0,45819195
BDNF	627	NM_170735.4	206382_s_at	873	0	0	263,6666667	0	0	0	0	-1,360307181	0,3121902
AMIGO2	347902	NM_181847.3	222108_at	873	0	0	290	0	0	0	0	-1,360307181	0,3121902
EDIL3	10085	NM_005711.3	207379_at	873	0	0	771,3333333	0	0	0	0	-1,360307181	0,3121902
KAL1	3730	NM_000216.2	205206_at	873	0	0	990,6666667	0	0	0	754,67	-1,360307181	0,3121902
KALRN	8997	NM_007064.2	206078_at	0	873	0	377	0	0	0	0	-1,360307181	0,3121902
ARMCX5	64860	NM_022838.2	219335_at	0	873	0	386	0	0	0	0	-1,360307181	0,3121902
FPGS	2356	NM_004957.4	202945_at	0	917	1552	0	0	1630	0	0	-1,360235064	0,49611699
ZNF625	90589	NM_145233.2	X	0	872	0	165,3333333	0	0	0	0	-1,359931594	0,31220349
ZNF136	7695	NM_003437.2	206240_s_at	0	872	0	0	0	0	0	0	-1,359931594	0,31220349
CTNNA2	1496	NM_004389.2	205373_at	871	0	0	0	0	0	0	797	-1,359555583	0,31221681
COPS3	8533	NM_003653.2	202078_at	1369	1671	650	0	2019	847	0	398	-1,359189756	0,36204995
NUDT16	131870	NM_152395.1	X	0	0	870	1324,333333	0	0	0	0	-1,359179148	0,31223016
HELB	92797	NM_033647.2	X	870	0	0	385,6666667	0	0	0	0	-1,359179148	0,31223016
FSHR	2492	NM_000145.2	211201_at	870	0	0	541,6666667	0	0	0	642,33	-1,359179148	0,31223016
NRK	203447	NM_198465.2	X	870	0	0	987,6666667	0	0	0	1375,7	-1,359179148	0,31223016
DMRTB1	63948	NM_033067.1	X	869	0	0	780	0	0	0	0	-1,358802287	0,31224353
MYLK	4638	NM_053028.3	202555_s_at	0	868	0	219	0	0	0	0	-1,358425	0,31225692
TTC23L	153657	NM_144725.3	X	0	868	0	180	0	0	0	0	-1,358425	0,31225692
CAP2	10486	NM_006366.2	212551_at	0	868	0	676,6666667	0	0	0	0	-1,358425	0,31225692
CAMK1G	57172	NM_020439.2	217128_s_at	867	0	0	0	0	0	0	725,33	-1,358047285	0,31227035
PGA5	5222	NM_014224.1	213265_at	867	0	0	0	0	0	0	0	-1,358047285	0,31227035
TBC1D21	161514	NM_153356.1	X	867	0	0	500,3333333	0	0	0	0	-1,358047285	0,31227035
CECR6	27439	NM_031890.2	X	867	0	0	1336	0	0	0	1324,7	-1,358047285	0,31227035

OR14K1	343170	NM_001004732.2	X	0	0	867	1135	0	0	0	1154	-1,358047285	0,31227035
C21orf91	54149	NM_001100421.1	220941_s_at	984	1189	911	1384,333333	3232	374	0	1138,7	-1,357972441	0,36912472
FMOD	2331	NM_002023.3	202709_at	866	0	0	431	0	0	0	0	-1,357669142	0,3122838
FLT1	2321	NM_002019.3	210287_s_at	0	0	866	248	0	0	0	0	-1,357669142	0,3122838
ZNF132	7691	NM_003433.3	207402_at	0	866	0	0	0	0	0	0	-1,357669142	0,3122838
OSBPL6	114880	NM_145739.1	X	0	866	0	946	0	0	0	0	-1,357669142	0,3122838
GNMT	27232	NM_018960.4	210328_at	866	0	0	391	0	0	0	0	-1,357669142	0,3122838
MAP7D2	256714	NM_152780.2	X	864	0	0	60,66666667	0	0	0	0	-1,356911566	0,31231077
GPR141	353345	NM_181791.1	X	0	0	864	449,333333	0	0	0	821	-1,356911566	0,31231077
OR5H6	79295	NM_001005479.1	X	0	864	0	244,6666667	0	0	0	0	-1,356911566	0,31231077
GPR143	4935	NM_000273.1	206696_at	863	0	0	208,333333	0	0	0	0	-1,356532131	0,31232429
CCDC14	64770	NM_022757.3	X	950	1022	866	0	866	0	1125	0	-1,356460522	0,32570008
CSNK2A2	1459	NM_001896.2	203575_at	1250	930	0	426,333333	0	0	1347	0	-1,356417547	0,48379433
C4orf16	55435	NM_018569.3	219023_at	1010	2016	2767	267,6666667	0	1844	3535	0	-1,356369918	0,41484531
CCDC102A	92922	NM_033212.2	X	862	0	0	0	0	0	0	0	-1,356152264	0,31233785
GPR114	221188	NM_153837.1	X	862	0	0	287,333333	0	0	0	0	-1,356152264	0,31233785
OR1L6	392390	NM_001004453.1	X	862	0	0	0	0	0	0	0	-1,356152264	0,31233785
ABHD12	26090	NM_015600.3	X	0	0	862	1101,666667	0	0	0	788	-1,356152264	0,31233785
ALDH1B1	219	NM_000692.3	209645_s_at	0	0	862	0	0	0	0	586,33	-1,356152264	0,31233785
OR10G9	219870	NM_001001953.1	X	861	0	0	208,333333	0	0	0	0	-1,355771963	0,31235142
C17orf102	400591	NM_207454.2	X	861	0	0	0	0	0	0	0	-1,355771963	0,31235142
TMEM132E	124842	NM_207313.1	X	861	0	0	0	0	0	0	0	-1,355771963	0,31235142
SSX9	280660	NM_174962.3	X	861	0	0	0	0	0	0	0	-1,355771963	0,31235142
C19orf10	56005	NM_019107.3	221739_at	859	0	0	0	0	0	0	0	-1,355010058	0,31237866
HS1BP3	64342	NM_022460.3	219020_at	0	859	0	176	0	0	0	335,67	-1,355010058	0,31237866
OR8I2	120586	NM_001003750.1	X	0	857	0	0	0	0	0	0	-1,354246408	0,312406
PPY	5539	NM_002722.3	210670_at	857	0	0	0	0	0	0	0	-1,354246408	0,312406
VCX	26609	NM_013452.2	211403_x_at	0	857	0	1084,333333	0	0	0	1678,7	-1,354246408	0,312406
TP53BP1	7158	NM_005657.1	203050_at	1532	0	1353	0	0	0	2415	0	-1,35382707	0,52130483
MTL5	9633	NM_004923.3	219786_at	854	0	0	394,333333	0	0	0	0	-1,353097641	0,31244721
VWF	7450	NM_000552.3	202112_at	854	0	0	437	0	0	0	0	-1,353097641	0,31244721
MEPE	56955	NM_020203.2	221150_at	854	0	0	931	0	0	0	0	-1,353097641	0,31244721
TEKT5	146279	NM_144674.1	X	853	0	0	0	0	0	0	931,67	-1,352713838	0,312461

FAM26D	221301	NM_153036.2	X	0	853	0	0	0	0	0	0	-1,352713838	0,312461
TNFSF4	7292	NM_003326.2	207426_s_at	852	0	0	312,6666667	0	0	0	678	-1,352329592	0,31247481
ZNF660	285349	NM_173658.1	X	0	0	852	1316	0	0	0	1238,7	-1,352329592	0,31247481
ADAM28	10863	NM_014265.4	205997_at	852	0	0	1538,6666667	0	0	0	1356,7	-1,352329592	0,31247481
ESR2	2100	NM_001040275.1	211120_x_at	0	0	851	0	0	0	0	0	-1,351944902	0,31248866
PGM2L1	283209	NM_173582.3	X	851	0	0	0	0	0	0	1036	-1,351944902	0,31248866
KRTAP21-1	337977	NM_181619.1	X	851	0	0	484	0	0	0	754	-1,351944902	0,31248866
COQ3	51805	NM_017421.3	221227_x_at	851	0	0	579,3333333	0	0	0	986,33	-1,351944902	0,31248866
CD274	29126	NM_014143.2	X	850	0	0	0	0	0	0	0	-1,351559769	0,31250253
C6orf174	387104	NM_001012279.1	X	0	0	849	0	0	0	0	0	-1,351174189	0,31251642
FAM38B	63895	NM_022068.1	219602_s_at	849	0	0	453	0	0	0	972,67	-1,351174189	0,31251642
ZNF569	148266	NM_152484.2	X	0	848	0	0	0	0	0	0	-1,350788163	0,31253035
ZNF570	148268	NM_144694.1	X	0	848	0	0	0	0	0	0	-1,350788163	0,31253035
IL18R1	8809	NM_003855.2	206618_at	848	0	0	0	0	0	0	0	-1,350788163	0,31253035
GPR98	84059	NM_032119.3	X	848	0	0	0	0	0	0	0	-1,350788163	0,31253035
SLC17A5	26503	NM_012434.3	221041_s_at	0	848	0	511,3333333	0	0	0	680	-1,350788163	0,31253035
FAM123B	139285	NM_152424.3	X	0	848	0	0	0	0	0	334,67	-1,350788163	0,31253035
RBM24	221662	NM_153020.1	X	846	0	0	498,3333333	0	0	0	581	-1,350014768	0,31255828
TMEM14A	28978	NM_014051.3	218477_at	1362	1633	1238	0	2658	0	1222	0	-1,349608291	0,38485089
IL12B	3593	NM_002187.2	207901_at	844	0	0	164,6666667	0	0	0	611	-1,349239574	0,31258632
NPL	80896	NM_030769.1	221210_s_at	0	1206	1275	389,6666667	0	0	1819	0	-1,349172706	0,50488186
C10orf53	282966	NM_182554.2	X	843	0	0	916,6666667	0	0	0	0	-1,348851299	0,31260038
ABRA	137735	NM_139166.3	X	0	842	0	837,3333333	0	0	0	1387,3	-1,348462572	0,31261447
GCLM	2730	NM_002061.2	203925_at	842	0	0	410	0	0	0	426,67	-1,348462572	0,31261447
LCE3B	353143	NM_178433.1	X	842	0	0	1528,3333333	0	0	0	2718,3	-1,348462572	0,31261447
C17orf85	55421	NM_018553.2	218896_s_at	842	0	0	639	0	0	0	1143,7	-1,348462572	0,31261447
RUNX1T1	862	NM_175634.1	205529_s_at	842	0	0	0	0	0	0	0	-1,348462572	0,31261447
ACAT1	38	NM_000019.2	205412_at	841	0	0	2935	0	0	0	912	-1,348073392	0,31262859
SLCO1C1	53919	NM_017435.3	220460_at	841	0	0	361,6666667	0	0	0	0	-1,348073392	0,31262859
FMO2	2327	NM_001460.2	211726_s_at	0	0	841	361,6666667	0	0	0	0	-1,348073392	0,31262859
DLX4	1748	NM_138281.1	210259_s_at	840	0	0	0	0	0	0	375,67	-1,347683756	0,31264274
COL8A1	1295	NM_020351.2	214587_at	840	0	0	945,6666667	0	0	0	1302	-1,347683756	0,31264274
CTNBL1	56259	NM_030877.3	221021_s_at	797	1358	0	923,3333333	0	0	1290	1087,3	-1,347415075	0,4838034

MACF1	23499	NM_033044.2	208633_s_at	0	839	0	313,3333333	0	0	0	0	-1,347293664	0,31265691
ELMO2	63916	NM_182764.1	221528_s_at	0	839	0	578,6666667	0	0	0	0	-1,347293664	0,31265691
ODZ3	55714	NM_001080477.1	219523_s_at	0	0	838	0	0	0	0	0	-1,346903115	0,31267111
PCMTD2	55251	NM_001104925.1	212406_s_at	625	1517	0	0	0	0	1135	0	-1,346743368	0,47719955
OR6N1	128372	NM_001005185.1	X	837	0	0	1349	0	0	0	930,33	-1,346512109	0,31268534
KRT33A	3883	NM_004138.2	208483_x_at	837	0	0	0	0	0	0	0	-1,346512109	0,31268534
CSPG5	10675	NM_006574.3	39966_at	0	0	836	0	0	0	0	0	-1,346120642	0,3126996
XKRY2	353515	NM_001002906.1	X	0	0	836	0	0	0	0	0	-1,346120642	0,3126996
SP7	121340	NM_152860.1	X	836	0	0	0	0	0	0	0	-1,346120642	0,3126996
ABCB11	8647	NM_003742.2	208288_at	836	0	0	0	0	0	0	0	-1,346120642	0,3126996
FOXA2	3170	NM_153675.1	40284_at	836	0	0	0	0	0	0	0	-1,346120642	0,3126996
C8orf59	401466	NM_001099672.1	X	2203	1780	772	0	2331	1556	0	0	-1,345788283	0,3949058
PIK3C2G	5288	NM_004570.3	215129_at	835	0	0	0	0	0	0	0	-1,345728716	0,31271389
SP5	389058	NM_001003845.1	X	835	0	0	0	0	0	0	0	-1,345728716	0,31271389
CTLA4	1493	NM_005214.3	221331_x_at	835	0	0	0	0	0	0	0	-1,345728716	0,31271389
ZDHHC18	84243	NM_032283.1	212860_at	0	0	834	0	0	0	0	0	-1,345336328	0,31272821
ARID3A	1820	NM_005224.2	205865_at	0	0	833	514,3333333	0	0	0	0	-1,344943478	0,31274255
C2	717	NM_000063.3	203052_at	0	0	833	566,3333333	0	0	0	586,33	-1,344943478	0,31274255
ST3GAL4	6484	NM_006278.1	203759_at	695	837	1899	0	0	901	1476	0	-1,344844396	0,35344488
DYNC1LI1	51143	NM_016141.1	217976_s_at	847	1202	1688	486	1903	1084	0	0	-1,344767211	0,36810597
KRTAP19-5	337972	NM_181611.1	X	832	0	0	1174,3333333	0	0	0	1202,7	-1,344550165	0,31275692
SERPINB1	1992	NM_030666.2	213572_s_at	832	0	0	1446	0	0	0	1632,7	-1,344550165	0,31275692
GPR172A	79581	NM_024531.3	222155_s_at	0	0	832	0	0	0	0	0	-1,344550165	0,31275692
ICA1L	130026	NM_138468.4	X	831	0	0	759,6666667	0	0	0	894,33	-1,344156386	0,31277132
PSEN2	5664	NM_012486.2	211373_s_at	0	0	829	240,6666667	0	0	0	0	-1,343367431	0,31280021
HMX3	340784	NM_001105574.1	X	0	829	0	245	0	0	0	0	-1,343367431	0,31280021
TMEM14C	51522	NM_016462.2	X	0	829	0	394,6666667	0	0	0	0	-1,343367431	0,31280021
PRKAG2	51422	NM_016203.3	218292_s_at	0	829	0	0	0	0	0	0	-1,343367431	0,31280021
FZD7	8324	NM_003507.1	203706_s_at	829	0	0	0	0	0	0	0	-1,343367431	0,31280021
RELN	5649	NM_005045.2	205923_at	829	0	0	108,6666667	0	0	0	0	-1,343367431	0,31280021
ATP5G1	516	NM_005175.2	208972_s_at	1179	1339	1897	48	1821	0	1983	0	-1,34283037	0,38863656
EFNB2	1948	NM_004093.2	202668_at	827	0	0	405,6666667	0	0	0	1720,3	-1,342576604	0,31282922
RIOK1	83732	NM_153005.1	X	827	0	0	0	0	0	0	0	-1,342576604	0,31282922

ADORA3	140	NM_020683.6	206171_at	0	0	826	0	0	0	0	0	-1,342180486	0,31284376
C4orf19	55286	NM_001104629.1	219450_at	825	0	0	396,6666667	0	0	0	0	-1,341783897	0,31285834
MFGE8	4240	NM_005928.1	210605_s_at	0	825	0	526,6666667	0	0	0	0	-1,341783897	0,31285834
VPS45	11311	NM_007259.3	209268_at	1070	2457	2007	0	2203	0	2897	0	-1,341651235	0,41515593
ARSE	415	NM_000047.2	205894_at	0	0	823	0	0	0	0	0	-1,3409893	0,31288758
RTP3	83597	NM_031440.1	X	822	0	0	347	0	0	0	0	-1,34059129	0,31290225
PLN	5350	NM_002667.2	204938_s_at	822	0	0	0	0	0	0	419,67	-1,34059129	0,31290225
GLYATL2	219970	NM_145016.3	X	0	0	821	871,3333333	0	0	0	0	-1,340192804	0,31291694
TCF7L2	6934	NM_030756.2	212761_at	0	820	0	782,3333333	0	0	0	0	-1,339793841	0,31293166
PCDHA6	56142	NM_031849.1	210674_s_at	0	820	0	871,3333333	0	0	0	0	-1,339793841	0,31293166
PCDHA7	56141	NM_018910.2	X	0	820	0	0	0	0	0	0	-1,339793841	0,31293166
VNN3	55350	NM_001024460.1	220528_at	820	0	0	948,6666667	0	0	0	0	-1,339793841	0,31293166
RP1	6101	NM_006269.1	X	0	820	0	0	0	0	0	0	-1,339793841	0,31293166
OTOA	146183	NM_144672.3	X	819	0	0	0	0	0	0	0	-1,3393944	0,31294642
LDHC	3948	NM_002301.2	207022_s_at	0	0	817	0	0	0	0	0	-1,33859408	0,31297602
ASCL3	56676	NM_020646.1	221161_at	816	0	0	0	0	0	0	0	-1,338193198	0,31299086
ZNF383	163087	NM_152604.1	X	816	0	0	0	0	0	0	0	-1,338193198	0,31299086
CLRN1	7401	NM_174878.2	X	816	0	0	0	0	0	0	0	-1,338193198	0,31299086
EDEM1	9695	NM_014674.1	203279_at	3046	2431	2661	317	4337	0	5528	0	-1,338017512	0,46105552
ADAMTS17	170691	NM_139057.2	X	0	812	0	1009,6666667	0	0	0	1014,7	-1,336584831	0,31305054
C18orf62	284274	NM_001037331.2	X	812	0	0	0	0	0	0	1158,7	-1,336584831	0,31305054
RND3	390	NM_005168.3	212724_at	0	0	812	519,6666667	0	0	0	0	-1,336584831	0,31305054
OR2A1	346528	NM_001005287.1	X	0	812	0	516,3333333	0	0	0	0	-1,336584831	0,31305054
SYT14	255928	NM_153262.2	X	0	811	0	1358,6666667	0	0	0	0	-1,336181524	0,31306554
TLE1	7088	NM_005077.3	203221_at	0	0	811	950,6666667	0	0	0	1655,7	-1,336181524	0,31306554
WFDC11	259239	NM_147197.2	X	0	0	810	0	0	0	0	549,67	-1,335777728	0,31308057
GRB10	2887	NM_001001549.1	210999_s_at	0	810	0	1087,6666667	0	0	0	0	-1,335777728	0,31308057
PITPNB	23760	NM_012399.3	202522_at	992	693	2468	0	801	0	2615	0	-1,335731364	0,38727725
OR2C3	81472	NM_198074.3	X	809	0	0	0	0	0	0	0	-1,335373443	0,31309563
PPP1R7	5510	NM_002712.1	201213_at	0	809	0	0	0	0	0	0	-1,335373443	0,31309563
PRDM8	56978	NM_020226.3	219835_at	809	0	0	855,6666667	0	0	0	1321,7	-1,335373443	0,31309563
CD36	948	NM_001001548.1	206488_s_at	809	0	0	249,3333333	0	0	0	372,67	-1,335373443	0,31309563
SSPN	8082	NM_005086.3	204964_s_at	808	0	0	673,3333333	0	0	0	453,67	-1,334968667	0,31311072

CYP26A1	1592	NM_057157.1	206424_at	0	807	0	0	0	0	0	0	-1,334563398	0,31312584
PAM	5066	NM_000919.2	202336_s_at	0	807	0	0	0	0	0	917,67	-1,334563398	0,31312584
GNG12	55970	NM_018841.4	212294_at	807	0	0	0	0	0	0	0	-1,334563398	0,31312584
ZNF248	57209	NM_021045.1	213269_at	0	1703	659	367,6666667	1394	0	0	488,67	-1,334486833	0,49440109
C1RL	51279	NM_016546.1	218983_at	0	0	806	0	0	0	0	0	-1,334157636	0,31314099
GORASP1	64689	NM_031899.2	215749_s_at	0	0	806	1299,666667	0	0	0	1605,3	-1,334157636	0,31314099
TTC21A	199223	NM_145755.2	X	0	0	806	0	0	0	0	0	-1,334157636	0,31314099
HTR3E	285242	NM_182589.2	X	806	0	0	0	0	0	0	0	-1,334157636	0,31314099
GZMK	3003	NM_002104.2	206666_at	0	0	806	691,3333333	0	0	0	1222,7	-1,334157636	0,31314099
SOSTDC1	25928	NM_015464.2	213456_at	0	0	806	0	0	0	0	0	-1,334157636	0,31314099
ZCCHC16	340595	NM_001004308.1	X	806	0	0	0	0	0	0	0	-1,334157636	0,31314099
GTDC1	79712	NM_001006636.1	220853_at	805	0	0	610,6666667	0	0	0	860	-1,33375138	0,31315617
SIRPB1	10326	NM_001083910.1	217240_at	804	0	0	155	0	0	0	0	-1,333344628	0,31317139
ASB17	127247	NM_080868.1	X	0	804	0	596,6666667	0	0	0	0	-1,333344628	0,31317139
RTP2	344892	NM_001004312.1	X	0	804	0	0	0	0	0	0	-1,333344628	0,31317139
STAB2	55576	NM_017564.9	220114_s_at	803	0	0	97,33333333	0	0	0	964,67	-1,332937379	0,31318664
C16orf65	255762	NM_173806.2	X	0	803	0	0	0	0	0	0	-1,332937379	0,31318664
FLJ20184	54848	NM_017700.1	221119_at	0	803	0	0	0	0	0	747,33	-1,332937379	0,31318664
TCP11	6954	NM_001093728.1	220378_at	803	0	0	275,6666667	0	0	0	0	-1,332937379	0,31318664
STX17	55014	NM_017919.2	218666_s_at	803	0	0	1168	0	0	0	846,33	-1,332937379	0,31318664
DEPDC7	91614	NM_001077242.1	X	802	0	0	1236,333333	0	0	0	1732	-1,332529631	0,31320192
C6orf25	80739	NM_025260.2	221342_at	802	0	0	595,3333333	0	0	0	1543,3	-1,332529631	0,31320192
UGT2B11	10720	NM_001073.1	211682_x_at	0	802	0	330	0	0	0	712,33	-1,332529631	0,31320192
FOXP2	93986	NM_148898.2	X	0	802	0	1423,333333	0	0	0	1476,7	-1,332529631	0,31320192
OR5AU1	390445	NM_001004731.1	X	801	0	0	1220,666667	0	0	0	1379,3	-1,332121385	0,31321723
KIAA0408	9729	NM_014702.3	205496_at	800	0	0	479	0	0	0	180,33	-1,331712637	0,31323257
TEX13A	56157	NM_031274.3	221429_x_at	800	0	0	0	0	0	0	0	-1,331712637	0,31323257
ZMAT1	84460	NM_001011657.1	X	0	0	800	70,66666667	0	0	0	0	-1,331712637	0,31323257
ARL1	400	NM_001177.3	201659_s_at	0	1928	777	525,3333333	0	0	1874	0	-1,331565591	0,51374257
KLHDC6	166348	NM_207335.2	X	0	0	799	0	0	0	0	0	-1,331303388	0,31324794
CACNG3	10368	NM_006539.2	206384_at	799	0	0	1679,333333	0	0	0	555,33	-1,331303388	0,31324794
UCKL1	54963	NM_017859.2	218533_s_at	0	799	0	0	0	0	0	0	-1,331303388	0,31324794
ZNRF3	84133	NM_032173.2	X	0	827	1163	113,3333333	0	0	1205	0	-1,330899013	0,48257164

KIF23	9493	NM_138555.1	204709_s_at	798	0	0	270,3333333	0	0	0	0	-1,330893636	0,31326335
DTD1	92675	NM_080820.4	X	798	0	0	1865	0	0	0	1458,7	-1,330893636	0,31326335
OR2J2	26707	NM_030905.2	208508_s_at	798	0	0	334	0	0	0	490,67	-1,330893636	0,31326335
SIM1	6492	NM_005068.2	206876_at	0	798	0	0	0	0	0	0	-1,330893636	0,31326335
TFEC	22797	NM_001018058.1	206715_at	0	0	798	0	0	0	0	0	-1,330893636	0,31326335
SSBP2	23635	NM_012446.2	210829_s_at	625	0	1169	0	0	918	0	0	-1,33055553	0,46470371
OR56B4	196335	NM_001005181.1	X	0	797	0	0	0	0	0	0	-1,33048338	0,31327879
DNAH3	55567	NM_017539.1	216415_at	0	797	0	394	0	0	0	0	-1,33048338	0,31327879
TMEM159	57146	NM_020422.3	213272_s_at	0	797	0	0	0	0	0	0	-1,33048338	0,31327879
FHL1	2273	NM_001449.3	210298_x_at	797	0	0	2119,3333333	0	0	0	782,67	-1,33048338	0,31327879
FAM53A	152877	NM_001013622.2	X	0	0	796	0	0	0	0	0	-1,330072618	0,31329426
RAB11FIP2	22841	NM_014904.1	203884_s_at	795	0	0	610,6666667	0	0	0	767,33	-1,329661349	0,31330976
VWA3B	200403	NM_144992.4	X	795	0	0	0	0	0	0	166,67	-1,329661349	0,31330976
PRTFDC1	56952	NM_020200.5	X	0	794	0	382	0	0	0	396,67	-1,329249572	0,3133253
FGF13	2258	NM_004114.2	205110_s_at	794	0	0	208,3333333	0	0	0	798,67	-1,329249572	0,3133253
MIOX	55586	NM_017584.5	X	792	0	0	475,3333333	0	0	0	1321,3	-1,328424489	0,31335647
CHCHD4	131474	NM_001098502.1	X	792	0	0	1646	0	0	0	418,67	-1,328424489	0,31335647
TMEM43	79188	NM_024334.1	217795_s_at	792	0	0	0	0	0	0	0	-1,328424489	0,31335647
SYCP3	50511	NM_153694.3	X	791	0	0	1777,3333333	0	0	0	586,67	-1,32801118	0,3133721
SERPINB11	89778	NM_080475.2	X	791	0	0	0	0	0	0	0	-1,32801118	0,3133721
NAPB	63908	NM_022080.1	X	0	791	0	0	0	0	0	0	-1,32801118	0,3133721
CCK	885	NM_000729.3	205827_at	0	791	0	0	0	0	0	0	-1,32801118	0,3133721
VEPH1	79674	NM_024621.1	X	0	791	0	0	0	0	0	0	-1,32801118	0,3133721
LOC152118	152118	NM_001101337.1	X	790	0	0	937	0	0	0	801	-1,327597359	0,31338777
WBSCR22	114049	NM_017528.2	207628_s_at	0	4301	1411	678	0	228	458	1078,7	-1,326852032	0,48402548
KLHL24	54800	NM_017644.3	221986_s_at	746	1192	0	303,3333333	0	0	1129	171	-1,326730069	0,47951832
TRIOBP	11078	NM_007032.5	210276_s_at	0	787	0	0	0	0	0	0	-1,326352802	0,31343497
APOBEC2	10930	NM_006789.2	206160_at	787	0	0	343,6666667	0	0	0	0	-1,326352802	0,31343497
RNF170	81790	NM_030954.2	220985_s_at	802	811	2019	1265	0	1943	860	389,67	-1,326013511	0,37235613
PFTK2	65061	NM_139158.1	X	0	784	0	678,6666667	0	0	0	749,67	-1,325103582	0,31348248
SLC24A3	57419	NM_020689.3	57588_at	784	0	0	0	0	0	0	0	-1,325103582	0,31348248
PAX9	5083	NM_006194.2	207059_at	0	0	783	621	0	0	0	1909	-1,324686132	0,31349838
TFAP2A	7020	NM_003220.2	204653_at	0	783	0	0	0	0	0	0	-1,324686132	0,31349838

DLG5	9231	NM_004747.3	201681_s_at	0	782	0	99,66666667	0	0	0	0	-1,324268159	0,31351431
C12orf36	283422	NM_182558.1	X	0	0	782	1251	0	0	0	498	-1,324268159	0,31351431
RFC5	5985	NM_007370.3	203210_s_at	0	1483	988	0	1871	0	0	0	-1,324124429	0,51330821
KCTD6	200845	NM_153331.2	X	772	0	1034	0	0	1022	0	0	-1,323894482	0,47270516
OR10K2	391107	NM_001004476.1	X	781	0	0	0	0	0	0	0	-1,323849662	0,31353028
C16orf3	750	NM_001214.3	207615_s_at	781	0	0	0	0	0	0	0	-1,323849662	0,31353028
APRT	353	NM_000485.2	203219_s_at	0	1012	619	824	0	0	804	898	-1,323437293	0,45616551
TNFRSF11A	8792	NM_003839.2	207037_at	779	0	0	0	0	0	0	0	-1,323011087	0,31356233
EPHX1	2052	NM_000120.2	202017_at	778	0	0	1403,333333	0	0	0	1491,3	-1,322591007	0,3135784
ACE2	59272	NM_021804.1	222257_s_at	778	0	0	964	0	0	0	1337,3	-1,322591007	0,3135784
FAM160B1	57700	NM_020940.2	X	0	777	0	0	0	0	0	0	-1,322170397	0,31359451
SLC9A5	6553	NM_004594.2	220650_s_at	0	0	776	0	0	0	0	0	-1,321749256	0,31361065
NRP1	8829	NM_003873.4	212298_at	776	0	0	1585	0	0	0	1295,7	-1,321749256	0,31361065
OR5D13	390142	NM_001001967.1	X	776	0	0	0	0	0	0	0	-1,321749256	0,31361065
NAV3	89795	NM_014903.4	204823_at	776	0	0	97	0	0	0	235,67	-1,321749256	0,31361065
SEMA6D	80031	NM_020858.1	220574_at	776	0	0	0	0	0	0	0	-1,321749256	0,31361065
SERPINE2	5270	NM_006216.2	212190_at	0	776	0	0	0	0	0	0	-1,321749256	0,31361065
PCBP3	54039	NM_020528.1	205663_at	776	0	0	0	0	0	0	0	-1,321749256	0,31361065
CDO1	1036	NM_001801.2	204154_at	776	0	0	0	0	0	0	0	-1,321749256	0,31361065
STARD4	134429	NM_139164.1	X	1518	1090	2496	0	2597	0	2046	0	-1,321383527	0,4142891
SLC34A2	10568	NM_006424.2	204124_at	775	0	0	0	0	0	0	0	-1,321327581	0,31362683
GALNT5	11227	NM_014568.1	X	774	0	0	220,3333333	0	0	0	0	-1,320905373	0,31364304
IRX3	79191	NM_024336.1	X	0	774	0	220	0	0	0	0	-1,320905373	0,31364304
TGIF2LX	90316	NM_138960.3	X	0	774	0	631,3333333	0	0	0	0	-1,320905373	0,31364304
PTPRR	5801	NM_002849.2	210675_s_at	773	0	0	0	0	0	0	0	-1,32048263	0,31365929
CYP2A7	1549	NM_000764.2	1494_f_at	773	0	0	0	0	0	0	0	-1,32048263	0,31365929
PROZ	8858	NM_003891.1	208034_s_at	0	0	772	0	0	0	0	0	-1,320059349	0,31367557
REG1B	5968	NM_006507.2	205886_at	772	0	0	343	0	0	0	0	-1,320059349	0,31367557
MOBK12B	79817	NM_024761.3	219265_at	772	0	0	0	0	0	0	0	-1,320059349	0,31367557
KCTD15	79047	NM_024076.1	218553_s_at	771	0	0	645,6666667	0	0	0	1576,3	-1,31963553	0,31369189
ROPN1B	152015	NM_001012337.1	220425_x_at	771	0	0	895,6666667	0	0	0	1589,3	-1,31963553	0,31369189
KCNU1	157855	NM_001031836.2	X	771	0	0	1556,333333	0	0	0	620,33	-1,31963553	0,31369189
MAGEC3	139081	NM_138702.1	216592_at	771	0	0	549,6666667	0	0	0	362	-1,31963553	0,31369189

ADCY4	196883	NM_139247.2	X	770	0	0	0	0	0	0	351	-1,319211172	0,31370824
RIPK3	11035	NM_006871.3	X	770	0	0	366	0	0	0	0	-1,319211172	0,31370824
GPR139	124274	NM_001002911.2	X	770	0	0	0	0	0	0	0	-1,319211172	0,31370824
PLA2G1B	5319	NM_000928.2	206311_s_at	0	0	770	711	0	0	0	1441	-1,319211172	0,31370824
PRELID2	153768	NM_138492.4	X	0	0	770	985,3333333	0	0	0	480,67	-1,319211172	0,31370824
C7orf31	136895	NM_138811.3	X	0	770	0	881,3333333	0	0	0	0	-1,319211172	0,31370824
RBP4	5950	NM_006744.3	219140_s_at	769	0	0	0	0	0	0	0	-1,318786273	0,31372463
KIAA0774	23281	NM_001033602.2	214961_at	769	0	0	0	0	0	0	644	-1,318786273	0,31372463
HRH4	59340	NM_021624.2	221170_at	769	0	0	1007	0	0	0	833,33	-1,318786273	0,31372463
UQCRFS1	7386	NM_006003.1	208909_at	0	0	769	919,3333333	0	0	0	636,67	-1,318786273	0,31372463
EHD3	30845	NM_014600.1	218935_at	769	0	0	472,3333333	0	0	0	0	-1,318786273	0,31372463
ANGPT2	285	NM_001147.1	211148_s_at	769	0	0	322	0	0	0	0	-1,318786273	0,31372463
MBNL3	55796	NM_018388.2	219814_at	769	0	0	0	0	0	0	546	-1,318786273	0,31372463
OR4C15	81309	NM_001001920.1	X	768	0	0	589	0	0	0	832	-1,318360832	0,31374105
KLHL5	51088	NM_015990.3	X	768	0	0	0	0	0	0	0	-1,318360832	0,31374105
FCHO2	115548	NM_138782.1	X	0	768	0	1145	0	0	0	1362	-1,318360832	0,31374105
ABCB5	340273	NM_178559.4	X	0	0	768	1189,6666667	0	0	0	970	-1,318360832	0,31374105
TAL2	6887	NM_005421.1	X	768	0	0	0	0	0	0	0	-1,318360832	0,31374105
ST20	400410	NM_001100880.1	217104_at	0	787	1170	729,3333333	1199	0	0	0	-1,318293496	0,48551064
STRN4	29888	NM_013403.2	217903_at	0	0	767	1366,3333333	0	0	0	1294,7	-1,317934846	0,31375751
RPE65	6121	NM_000329.2	207107_at	767	0	0	788	0	0	0	0	-1,317934846	0,31375751
CLDN8	9073	NM_199328.1	214598_at	767	0	0	2114,6666667	0	0	0	1943,3	-1,317934846	0,31375751
EPHA3	2042	NM_005233.5	206070_s_at	767	0	0	1164	0	0	0	1345,3	-1,317934846	0,31375751
DKK2	27123	NM_014421.2	219908_at	767	0	0	208,3333333	0	0	0	0	-1,317934846	0,31375751
RNF133	168433	NM_139175.1	X	767	0	0	0	0	0	0	0	-1,317934846	0,31375751
MIPOL1	145282	NM_138731.3	X	0	0	766	0	0	0	0	0	-1,317508316	0,31377401
MSI1	4440	NM_002442.2	206333_at	766	0	0	0	0	0	0	0	-1,317508316	0,31377401
FBXO40	51725	NM_016298.3	220164_s_at	766	0	0	659,6666667	0	0	0	0	-1,317508316	0,31377401
GNA14	9630	NM_004297.2	220108_at	766	0	0	637	0	0	0	1115,7	-1,317508316	0,31377401
NPY	4852	NM_000905.2	206001_at	765	0	0	336,6666667	0	0	0	656	-1,31708124	0,31379054
HAS2	3037	NM_005328.1	206432_at	0	765	0	162,6666667	0	0	0	1622,7	-1,31708124	0,31379054
GZMH	2999	NM_033423.3	210321_at	764	0	0	2356	0	0	0	527,33	-1,316653615	0,31380711
DGKD	8527	NM_003648.2	208072_s_at	764	0	0	509	0	0	0	492	-1,316653615	0,31380711

ACTA2	59	NM_001613.1	200974_at	763	0	0	542	0	0	0	265	-1,316225441	0,31382371
OR51V1	283111	NM_001004760.2	X	762	0	0	0	0	0	0	0	-1,315796716	0,31384035
FOLH1	2346	NM_004476.1	217487_x_at	762	0	0	0	0	0	0	0	-1,315796716	0,31384035
PRPSAP1	5635	NM_002766.1	202529_at	762	0	0	700,3333333	0	0	0	0	-1,315796716	0,31384035
CYHR1	50626	NM_032687.2	213681_at	0	0	761	1564,3333333	0	0	0	1370	-1,31536744	0,31385703
SGK493	91461	NM_138370.1	X	761	0	0	0	0	0	0	0	-1,31536744	0,31385703
S100B	6285	NM_006272.2	209686_at	761	0	0	0	0	0	0	0	-1,31536744	0,31385703
SOX5	6660	NM_152989.2	207336_at	1079	0	957	565,3333333	0	0	1357	0	-1,314958926	0,49419242
ACOT9	23597	NM_001037171.1	221641_s_at	760	0	0	565,3333333	0	0	0	0	-1,314937609	0,31387374
ARMS2	387715	NM_001099667.1	X	0	760	0	298,3333333	0	0	0	0	-1,314937609	0,31387374
HTRA1	5654	NM_002775.3	201185_at	0	760	0	0	0	0	0	402,33	-1,314937609	0,31387374
AP3D1	8943	NM_001077523.1	208710_s_at	625	955	442	0	794	438	0	0	-1,314568798	0,29842656
TUBA3C	7278	NM_006001.1	216323_x_at	759	0	0	0	0	0	0	0	-1,314507224	0,3138905
CHST5	23563	NM_024533.3	221164_x_at	759	0	0	252	0	0	0	0	-1,314507224	0,3138905
AKR1D1	6718	NM_005989.2	207102_at	759	0	0	0	0	0	0	0	-1,314507224	0,3138905
OR2W1	26692	NM_030903.2	221451_s_at	0	0	757	0	0	0	0	0	-1,313644783	0,31392411
ASCC1	51008	NM_015947.2	219336_s_at	1013	1797	1413	318,6666667	1861	1823	0	0	-1,313402147	0,39635336
TRIM11	81559	NM_145214.2	X	706	1328	1716	255,6666667	1440	0	1479	0	-1,313243714	0,38021142
CH25H	9023	NM_003956.3	206932_at	756	0	0	0	0	0	0	477,33	-1,313212724	0,31394097
JUNB	3726	NM_002229.2	201473_at	1066	1203	4288	0	0	3356	2178	0	-1,311211445	0,43954245
GTSF1	121355	NM_144594.1	X	0	750	0	0	0	0	0	0	-1,310608544	0,31404294
IMPG2	50939	NM_016247.2	220830_at	0	0	749	0	0	0	0	0	-1,310172529	0,31406006
STX1A	6804	NM_004603.2	204729_s_at	0	0	749	0	0	0	0	0	-1,310172529	0,31406006
MINK1	50488	NM_170663.3	209241_x_at	0	749	0	0	0	0	0	0	-1,310172529	0,31406006
CHGB	1114	NM_001819.1	204260_at	0	749	0	1211,3333333	0	0	0	1121,7	-1,310172529	0,31406006
IGSF11	152404	NM_001015887.1	X	749	0	0	860,3333333	0	0	0	0	-1,310172529	0,31406006
SMAD6	4091	NM_005585.3	207069_s_at	0	1173	1137	769,3333333	0	0	1778	0	-1,309861889	0,5130665
SVOPL	136306	NM_174959.1	X	0	0	745	0	0	0	0	0	-1,308422744	0,31412896
FANCL	55120	NM_018062.2	218397_at	0	745	0	0	0	0	0	0	-1,308422744	0,31412896
HOXD9	3235	NM_014213.2	205604_at	744	0	0	2897,3333333	0	0	0	1951	-1,307983859	0,31414628
GADL1	339896	NM_207359.1	X	744	0	0	0	0	0	0	0	-1,307983859	0,31414628
GPR39	2863	NM_001508.2	208600_s_at	743	0	0	0	0	0	0	0	-1,307544395	0,31416364
HEBP2	23593	NM_014320.2	203430_at	743	0	0	674,3333333	0	0	0	0	-1,307544395	0,31416364

OR2T12	127064	NM_001004692.1	X	742	0	0	956,3333333	0	0	0	0	-1,307104351	0,31418104
CRISPLD1	83690	NM_031461.3	X	0	0	742	0	0	0	0	0	-1,307104351	0,31418104
C20orf94	128710	NM_001009608.1	X	860	1029	3197	1589,6666667	1587	0	2405	1478,3	-1,307035527	0,41463286
SERPIND1	3053	NM_000185.3	205576_at	0	0	741	0	0	0	0	0	-1,306663725	0,31419847
CPA2	1358	NM_001869.1	206212_at	741	0	0	0	0	0	0	0	-1,306663725	0,31419847
EHMT1	79813	NM_024757.3	219339_s_at	741	0	0	0	0	0	0	0	-1,306663725	0,31419847
PTPN20A	653129	NM_001042389.1	215172_at	0	740	0	1035,3333333	0	0	0	0	-1,306222516	0,31421595
PTPN20B	26095	NM_001042357.3	215172_at	0	740	0	1006,3333333	0	0	0	1725,3	-1,306222516	0,31421595
FAM71D	161142	NM_173526.2	X	740	0	0	0	0	0	0	0	-1,306222516	0,31421595
SRI	6717	NM_198901.1	208921_s_at	740	0	0	897	0	0	0	89,333	-1,306222516	0,31421595
MCHR2	84539	NM_032503.2	X	0	739	0	638	0	0	0	1309	-1,305780722	0,31423347
FBXL6	26233	NM_024555.3	219189_at	0	0	739	1012,6666667	0	0	0	0	-1,305780722	0,31423347
TFG	10342	NM_001007565.1	217839_at	738	0	0	0	0	0	0	986,33	-1,305338342	0,31425102
NINL	22981	NM_025176.4	207705_s_at	0	0	737	688,3333333	0	0	0	606,67	-1,304895374	0,31426862
CCDC29	728788	NM_001098806.1	X	0	737	0	0	0	0	0	1449,3	-1,304895374	0,31426862
C1orf210	149466	NM_182517.2	X	737	0	0	812	0	0	0	507,67	-1,304895374	0,31426862
NUP210L	91181	NM_207308.2	X	737	0	0	534	0	0	0	298,67	-1,304895374	0,31426862
RNASE9	390443	NM_001001673.3	X	737	0	0	240,3333333	0	0	0	0	-1,304895374	0,31426862
SMYD2	56950	NM_020197.1	212922_s_at	0	0	736	0	0	0	0	0	-1,304451817	0,31428626
NR3C2	4306	NM_000901.2	205259_at	0	736	0	975,6666667	0	0	0	0	-1,304451817	0,31428626
GPR148	344561	NM_207364.1	X	736	0	0	0	0	0	0	0	-1,304451817	0,31428626
CTDSPL	10217	NM_005808.2	201904_s_at	736	0	0	0	0	0	0	0	-1,304451817	0,31428626
ENPEP	2028	NM_001977.3	204844_at	736	0	0	52,33333333	0	0	0	0	-1,304451817	0,31428626
TGFBI	7045	NM_000358.1	201506_at	736	0	0	1042,3333333	0	0	0	497,33	-1,304451817	0,31428626
CLCN5	1184	NM_000084.2	206704_at	736	0	0	208,3333333	0	0	0	0	-1,304451817	0,31428626
IL15	3600	NM_172174.1	205992_s_at	735	0	0	0	0	0	0	0	-1,304007668	0,31430394
C5orf49	134121	NM_001089584.1	X	735	0	0	1678,6666667	0	0	0	728,33	-1,304007668	0,31430394
PCDHAC1	56135	NM_018898.3	210674_s_at	735	0	0	0	0	0	0	0	-1,304007668	0,31430394
XK	7504	NM_021083.2	206698_at	735	0	0	1527,6666667	0	0	0	831	-1,304007668	0,31430394
LACRT	90070	NM_033277.1	X	0	0	735	501,6666667	0	0	0	0	-1,304007668	0,31430394
COL25A1	84570	NM_198721.1	X	0	735	0	0	0	0	0	0	-1,304007668	0,31430394
LPPR4	9890	NM_014839.3	213496_at	0	734	0	208,3333333	0	0	0	566,33	-1,303562927	0,31432165
TMEM63A	9725	NM_014698.1	215583_at	0	0	734	0	0	0	0	0	-1,303562927	0,31432165

MKRN3	7681	NM_005664.2	206585_at	0	734	0	0	0	0	0	0	-1,303562927	0,31432165
SLC13A2	9058	NM_003984.2	207567_at	0	734	0	878	0	0	0	1404	-1,303562927	0,31432165
BDH2	56898	NM_020139.3	218285_s_at	0	734	0	408,6666667	0	0	0	0	-1,303562927	0,31432165
LRRC8C	84230	NM_032270.2	X	734	0	0	0	0	0	0	0	-1,303562927	0,31432165
PHOX2A	401	NM_005169.2	214609_at	734	0	0	379,6666667	0	0	0	0	-1,303562927	0,31432165
ACAN	176	NM_013227.2	207692_s_at	734	0	0	1800	0	0	0	981,33	-1,303562927	0,31432165
KRT40	125115	NM_182497.2	X	733	0	0	0	0	0	0	0	-1,303117592	0,31433941
KRTAP3-3	85293	NM_033185.2	X	733	0	0	242,3333333	0	0	0	0	-1,303117592	0,31433941
BIRC8	112401	NM_033341.3	X	733	0	0	242,3333333	0	0	0	0	-1,303117592	0,31433941
LOX	4015	NM_002317.3	215446_s_at	733	0	0	1709,333333	0	0	0	1382,3	-1,303117592	0,31433941
RIPPLY2	134701	NM_001009994.1	X	733	0	0	4155,666667	0	0	0	878,67	-1,303117592	0,31433941
OPRM1	4988	NM_001008503.1	207994_s_at	733	0	0	50	0	0	0	0	-1,303117592	0,31433941
IGFBP3	3486	NM_000598.4	210095_s_at	733	0	0	0	0	0	0	0	-1,303117592	0,31433941
PALM2-AKAP2	445815	NM_147150.2	202759_s_at	733	0	0	0	0	0	0	0	-1,303117592	0,31433941
CD40LG	959	NM_000074.2	207892_at	733	0	0	3628	0	0	0	757,67	-1,303117592	0,31433941
BTBD11	121551	NM_001018072.1	X	0	732	0	0	0	0	0	0	-1,302671661	0,31435721
CLDN10	9071	NM_006984.3	205328_at	732	0	0	0	0	0	0	0	-1,302671661	0,31435721
DLGAP1	9229	NM_004746.2	210750_s_at	732	0	0	318,6666667	0	0	0	0	-1,302671661	0,31435721
BAHD1	22893	NM_014952.3	203051_at	0	950	293	299,3333333	0	383	0	827	-1,302575226	0,40988706
C17orf28	283987	NM_030630.1	X	0	0	731	881	0	0	0	804	-1,302225133	0,31437505
CDR2L	30850	NM_014603.2	213230_at	0	0	731	3610,333333	0	0	0	1485,7	-1,302225133	0,31437505
TRIM55	84675	NM_033058.2	X	731	0	0	0	0	0	0	0	-1,302225133	0,31437505
CTAG1A	246100	NM_139250.1	217339_x_at	730	0	0	1572	0	0	0	1218,3	-1,301778006	0,31439293
FSHB	2488	NM_001018080.1	214489_at	0	0	730	0	0	0	0	275,67	-1,301778006	0,31439293
ZNF441	126068	NM_152355.1	X	0	730	0	892	0	0	0	1120	-1,301778006	0,31439293
CSMD3	114788	NM_052900.2	X	0	730	0	244	0	0	0	450	-1,301778006	0,31439293
ARAF	369	NM_001654.2	201895_at	0	0	730	1431,333333	0	0	0	1545,3	-1,301778006	0,31439293
LG4	55366	NM_018490.2	218326_s_at	923	1122	0	729,6666667	0	0	1418	0	-1,301440938	0,50059727
VAPA	9218	NM_003574.5	208780_x_at	0	729	0	1151,666667	0	0	0	0	-1,301330278	0,31441085
FAM172A	83989	NM_032042.3	221691_x_at	0	729	0	728,3333333	0	0	0	701,67	-1,301330278	0,31441085
EID3	493861	NM_001008394.1	X	729	0	0	0	0	0	0	0	-1,301330278	0,31441085
CCDC68	80323	NM_025214.1	220180_at	729	0	0	1844,666667	0	0	0	1700	-1,301330278	0,31441085
TTC24	164118	NM_001105669.1	X	0	0	728	208,3333333	0	0	0	0	-1,300881948	0,31442882

RPL10L	140801	NM_080746.2	217559_at	728	0	0	1580	0	0	0	1852,3	-1,300881948	0,31442882
TUBB1	81027	NM_030773.2	208601_s_at	728	0	0	0	0	0	0	0	-1,300881948	0,31442882
CNKS2R2	22866	NM_014927.2	X	728	0	0	1599,666667	0	0	0	1121,3	-1,300881948	0,31442882
ATL3	25923	NM_015459.3	X	280	174	975	505	1094	52	0	0	-1,300823502	0,33030669
ZFPM1	161882	NM_153813.2	X	625	0	1185	0	0	0	1020	0	-1,300446035	0,47977111
C16orf79	283870	NM_182563.2	X	0	727	0	257,6666667	0	0	0	561,67	-1,300433014	0,31444682
PGP	283871	NM_001042371.2	218410_s_at	0	727	0	0	0	0	0	0	-1,300433014	0,31444682
MMP26	56547	NM_021801.3	220541_at	727	0	0	0	0	0	0	0	-1,300433014	0,31444682
C10orf104	119504	NM_173473.2	X	998	1524	1652	1189,333333	1876	1838	0	1694,3	-1,300289342	0,40119882
EPX	8288	NM_000502.2	214627_at	726	0	0	0	0	0	0	0	-1,299983475	0,31446487
DSG3	1830	NM_001944.2	205595_at	726	0	0	572,6666667	0	0	0	799,67	-1,299983475	0,31446487
EMILIN1	11117	NM_007046.1	204163_at	0	0	726	0	0	0	0	0	-1,299983475	0,31446487
SLC25A31	83447	NM_031291.1	221037_s_at	0	726	0	0	0	0	0	1035,3	-1,299983475	0,31446487
FOXD1	2297	NM_004472.2	X	0	726	0	0	0	0	0	0	-1,299983475	0,31446487
TPD52	7163	NM_001025252.1	201688_s_at	726	0	0	0	0	0	0	0	-1,299983475	0,31446487
LANCL3	347404	NM_198511.1	X	726	0	0	232	0	0	0	0	-1,299983475	0,31446487
OR4D5	219875	NM_001001965.1	X	725	0	0	1321	0	0	0	1294,7	-1,299533328	0,31448295
AIG1	51390	NM_016108.2	216179_x_at	725	0	0	499,6666667	0	0	0	432,67	-1,299533328	0,31448295
FAM3A	60343	NM_021806.1	38043_at	725	0	0	533,3333333	0	0	0	744,67	-1,299533328	0,31448295
C8orf45	157777	NM_173518.3	X	0	725	0	2057,666667	0	0	0	1104	-1,299533328	0,31448295
CACNB4	785	NM_001005747.1	207693_at	0	0	724	0	0	0	0	570,67	-1,299082573	0,31450108
PHACTR3	116154	NM_080672.3	X	724	0	0	0	0	0	0	0	-1,299082573	0,31450108
EPHX2	2053	NM_001979.4	209368_at	724	0	0	0	0	0	0	0	-1,299082573	0,31450108
FIGF	2277	NM_004469.2	206742_at	724	0	0	0	0	0	0	0	-1,299082573	0,31450108
TBX10	347853	NM_005995.3	222377_at	723	0	0	1277,333333	0	0	0	1514	-1,298631208	0,31451926
RTN1	6252	NM_206852.1	203485_at	723	0	0	1089,333333	0	0	0	305,67	-1,298631208	0,31451926
CECR1	51816	NM_177405.1	219505_at	723	0	0	1193	0	0	0	794,33	-1,298631208	0,31451926
BMP6	654	NM_001718.4	206176_at	0	0	723	87,33333333	0	0	0	912,33	-1,298631208	0,31451926
MTMR11	10903	NM_181873.2	205076_s_at	0	723	0	0	0	0	0	0	-1,298631208	0,31451926
EXOSC10	5394	NM_002685.2	207541_s_at	1045	1601	2123	0	2359	0	2076	0	-1,298526681	0,41738664
KLHL4	56062	NM_019117.3	214591_at	0	0	722	0	0	0	0	0	-1,29817923	0,31453747
CCNJL	79616	NM_024565.5	219227_at	722	0	0	220,6666667	0	0	0	987	-1,29817923	0,31453747
PTPRU	10076	NM_133178.2	211320_s_at	721	0	0	101,3333333	0	0	0	0	-1,297726639	0,31455573

OR2M4	26245	NM_017504.1	X	721	0	0	0	0	0	0	0	0	-1,297726639	0,31455573
SIX3	6496	NM_005413.2	206634_at	721	0	0	0	0	0	0	0	0	-1,297726639	0,31455573
C1orf69	200205	NM_001010867.1	X	0	0	720	327,6666667	0	0	0	0	0	-1,297273433	0,31457403
MYOT	9499	NM_006790.1	219728_at	720	0	0	60,66666667	0	0	0	0	0	-1,297273433	0,31457403
FER	2241	NM_005246.2	206412_at	1256	0	801	0	0	0	1397	0	0	-1,297053669	0,50131252
PTPN1	5770	NM_002827.2	202716_at	977	1877	0	0	0	0	2543	0	0	-1,296693891	0,53950479
CCNYL1	151195	NM_152523.1	X	1250	1137	1453	0	1802	0	1597	0	0	-1,295171753	0,39399478
PTPRM	5797	NM_001105244.1	203329_at	0	0	715	1830,666667	0	0	0	820,67	0	-1,294998111	0,31466617
GPR12	2835	NM_005288.1	214558_at	0	0	711	675	0	0	0	533	0	-1,293166605	0,31474067
PCDH10	57575	NM_032961.1	X	710	0	0	0	0	0	0	0	0	-1,292707151	0,3147594
ANKLE2	23141	NM_015114.1	212200_at	726	876	0	453	896	0	0	0	0	-1,292583985	0,47091649
BCAR1	9564	NM_014567.2	X	709	0	0	114,6666667	0	0	0	0	0	-1,292247064	0,31477818
OR2B2	81697	NM_033057.1	216408_at	0	708	0	0	0	0	0	0	0	-1,29178634	0,314797
TBL1X	6907	NM_005647.2	201867_s_at	0	708	0	0	0	0	0	0	0	-1,29178634	0,314797
RCAN1	1827	NM_203418.1	208370_s_at	708	0	0	421	0	0	0	0	0	-1,29178634	0,314797
CYSLTR1	10800	NM_006639.2	216288_at	0	0	707	118	0	0	0	637,67	0	-1,291324979	0,31481587
KCNH8	131096	NM_144633.2	X	706	0	0	1403,333333	0	0	0	0	0	-1,290862979	0,31483478
SERPINB4	6318	NM_002974.2	209720_s_at	705	0	0	339	0	0	0	0	0	-1,290400337	0,31485374
VCY1B	353513	NM_181880.1	206922_at	0	705	0	0	0	0	0	0	0	-1,290400337	0,31485374
ABCA6	23460	NM_080284.2	217504_at	704	0	0	181	0	0	0	0	0	-1,289937052	0,31487275
HPX	3263	NM_000613.1	210013_at	0	0	704	0	0	0	0	992,67	0	-1,289937052	0,31487275
WDR64	128025	NM_144625.3	X	703	0	0	0	0	0	0	418	0	-1,289473123	0,3148918
HOXB7	3217	NM_004502.3	204779_s_at	703	0	0	1333,666667	0	0	0	0	0	-1,289473123	0,3148918
BMP5	653	NM_021073.2	205431_s_at	703	0	0	415,6666667	0	0	0	424	0	-1,289473123	0,3148918
AKR1CL2	83592	NM_001040177.1	X	702	0	0	1128	0	0	0	0	0	-1,289008546	0,31491089
OR4M2	390538	NM_001004719.1	X	702	0	0	0	0	0	0	0	0	-1,289008546	0,31491089
CDH11	1009	NM_001797.2	207173_x_at	702	0	0	2010	0	0	0	1104	0	-1,289008546	0,31491089
RHBDL3	162494	NM_138328.2	X	702	0	0	781,6666667	0	0	0	0	0	-1,289008546	0,31491089
TBC1D3G	654341	NM_001040282.2	209403_at	702	0	0	0	0	0	0	808,33	0	-1,289008546	0,31491089
EVI5L	115704	NM_145245.2	X	702	0	0	0	0	0	0	0	0	-1,289008546	0,31491089
ALPL2	251	NM_031313.2	216377_x_at	702	0	0	393,3333333	0	0	0	0	0	-1,289008546	0,31491089
TSHZ2	128553	NM_173485.4	220213_at	702	0	0	1861,666667	0	0	0	1039,3	0	-1,289008546	0,31491089
C4orf3	401152	NM_001001701.3	X	0	1539	1104	0	0	0	2412	320	0	-1,288772277	0,53742156

OR13C5	138799	NM_001004482.1	X	701	0	0	817,6666667	0	0	0	1460,3	-1,288543322	0,31493003
OR13C2	392376	NM_001004481.1	X	701	0	0	217,3333333	0	0	0	0	-1,288543322	0,31493003
RPA4	29935	NM_013347.2	221143_at	701	0	0	0	0	0	0	0	-1,288543322	0,31493003
PPAP2B	8613	NM_003713.3	212230_at	700	0	0	487,3333333	0	0	0	1384,3	-1,288077447	0,31494922
OPN5	221391	NM_181744.2	X	700	0	0	417	0	0	0	394,33	-1,288077447	0,31494922
SHH	6469	NM_000193.2	207586_at	700	0	0	0	0	0	0	0	-1,288077447	0,31494922
ANKRD5	63926	NM_022096.4	220144_s_at	0	700	0	1408	0	0	0	966,33	-1,288077447	0,31494922
C3orf17	25871	NM_015412.3	X	625	1149	1373	1237,3333333	1381	0	1021	841,33	-1,288055346	0,37052413
CHPT1	56994	NM_020244.2	221675_s_at	1185	1104	0	83	0	1864	0	0	-1,287907448	0,5215582
ASXL2	55252	NM_018263.4	218659_at	625	653	1066	949,6666667	669	931	0	1131	-1,287715827	0,33081719
SOX11	6664	NM_003108.3	204913_s_at	0	0	699	380,6666667	0	0	0	0	-1,28761092	0,31496845
RBMS1	5937	NM_002897.3	215127_s_at	0	699	0	478	0	0	0	454	-1,28761092	0,31496845
CYP3A7	1551	NM_000765.2	211843_x_at	0	0	699	0	0	0	0	0	-1,28761092	0,31496845
SORCS3	22986	NM_014978.1	215522_at	699	0	0	2994	0	0	0	1209	-1,28761092	0,31496845
NFE2	4778	NM_006163.1	209930_s_at	699	0	0	1034,3333333	0	0	0	768,33	-1,28761092	0,31496845
RNF17	56163	NM_031277.2	221033_s_at	699	0	0	0	0	0	0	0	-1,28761092	0,31496845
UGT2B4	7363	NM_021139.2	206505_at	699	0	0	0	0	0	0	0	-1,28761092	0,31496845
ALPK1	80216	NM_025144.3	X	699	0	0	0	0	0	0	533,33	-1,28761092	0,31496845
LAMA4	3910	NM_001105207.1	210990_s_at	699	0	0	445,3333333	0	0	0	317,33	-1,28761092	0,31496845
PPP3R2	5535	NM_147180.2	X	699	0	0	0	0	0	0	0	-1,28761092	0,31496845
TLR4	7099	NM_138554.2	221060_s_at	699	0	0	611,3333333	0	0	0	1452	-1,28761092	0,31496845
DUSP23	54935	NM_017823.3	X	698	0	0	0	0	0	0	0	-1,28714374	0,31498773
MGAT5	4249	NM_002410.3	212098_at	698	0	0	896,6666667	0	0	0	855	-1,28714374	0,31498773
KRTAP22-1	337979	NM_181620.1	X	698	0	0	0	0	0	0	0	-1,28714374	0,31498773
ISCA1L	389293	NM_001080540.1	X	698	0	0	724	0	0	0	0	-1,28714374	0,31498773
COL12A1	1303	NM_004370.5	X	698	0	0	0	0	0	0	0	-1,28714374	0,31498773
TBX22	50945	NM_016954.2	X	698	0	0	0	0	0	0	0	-1,28714374	0,31498773
KLHL35	283212	NM_001039548.1	215748_at	697	0	0	0	0	0	0	0	-1,286675903	0,31500705
SMAD9	4093	NM_005905.3	206320_s_at	0	697	0	276,3333333	0	0	0	0	-1,286675903	0,31500705
OR4K2	390431	NM_001005501.1	X	697	0	0	0	0	0	0	275,67	-1,286675903	0,31500705
IL1F6	27179	NM_014440.1	221404_at	697	0	0	0	0	0	0	0	-1,286675903	0,31500705
FN1	2335	NM_002026.2	216442_x_at	697	0	0	497	0	0	0	588,33	-1,286675903	0,31500705
DUSP15	128853	NM_001012644.1	X	0	0	697	0	0	0	0	0	-1,286675903	0,31500705

TLL9	164395	NM_001008409.2	X	0	0	697	0	0	0	0	265,33	-1,286675903	0,31500705
HTRA4	203100	NM_153692.2	X	697	0	0	604,6666667	0	0	0	348,33	-1,286675903	0,31500705
EFCAB1	79645	NM_024593.2	220156_at	0	0	697	0	0	0	0	239,33	-1,286675903	0,31500705
ASB11	140456	NM_080873.1	X	697	0	0	0	0	0	0	0	-1,286675903	0,31500705
PPIL1	51645	NM_016059.3	X	1363	1625	940	1679	1710	0	1743	1226,3	-1,286528901	0,3999614
VCAM1	7412	NM_080682.1	203868_s_at	696	0	0	440,3333333	0	0	0	0	-1,28620741	0,31502643
OR51E2	81285	NM_030774.2	221424_s_at	696	0	0	0	0	0	0	0	-1,28620741	0,31502643
NEUROD4	58158	NM_021191.2	221318_at	0	0	696	1148,333333	0	0	0	1418,7	-1,28620741	0,31502643
NRN1L	123904	NM_198443.1	X	696	0	0	0	0	0	0	0	-1,28620741	0,31502643
ZNF227	7770	NM_182490.1	217403_s_at	0	696	0	221	0	0	0	0	-1,28620741	0,31502643
KCNS3	3790	NM_002252.3	205968_at	696	0	0	0	0	0	0	0	-1,28620741	0,31502643
GHSR	2693	NM_198407.1	221360_s_at	696	0	0	0	0	0	0	0	-1,28620741	0,31502643
HHIP	64399	NM_022475.1	X	696	0	0	1213,666667	0	0	0	671,67	-1,28620741	0,31502643
MDGA1	266727	NM_153487.3	X	696	0	0	952,3333333	0	0	0	553,67	-1,28620741	0,31502643
CTTNBP2	83992	NM_033427.2	X	696	0	0	0	0	0	0	0	-1,28620741	0,31502643
B3GNT9	84752	NM_033309.2	X	0	1128	784	0	1271	0	0	0	-1,285810168	0,49756307
HSF4	3299	NM_001040667.1	220080_at	0	1128	784	277,6666667	1271	0	0	0	-1,285810168	0,49756307
PFN2	5217	NM_053024.3	204992_s_at	0	0	695	492,3333333	0	0	0	0	-1,285738256	0,31504585
CNTN5	53942	NM_175566.1	207452_s_at	695	0	0	0	0	0	0	1548,3	-1,285738256	0,31504585
KIAA0427	9811	NM_014772.1	204303_s_at	0	695	0	0	0	0	0	0	-1,285738256	0,31504585
IL1R2	7850	NM_173343.1	205403_at	695	0	0	1245,333333	0	0	0	1058,3	-1,285738256	0,31504585
HYAL1	3373	NM_153281.1	210619_s_at	0	1081	769	0	0	0	1196	0	-1,285526514	0,4934295
KCNQ2	3785	NM_172106.1	210508_s_at	694	0	0	0	0	0	0	0	-1,285268442	0,31506531
OR6V1	346517	NM_001001667.1	X	694	0	0	0	0	0	0	0	-1,285268442	0,31506531
OR52N4	390072	NM_001005175.1	X	693	0	0	2934,333333	0	0	0	3375,3	-1,284797964	0,31508483
ARNTL2	56938	NM_020183.3	220658_s_at	693	0	0	675	0	0	0	1328	-1,284797964	0,31508483
MGAT4C	25834	NM_013244.2	207447_s_at	693	0	0	432	0	0	0	497,67	-1,284797964	0,31508483
SLC7A8	23428	NM_182728.1	216092_s_at	693	0	0	0	0	0	0	0	-1,284797964	0,31508483
ACOT12	134526	NM_130767.1	X	693	0	0	1494	0	0	0	1315	-1,284797964	0,31508483
COQ2	27235	NM_015697.6	213379_at	0	0	693	2275,333333	0	0	0	1404,7	-1,284797964	0,31508483
CCL8	6355	NM_005623.2	214038_at	692	0	0	824,6666667	0	0	0	0	-1,284326822	0,31510439
SHC3	53358	NM_016848.3	222302_at	692	0	0	969	0	0	0	1255,3	-1,284326822	0,31510439
GABRG3	2567	NM_033223.3	216895_at	0	0	691	227,3333333	0	0	0	400,33	-1,283855012	0,315124

CASKIN1	57524	NM_020764.2	X	0	0	691	0	0	0	0	1093	-1,283855012	0,315124
ETV4	2118	NM_001079675.1	211603_s_at	0	0	691	1718,666667	0	0	0	1794,7	-1,283855012	0,315124
MFSD8	256471	NM_152778.1	X	0	691	0	0	0	0	0	414	-1,283855012	0,315124
PAK3	5063	NM_002578.2	214607_at	0	0	691	893,666667	0	0	0	886,33	-1,283855012	0,315124
CLRN3	119467	NM_152311.2	X	0	0	690	0	0	0	0	773,33	-1,283382534	0,31514365
PHLDB1	23187	NM_015157.1	212134_at	0	0	690	157	0	0	0	0	-1,283382534	0,31514365
PRPS1L1	221823	NM_175886.2	215486_at	690	0	0	1026	0	0	0	1076,7	-1,283382534	0,31514365
CCRK	23552	NM_178432.2	205271_s_at	690	0	0	876,666667	0	0	0	0	-1,283382534	0,31514365
GATA6	2627	NM_005257.3	210002_at	689	0	0	0	0	0	0	0	-1,282909385	0,31516336
ST3GAL5	8869	NM_001042437.1	203217_s_at	687	0	0	839	0	0	0	806	-1,281961068	0,31520291
FAM18B	51030	NM_016078.4	218446_s_at	625	615	1458	590,3333333	689	0	1187	0	-1,281891247	0,35228999
OR1A2	26189	NM_012352.1	221445_at	685	0	0	0	0	0	0	0	-1,281010045	0,31524266
HTR2B	3357	NM_000867.3	206638_at	684	0	0	377,3333333	0	0	0	0	-1,280533514	0,31526261
GOLGA7	51125	NM_001002296.1	217819_at	76	1247	117	0	1431	0	0	946,67	-1,280485889	0,43544708
GATA2	2624	NM_032638.3	209710_at	683	0	0	0	0	0	0	0	-1,280056301	0,31528261
TMEM182	130827	NM_144632.2	X	682	0	0	1584,666667	0	0	0	2223	-1,279578403	0,31530266
IL3	3562	NM_000588.3	207906_at	682	0	0	0	0	0	0	0	-1,279578403	0,31530266
FRS2	10818	NM_006654.3	221308_at	0	1052	1370	0	0	2110	0	0	-1,278828129	0,53173334
OR8U1	219417	NM_001005204.1	X	680	0	0	2661,333333	0	0	0	2944	-1,278620548	0,3153429
HNF1B	6928	NM_000458.2	205313_at	0	679	0	862	0	0	0	843,67	-1,278140586	0,31536309
FAM47A	158724	NM_203408.2	X	678	0	0	0	0	0	0	0	-1,277659933	0,31538334
FAM171A1	221061	NM_001010924.1	212771_at	0	677	0	1928	0	0	0	1441,7	-1,277178585	0,31540364
DGCR6L	85359	NM_033257.2	208024_s_at	0	0	675	263,666667	0	0	0	0	-1,276213799	0,31544438
ASAH1	427	NM_004315.3	213902_at	1322	1014	2036	0	0	2092	1926	0	-1,276193291	0,41704708
HERC1	8925	NM_003922.3	218306_s_at	0	1783	238	0	646	0	0	0	-1,275338554	0,46966289
DYRK2	8445	NM_003583.3	202968_s_at	1687	625	0	0	0	1570	0	351	-1,274879199	0,51731332
RGS4	5999	NM_001102445.1	204337_at	672	0	0	462,666667	0	0	0	0	-1,274761364	0,31550589
SIRT5	23408	NM_012241.2	221010_s_at	0	1574	1200	0	2797	0	0	0	-1,274552689	0,54952795
LCN1	3933	NM_002297.2	207930_at	671	0	0	625	0	0	0	416,67	-1,274275809	0,31552649
HEXIM1	10614	NM_006460.2	202814_s_at	1310	1334	2204	416,666667	192	388	1025	416,67	-1,274155723	0,07613863
OPN3	23596	NM_014322.2	206079_at	0	0	670	0	0	0	0	0	-1,273789546	0,31554715
CHRND	1144	NM_000751.1	207024_at	670	0	0	0	0	0	0	1523,3	-1,273789546	0,31554715
SLC25A38	54977	NM_017875.2	217961_at	682	300	896	0	727	379	0	0	-1,273383531	0,30849985

DMRT2	10655	NM_006557.4	X	668	0	0	297,6666667	0	0	0	1665	-1,272814886	0,31558862
OR8J1	219477	NM_001005205.1	X	0	0	668	0	0	0	0	0	-1,272814886	0,31558862
CFDP1	10428	NM_006324.2	210701_at	0	0	668	1092,666667	0	0	0	412	-1,272814886	0,31558862
FAM82A2	55177	NM_018145.1	218126_at	625	1263	1888	1114,666667	926	2411	0	934	-1,272238083	0,40510589
SEMA6A	57556	NM_020796.3	220454_s_at	666	0	0	638,3333333	0	0	0	0	-1,271837368	0,31563029
IL7	3574	NM_000880.2	206693_at	666	0	0	663,3333333	0	0	0	0	-1,271837368	0,31563029
THSD1	55901	NM_199263.1	219477_s_at	0	665	0	0	0	0	0	709,33	-1,271347532	0,31565121
RASSF10	644943	NM_001080521.1	X	665	0	0	262,6666667	0	0	0	809,33	-1,271347532	0,31565121
FAT4	79633	NM_024582.3	219427_at	665	0	0	1199	0	0	0	1143	-1,271347532	0,31565121
SLC26A2	1836	NM_000112.3	205097_at	665	0	0	1162	0	0	0	0	-1,271347532	0,31565121
ECM2	1842	NM_001393.2	206101_at	665	0	0	2552,666667	0	0	0	472,33	-1,271347532	0,31565121
FAM47B	170062	NM_152631.1	X	665	0	0	0	0	0	0	0	-1,271347532	0,31565121
CTNNA3	29119	NM_013266.1	220815_at	664	0	0	565,3333333	0	0	0	0	-1,270856975	0,31567219
TLR2	7097	NM_003264.3	204924_at	664	0	0	473	0	0	0	935,67	-1,270856975	0,31567219
CYB5RL	606495	NM_001031672.2	X	671	1111	0	0	1124	0	0	756,33	-1,270449424	0,49356689
TSPAN18	90139	NM_130783.3	X	663	0	0	1272,333333	0	0	0	982,67	-1,270365696	0,31569321
FAM181B	220382	NM_175885.3	X	663	0	0	2080,333333	0	0	0	2640	-1,270365696	0,31569321
B4GALT6	9331	NM_004775.2	206233_at	663	0	0	0	0	0	0	1368	-1,270365696	0,31569321
YPEL5	51646	NM_016061.1	217783_s_at	663	0	0	0	0	0	0	0	-1,270365696	0,31569321
IL1RL2	8808	NM_003854.2	208038_at	663	0	0	0	0	0	0	0	-1,270365696	0,31569321
WWTR1	25937	NM_015472.3	202132_at	0	663	0	1608,666667	0	0	0	1548,7	-1,270365696	0,31569321
PF4	5196	NM_002619.1	206390_x_at	663	0	0	850,3333333	0	0	0	1005	-1,270365696	0,31569321
PPBP	5473	NM_002704.2	214146_s_at	663	0	0	0	0	0	0	0	-1,270365696	0,31569321
C6orf136	221545	NM_001109938.1	X	0	0	663	1471,666667	0	0	0	1268	-1,270365696	0,31569321
ANXA13	312	NM_001003954.1	208323_s_at	0	663	0	0	0	0	0	517	-1,270365696	0,31569321
BEX5	340542	NM_001012978.1	X	663	0	0	614,6666667	0	0	0	716	-1,270365696	0,31569321
TCEAL3	85012	NM_001006933.1	X	0	0	663	0	0	0	0	1993,7	-1,270365696	0,31569321
CLDN1	9076	NM_021101.3	218182_s_at	0	662	0	208,3333333	0	0	0	0	-1,269873691	0,31571429
COL8A2	1296	NM_005202.1	221900_at	662	0	0	0	0	0	0	703	-1,269873691	0,31571429
C1orf116	79098	NM_023938.5	219476_at	662	0	0	1851,666667	0	0	0	1138	-1,269873691	0,31571429
PVRL1	5818	NM_203285.1	211845_at	662	0	0	617,3333333	0	0	0	841,33	-1,269873691	0,31571429
DBX2	440097	NM_001004329.2	X	662	0	0	0	0	0	0	903,67	-1,269873691	0,31571429
GOLGA2L1	55592	NM_017600.1	219876_s_at	662	0	0	0	0	0	0	0	-1,269873691	0,31571429

ARG2	384	NM_001172.3	203945_at	662	0	0	1456	0	0	0	1358,3	-1,269873691	0,31571429
DHRS7C	201140	NM_001105571.1	X	662	0	0	0	0	0	0	0	-1,269873691	0,31571429
VN1R4	317703	NM_173857.2	X	662	0	0	1343	0	0	0	0	-1,269873691	0,31571429
TMEM17	200728	NM_198276.1	X	662	0	0	450	0	0	0	0	-1,269873691	0,31571429
HOXD11	3237	NM_021192.2	X	662	0	0	0	0	0	0	0	-1,269873691	0,31571429
RAMP1	10267	NM_005855.2	204916_at	662	0	0	0	0	0	0	0	-1,269873691	0,31571429
NEU4	129807	NM_080741.1	X	662	0	0	534,3333333	0	0	0	0	-1,269873691	0,31571429
BPI	671	NM_001725.2	205557_at	662	0	0	1145,666667	0	0	0	1045,3	-1,269873691	0,31571429
ATP13A4	84239	NM_032279.2	X	662	0	0	0	0	0	0	0	-1,269873691	0,31571429
LG12	55203	NM_018176.2	219699_at	662	0	0	769,3333333	0	0	0	310,67	-1,269873691	0,31571429
TRPC3	7222	NM_003305.1	206425_s_at	662	0	0	410	0	0	0	0	-1,269873691	0,31571429
PDZD2	23037	NM_178140.2	209493_at	662	0	0	482,6666667	0	0	0	0	-1,269873691	0,31571429
ANKRD43	134548	NM_175873.4	X	662	0	0	307,6666667	0	0	0	741	-1,269873691	0,31571429
OR10C1	442194	NM_013941.2	221339_at	662	0	0	0	0	0	0	0	-1,269873691	0,31571429
TDRD6	221400	NM_001010870.1	X	662	0	0	19,33333333	0	0	0	0	-1,269873691	0,31571429
NPTX2	4885	NM_002523.1	213479_at	662	0	0	0	0	0	0	884,33	-1,269873691	0,31571429
FGL1	2267	NM_004467.3	205305_at	662	0	0	0	0	0	0	450,33	-1,269873691	0,31571429
PRRX2	51450	NM_016307.3	219729_at	662	0	0	0	0	0	0	0	-1,269873691	0,31571429
PPP2R3B	28227	NM_013239.3	219264_s_at	662	0	0	358	0	0	0	462,33	-1,269873691	0,31571429
CSN2	1447	NM_001891.1	207951_at	0	0	661	358	0	0	0	462,33	-1,269380958	0,31573542
NMI	9111	NM_004688.1	203964_at	0	661	0	937,3333333	0	0	0	1155,3	-1,269380958	0,31573542
PASK	23178	NM_015148.2	216945_x_at	0	661	0	1211	0	0	0	1769,3	-1,269380958	0,31573542
GNAI1	2770	NM_002069.5	209576_at	0	661	0	354	0	0	0	349,67	-1,269380958	0,31573542
TMCO2	127391	NM_001008740.2	X	661	0	0	0	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542
MRC1	4360	NM_002438.2	204438_at	661	0	0	0	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542
ANKRD30A	91074	NM_052997.2	X	661	0	0	0	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542
FAM13C	220965	NM_198215.2	214914_at	661	0	0	328,6666667	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542
MYOZ1	58529	NM_021245.2	219509_at	661	0	0	297,6666667	0	0	0	1670,7	-1,269380958	0,31573542
SHOC2	8036	NM_007373.2	202777_at	661	0	0	0	0	0	0	625,33	-1,269380958	0,31573542
HMX2	3167	NM_005519.1	X	661	0	0	244,3333333	0	0	0	223,33	-1,269380958	0,31573542
FIBIN	387758	NM_203371.1	X	661	0	0	2330,333333	0	0	0	1329,3	-1,269380958	0,31573542
BLID	414899	NM_001001786.1	X	661	0	0	0	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542
C13orf30	144809	NM_182508.1	X	661	0	0	338,6666667	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542

ENOX1	55068	NM_017993.1	219501_at	661	0	0	498,6666667	0	0	0	971,33	-1,269380958	0,31573542
MRPL28	10573	NM_006428.3	204599_s_at	661	0	0	0	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542
KRT24	192666	NM_019016.1	220267_at	661	0	0	365,6666667	0	0	0	411,67	-1,269380958	0,31573542
OR7A5	26659	NM_017506.1	208285_at	661	0	0	328,3333333	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542
HPN	3249	NM_002151.1	205508_at	661	0	0	1100	0	0	0	1670,3	-1,269380958	0,31573542
SEMA4C	54910	NM_017789.4	46665_at	661	0	0	2591,3333333	0	0	0	2492,3	-1,269380958	0,31573542
RAB6C	84084	NM_032144.2	210406_s_at	661	0	0	818	0	0	0	89,333	-1,269380958	0,31573542
MBD5	55777	NM_018328.3	X	661	0	0	0	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542
KIF5C	3800	NM_004522.1	203130_s_at	661	0	0	804	0	0	0	505	-1,269380958	0,31573542
HOXD1	3231	NM_024501.1	205975_s_at	661	0	0	315,3333333	0	0	0	422	-1,269380958	0,31573542
CST11	140880	NM_130794.1	X	661	0	0	655	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542
NRIP1	8204	NM_003489.2	202599_s_at	661	0	0	682	0	0	0	1226,3	-1,269380958	0,31573542
KRTAP13-3	337960	NM_181622.1	X	661	0	0	613,3333333	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542
KRTAP15-1	254950	NM_181623.1	X	661	0	0	0	0	0	0	342	-1,269380958	0,31573542
WNT7A	7476	NM_004625.3	210248_at	661	0	0	750,6666667	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542
ZBBX	79740	NM_024687.2	220269_at	661	0	0	0	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542
CSN3	1448	NM_005212.2	207803_s_at	661	0	0	382,3333333	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542
CTGF	1490	NM_001901.2	209101_at	661	0	0	902,3333333	0	0	0	1268	-1,269380958	0,31573542
AKAP12	9590	NM_144497.1	210517_s_at	661	0	0	119	0	0	0	1349,3	-1,269380958	0,31573542
CFTR	1080	NM_000492.3	215702_s_at	661	0	0	292,3333333	0	0	0	509,33	-1,269380958	0,31573542
ST18	9705	NM_014682.1	206135_at	661	0	0	0	0	0	0	510	-1,269380958	0,31573542
ANGPT1	284	NM_001146.3	205608_s_at	661	0	0	0	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542
GPR21	2844	NM_005294.1	221294_at	661	0	0	0	0	0	0	0	-1,269380958	0,31573542
PIR	8544	NM_003662.2	207469_s_at	661	0	0	0	0	0	0	572	-1,269380958	0,31573542
BMX	660	NM_203281.2	206464_at	661	0	0	805	0	0	0	1357,7	-1,269380958	0,31573542
ZDHHC3	51304	NM_016598.1	218077_s_at	971	1239	1689	650	1525	2011	0	1021,7	-1,269025734	0,40764543
GRIK3	2899	NM_000831.2	207454_at	660	0	0	0	0	0	0	142,33	-1,268887497	0,31575661
OR52B2	255725	NM_001004052.1	X	660	0	0	686,6666667	0	0	0	1124,7	-1,268887497	0,31575661
FZD4	8322	NM_012193.2	218665_at	660	0	0	567,3333333	0	0	0	0	-1,268887497	0,31575661
TTC36	143941	NM_001080441.1	X	660	0	0	2402	0	0	0	1094,7	-1,268887497	0,31575661
TMEM25	84866	NM_032780.2	X	660	0	0	776,3333333	0	0	0	1356	-1,268887497	0,31575661
SLC12A1	6557	NM_000338.2	220281_at	660	0	0	0	0	0	0	661,33	-1,268887497	0,31575661
HLF	3131	NM_002126.4	204753_s_at	660	0	0	328	0	0	0	0	-1,268887497	0,31575661

TNNT1	7138	NM_003283.3	213201_s_at	660	0	0	482	0	0	0	550,67	-1,268887497	0,31575661
TNNI3	7137	NM_000363.4	205742_at	660	0	0	1263,666667	0	0	0	1270,3	-1,268887497	0,31575661
TFAP2C	7022	NM_003222.3	205286_at	660	0	0	1150,666667	0	0	0	1466,7	-1,268887497	0,31575661
ADAMTS19	171019	NM_133638.3	X	0	660	0	2112	0	0	0	985,67	-1,268887497	0,31575661
TAS2R16	50833	NM_016945.2	221444_at	0	660	0	487,3333333	0	0	0	1453	-1,268887497	0,31575661
PRUNE2	158471	NM_138818.2	212806_at	660	0	0	0	0	0	0	0	-1,268887497	0,31575661
SUSD1	64420	NM_022486.3	X	660	0	0	381,6666667	0	0	0	0	-1,268887497	0,31575661
PAGE1	8712	NM_003785.3	206897_at	660	0	0	551,6666667	0	0	0	716,67	-1,268887497	0,31575661
PCDH11X	27328	NM_032967.1	210292_s_at	660	0	0	0	0	0	0	0	-1,268887497	0,31575661
ENOX2	10495	NM_182314.1	32042_at	660	0	0	485,3333333	0	0	0	1221,3	-1,268887497	0,31575661
GYLTL1B	120071	NM_152312.3	X	660	1086	1159	371,6666667	1159	1087	0	939	-1,268584879	0,36933609
DCST2	127579	NM_144622.2	X	659	0	0	846	0	0	0	908,33	-1,268393303	0,31577785
DCST1	149095	NM_152494.1	X	659	0	0	0	0	0	0	0	-1,268393303	0,31577785
HS6ST3	266722	NM_153456.2	X	659	0	0	1300,666667	0	0	0	1258	-1,268393303	0,31577785
OR4N2	390429	NM_001004723.1	X	659	0	0	0	0	0	0	0	-1,268393303	0,31577785
CEACAM6	4680	NM_002483.3	211657_at	659	0	0	346,3333333	0	0	0	0	-1,268393303	0,31577785
ZNF621	285268	NM_198484.3	X	659	0	0	346,3333333	0	0	0	0	-1,268393303	0,31577785
FGFBP2	83888	NM_031950.2	X	659	0	0	0	0	0	0	0	-1,268393303	0,31577785
FAM149A	25854	NM_015398.2	214889_at	659	0	0	0	0	0	0	0	-1,268393303	0,31577785
DDO	8528	NM_003649.2	222134_at	659	0	0	52,66666667	0	0	0	372,67	-1,268393303	0,31577785
TSPAN15	23555	NM_012339.3	218693_at	658	0	0	690	0	0	0	0	-1,267898376	0,31579915
ZNF536	9745	NM_014717.1	206403_at	658	0	0	0	0	0	0	0	-1,267898376	0,31579915
LOC153328	153328	NM_145282.2	X	658	0	0	257,6666667	0	0	0	1109,7	-1,267898376	0,31579915
MAPK9	5601	NM_139070.1	203218_at	658	0	0	907	0	0	0	806	-1,267898376	0,31579915
OAT	4942	NM_000274.1	201599_at	657	0	0	0	0	0	0	0	-1,267402713	0,3158205
SCNN1B	6338	NM_000336.2	205464_at	0	0	657	841,3333333	0	0	0	1363,7	-1,267402713	0,3158205
XYLB	9942	NM_005108.2	208318_s_at	657	0	0	0	0	0	0	117,33	-1,267402713	0,3158205
KBTBD10	10324	NM_006063.2	219106_s_at	656	0	0	0	0	0	0	117,33	-1,266906312	0,3158419
CHRNA9	55584	NM_017581.2	221107_at	656	0	0	0	0	0	0	431,33	-1,266906312	0,3158419
CTNND2	1501	NM_001332.2	209618_at	656	0	0	0	0	0	0	0	-1,266906312	0,3158419
SULF1	23213	NM_015170.1	212354_at	656	0	0	0	0	0	0	380,33	-1,266906312	0,3158419
MS4A7	58475	NM_021201.4	X	655	0	0	0	0	0	0	386	-1,26640917	0,31586336
DUSP18	150290	NM_152511.3	X	655	0	0	328,6666667	0	0	0	1032	-1,26640917	0,31586336

COL24A1	255631	NM_152890.5	X	654	0	0	0	0	0	0	0	-1,265911286	0,31588488
LOC646498	646498	NM_001080528.1	X	653	0	0	0	0	0	0	409	-1,265412657	0,31590645
KLF3	51274	NM_016531.5	219657_s_at	0	652	0	187,33333333	0	0	0	580,33	-1,264913282	0,31592808
NPSR1	387129	NM_207173.1	X	652	0	0	0	0	0	0	0	-1,264913282	0,31592808
LCE1D	353134	NM_178352.2	X	651	0	0	270	0	0	0	884	-1,264413156	0,31594977
NTHL1	4913	NM_002528.5	209731_at	0	1683	750	294	1936	0	0	0	-1,264311553	0,53200318
HOXD4	3233	NM_014621.2	X	650	0	0	70,333333333	0	0	0	0	-1,26391228	0,31597151
ACMSD	130013	NM_138326.2	X	0	0	649	0	0	0	0	0	-1,263410649	0,3159933
OR51T1	401665	NM_001004759.1	X	0	649	0	0	0	0	0	0	-1,263410649	0,3159933
SCGB2A2	4250	NM_002411.2	206378_at	649	0	0	245,6666667	0	0	0	0	-1,263410649	0,3159933
HIP1R	9026	NM_003959.1	209558_s_at	946	329	0	0	0	0	483	0	-1,263321929	0,43682666
ZNF654	55279	NM_018293.2	219239_s_at	648	0	0	617,33333333	0	0	0	783	-1,262908263	0,31601516
CHEK2	11200	NM_001005735.1	210416_s_at	999	0	1829	388	2808	0	0	0	-1,262581653	0,55358087
UGT2A2	574537	NM_001105677.1	X	0	0	644	370,6666667	0	0	0	0	-1,260891111	0,31610315
XKR6	286046	NM_173683.3	X	1037	986	0	750	0	1583	0	1760	-1,260881615	0,51801449
OR10G8	219869	NM_001004464.1	X	643	0	0	0	0	0	0	501,67	-1,26038491	0,31612529
PIM2	11040	NM_006875.2	204269_at	2311	3722	4407	329	635	720	1822	344	-1,259853059	0,05431306
GNPDA1	10007	NM_005471.3	202382_s_at	0	0	640	261	0	0	0	0	-1,258861678	0,31619207
RAD54B	25788	NM_012415.2	220549_at	0	975	1283	528,33333333	1955	0	0	0	-1,257481939	0,53249327
TMEM87B	84910	NM_032824.1	X	637	0	0	0	0	0	0	0	-1,257331454	0,31625938
RPL31	6160	NM_001098577.2	200963_x_at	1381	1559	1008	296,6666667	1615	0	2101	0	-1,257189397	0,41520717
FAM127C	441518	NM_001078173.1	X	0	0	635	0	0	0	0	0	-1,256307387	0,31630456
TSC2	7249	NM_000548.3	215735_s_at	0	1406	750	0	1659	0	0	502,67	-1,25599017	0,52364359
LRP6	4040	NM_002336.2	34697_at	0	0	633	535,6666667	0	0	0	0	-1,255280165	0,31634997
CPOX	1371	NM_000097.4	204172_at	660	0	1738	101	1816	0	0	0	-1,254376277	0,53153237
AIFM2	84883	NM_032797.4	X	0	0	631	0	0	0	0	1093	-1,254249768	0,31639563
CNTD1	124817	NM_173478.1	X	0	1014	1121	749	0	0	1802	1743,3	-1,252873022	0,52837988
SMAD1	4086	NM_001003688.1	210993_s_at	936	2431	0	1082,3333333	0	0	3602	1646	-1,252757649	0,57125756
FZD5	7855	NM_003468.3	221245_s_at	0	0	628	0	0	0	0	513,33	-1,252698174	0,31646458
C11orf72	283135	NM_173578.1	X	921	1238	0	208,33333333	1814	0	0	0	-1,251778861	0,52933732
HMGCL	3155	NM_000191.2	202772_at	625	625	625	0	625	625	0	0	-1,251139325	0,31653409
CHD5	26038	NM_015557.1	217250_s_at	625	0	0	0	0	0	0	329	-1,251139325	0,31653409
CELA2B	51032	NM_015849.2	206446_s_at	625	0	0	288,33333333	0	0	0	1087	-1,251139325	0,31653409

RSC1A1	6248	NM_006511.1	214583_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
AGBL4	84871	NM_032785.2	219670_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
HOOK1	51361	NM_015888.4	219976_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
CHIA	27159	NM_021797.2	220630_s_at	625	0	0	1237,333333	0	0	0	241,33	-1,251139325	0,31653409
TCHHL1	126637	NM_001008536.1	X	625	0	0	663	0	0	0	1146	-1,251139325	0,31653409
IVL	3713	NM_005547.2	214599_at	625	0	0	462,333333	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
TBX19	9095	NM_005149.1	206838_at	625	0	0	0	0	0	0	961	-1,251139325	0,31653409
DPT	1805	NM_001937.3	213068_at	625	0	0	2883,333333	0	0	0	2186	-1,251139325	0,31653409
DNM3	26052	NM_015569.2	209839_at	625	0	0	111	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
ABL2	27	NM_005158.3	206411_s_at	625	0	0	0	0	0	0	1064,3	-1,251139325	0,31653409
FAM5C	339479	NM_199051.1	217562_at	625	0	0	1023,666667	0	0	0	1125	-1,251139325	0,31653409
IGFN1	91156	NM_178275.4	X	625	0	0	554	0	0	0	1499	-1,251139325	0,31653409
LAD1	3898	NM_005558.3	216641_s_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
TNNI1	7135	NM_003281.3	205177_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
GPR37L1	9283	NM_004767.3	207055_at	625	0	0	169,666667	0	0	0	359	-1,251139325	0,31653409
IL20	50604	NM_018724.3	X	625	0	0	1152,333333	0	0	0	580	-1,251139325	0,31653409
MOSC1	64757	NM_022746.2	218865_at	625	0	0	1858	0	0	0	1068	-1,251139325	0,31653409
CAPN2	824	NM_001748.4	208683_at	625	0	0	1751,666667	0	0	0	1361,3	-1,251139325	0,31653409
RHOU	58480	NM_021205.4	X	625	0	0	2086	0	0	0	1459,3	-1,251139325	0,31653409
DISC1	27185	NM_001012957.1	206090_s_at	625	0	0	729,666667	0	0	0	505,33	-1,251139325	0,31653409
VN1R5	317705	NM_173858.1	X	625	0	0	992,333333	0	0	0	1834,3	-1,251139325	0,31653409
OR2G3	81469	NM_001001914.1	X	625	0	0	302,666667	0	0	0	515,33	-1,251139325	0,31653409
OR1C1	26188	NM_012353.2	X	625	0	0	0	0	0	0	1201	-1,251139325	0,31653409
LARP4B	23185	NM_015155.1	208954_s_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
CXCL12	6387	NM_000609.4	203666_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
MARCH8	220972	NM_001002266.1	X	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
SYNPO2L	79933	NM_024875.2	219804_at	625	0	0	777,666667	0	0	0	1474	-1,251139325	0,31653409
PLAU	5328	NM_002658.2	205479_s_at	625	0	0	68,333333	0	0	0	1914,3	-1,251139325	0,31653409
SFTPD	6441	NM_003019.4	214199_at	625	0	0	480	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
TLL2	7093	NM_012465.2	215843_s_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
SORCS1	114815	NM_052918.3	X	625	0	0	1252,333333	0	0	0	1938,3	-1,251139325	0,31653409
TECTB	6975	NM_058222.1	X	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
CPXM2	119587	NM_198148.1	X	625	0	0	569	0	0	0	1188,3	-1,251139325	0,31653409

OR51D1	390038	NM_001004751.1	X	625	0	0	0	0	0	0	536,67	-1,251139325	0,31653409
SLC5A12	159963	NM_178498.3	214389_at	625	0	0	2426,666667	0	0	0	1520	-1,251139325	0,31653409
KCNA4	3739	NM_002233.2	207248_at	625	0	0	697,6666667	0	0	0	1533,3	-1,251139325	0,31653409
CRY2	1408	NM_021117.2	212695_at	625	0	0	46	0	0	0	801,33	-1,251139325	0,31653409
OR8H1	219469	NM_001005199.1	X	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
OR5M8	219484	NM_001005282.1	X	625	0	0	88	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
TCN1	6947	NM_001062.3	205513_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
SLC22A12	116085	NM_144585.2	X	625	0	0	772,3333333	0	0	0	1195	-1,251139325	0,31653409
LRP5	4041	NM_002335.2	209468_at	625	0	0	1413	0	0	0	1962,7	-1,251139325	0,31653409
KRTAP5-10	387273	NM_001012710.1	X	625	0	0	2821,666667	0	0	0	2383,7	-1,251139325	0,31653409
ODZ4	26011	NM_001098816.1	215574_at	625	0	0	219	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
ME3	10873	NM_006680.2	204663_at	625	0	0	1249	0	0	0	832,33	-1,251139325	0,31653409
UBTFL2	120126	NM_001101321.1	X	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
GPR83	10888	NM_016540.2	X	625	0	0	208,3333333	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
MMP1	4312	NM_002421.2	204475_at	625	0	0	599,6666667	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
ATM	472	NM_138292.3	212672_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
KDELC2	143888	NM_153705.4	X	625	0	0	453	0	0	0	915	-1,251139325	0,31653409
C11orf87	399947	NM_207645.2	X	625	0	0	1542	0	0	0	1592,3	-1,251139325	0,31653409
C11orf53	341032	NM_198498.1	X	625	0	0	790,6666667	0	0	0	1330,7	-1,251139325	0,31653409
ROBO4	54538	NM_019055.4	220758_s_at	625	0	0	375,3333333	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
B3GAT1	27087	NM_054025.2	219521_at	625	0	0	2126	0	0	0	1412,7	-1,251139325	0,31653409
TSPAN9	10867	NM_006675.3	220968_s_at	625	0	0	474	0	0	0	860,33	-1,251139325	0,31653409
NTF3	4908	NM_002527.4	206706_at	625	0	0	1131	0	0	0	248	-1,251139325	0,31653409
PHC1	1911	NM_004426.2	218338_at	625	0	0	1677,666667	0	0	0	718,67	-1,251139325	0,31653409
TAS2R10	50839	NM_023921.1	221397_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
PLCZ1	89869	NM_033123.2	X	625	0	0	425	0	0	0	826,33	-1,251139325	0,31653409
AQP5	362	NM_001651.1	213611_at	625	0	0	1749,333333	0	0	0	981	-1,251139325	0,31653409
KRT1	3848	NM_006121.3	205900_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
OR6C1	390321	NM_001005182.1	X	625	0	0	270,6666667	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
PTPRB	5787	NM_001109754.1	217177_s_at	625	0	0	543	0	0	0	2082,7	-1,251139325	0,31653409
RASSF9	9182	NM_005447.3	210335_at	625	0	0	677	0	0	0	563,33	-1,251139325	0,31653409
PLEKHG7	440107	NM_001004330.1	X	625	0	0	691,3333333	0	0	0	1648,3	-1,251139325	0,31653409
LHX5	64211	NM_022363.2	208333_at	625	0	0	0	0	0	0	17,333	-1,251139325	0,31653409

WSB2	55884	NM_018639.3	201760_s_at	625	0	0	0	0	0	0	292	-1,251139325	0,31653409
CDX2	1045	NM_001265.2	206387_at	625	0	0	863	0	0	0	1256	-1,251139325	0,31653409
CCNA1	8900	NM_003914.2	205899_at	625	0	0	0	0	0	0	485,67	-1,251139325	0,31653409
MLNR	2862	NM_001507.1	221365_at	625	0	0	0	0	0	0	417,67	-1,251139325	0,31653409
RNASE2	6036	NM_002934.2	206111_at	625	0	0	1687	0	0	0	591,67	-1,251139325	0,31653409
SSTR1	6751	NM_001049.2	208482_at	625	0	0	267,6666667	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
RDH12	145226	NM_152443.1	X	625	0	0	697	0	0	0	425,67	-1,251139325	0,31653409
VASH1	22846	NM_014909.3	203940_s_at	625	0	0	888,3333333	0	0	0	1273,3	-1,251139325	0,31653409
NRXN3	9369	NM_001105250.1	215021_s_at	625	0	0	548,3333333	0	0	0	1186,7	-1,251139325	0,31653409
GSC	145258	NM_173849.2	X	625	0	0	136,6666667	0	0	0	1869,7	-1,251139325	0,31653409
C14orf129	51527	NM_016472.3	X	625	0	0	849,3333333	0	0	0	1523	-1,251139325	0,31653409
DUOX1	53905	NM_175940.1	219597_s_at	625	0	0	0	0	0	0	231,33	-1,251139325	0,31653409
PYGO1	26108	NM_015617.1	215517_at	625	0	0	1596,333333	0	0	0	1471,3	-1,251139325	0,31653409
RASGRF1	5923	NM_002891.3	210550_s_at	625	0	0	1305,666667	0	0	0	1239,3	-1,251139325	0,31653409
ZSCAN2	54993	NM_181877.3	220516_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
OR4F4	26682	NM_001004195.2	X	625	0	0	424,3333333	0	0	0	333	-1,251139325	0,31653409
MKL2	57496	NM_014048.3	218259_at	625	0	0	0	0	0	0	220,67	-1,251139325	0,31653409
MYH11	4629	NM_022844.2	201496_x_at	625	0	0	208,3333333	0	0	0	4	-1,251139325	0,31653409
CES7	221223	NM_145024.1	X	625	0	0	1444	0	0	0	1718,7	-1,251139325	0,31653409
MT1B	4490	NM_005947.2	X	625	0	0	1603,666667	0	0	0	787,33	-1,251139325	0,31653409
MT1F	4494	NM_005949.2	217165_x_at	625	0	0	303,6666667	0	0	0	1449,7	-1,251139325	0,31653409
FOXF1	2294	NM_001451.2	205935_at	625	0	0	1110,333333	0	0	0	482,33	-1,251139325	0,31653409
TEKT1	83659	NM_053285.1	X	625	0	0	1904	0	0	0	228,67	-1,251139325	0,31653409
TBC1D28	254272	NM_001039397.2	X	625	0	0	1441	0	0	0	1522,3	-1,251139325	0,31653409
CCL13	6357	NM_005408.2	206407_s_at	625	0	0	288,3333333	0	0	0	1021,7	-1,251139325	0,31653409
TBC1D3F	84218	NM_032258.1	209403_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
GJD3	125111	NM_152219.3	X	625	0	0	0	0	0	0	474,33	-1,251139325	0,31653409
IGFBP4	3487	NM_001552.2	201508_at	625	0	0	1750,666667	0	0	0	2296	-1,251139325	0,31653409
KIAA1267	284058	NM_015443.2	X	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
PRAC	84366	NM_032391.2	X	625	0	0	105,6666667	0	0	0	408,67	-1,251139325	0,31653409
KCNH6	81033	NM_173092.1	211045_s_at	625	0	0	0	0	0	0	508	-1,251139325	0,31653409
KIAA0195	9772	NM_014738.4	202650_s_at	625	0	0	1321,666667	0	0	0	1221	-1,251139325	0,31653409
DCXR	51181	NM_016286.2	217973_at	625	0	0	1064	0	0	0	52,667	-1,251139325	0,31653409

SLMO1	10650	NM_006553.2	206273_at	625	0	0	608,3333333	0	0	0	1195,7	-1,251139325	0,31653409
ANKRD29	147463	NM_173505.2	X	625	0	0	551,3333333	0	0	0	861,33	-1,251139325	0,31653409
ST8SIA5	29906	NM_013305.4	206258_at	625	0	0	1008,666667	0	0	0	988,33	-1,251139325	0,31653409
CPLX4	339302	NM_181654.2	X	625	0	0	852	0	0	0	601,67	-1,251139325	0,31653409
RNF152	220441	NM_173557.2	X	625	0	0	509	0	0	0	1214	-1,251139325	0,31653409
SERPINB2	5055	NM_002575.1	204614_at	625	0	0	660,6666667	0	0	0	1219	-1,251139325	0,31653409
MYO1F	4542	NM_012335.2	213733_at	625	0	0	1304,666667	0	0	0	1218,3	-1,251139325	0,31653409
MAP1S	55201	NM_018174.4	218522_s_at	625	0	0	40,66666667	0	0	0	764,67	-1,251139325	0,31653409
ZNF85	7639	NM_003429.2	206572_x_at	625	0	0	2712,666667	0	0	0	3288,3	-1,251139325	0,31653409
SBSN	374897	NM_198538.1	X	625	0	0	1780	0	0	0	913,33	-1,251139325	0,31653409
GAPDHS	26330	NM_014364.4	207116_s_at	625	0	0	449,3333333	0	0	0	1672	-1,251139325	0,31653409
C19orf47	126526	NM_178830.2	X	625	0	0	626	0	0	0	368,67	-1,251139325	0,31653409
PLD3	23646	NM_012268.1	201050_at	625	0	0	1653,666667	0	0	0	229	-1,251139325	0,31653409
ZNF582	147948	NM_144690.1	X	625	0	0	608,3333333	0	0	0	1195,7	-1,251139325	0,31653409
ZIM2	23619	NM_015363.3	209242_at	625	0	0	208,3333333	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
PEG3	5178	NM_006210.1	209243_s_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
ZNF772	400720	NM_001024596.1	X	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
ZSCAN4	201516	NM_152677.1	X	625	0	0	259	0	0	0	704	-1,251139325	0,31653409
C19orf18	147685	NM_152474.3	X	625	0	0	1331	0	0	0	1872	-1,251139325	0,31653409
ZSCAN1	284312	NM_182572.3	X	625	0	0	4444	0	0	0	2988,3	-1,251139325	0,31653409
RDH14	57665	NM_020905.2	222203_s_at	625	0	0	1258	0	0	0	737,67	-1,251139325	0,31653409
C2orf16	84226	NM_032266.3	X	625	0	0	1713	0	0	0	2167,3	-1,251139325	0,31653409
CYP1B1	1545	NM_000104.2	202436_s_at	625	0	0	4748,333333	0	0	0	3080,7	-1,251139325	0,31653409
C2orf61	285051	NM_173649.1	X	625	0	0	1572	0	0	0	840,67	-1,251139325	0,31653409
SLC4A5	57835	NM_133478.2	221723_s_at	625	0	0	285,3333333	0	0	0	687,67	-1,251139325	0,31653409
DPP10	57628	NM_001004360.2	X	625	0	0	325,3333333	0	0	0	2415	-1,251139325	0,31653409
NXP2	11249	NM_007226.1	X	625	0	0	479,3333333	0	0	0	1642	-1,251139325	0,31653409
ACVR2A	92	NM_001616.3	205327_s_at	625	0	0	281,6666667	0	0	0	442,67	-1,251139325	0,31653409
COBLL1	22837	NM_014900.3	203641_s_at	625	0	0	1439,666667	0	0	0	262,67	-1,251139325	0,31653409
G6PC2	57818	NM_021176.2	221453_at	625	0	0	5174,666667	0	0	0	2391,7	-1,251139325	0,31653409
PDE11A	50940	NM_016953.3	221110_x_at	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
PDE1A	5136	NM_005019.3	208396_s_at	625	0	0	2106,333333	0	0	0	1665,7	-1,251139325	0,31653409
DIRC1	116093	NM_052952.1	X	625	0	0	1805,666667	0	0	0	3399,7	-1,251139325	0,31653409

C2orf66	401027	NM_213608.1	X	625	0	0	1518,666667	0	0	0	1551,7	-1,251139325	0,31653409
ACADL	33	NM_001608.2	206068_s_at	625	0	0	474,6666667	0	0	0	936,67	-1,251139325	0,31653409
UGT1A4	54657	NM_007120.2	207126_x_at	625	0	0	896,3333333	0	0	0	1333,7	-1,251139325	0,31653409
KLHL30	377007	NM_198582.2	X	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
TRAF3IP1	26146	NM_015650.2	214458_at	625	0	0	865	0	0	0	1100,3	-1,251139325	0,31653409
PRNT	149830	NM_177549.2	X	625	0	0	0	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
NCRNA00176	284739	NM_207349.1	X	625	0	0	273,3333333	0	0	0	1323	-1,251139325	0,31653409
PRSS7	5651	NM_002772.1	217269_s_at	625	0	0	3080	0	0	0	2446	-1,251139325	0,31653409
KRTAP19-4	337971	NM_181610.1	X	625	0	0	501	0	0	0	1349	-1,251139325	0,31653409
C21orf62	56245	NM_019596.3	220543_at	625	0	0	1797	0	0	0	1176	-1,251139325	0,31653409
KCNJ15	3772	NM_002243.3	211806_s_at	625	0	0	0	0	0	0	137,67	-1,251139325	0,31653409
DSCAM	1826	NM_001389.3	211484_s_at	625	0	0	2029	0	0	0	1434	-1,251139325	0,31653409
SUSD2	56241	NM_019601.3	X	625	0	0	1973,333333	0	0	0	1254	-1,251139325	0,31653409
SGSM1	129049	NM_001039948.2	X	625	0	0	1252,666667	0	0	0	895,67	-1,251139325	0,31653409
SEZ6L	23544	NM_021115.3	207873_x_at	625	0	0	1074,666667	0	0	0	1153,3	-1,251139325	0,31653409
OXTR	5021	NM_000916.3	206825_at	625	0	0	4615,666667	0	0	0	2517,3	-1,251139325	0,31653409
FGD5	152273	NM_152536.2	X	625	0	0	1817	0	0	0	766,67	-1,251139325	0,31653409
SCN10A	6336	NM_006514.2	208578_at	625	0	0	819,6666667	0	0	0	412,67	-1,251139325	0,31653409
C3orf62	375341	NM_198562.1	202682_s_at	625	0	0	1146	0	0	0	1072,7	-1,251139325	0,31653409
CISH	1154	NM_145071.1	221223_x_at	625	0	0	1300,666667	0	0	0	1729,3	-1,251139325	0,31653409
MAPKAPK3	7867	NM_004635.3	202788_at	625	0	0	694	0	0	0	1273,3	-1,251139325	0,31653409
ITIH4	3700	NM_002218.3	206287_s_at	625	0	0	1630	0	0	0	967,33	-1,251139325	0,31653409
MUSTN1	389125	NM_205853.2	X	625	0	0	383,6666667	0	0	0	1181	-1,251139325	0,31653409
FILIP1L	11259	NM_014890.2	204135_at	625	0	0	1447,666667	0	0	0	766,67	-1,251139325	0,31653409
ZPLD1	131368	NM_175056.1	X	625	0	0	139	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
CD200R1	131450	NM_170780.2	X	625	0	0	0	0	0	0	1250,7	-1,251139325	0,31653409
C3orf30	152405	NM_152539.1	X	625	0	0	1185	0	0	0	1492,3	-1,251139325	0,31653409
AADA2L2	344752	NM_207365.2	X	625	0	0	2098,666667	0	0	0	1623,7	-1,251139325	0,31653409
SERPINI2	5276	NM_006217.3	207636_at	625	0	0	566	0	0	0	570	-1,251139325	0,31653409
LPP	4026	NM_005578.2	202822_at	625	0	0	1264,666667	0	0	0	769,67	-1,251139325	0,31653409
GP5	2814	NM_004488.2	207926_at	625	0	0	4050,333333	0	0	0	1752,7	-1,251139325	0,31653409
PDE6B	5158	NM_000283.2	210304_at	625	0	0	1106,333333	0	0	0	1956,3	-1,251139325	0,31653409
C4orf23	152992	NM_152544.1	X	625	0	0	1920,666667	0	0	0	939,67	-1,251139325	0,31653409

RELL1	768211	NM_001085399.1	X	625	0	0	191,3333333	0	0	0	837,67	-1,251139325	0,31653409
DCUN1D4	23142	NM_001040402.1	212851_at	625	0	0	452,6666667	0	0	0	2005,3	-1,251139325	0,31653409
RPL21P44	402176	NM_001011538.2	X	625	0	0	0	0	0	0	1710,7	-1,251139325	0,31653409
KDR	3791	NM_002253.1	203934_at	625	0	0	0	0	0	0	160,33	-1,251139325	0,31653409
NMU	10874	NM_006681.1	206023_at	625	0	0	1563,3333333	0	0	0	1830	-1,251139325	0,31653409
C4orf40	401137	NM_214711.3	X	625	0	0	1011,6666667	0	0	0	1279,7	-1,251139325	0,31653409
MUC7	4589	NM_152291.1	217059_at	625	0	0	986,3333333	0	0	0	1279,3	-1,251139325	0,31653409
CXCL1	2919	NM_001511.1	204470_at	625	0	0	3640,6666667	0	0	0	1536,3	-1,251139325	0,31653409
CXCL13	10563	NM_006419.1	205242_at	625	0	0	1282	0	0	0	998	-1,251139325	0,31653409
GK2	2712	NM_033214.2	215430_at	625	0	0	344,3333333	0	0	0	526	-1,251139325	0,31653409
HERC5	51191	NM_016323.2	219863_at	625	0	0	971,3333333	0	0	0	1537,7	-1,251139325	0,31653409
PITX2	5308	NM_000325.5	207558_s_at	625	0	0	1748	0	0	0	1371,7	-1,251139325	0,31653409
ANKRD50	57182	NM_020337.1	X	625	0	0	880	0	0	0	1010,7	-1,251139325	0,31653409
CLGN	1047	NM_004362.1	205830_at	625	0	0	3143,6666667	0	0	0	2330,3	-1,251139325	0,31653409
MAP9	79884	NM_001039580.1	220145_at	625	0	0	1868,3333333	0	0	0	2027,3	-1,251139325	0,31653409
GRIA2	2891	NM_000826.3	205358_at	625	0	0	754	0	0	0	412,67	-1,251139325	0,31653409
FSTL5	56884	NM_020116.2	X	625	0	0	977	0	0	0	1516,3	-1,251139325	0,31653409
TLL1	7092	NM_012464.3	206415_at	625	0	0	926	0	0	0	1513	-1,251139325	0,31653409
SPOCK3	50859	NM_016950.2	206433_s_at	625	0	0	91,33333333	0	0	0	742,67	-1,251139325	0,31653409
F2R	2149	NM_001992.2	203989_x_at	625	0	0	1598,6666667	0	0	0	1753	-1,251139325	0,31653409
VCAN	1462	NM_004385.2	215646_s_at	625	0	0	1255,3333333	0	0	0	1049,3	-1,251139325	0,31653409
SLCO6A1	133482	NM_173488.3	X	625	0	0	3736,6666667	0	0	0	1916	-1,251139325	0,31653409
PDLIM4	8572	NM_003687.2	218691_s_at	625	0	0	931	0	0	0	923,33	-1,251139325	0,31653409
SHROOM1	134549	NM_133456.1	X	625	0	0	467,6666667	0	0	0	78,667	-1,251139325	0,31653409
C5orf53	492311	NM_001007189.1	X	625	0	0	670,6666667	0	0	0	781	-1,251139325	0,31653409
PCDHB16	57717	NM_020957.1	221319_at	625	0	0	1025	0	0	0	1970,3	-1,251139325	0,31653409
POU4F3	5459	NM_002700.1	208554_at	625	0	0	745	0	0	0	1380,3	-1,251139325	0,31653409
SPINK7	84651	NM_032566.2	X	625	0	0	1152,6666667	0	0	0	849,67	-1,251139325	0,31653409
HTR4	3360	NM_199453.2	207578_s_at	625	0	0	21	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
PWWP2A	114825	NM_052927.1	217533_x_at	625	0	0	570	0	0	0	2112,3	-1,251139325	0,31653409
GABRA6	2559	NM_000811.2	207182_at	625	0	0	0	0	0	0	375,33	-1,251139325	0,31653409
GABRA1	2554	NM_000806.4	206678_at	625	0	0	462	0	0	0	676,67	-1,251139325	0,31653409
GABRG2	2566	NM_198904.1	206849_at	625	0	0	695,6666667	0	0	0	704,67	-1,251139325	0,31653409

FOX11	2299	NM_144769.2	208006_at	625	0	0	1630,666667	0	0	0	2082,3	-1,251139325	0,31653409
RANBP17	64901	NM_022897.2	219661_at	625	0	0	128,6666667	0	0	0	190	-1,251139325	0,31653409
COL23A1	91522	NM_173465.2	X	625	0	0	2099,666667	0	0	0	2213	-1,251139325	0,31653409
F13A1	2162	NM_000129.3	203305_at	625	0	0	0	0	0	0	54,667	-1,251139325	0,31653409
SNRNP48	154007	NM_152551.3	X	625	0	0	224,6666667	0	0	0	588,33	-1,251139325	0,31653409
UBD	10537	NM_006398.2	205890_s_at	625	0	0	2742,666667	0	0	0	2024,7	-1,251139325	0,31653409
GABBR1	2550	NM_001470.1	203146_s_at	625	0	0	221	0	0	0	2104,3	-1,251139325	0,31653409
BRPF3	27154	NM_015695.2	X	625	0	0	0	0	0	0	81	-1,251139325	0,31653409
BTBD9	114781	NM_152733.2	X	625	0	0	1880,333333	0	0	0	1572,3	-1,251139325	0,31653409
RCAN2	10231	NM_005822.2	203498_at	625	0	0	1033,666667	0	0	0	2591,7	-1,251139325	0,31653409
MEP1A	4224	NM_005588.2	206000_at	625	0	0	2404,666667	0	0	0	2151	-1,251139325	0,31653409
EPHA7	2045	NM_004440.2	206852_at	625	0	0	0	0	0	0	1087,3	-1,251139325	0,31653409
TRDN	10345	NM_006073.2	222287_at	625	0	0	1378	0	0	0	1695,7	-1,251139325	0,31653409
EPB41L2	2037	NM_001431.1	201719_s_at	625	0	0	500,6666667	0	0	0	464,67	-1,251139325	0,31653409
TAAR9	134860	NM_175057.3	X	625	0	0	1815	0	0	0	2167,7	-1,251139325	0,31653409
MAP7	9053	NM_003980.3	202890_at	625	0	0	3895,666667	0	0	0	2001,3	-1,251139325	0,31653409
GRM1	2911	NM_000838.2	207299_s_at	625	0	0	1428	0	0	0	2215	-1,251139325	0,31653409
MAFK	7975	NM_002360.3	206750_at	625	0	0	929,3333333	0	0	0	1910,7	-1,251139325	0,31653409
HOXA10	3206	NM_153715.2	213147_at	625	0	0	2032,666667	0	0	0	1930	-1,251139325	0,31653409
JAZF1	221895	NM_175061.3	X	625	0	0	1517	0	0	0	2686	-1,251139325	0,31653409
POM121L12	285877	NM_182595.2	X	625	0	0	1563,333333	0	0	0	2279,7	-1,251139325	0,31653409
VSTM2A	222008	NM_182546.2	X	625	0	0	1087	0	0	0	1006,3	-1,251139325	0,31653409
FZD9	8326	NM_003508.2	207639_at	625	0	0	1415	0	0	0	1182,3	-1,251139325	0,31653409
GNG11	2791	NM_004126.3	204115_at	625	0	0	1103,666667	0	0	0	1377,3	-1,251139325	0,31653409
ASB4	51666	NM_016116.1	208481_at	625	0	0	1099	0	0	0	2615,7	-1,251139325	0,31653409
RABL5	64792	NM_022777.1	218785_s_at	625	0	0	572,3333333	0	0	0	1190	-1,251139325	0,31653409
GPR22	2845	NM_005295.2	221288_at	625	0	0	0	0	0	0	493,67	-1,251139325	0,31653409
FEZF1	389549	NM_001024613.1	X	625	0	0	1455,666667	0	0	0	2040,7	-1,251139325	0,31653409
OPN1SW	611	NM_001708.1	208036_at	625	0	0	1821,333333	0	0	0	1728,3	-1,251139325	0,31653409
TAS2R60	338398	NM_177437.1	X	625	0	0	1197	0	0	0	1130,3	-1,251139325	0,31653409
KIAA1967	57805	NM_021174.4	X	625	0	0	273,3333333	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
KIF13B	23303	NM_015254.3	202962_at	625	0	0	2638,333333	0	0	0	1859,7	-1,251139325	0,31653409
SNAI2	6591	NM_003068.3	213139_at	625	0	0	245,3333333	0	0	0	334	-1,251139325	0,31653409

PMP2	5375	NM_002677.3	206826_at	625	0	0	525,3333333	0	0	0	97,333	-1,251139325	0,31653409
MATN2	4147	NM_030583.2	202350_s_at	625	0	0	1929,6666667	0	0	0	2294	-1,251139325	0,31653409
C8orf47	203111	NM_173549.1	X	625	0	0	1098,6666667	0	0	0	1010,7	-1,251139325	0,31653409
GRHL2	79977	NM_024915.2	219388_at	625	0	0	1347,3333333	0	0	0	1661,3	-1,251139325	0,31653409
ADFP	123	NM_001122.2	209122_at	625	0	0	1600	0	0	0	1142,3	-1,251139325	0,31653409
IFNB1	3456	NM_002176.2	208173_at	625	0	0	1489,6666667	0	0	0	1419	-1,251139325	0,31653409
IFNA7	3444	NM_021057.2	208182_x_at	625	0	0	1955,6666667	0	0	0	2223,3	-1,251139325	0,31653409
IFNA16	3449	NM_002173.2	208182_x_at	625	0	0	1287,6666667	0	0	0	1359,3	-1,251139325	0,31653409
IFNA17	3451	NM_021268.1	207964_x_at	625	0	0	1801	0	0	0	1693,3	-1,251139325	0,31653409
IFNA8	3445	NM_002170.3	207932_at	625	0	0	341,6666667	0	0	0	1439,3	-1,251139325	0,31653409
PRSS3	5646	NM_002771.2	207463_x_at	625	0	0	554,3333333	0	0	0	901	-1,251139325	0,31653409
PGM5	5239	NM_021965.3	208491_s_at	625	0	0	0	0	0	0	84	-1,251139325	0,31653409
PTCH1	5727	NM_001083602.1	209815_at	625	0	0	1870	0	0	0	2522,7	-1,251139325	0,31653409
HEMGN	55363	NM_018437.3	X	625	0	0	583,3333333	0	0	0	0	-1,251139325	0,31653409
KLHL34	257240	NM_153270.1	X	625	0	0	1387,3333333	0	0	0	1518,3	-1,251139325	0,31653409
PTCHD1	139411	NM_173495.2	X	625	0	0	844,6666667	0	0	0	1754,7	-1,251139325	0,31653409
MAGEB4	4115	NM_002367.2	207581_s_at	625	0	0	1763,6666667	0	0	0	525,67	-1,251139325	0,31653409
MAGEB1	4112	NM_002363.3	207534_at	625	0	0	501	0	0	0	1616	-1,251139325	0,31653409
FOXP3	50943	NM_014009.2	221334_s_at	625	0	0	2641,6666667	0	0	0	1887	-1,251139325	0,31653409
PPP1R3F	89801	NM_033215.3	X	625	0	0	0	0	0	0	923,67	-1,251139325	0,31653409
SPANXN5	494197	NM_001009616.2	X	625	0	0	486,6666667	0	0	0	615,67	-1,251139325	0,31653409
XAGE5	170627	NM_130775.1	X	625	0	0	1818,6666667	0	0	0	1692	-1,251139325	0,31653409
ZC4H2	55906	NM_018684.1	220040_x_at	625	0	0	819,3333333	0	0	0	1349,7	-1,251139325	0,31653409
LPAR4	2846	NM_005296.1	206960_at	625	0	0	991	0	0	0	1732,7	-1,251139325	0,31653409
GLRA4	441509	NM_001024452.1	X	625	0	0	609	0	0	0	1539,7	-1,251139325	0,31653409
TBC1D8B	54885	NM_017752.2	219771_at	625	0	0	1400,6666667	0	0	0	2257	-1,251139325	0,31653409
MID2	11043	NM_052817.1	208384_s_at	625	0	0	0	0	0	0	204	-1,251139325	0,31653409
CHRD1	91851	NM_145234.2	209763_at	625	0	0	221	0	0	0	1970,7	-1,251139325	0,31653409
TFDP3	51270	NM_016521.2	207385_at	625	0	0	1776	0	0	0	958,33	-1,251139325	0,31653409
SPANXN4	441525	NM_001009613.2	X	625	0	0	486	0	0	0	286	-1,251139325	0,31653409
CXorf1	9142	NM_004709.2	206711_at	625	0	0	2142,6666667	0	0	0	1455	-1,251139325	0,31653409
DAZ1	1617	NM_004081.4	216351_x_at	625	0	0	586	0	0	0	1686,3	-1,251139325	0,31653409
DAZ3	57054	NM_020364.2	216351_x_at	625	0	0	2406	0	0	0	1483,3	-1,251139325	0,31653409

RFPL1	5988	NM_021026.2	207934_at	0	0	625	411,3333333	0	0	0	483,67	-1,251139325	0,31653409
LRRC67	286187	NM_001013626.2	X	0	0	625	889	0	0	0	1367	-1,251139325	0,31653409
FCGR3B	2215	NM_000570.3	204006_s_at	0	625	0	933,6666667	0	0	0	874,33	-1,251139325	0,31653409
PRPH	5630	NM_006262.3	213847_at	0	625	0	379	0	0	0	556	-1,251139325	0,31653409
NPHP3	27031	NM_153240.3	X	0	625	0	1767	0	0	0	1754,7	-1,251139325	0,31653409
PIGG	54872	NM_017733.2	218652_s_at	0	625	0	568	0	0	0	96,667	-1,251139325	0,31653409
NHLRC1	378884	NM_198586.2	X	0	625	0	1728,6666667	0	0	0	2003	-1,251139325	0,31653409
MAP4K2	5871	NM_004579.2	204936_at	0	1021	810	2345	0	0	1331	1235,7	-1,248521033	0,50998742
MEN1	4221	NM_130803.1	202645_s_at	0	1021	810	1440,6666667	0	0	1331	1322,7	-1,248521033	0,50998742
ATMIN	23300	NM_015251.2	201854_s_at	625	0	829	1206,3333333	0	0	836	1230	-1,248386114	0,47747496
POU2F1	5451	NM_002697.2	206789_s_at	0	1176	1387	1987,3333333	0	0	2622	1907,3	-1,247585416	0,55247349
HOOK2	29911	NM_013312.2	218780_at	949	0	1399	2223,3333333	0	2139	0	1822,7	-1,247379027	0,54082935
NBAS	51594	NM_015909.2	207478_at	1025	1488	1245	586,6666667	1787	0	1717	124	-1,246442218	0,41396256
FRMD8	83786	NM_031904.3	X	925	1150	1522	2382,3333333	0	1150	2279	3971,3	-1,245788373	0,4114453
TXN	7295	NM_003329.2	208864_s_at	0	845	1928	627,3333333	0	0	2640	1756,7	-1,245556901	0,55525866
KRTAP13-4	284827	NM_181600.1	X	610	0	0	1406,3333333	0	0	0	1142,3	-1,243233816	0,31689033
POLR3H	171568	NM_138338.2	X	0	0	609	1203,3333333	0	0	0	2471,3	-1,242700056	0,31691461
MBLAC2	153364	NM_203406.1	X	1502	1284	1301	2225	2056	0	1995	1464	-1,242155015	0,42669746
SFRS11	9295	NM_004768.2	200685_at	918	1656	1839	2417,3333333	3183	0	1440	2847,3	-1,241197067	0,43834699
C18orf19	125228	NM_001098801.1	X	664	1475	2026	0	0	3189	1023	0	-1,241030372	0,43365127
RAB9A	9367	NM_004251.3	221808_at	625	1116	0	977,3333333	0	1151	0	1367,7	-1,240980361	0,5032074
C5orf32	84418	NM_032412.3	X	625	0	1116	1156	1152	0	0	1364,3	-1,240694606	0,5033422
IL1A	3552	NM_000575.3	210118_s_at	604	0	0	1156	0	0	0	1431	-1,240018357	0,31703703
USP14	9097	NM_001037334.1	201671_x_at	625	1128	1214	395,3333333	0	1192	1192	1637,3	-1,238999769	0,38623823
CEACAM3	1084	NM_001815.2	210789_x_at	599	0	0	3899	0	0	0	2954	-1,237314909	0,31716118
NDUFS4	4724	NM_002495.1	209303_at	625	0	1532	1963	0	0	1600	1425	-1,236800197	0,52773145
HECW1	23072	NM_015052.3	210331_at	590	0	0	0	0	0	0	629	-1,232392752	0,31738916
TMEM106A	113277	NM_145041.1	X	625	0	1024	633,3333333	0	1086	0	1201,3	-1,231819277	0,50125297
TMSB10	9168	NM_021103.3	217733_s_at	706	1578	1153	2002	0	1044	2092	2567	-1,23030355	0,41213992
NDUFV1	4723	NM_007103.2	208714_at	832	1281	0	385,6666667	1814	0	0	1256	-1,229721241	0,53540071
ZNF547	284306	NM_173631.2	X	0	1720	464	771,6666667	0	0	1370	1387,3	-1,229652557	0,52290213
HSCB	150274	NM_172002.3	X	820	0	2008	716	2808	0	0	1068	-1,228720978	0,56340762
BIN3	55909	NM_018688.4	207287_at	1083	1048	1314	2255	0	1509	1686	2252,7	-1,228720843	0,41192542

SLC26A6	65010	NM_001040454.1	221572_s_at	625	0	989	1008	0	1061	0	1471,7	-1,228053178	0,50049907
NUP93	9688	NM_014669.2	202188_at	0	981	1311	1518,666667	2201	0	0	903	-1,227386726	0,54751803
SH3BP2	6452	NM_003023.3	209370_s_at	0	930	755	1578	0	1209	0	1752,7	-1,226548593	0,50924333
ACTR1A	10121	NM_005736.2	200720_s_at	0	1096	984	834,3333333	1857	0	0	1159,3	-1,22565257	0,53735206
KIAA0556	23247	NM_015202.1	213185_at	0	1241	1127	425,6666667	2410	0	0	1001,7	-1,224862244	0,55333882
MS4A2	2206	NM_000139.2	207497_s_at	576	0	0	1813	0	0	0	1903,7	-1,224588605	0,31775582
RCN1	5954	NM_002901.1	201063_at	0	576	0	2356,666667	0	0	0	1756	-1,224588605	0,31775582
SOD2	6648	NM_001024466.1	215223_s_at	938	806	0	1977,666667	0	0	1309	2230,3	-1,224558359	0,51506912
ATG10	83734	NM_031482.3	X	0	514	2037	917,6666667	1830	0	0	1284	-1,223091294	0,54321027
PYY	5697	NM_004160.3	X	0	572	0	615,3333333	0	0	0	1938	-1,222324873	0,31786338
GTF3C1	2975	NM_001520.2	202320_at	0	1060	1308	686,3333333	2410	0	0	120,67	-1,222032033	0,55417817
WDR6	11180	NM_018031.2	217734_s_at	682	1343	0	0	0	1599	0	886	-1,22201089	0,53039806
MKKS	8195	NM_018848.2	218138_at	625	794	2596	1800,333333	1253	0	1804	1808,7	-1,221822382	0,42509934
GPT2	84706	NM_133443.1	X	733	909	0	1513,666667	0	0	1165	194	-1,221598377	0,50803705
GLT8D3	283464	NM_001099650.1	X	698	0	867	529	0	1062	0	934,33	-1,220562866	0,50189782
CDC7	8317	NM_003503.2	204510_at	661	1249	1696	1036,333333	743	0	3309	1165,7	-1,218468394	0,43410789
ZNF271	10778	NM_006629.3	X	994	1299	1557	0	3081	1149	0	24,667	-1,217372043	0,43660829
COX16	51241	NM_016468.4	217645_at	918	1185	0	651	1935	0	0	1117	-1,214949061	0,54289089
DNAJC30	84277	NM_032317.2	X	0	3833	1128	303	0	228	459	479,33	-1,21415057	0,51250304
RNMT	8731	NM_003799.1	202683_s_at	625	1762	2123	0	0	3189	1310	828,67	-1,214134283	0,45185767
PCDHB9	56127	NM_019119.3	X	557	0	0	705,3333333	0	0	0	1085,7	-1,213696263	0,31827847
CHML	1122	NM_001821.3	206079_at	0	0	554	1302	0	0	0	1563,3	-1,211943411	0,31836379
PWWP2B	170394	NM_138499.3	X	0	0	554	951,6666667	0	0	0	2660,7	-1,211943411	0,31836379
HDHD2	84064	NM_032124.4	X	751	2643	1432	1535,666667	2850	1796	0	2018	-1,211250283	0,45638745
GCHFR	2644	NM_005258.2	204867_at	625	1123	1748	0	926	2390	0	860	-1,210989817	0,42502902
GABRA2	2555	NM_000807.1	207014_at	552	0	0	634	0	0	0	1122,7	-1,210769701	0,31842111
TMED1	11018	NM_006858.2	203679_at	0	0	550	0	0	0	0	1302,3	-1,209591843	0,31847879
YTHDC2	64848	NM_022828.2	213077_at	961	1035	1739	914	2076	1518	0	490,33	-1,207077474	0,43145906
ANXA6	309	NM_001155.3	200982_s_at	1630	0	1061	684,6666667	0	3143	0	812,33	-1,206919003	0,57362385
GLRX	2745	NM_002064.1	209276_s_at	2167	744	1450	75	0	1835	2335	1519,3	-1,20548258	0,44844461
ADCY3	109	NM_004036.3	209321_s_at	0	0	543	269	0	0	0	1374,3	-1,205436254	0,31868352
E4F1	1877	NM_004424.3	218524_at	0	543	0	0	0	0	0	72,333	-1,205436254	0,31868352
C11orf24	53838	NM_022338.2	52164_at	0	841	1054	1030,333333	0	1627	0	1004	-1,205009599	0,53461691

ZNF624	57547	NM_020787.1	X	680	0	1596	1748	1995	0	0	1692,3	-1,204860676	0,549528
ANO5	203859	NM_213599.1	X	0	0	542	1347	0	0	0	731,33	-1,204838346	0,31871313
SCML1	6322	NM_001037535.1	218793_s_at	542	0	0	996,6666667	0	0	0	1429,3	-1,204838346	0,31871313
COPZ2	51226	NM_016429.2	219561_at	213	874	1102	1148,3333333	322	0	1194	1072,3	-1,204054227	0,37602297
RAPH1	65059	NM_213589.1	X	540	0	0	3248,3333333	0	0	0	2246	-1,203639304	0,31877265
SIAH3	283514	NM_198849.2	X	538	0	0	208,3333333	0	0	0	180	-1,202435933	0,31883254
MRPS21	54460	NM_018997.1	X	1462	883	1524	1355,6666667	1767	0	2057	1238,3	-1,202338357	0,43815348
MRPL3	11222	NM_007208.2	208787_at	1024	1779	831	2162,3333333	1611	0	1754	2171	-1,199546069	0,43040761
PSMB4	5692	NM_002796.2	202244_at	865	2275	825	416	1265	0	2398	1616,3	-1,199446424	0,4401736
RABGAP1L	9910	NM_014857.3	213982_s_at	1976	844	2918	2074,3333333	0	2795	3245	1800,3	-1,199156619	0,48048465
PIGS	94005	NM_033198.2	X	425	2312	2929	487	3107	0	1749	72	-1,199005277	0,4780617
HARS2	23438	NM_012208.2	209252_at	0	0	532	170,6666667	0	0	0	337,33	-1,198799534	0,31901453
FRAT2	23401	NM_012083.2	209864_at	625	923	1704	0	0	1268	1464	393,67	-1,196862701	0,41668068
CPSF1	29894	NM_013291.2	201638_s_at	657	1057	1097	1703	0	1133	1270	1847,7	-1,196371461	0,40084292
SLC44A5	204962	NM_152697.3	X	0	0	528	0	0	0	0	2134,7	-1,19635304	0,31913783
FBXO32	114907	NM_148177.1	X	527	0	0	951,6666667	0	0	0	1287,3	-1,1957386	0,31916891
OR1J4	26219	NM_001004452.1	X	526	0	0	537,6666667	0	0	0	1657	-1,195123026	0,31920008
SLC19A2	10560	NM_006996.1	209681_at	735	2971	2189	1427	2614	0	3463	1425	-1,194390211	0,48499559
PPP3CC	5533	NM_005605.3	207000_s_at	1485	2720	2036	1784,6666667	0	4335	3585	2611,7	-1,192839803	0,49559728
MAP1A	4130	NM_002373.5	215384_s_at	1291	0	920	343,6666667	0	0	2268	1204,3	-1,191324997	0,55888326
B3GALNT2	148789	NM_152490.1	X	1169	1208	1861	1065	1814	0	2777	2384,7	-1,189508256	0,45600646
SPG11	80208	NM_025137.3	203513_at	0	802	1283	0	1985	0	0	0	-1,18842211	0,55200239
MTMR4	9110	NM_004687.3	214268_s_at	714	1177	0	2927,3333333	0	0	1627	2304	-1,187780363	0,53993544
PPP3CA	5530	NM_000944.3	202425_x_at	1354	1758	679	3156	0	1195	2616	2993,7	-1,187730324	0,44472187
CXorf57	55086	NM_018015.4	219355_at	900	0	1197	3509	2087	0	0	2061	-1,18675216	0,55503929
PHACTR2	9749	NM_001100166.1	204048_s_at	512	0	0	722,3333333	0	0	0	1780,7	-1,186383449	0,31964752
NYX	60506	NM_022567.1	221684_s_at	667	0	667	1440,6666667	0	0	874	1944,7	-1,183970626	0,49775258
B4GALT3	8703	NM_003779.2	210243_s_at	1207	1732	888	898,3333333	1981	0	1831	178	-1,183964977	0,44508874
PNMA1	9240	NM_006029.4	218224_at	1410	554	1240	776,6666667	1895	0	1005	1003	-1,183410583	0,42531054
MAGOH	4116	NM_002370.2	210093_s_at	1060	1285	1422	2064,6666667	2152	0	1764	1872,7	-1,182517493	0,44546889
CLOCK	9575	NM_004898.2	204980_at	0	0	505	3640,6666667	0	0	0	3410,3	-1,181926203	0,31987922
SPAG6	9576	NM_012443.2	210033_s_at	0	2105	313	1132,3333333	0	0	1326	1067,3	-1,180987964	0,54057168
ZFP30	22835	NM_014898.1	207090_x_at	0	503	0	1002,3333333	0	0	0	1045	-1,18064168	0,31994643

OAZ3	51686	NM_016178.1	222075_s_at	0	862	1088	896,6666667	1874	0	0	555	-1,176814314	0,5510766
ZNF462	58499	NM_021224.4	X	0	497	0	1492	0	0	0	1832,3	-1,176758141	0,32015088
OR2AG2	338755	NM_001004490.1	X	497	0	0	561,3333333	0	0	0	990,33	-1,176758141	0,32015088
PRLHR	2834	NM_004248.2	X	496	0	0	1338,6666667	0	0	0	1822,3	-1,176106463	0,32018537
CTNNA1	1495	NM_001903.2	210844_x_at	0	496	0	1786	0	0	0	2337	-1,176106463	0,32018537
PRH2	5555	NM_005042.3	205272_s_at	495	0	0	830	0	0	0	1501	-1,175453508	0,32021998
TPP1	1200	NM_000391.3	214195_at	995	1587	844	1208,6666667	1800	1490	0	1665	-1,174681178	0,43631339
TCP11L2	255394	NM_152772.1	X	0	493	0	1411,3333333	0	0	0	1620,7	-1,174143749	0,32028956
LY6G6D	58530	NM_021246.2	207457_s_at	491	0	0	2111	0	0	0	1993,3	-1,172828823	0,32035962
PERP	64065	NM_022121.2	217744_s_at	0	0	491	0	0	0	0	967,33	-1,172828823	0,32035962
GIPR	2696	NM_000164.2	208105_at	625	0	1454	283,3333333	1845	0	0	491,33	-1,172474462	0,55343213
CLEC18A	348174	NM_182619.1	X	490	0	0	283,3333333	0	0	0	491,33	-1,172169409	0,32039484
PGRMC2	10424	NM_006320.2	213227_at	1696	1451	1094	1216,6666667	1434	0	3789	1313,7	-1,171950859	0,46912889
C6orf27	80737	NM_025258.2	221301_at	0	0	486	1156,6666667	0	0	0	1739,3	-1,169518633	0,32053697
ST3GAL1	6482	NM_173344.1	208322_s_at	0	3750	3908	543,6666667	0	992	425	1378	-1,168869822	0,57341903
GREM2	64388	NM_022469.3	220794_at	484	0	0	267	0	0	0	170,33	-1,168185298	0,32060879
RNASEL	6041	NM_021133.2	221287_at	730	1150	1281	1583	1399	0	1580	1758,3	-1,1680138	0,43009716
ATP6AP1	537	NM_001183.4	207809_s_at	0	0	483	757,3333333	0	0	0	1970,7	-1,167516625	0,3206449
GDI1	2664	NM_001493.1	201864_at	0	0	483	3844,3333333	0	0	0	3335	-1,167516625	0,3206449
RPGR	6103	NM_000328.2	207624_s_at	482	0	0	708	0	0	0	1085,7	-1,166846608	0,32068113
ARHGEF17	9828	NM_014786.2	203756_at	0	482	0	2050,6666667	0	0	0	2566	-1,166846608	0,32068113
SLC25A15	10166	NM_014252.2	X	481	0	0	1283,6666667	0	0	0	2384	-1,166175242	0,3207175
TLR3	7098	NM_003265.2	206271_at	0	479	0	1050,6666667	0	0	0	1284,7	-1,164828439	0,32079062
MAGEF1	64110	NM_022149.4	218176_at	700	1305	1518	695	0	1189	2419	1893,7	-1,164635112	0,44740213
CCDC56	28958	NM_001040431.1	218026_at	0	848	955	0	0	0	1682	429,33	-1,164347765	0,54761462
MYOZ2	51778	NM_016599.2	213782_s_at	763	0	767	0	0	0	1220	429,33	-1,163901605	0,52673405
PPP4R1	9989	NM_001042388.1	201594_s_at	0	477	0	0	0	0	0	429,33	-1,163476172	0,32086427
UBE2O	63893	NM_022066.2	218141_at	0	1365	703	1296	0	2009	0	2177	-1,161809039	0,56060865
BCL2L11	10018	NM_006538.3	208536_s_at	143	0	2275	3166,6666667	0	727	0	1064,3	-1,160500895	0,52323307
ZNF444	55311	NM_018337.2	50376_at	0	0	472	1551,3333333	0	0	0	1476,7	-1,160071307	0,32105075
EPS8L1	54869	NM_017729.3	221665_s_at	0	472	0	1635,6666667	0	0	0	2248	-1,160071307	0,32105075
SOCS6	9306	NM_004232.3	206020_at	0	0	471	1698	0	0	0	1547,7	-1,159386141	0,32108846
RHCE	6006	NM_138618.2	216317_x_at	0	471	0	1579,3333333	0	0	0	2452	-1,159386141	0,32108846

VEGFC	7424	NM_005429.2	209946_at	0	0	470	569,6666667	0	0	0	1389,3	-1,158699563	0,32112631
SEC24C	9632	NM_198597.1	202361_at	1399	1943	868	1174,3333333	2352	2122	0	1302,3	-1,157531601	0,46842802
ANXA5	308	NM_001154.2	200782_at	0	493	1354	1195,3333333	0	0	1424	504,33	-1,157521122	0,54243228
ACVR1C	130399	NM_145259.1	X	0	0	468	1123,6666667	0	0	0	1190	-1,157322151	0,32120242
ETV5	2119	NM_004454.1	203349_s_at	0	0	466	2139	0	0	0	2122,3	-1,155939023	0,3212791
MGC24975	163154	NM_153359.1	X	0	466	0	760,6666667	0	0	0	1767,3	-1,155939023	0,3212791
FLII	2314	NM_002018.2	212025_s_at	0	0	465	317,6666667	0	0	0	1729,7	-1,155245301	0,32131765
SMCR7	125170	NM_139162.2	X	0	0	465	1289	0	0	0	1628,3	-1,155245301	0,32131765
SNRPC	6631	NM_003093.1	201342_at	895	1661	1267	1531,6666667	2033	0	1974	1910,3	-1,155243351	0,45920366
ZNF41	7592	NM_153380.1	X	1390	986	679	998,6666667	1645	0	1215	1204,3	-1,153875597	0,43274205
SERPINB8	5271	NM_002640.3	206034_at	0	462	0	317	0	0	0	601,33	-1,153155543	0,32143417
SNAPC4	6621	NM_003086.2	205658_s_at	0	462	0	2294,3333333	0	0	0	1868,3	-1,153155543	0,32143417
CGGBP1	8545	NM_003663.3	206861_s_at	0	175	2377	287,6666667	940	0	0	477	-1,152382549	0,53836843
HDAC10	83933	NM_032019.4	X	0	0	460	1368,6666667	0	0	0	1537,3	-1,151754868	0,32151259
C3orf18	51161	NM_016210.2	219114_at	0	460	0	955,3333333	0	0	0	2133	-1,151754868	0,32151259
ZNF264	9422	NM_003417.3	205917_at	0	458	0	915,6666667	0	0	0	1382	-1,150348396	0,3215916
EYS	346007	NM_198283.1	X	458	0	0	2362,3333333	0	0	0	2889	-1,150348396	0,3215916
ZNF280D	54816	NM_017661.2	221213_s_at	852	957	1208	2699,3333333	1515	0	1410	1112	-1,150152203	0,43372556
MALL	7851	NM_005434.3	209373_at	0	457	0	1906,6666667	0	0	0	2405,7	-1,149642928	0,32163132
ZNF215	7762	NM_013250.2	220214_at	0	454	0	1553,6666667	0	0	0	1295	-1,147517522	0,32175142
FCF1	51077	NM_015962.4	212499_s_at	911	1363	2127	2485	2724	2116	0	3054,3	-1,147004312	0,47834722
PDGFC	56034	NM_016205.1	218718_at	0	453	0	1337,6666667	0	0	0	1313,3	-1,146806032	0,32179176
LMTK2	22853	NM_014916.2	206223_at	0	0	452	0	0	0	0	847	-1,146093019	0,32183225
DDX3Y	8653	NM_004660.2	205000_at	1139	625	0	857	0	1567	0	2734,7	-1,145987425	0,5494086
LRRC40	55631	NM_017768.3	218577_at	918	1346	1582	2633,6666667	3183	0	1344	2259	-1,145808948	0,46914092
IER3	8870	NM_003897.3	201631_s_at	0	333	536	1326	0	396	0	1392,3	-1,145764624	0,44751406
RPUSD3	285367	NM_173659.2	X	1252	1031	1031	714	1865	1567	0	610,33	-1,145447355	0,44824221
METTL10	399818	NM_212554.2	X	1450	1806	1823	1284,6666667	1900	36	1606	1250,7	-1,144362616	0,33482528
TMEM106B	54664	NM_018374.2	218930_s_at	767	1784	0	1967,6666667	3015	0	0	2369,3	-1,144157625	0,58931148
POLI	11201	NM_007195.2	219317_at	0	400	2097	1802	1874	0	0	1981,3	-1,143938699	0,56850866
BRP44L	51660	NM_016098.1	218024_at	625	0	861	508,3333333	0	0	1200	625	-1,142094903	0,53213076
HDAC5	10014	NM_001015053.1	202455_at	1058	339	1169	1792,3333333	0	338	2750	2450,3	-1,141616766	0,44518991
FZD6	8323	NM_003506.2	203987_at	0	1145	668	1358,6666667	1708	0	0	2250	-1,140932569	0,55597521

GLB1L3	112937	NM_001080407.1	X	0	444	0	628,3333333	0	0	0	889	-1,140333336	0,32216189
ARSG	22901	NM_014960.2	X	441	0	0	957,3333333	0	0	0	1072,7	-1,138147536	0,32228818
ZZEF1	23140	NM_015113.3	212601_at	625	2173	0	759,6666667	3061	0	0	1199	-1,137591936	0,59408731
CYB5D2	124936	NM_144611.2	X	625	2173	0	651	3061	0	0	761,33	-1,137591936	0,59408731
KDM3A	55818	NM_018433.4	212689_s_at	0	0	440	292	0	0	0	860,33	-1,137415739	0,3223306
RASSF4	83937	NM_032023.3	221578_at	0	1418	526	584,3333333	0	1702	0	1060	-1,134853548	0,55974752
LRRC8D	55144	NM_018103.3	218684_at	0	906	808	1245,6666667	0	0	1665	1468	-1,134605654	0,55521818
CCDC108	255101	NM_194302.2	X	436	0	0	1565,3333333	0	0	0	1880,3	-1,134472379	0,32250201
PSMD6	9861	NM_014814.1	202753_at	0	701	854	341	1376	0	0	138,67	-1,131731633	0,5439133
PKP2	5318	NM_004572.3	214154_s_at	0	432	0	353	0	0	0	291,67	-1,131502798	0,32267617
ZNF619	285267	NM_173656.1	X	0	0	432	0	0	0	0	304	-1,131502798	0,32267617
KCNJ2	3759	NM_000891.2	206765_at	0	0	429	2644,3333333	0	0	0	2226,3	-1,12925812	0,32280865
SRP54	6729	NM_003136.2	203605_at	0	1148	1066	2732,3333333	2820	0	0	2486	-1,128850851	0,58788004
RPL39L	116832	NM_052969.1	210115_at	389	0	1069	455,3333333	0	0	973	1504	-1,128698387	0,52531097
DHRS4	10901	NM_021004.2	218021_at	0	0	427	462,6666667	0	0	0	1604,3	-1,127753227	0,32289786
ZNF407	55628	NM_017757.2	220835_s_at	426	0	0	2081,6666667	0	0	0	1706,3	-1,126998225	0,32294274
USP40	55230	NM_018218.2	X	425	0	0	1562,3333333	0	0	0	2443,7	-1,126241509	0,32298781
MAFG	4097	NM_032711.2	204970_s_at	0	0	422	1190	0	0	0	1791,7	-1,123960998	0,32312412
SEMA4G	57715	NM_017893.2	219194_at	0	0	421	2191	0	0	0	1858,3	-1,123197347	0,32316994
ANKRD20A2	441430	NM_001012421.1	X	421	0	0	1543	0	0	0	1299	-1,123197347	0,32316994
PIK3R1	5295	NM_181524.1	212240_s_at	0	0	420	421,6666667	0	0	0	337,33	-1,122431943	0,32321594
PDYN	5173	NM_024411.2	206803_at	420	0	0	423	0	0	0	467,67	-1,122431943	0,32321594
WDFY3	23001	NM_014991.3	212602_at	0	419	0	314,3333333	0	0	0	877	-1,121664778	0,32326214
PDIA5	10954	NM_006810.2	203857_s_at	0	418	0	413,6666667	0	0	0	494,33	-1,120895842	0,32330852
DTX3	196403	NM_178502.2	49051_g_at	0	417	0	760	0	0	0	1059	-1,120125129	0,32335511
GEFT	115557	NM_182947.2	X	0	417	0	3596,6666667	0	0	0	3172,3	-1,120125129	0,32335511
DSCR3	10311	NM_006052.1	203635_at	0	415	0	505,3333333	0	0	0	1489	-1,118578336	0,32344886
BBS12	166379	NM_152618.2	X	414	0	0	2319	0	0	0	2426	-1,117802239	0,32349603
TYSND1	219743	NM_173555.2	X	0	0	412	0	0	0	0	566	-1,116244604	0,32359097
PHF20L1	51105	NM_016018.4	222133_s_at	0	412	0	505	0	0	0	417,67	-1,116244604	0,32359097
OAF	220323	NM_178507.2	X	0	411	0	1823,6666667	0	0	0	3302,3	-1,115463048	0,32363875
BSDC1	55108	NM_018045.5	218004_at	1242	386	0	1832,3333333	0	0	1171	1561,3	-1,114684285	0,54314576
TMEM188	255919	NM_153261.4	X	0	408	0	1766,3333333	0	0	0	2357,3	-1,113107326	0,3237833

CDKN3	1033	NM_005192.2	209714_s_at	857	1495	1480	813,3333333	2856	1606	0	1102	-1,113090479	0,4821042
NBEA	26960	NM_015678.3	221207_s_at	0	407	0	923	0	0	0	803,33	-1,112318371	0,3238319
LRRC14	9684	NM_014665.1	32062_at	0	547	624	921,3333333	0	0	837	1409,3	-1,111923192	0,5151921
RARB	5915	NM_000965.2	208530_s_at	403	0	0	965,6666667	0	0	0	841,33	-1,109143744	0,32402839
ANXA3	306	NM_005139.2	209369_at	402	0	0	948,6666667	0	0	0	1769,7	-1,10834534	0,32407805
LMBR1	64327	NM_022458.3	X	868	1438	1455	1532,3333333	0	2828	1582	1211,7	-1,107060361	0,48314152
TSPAN3	10099	NM_005724.4	200973_s_at	625	1398	762	1114	0	1113	1493	948,67	-1,105195909	0,4448622
NAT12	122830	NM_001011713.1	X	663	0	1191	870,6666667	1968	0	0	1498,7	-1,104598445	0,5749457
TP53RK	112858	NM_033550.3	X	0	866	312	3172	0	684	0	2670	-1,104438951	0,5072877
HSD17B13	345275	NM_178135.2	X	397	0	0	189,6666667	0	0	0	754,33	-1,104324383	0,32432961
HSPBAP1	79663	NM_024610.4	219284_at	1437	1537	1107	1918,6666667	2168	0	2804	2580	-1,103407311	0,49324122
TMEM214	54867	NM_001083590.1	217899_at	625	919	571	780,6666667	865	956	0	1213,7	-1,102655276	0,41104722
NEK4	6787	NM_003157.3	204634_at	1159	0	266	2358	790	0	0	1910,3	-1,10254473	0,5232727
UBE2E3	10477	NM_006357.2	210024_s_at	660	423	843	1127,6666667	627	0	951	1795,3	-1,101911121	0,3994506
DUSP22	56940	NM_020185.3	218845_at	3029	4176	3626	1901,6666667	2950	631	876	1916,7	-1,101286591	0,10567351
TAS2R5	54429	NM_018980.2	X	392	0	0	1622,6666667	0	0	0	2895,7	-1,100254328	0,32458679
ALPK2	115701	NM_052947.3	X	696	0	569	1785,6666667	0	1012	0	2630,3	-1,098042001	0,53290239
NLRP10	338322	NM_176821.3	X	388	0	0	600,6666667	0	0	0	627,67	-1,09696212	0,3247967
FHOD1	29109	NM_013241.2	218530_at	0	0	388	2932	0	0	0	2286	-1,09696212	0,3247967
RAB18	22931	NM_021252.3	X	0	1288	298	919,6666667	1001	0	0	1426,7	-1,095649646	0,54131442
KRTAP19-3	337970	NM_181609.3	X	386	0	0	1482,6666667	0	0	0	1593,3	-1,095303742	0,32490309
MAP4K3	8491	NM_003618.2	218311_at	0	485	1024	2068,6666667	0	0	1301	2080	-1,090073259	0,55414572
PMM1	5372	NM_002676.1	203467_at	0	0	378	1083	0	0	0	1385	-1,08858647	0,3253385
GLRA3	8001	NM_001042543.1	216021_s_at	0	377	0	384,6666667	0	0	0	619	-1,087737213	0,32539407
MIA2	117153	NM_054024.3	221177_at	0	375	0	1491,3333333	0	0	0	766,67	-1,086032179	0,32550598
RNASEK	440400	NM_001004333.3	X	1060	3853	947	1919,3333333	3119	3258	0	2162,3	-1,086001783	0,52856881
STOX2	56977	NM_020225.1	X	0	0	372	1707,3333333	0	0	0	2286	-1,083458164	0,32567583
SESN2	83667	NM_031459.3	X	0	0	370	339,3333333	0	0	0	1557,7	-1,081731044	0,32579041
HOXD3	3232	NM_006898.4	206601_s_at	0	370	0	1104	0	0	0	658	-1,081731044	0,32579041
KCTD16	57528	NM_020768.2	X	0	661	1015	1562,3333333	1805	0	0	2083	-1,079621725	0,57639424
C2orf83	56918	NM_020161.2	208265_at	367	0	0	3238	0	0	0	4584,7	-1,079123469	0,32596433
GPR15	2838	NM_005290.1	208524_at	1778	864	609	2957	2726	0	927	2338,3	-1,078149056	0,48234563
RBM9	23543	NM_001082579.1	212104_s_at	0	0	365	1842,6666667	0	0	0	1403,7	-1,077373684	0,32608168

SURF6	6838	NM_006753.4	X	0	365	0	1214,333333	0	0	0	1449,3	-1,077373684	0,32608168
CP	1356	NM_000096.2	204846_at	0	364	0	1923,333333	0	0	0	1451,3	-1,076495335	0,32614078
CYB5R2	51700	NM_016229.3	220230_s_at	0	363	0	1898,666667	0	0	0	1808	-1,075614665	0,32620016
ZNF76	7629	NM_003427.3	207494_s_at	858	1241	1089	1261,333333	2594	0	1233	1574,7	-1,070082698	0,484516
PDE8B	8622	NM_001029853.1	213228_at	355	0	0	267,3333333	0	0	0	502,67	-1,068484268	0,32668584
MYO1C	4641	NM_033375.4	214656_x_at	0	355	0	1168,666667	0	0	0	1701,3	-1,068484268	0,32668584
ROBO1	6091	NM_133631.1	213194_at	0	0	354	689	0	0	0	247	-1,067582148	0,32674791
C11orf88	399949	NM_207430.2	X	0	0	353	0	0	0	0	149,67	-1,066677579	0,32681029
DCDC2	51473	NM_016356.3	X	353	0	0	1346	0	0	0	2100	-1,066677579	0,32681029
FBXW10	10517	NM_031456.3	X	351	0	0	1993	0	0	0	1425,3	-1,064861044	0,32693599
ZBTB7A	51341	NM_015898.2	213303_x_at	0	349	0	1157	0	0	0	1533,3	-1,063034556	0,32706296
TMEM167A	153339	NM_174909.3	X	721	2586	987	958,666667	2687	0	1949	192	-1,060699486	0,51287754
CAT	847	NM_001752.2	211922_s_at	727	1517	487	1093	0	1216	1269	2402,3	-1,060303634	0,46318285
IL18	3606	NM_001562.2	206295_at	0	0	344	1375	0	0	0	1155,7	-1,058424062	0,32738608
MFSD3	113655	NM_138431.1	X	0	693	689	2288,333333	0	0	1382	2461,3	-1,056363296	0,5659568
C17orf98	388381	NM_001080465.2	X	625	0	0	1875	0	0	12	1625,7	-1,055210437	0,39656857
C2orf84	653140	NM_001040710.1	X	0	0	339	1789,333333	0	0	0	2487,3	-1,053748904	0,32771762
YIPF5	81555	NM_030799.6	221423_s_at	0	661	858	1858,666667	1653	0	0	1473,7	-1,053565949	0,5782663
ST7	7982	NM_018412.3	207871_s_at	652	1276	0	317	0	0	2422	287,67	-1,053129727	0,60188218
DIP2A	23181	NM_015151.2	X	924	705	1668	762,6666667	1748	0	1812	1465	-1,053048982	0,49122538
FAM24B	196792	NM_152644.2	X	625	1986	1206	1975	2630	0	1667	2107,7	-1,0513602	0,50840137
CRMP1	1400	NM_001014809.1	202517_at	0	335	0	700,6666667	0	0	0	132	-1,049960984	0,32798914
RPL26L1	51121	NM_016093.2	218830_at	0	332	1790	543,3333333	0	0	1783	906,67	-1,048386745	0,59303835
C2orf52	151477	NM_173513.2	X	0	333	0	5090,333333	0	0	0	3929	-1,04805076	0,32812707
PCNP	57092	NM_020357.1	217816_s_at	1196	2318	403	4008,666667	1561	0	2157	2870	-1,045164765	0,51023384
C19orf57	79173	NM_024323.3	206901_at	0	0	330	0	0	0	0	770,33	-1,045164739	0,32833673
UTP14A	10813	NM_006649.2	221513_s_at	0	0	330	95,33333333	0	0	0	793	-1,045164739	0,32833673
DLAT	1737	NM_001931.2	213149_at	661	1652	1231	342,6666667	0	2360	1699	955	-1,045093214	0,5044379
SLC13A3	64849	NM_001011554.1	205243_at	0	760	281	2391,333333	0	653	0	1613	-1,043628036	0,52206918
EVX2	344191	NM_001080458.1	X	0	326	0	1585,666667	0	0	0	1132,7	-1,041277425	0,3286216
HOXD13	3239	NM_000523.3	207398_at	0	326	0	1068,333333	0	0	0	1327,7	-1,041277425	0,3286216
CLDND1	56650	NM_001040182.1	208925_at	1778	1217	609	479,3333333	2406	0	1659	338,33	-1,040410859	0,50795513
ITIH1	3697	NM_002215.2	210888_s_at	659	0	251	843,3333333	513	0	0	1055,3	-1,039859978	0,50453316

MAGED4B	81557	NM_177535.1	221261_x_at	0	322	0	519	0	0	0	543,33	-1,037344243	0,32891273
NANP	140838	NM_152667.1	X	0	2465	2981	1904,333333	0	259	1192	3282,3	-1,037341952	0,60240961
TNMD	64102	NM_022144.2	220065_at	320	0	0	1042,666667	0	0	0	1250	-1,03536011	0,32906072
XRCC4	7518	NM_022550.1	210813_s_at	1027	2586	725	1988	2687	0	2211	1095,7	-1,033813141	0,52699768
SLC16A7	9194	NM_004731.3	207057_at	0	316	0	2189,666667	0	0	0	1918,3	-1,031356058	0,32936169
PPAPDC2	403313	NM_203453.2	X	0	316	0	421	0	0	0	2074,3	-1,031356058	0,32936169
ATXN10	25814	NM_013236.2	208833_s_at	625	880	880	934	1722	880	0	1161	-1,030108976	0,46978562
TLE4	7091	NM_007005.3	216997_x_at	2062	806	2576	3763	365	261	1915	3166,3	-1,027718238	0,20589234
AHSG	197	NM_001622.2	210929_s_at	0	0	311	1566,333333	0	0	0	1062,3	-1,026282393	0,32974756
CPXCR1	53336	NM_033048.4	X	308	0	0	0	0	0	0	702,67	-1,023200707	0,32998442
TSPYL1	7259	NM_003309.2	221493_at	625	434	0	309,3333333	0	875	0	702,67	-1,023073133	0,54582079
ANGPTL5	253935	NM_178127.3	X	397	0	880	1260,666667	0	0	1134	642	-1,021049863	0,56617608
RBMS3	27303	NM_001003792.1	206767_at	304	0	0	0	0	0	0	1264	-1,019046967	0,33030671
C9orf16	79095	NM_024112.3	222165_x_at	0	0	303	3020,666667	0	0	0	2811,3	-1,018000394	0,33038846
ZNF567	163081	NM_152603.2	X	768	760	1024	3021,666667	2066	940	0	4179	-1,017214783	0,48615493
AK3	50808	NM_016282.2	X	625	1584	862	2110,666667	1428	0	1947	2268	-1,016953161	0,50184225
MSL1	339287	NM_001012241.1	X	661	1063	1768	5762,333333	1894	0	2142	4431,7	-1,015416591	0,5165505
UGDH	7358	NM_003359.2	203343_at	363	710	1262	694,6666667	1515	0	710	2156	-1,015363279	0,47225589
LHX2	9355	NM_004789.3	211219_s_at	0	299	0	1479,333333	0	0	0	1782,7	-1,013780928	0,33072035
BCORL1	63035	NM_021946.2	219444_at	0	0	299	919,6666667	0	0	0	1522,7	-1,013780928	0,33072035
RRAGD	58528	NM_021244.3	221524_s_at	725	1936	1114	1590,333333	1556	0	3292	1682	-1,013506846	0,52860282
UHRF1BP1L	23074	NM_015054.1	213118_at	0	711	559	1792	0	0	1340	2328,3	-1,006857492	0,57921601
FABP9	646480	NM_001080526.1	X	292	0	0	1481	0	0	0	2095	-1,006265849	0,33132065
PM20D2	135293	NM_001010853.1	X	1785	769	1614	1915	0	2650	2837	2639,3	-1,001295751	0,54311182
SEMA3D	223117	NM_152754.2	215643_at	0	0	286	780,6666667	0	0	0	476,33	-0,999686688	0,33185603
OR13C3	138803	NM_001001961.1	X	0	286	0	3172,666667	0	0	0	3157,7	-0,999686688	0,33185603
SLC35A2	7355	NM_005660.1	207440_at	2196	4828	5212	912,6666667	2850	565	1667	2302,3	-0,998997343	0,15913602
C18orf26	284254	NM_173629.1	X	285	0	0	0	0	0	0	279	-0,998577425	0,33194722
SETD4	54093	NM_017438.2	213989_x_at	0	283	0	1144,666667	0	0	0	1096,3	-0,996347762	0,33213133
GAN	8139	NM_022041.2	220124_at	0	0	282	1156,666667	0	0	0	1848,3	-0,995227313	0,33222426
DENND3	22898	NM_014957.2	212975_at	262	0	1749	1834,666667	0	1632	0	2041,3	-0,99486527	0,60629541
CXCR7	57007	NM_020311.2	212977_at	281	0	0	0	0	0	0	1914,3	-0,994103084	0,33231778
ARL4C	10123	NM_005737.3	202207_at	0	278	0	1651	0	0	0	3741,7	-0,990707469	0,33260196

C3orf23	285343	NM_001029840.2	X	0	1468	148	2777	812	0	0	2815,7	-0,989905882	0,57203055
BBC3	27113	NM_014417.2	211692_s_at	1500	1343	1943	302	967	445	445	732,33	-0,988191187	0,08280519
POLR3G	10622	NM_006467.2	206653_at	625	1588	1538	270,6666667	2360	0	2299	1272,3	-0,987169442	0,53880316
ATG3	64422	NM_022488.3	220237_at	1353	400	1274	272,3333333	1579	0	1576	490,67	-0,985611844	0,51552584
C19orf42	79086	NM_024104.3	219097_x_at	918	658	1589	138	1917	1794	0	858,33	-0,985171873	0,52158073
BDP1	55814	NM_018429.2	X	966	903	666	244	1627	1284	0	1024	-0,98442055	0,49916065
PKIA	5569	NM_181839.1	204612_at	0	1185	722	0	3086	0	0	281	-0,981711536	0,63503599
FAM161B	145483	NM_152445.1	X	0	270	0	0	0	0	0	211,33	-0,98147966	0,33338738
COQ6	51004	NM_182480.1	218760_at	0	270	0	2362,6666667	0	0	0	2120,3	-0,98147966	0,33338738
SLC35A5	55032	NM_017945.2	218519_at	1353	390	1264	1993	1569	0	1566	2453	-0,979084785	0,51812172
CSGALNACT2	55454	NM_018590.3	222235_s_at	0	2015	1615	0	758	0	213	860	-0,977500563	0,59391704
CC2D1A	54862	NM_017721.3	207083_s_at	0	0	266	458,3333333	0	0	0	2026,7	-0,976768156	0,33379596
RAB43	339122	NM_198490.1	X	0	265	0	1506,6666667	0	0	0	1771,7	-0,975579801	0,33389984
TBC1D12	23232	NM_015188.1	221858_at	0	264	0	4814,6666667	0	0	0	3146,7	-0,974387194	0,33400442
RIMBP3	85376	NM_015672.1	X	0	0	264	141,3333333	0	0	0	1917,7	-0,974387194	0,33400442
OR11A1	26531	NM_013937.2	221343_at	264	0	0	1399,3333333	0	0	0	1919,3	-0,974387194	0,33400442
EFCAB2	84288	NM_032328.2	211200_s_at	1299	916	2539	35,66666667	3331	0	3338	148,67	-0,973774895	0,56757529
GNRH1	2796	NM_000825.3	207987_s_at	263	0	0	1371,6666667	0	0	0	2430,3	-0,973190304	0,33410972
UGCGL1	56886	NM_001025777.1	218257_s_at	2654	1252	364	1009	2794	0	1636	1051,7	-0,971210688	0,55480077
SV2A	9900	NM_014849.2	203069_at	1159	832	910	775,3333333	1021	128	323	1350,3	-0,970217828	0,18350314
CACNG6	59285	NM_031897.2	X	0	0	258	378,3333333	0	0	0	1593	-0,967140531	0,33464721
C2orf21	285175	NM_182587.1	X	0	257	0	1408	0	0	0	2259,7	-0,965917288	0,33475696
C10orf88	80007	NM_024942.3	219240_s_at	0	0	254	208,3333333	0	0	0	1873,7	-0,962220393	0,33509089
TDRD3	81550	NM_030794.1	208089_s_at	0	0	253	1238,3333333	0	0	0	1947,7	-0,960978926	0,33520379
JMJD7-PLA2G4	8681	NM_005090.2	219095_at	253	0	0	1103,6666667	0	0	0	1876,7	-0,960978926	0,33520379
OTC	5009	NM_000531.4	207200_at	253	0	0	2190	0	0	0	2890,3	-0,960978926	0,33520379
MYB	4602	NM_005375.2	204798_at	1385	337	1460	537	0	694	3821	1043,3	-0,960060265	0,5487604
CNTN6	27255	NM_014461.2	207195_at	0	0	252	679,6666667	0	0	0	1841,3	-0,959732819	0,33531749
CRYGS	1427	NM_017541.2	206451_at	0	0	250	335,6666667	0	0	0	1220,3	-0,957226542	0,33554735
MAS1L	116511	NM_052967.1	X	0	0	250	601,6666667	0	0	0	757	-0,957226542	0,33554735
OSBPL3	26031	NM_145320.1	209626_s_at	1292	1372	1605	0	2734	4017	0	319	-0,957169688	0,56984005
RPS6KA1	6195	NM_002953.3	203379_at	0	0	249	570,3333333	0	0	0	432,67	-0,955966301	0,33566353
SACM1L	22908	NM_014016.2	202797_at	993	1149	1158	1448	1450	3561	0	2474,3	-0,954333356	0,54893462

LGALS8	3964	NM_201545.1	210731_s_at	0	0	247	1923,666667	0	0	0	2352,7	-0,953431434	0,33589844
ZXDA	7789	NM_007156.3	215263_at	0	247	0	821,6666667	0	0	0	1952	-0,953431434	0,33589844
SATB2	23314	NM_015265.1	213435_at	0	0	245	2035	0	0	0	2246,3	-0,950877143	0,3361368
SLC16A2	6567	NM_006517.2	204462_s_at	244	0	0	848,6666667	0	0	0	857	-0,94959262	0,33625731
C15orf37	283687	NM_175898.2	X	0	477	936	75	1800	0	0	1526	-0,948033944	0,61669508
BUB3	9184	NM_004725.2	209974_s_at	661	1884	2240	2959,666667	254	680	891	4102,7	-0,946172836	0,17192047
ABL1	25	NM_007313.2	202123_s_at	0	291	1689	0	0	0	2019	96,333	-0,946169677	0,63122697
LRRC57	255252	NM_153260.1	X	430	1920	1482	695,6666667	1851	0	2691	1211,3	-0,944775294	0,56049498
OR4C6	219432	NM_001004704.1	X	0	0	240	2933,333333	0	0	0	2148,7	-0,944404448	0,33674839
ZNF268	10795	NM_003415.1	209989_at	0	0	240	1184	0	0	0	1926	-0,944404448	0,33674839
HIPK1	204851	NM_198268.1	212291_at	1455	771	1901	912,6666667	2421	0	3563	2302,3	-0,943082446	0,57121459
OR8K1	390157	NM_001002907.1	X	0	238	0	1119,666667	0	0	0	2583	-0,941779763	0,33699952
GSTO2	119391	NM_183239.1	X	1055	2338	0	1757,666667	372	0	372	2102,3	-0,94067031	0,59517437
SUV420H1	51111	NM_017635.3	218242_s_at	0	0	236	543,6666667	0	0	0	1357	-0,939134246	0,3372545
PFN3	345456	NM_001029886.1	X	0	0	235	2843,666667	0	0	0	2241,3	-0,937803572	0,33738346
DIRC2	84925	NM_032839.1	X	932	1222	1126	946	2151	0	2470	1194,3	-0,935562749	0,55371638
SH2D3C	10044	NM_005489.1	215639_at	833	1878	1545	1301	436	268	1189	3070,7	-0,930307008	0,16449065
BMPR2	659	NM_001204.5	210214_s_at	0	1862	3556	0	501	0	784	152,33	-0,929521091	0,63625125
HIRA	7290	NM_003325.3	217427_s_at	625	1171	3343	638,3333333	0	3713	2789	71	-0,929476989	0,59035607
DDX60L	91351	NM_001012967.1	X	227	0	0	999	0	0	0	2022,3	-0,926962508	0,33845213
PLXNA2	5362	NM_025179.3	213030_s_at	0	226	0	182,3333333	0	0	0	889,33	-0,925582244	0,33859053
SGK196	84197	NM_032237.2	X	0	806	685	376,6666667	2374	0	0	476,33	-0,924974365	0,63794029
MRPL40	64976	NM_003776.2	203152_at	625	1329	3298	1781,333333	0	3774	3114	2929	-0,924702248	0,59530872
ESRP2	80004	NM_024939.2	219395_at	1469	0	0	656	0	0	78	2133,7	-0,923298977	0,55133971
OR52K1	390036	NM_001005171.1	X	0	224	0	0	0	0	0	296	-0,92280445	0,33887069
OR9G1	390174	NM_001005213.1	X	0	224	0	3617,666667	0	0	0	3171,7	-0,92280445	0,33887069
C17orf97	400566	NM_001013672.3	X	0	224	0	1430	0	0	0	2165,3	-0,92280445	0,33887069
GRHL1	29841	NM_198182.1	X	0	221	0	1639	0	0	0	2038	-0,918593868	0,33929955
HEMK1	51409	NM_016173.3	218621_at	0	221	0	910,3333333	0	0	0	2232	-0,918593868	0,33929955
FAM75B	404770	NM_001098807.1	X	0	221	0	3480	0	0	0	1059	-0,918593868	0,33929955
PTS	5805	NM_000317.1	209694_at	0	1074	499	1246	2362	0	0	2689,3	-0,917864573	0,64141332
C14orf43	91748	NM_001043318.1	218224_at	1803	2721	2448	920	276	2050	1288	1903,3	-0,916748867	0,2141582
OR8G1	26494	NM_001002905.1	X	0	0	219	1134	0	0	0	1362,3	-0,915756971	0,33959138

KIAA0947	23379	NM_015325.1	209654_at	1000	1289	1468	2011,333333	3151	0	2664	2464	-0,912061555	0,57902861
HYOU1	10525	NM_006389.2	200825_s_at	0	164	345	707,6666667	264	0	0	408,33	-0,911409285	0,4896407
C11orf51	25906	NM_014042.2	204218_at	625	1245	669	1728,333333	1485	1588	0	1606,3	-0,909130118	0,53808283
KCTD10	83892	NM_031954.3	X	625	1527	1032	1483	2463	1806	0	1765,3	-0,908529866	0,56281085
OR51L1	119682	NM_001004755.1	X	213	0	0	1367	0	0	0	1528,3	-0,907098476	0,34049672
CTSD	1509	NM_001909.3	200766_at	0	212	0	2290	0	0	0	497,67	-0,905633272	0,34065214
CCT2	10576	NM_006431.2	201947_s_at	295	739	876	2465,333333	909	0	980	2412	-0,904934694	0,50664772
STX2	2054	NM_194356.1	213434_at	0	0	211	680,6666667	0	0	0	1157,7	-0,904161599	0,3408089
EXTL3	2137	NM_001440.2	209202_s_at	0	211	0	2082,333333	0	0	0	2283,3	-0,904161599	0,3408089
SENP7	57337	NM_001077203.1	220735_s_at	1225	408	713	120	1992	0	832	690,33	-0,90213088	0,5363624
PDK2	5164	NM_002611.3	202590_s_at	0	379	694	1336,333333	0	1231	0	2096	-0,901487512	0,60880381
MXD1	4084	NM_002357.2	206877_at	0	268	1094	3705	1392	0	0	3624,7	-0,899798542	0,62218202
DIXDC1	85458	NM_033425.3	X	206	0	0	784,3333333	0	0	0	146,33	-0,896704167	0,34161346
UBE3B	89910	NM_183415.1	212403_at	625	1411	1148	1013,666667	2487	1922	0	1695,3	-0,893687791	0,57085488
ARIH1	25820	NM_005744.2	201881_s_at	1024	1190	1033	1276,666667	2876	0	2062	113,67	-0,892933312	0,57527652
CBS	875	NM_000071.1	212816_s_at	775	0	295	492	0	1107	0	961	-0,892562319	0,6072352
TRERF1	55809	NM_033502.1	216749_at	625	1139	1073	806	0	2381	1525	242,33	-0,891803398	0,56147849
RNPC3	55599	NM_017619.3	X	0	0	201	2352,333333	0	0	0	3219,3	-0,889076069	0,34245444
AMY2B	280	NM_020978.3	208498_s_at	0	0	201	365,3333333	0	0	0	1321	-0,889076069	0,34245444
FOXK2	3607	NM_004514.3	203064_s_at	0	1298	201	1497,666667	0	0	1298	2360,3	-0,889076069	0,626499
HOOK3	84376	NM_032410.2	X	221	811	2019	0	0	2092	860	1771,3	-0,887630551	0,56598473
CCDC140	151278	NM_153038.1	X	200	0	0	721,6666667	0	0	0	1352,3	-0,887529276	0,34262724
CDT1	81620	NM_030928.2	209832_s_at	896	1324	318	944,3333333	1378	0	1347	2348,3	-0,88612969	0,54839923
KRTAP6-2	337967	NM_181604.1	X	199	0	0	1612	0	0	0	2393,7	-0,885975271	0,34280162
FMNL1	752	NM_005892.3	204789_at	0	4458	4866	1786,333333	872	0	1713	2815,7	-0,885451689	0,68849929
ESSPL	345062	NM_183375.2	X	0	197	0	1608,333333	0	0	0	2042,3	-0,882845358	0,34315524
SLC23A1	9963	NM_005847.3	X	3962	3619	5831	1681,666667	413	3931	3538	1432	-0,881585587	0,28560784
MAGEA6	4105	NM_005363.2	209942_x_at	0	0	194	0	0	0	0	136	-0,878094684	0,34369814
SETD7	80854	NM_030648.2	X	625	1066	1820	1620,333333	0	3825	1576	1662,3	-0,876171293	0,5910944
GLRX2	51022	NM_016066.3	219933_at	700	2649	1367	1157,333333	1214	113	1195	1701,3	-0,875597189	0,33071189
MEF2C	4208	NM_002397.2	209200_at	6545	6415	4672	1169	1870	2910	2580	2098,7	-0,875316347	0,09197585
C9orf23	138716	NM_148178.1	X	1157	2003	1425	1157,333333	4530	3625	0	1694,7	-0,873051798	0,61571755
SEPHS1	22929	NM_012247.3	208940_at	2328	2965	1913	1958,333333	693	726	1865	1562,7	-0,871210906	0,13519433

FAM63A	55793	NM_018379.3	221856_s_at	3417	3291	2306	0	1453	1318	981	2242,7	-0,867851786	0,09417166
JAK1	3716	NM_002227.2	201648_at	0	803	294	2514,666667	0	0	1235	2709,7	-0,867084861	0,62283801
PCGF1	84759	NM_032673.2	210023_s_at	625	301	1367	1106,333333	1161	0	1161	1298,7	-0,866899645	0,54596357
COX8C	341947	NM_182971.2	X	187	0	0	2131	0	0	0	2014,3	-0,866739165	0,34502674
PDIK1L	149420	NM_152835.2	X	1051	1227	2664	1686	680	702	515	1705,3	-0,865827015	0,12467492
PTBP1	5725	NM_002819.3	212015_x_at	0	186	0	1112,333333	0	0	0	2229,3	-0,865084902	0,34522401
OBFC2A	64859	NM_001031716.1	219334_s_at	1810	414	2837	681	296	921	558	2684,7	-0,864757954	0,25895266
LIN54	132660	NM_194282.1	X	625	2011	1477	1700,333333	0	1907	5037	2435,3	-0,862149456	0,61268717
ZNF134	7693	NM_003435.3	206182_at	0	184	0	1904,333333	0	0	0	1237,7	-0,861751541	0,34562444
SLC9A11	284525	NM_178527.2	X	183	0	0	5080,333333	0	0	0	3738	-0,860072277	0,34582766
OR8K5	219453	NM_001004058.2	X	0	183	0	2213,666667	0	0	0	3309	-0,860072277	0,34582766
OR5J2	282775	NM_001005492.1	X	0	183	0	474	0	0	0	185,33	-0,860072277	0,34582766
TMEM57	55219	NM_018202.3	218562_s_at	0	1409	182	1224,333333	0	0	1402	1566,3	-0,860027127	0,64250628
EMILIN3	90187	NM_052846.1	X	182	0	0	2846	0	0	0	2374,7	-0,858384509	0,34603292
LOC129293	129293	NM_001080824.1	X	0	0	182	1004,333333	0	0	0	1475,3	-0,858384509	0,34603292
C21orf56	84221	NM_032261.3	X	0	182	0	1571	0	0	0	1955,7	-0,858384509	0,34603292
MLL4	9757	NM_014727.1	203419_at	0	0	181	991,333333	0	0	0	1727,3	-0,856688153	0,34624027
ZP1	22917	NM_207341.2	X	181	0	0	1655,666667	0	0	0	298	-0,856688153	0,34624027
TRMT5	57570	NM_020810.2	221952_x_at	760	1367	300	2729,333333	2514	666	0	3135	-0,856510306	0,56888267
OR5P3	120066	NM_153445.1	X	0	0	180	1088	0	0	0	1933,3	-0,854983119	0,34644973
PML	5371	NM_033238.2	211013_x_at	1404	2424	1623	0	629	629	1042	586,67	-0,853231634	0,11089664
ZSCAN2	342945	NM_181846.1	X	992	944	729	0	1910	0	1910	325,67	-0,853083436	0,5754862
C14orf4	64207	NM_024496.2	X	1242	1077	4789	2354,666667	695	1193	580	1903,7	-0,852968598	0,2074535
TEX12	56158	NM_031275.4	221438_s_at	0	0	178	652,666667	0	0	0	1101,7	-0,851546663	0,34687513
LRRC16A	55604	NM_017640.4	219573_at	0	0	177	706	0	0	0	158,67	-0,849815057	0,34709114
KRTAP19-2	337969	NM_181608.1	X	177	0	0	1249,666667	0	0	0	1325	-0,849815057	0,34709114
OR11H1	81061	NM_001005239.1	X	0	177	0	1339,666667	0	0	0	1839	-0,849815057	0,34709114
PROK2	60675	NM_021935.2	X	0	177	0	2904,333333	0	0	0	3066,3	-0,849815057	0,34709114
OFCC1	266553	NM_153003.1	X	0	177	0	423	0	0	0	146	-0,849815057	0,34709114
TEX2	55852	NM_018469.3	218099_at	346	824	1109	1222	1111	0	1572	1228,3	-0,847219988	0,56004078
HIST1H2BI	8346	NM_003525.2	214455_at	3777	5176	5292	1183	420	5232	3590	1831	-0,847092546	0,32139495
TMEM38A	79041	NM_024074.1	X	653	658	1388	446,333333	1822	1794	0	1584,7	-0,845977604	0,57814877
HPRT1	3251	NM_000194.1	202854_at	0	174	0	2952,333333	0	0	0	3161,7	-0,844565605	0,34775284

KIAA0802	23255	NM_015210.2	213358_at	0	173	0	244,3333333	0	0	0	1759	-0,842797254	0,34797809
NRBP1	29959	NM_013392.2	217765_at	0	527	336	802,6666667	997	0	0	1306	-0,842772725	0,61505925
PABPC5	140886	NM_080832.1	X	171	0	0	915,6666667	0	0	0	1476,3	-0,839232158	0,34843585
SCOC	60592	NM_032547.1	X	170	0	0	1497	0	0	0	2313,3	-0,837435208	0,34866844
NPC2	10577	NM_006432.3	200701_at	0	466	823	444,6666667	2169	0	0	499	-0,836640611	0,6622755
ISCA2	122961	NM_194279.1	X	0	466	807	1039,3333333	2153	0	0	2139,7	-0,832665701	0,66314532
PACRGL	133015	NM_145048.2	X	167	0	0	5518,6666667	0	0	0	4479,3	-0,831985495	0,34938159
ODF2	4957	NM_153437.1	210415_s_at	167	0	0	1448,6666667	0	0	0	2669,3	-0,831985495	0,34938159
UBASH3A	53347	NM_018961.2	220418_at	0	0	165	1590	0	0	0	1146,7	-0,828302217	0,34987027
GPR110	266977	NM_153840.2	220907_at	0	164	0	769,3333333	0	0	0	1485,3	-0,826445202	0,35011872
TCHH	7062	NM_007113.2	213780_at	162	0	0	1723	0	0	0	2871,3	-0,822699844	0,35062411
HCP5	10866	NM_006674.2	X	0	1034	0	2095,6666667	0	0	74	2372,3	-0,822318746	0,57063548
BAT2	7916	NM_080686.2	212081_x_at	1047	952	590	1355,6666667	2044	0	1724	1411,3	-0,816081578	0,59203604
RNF19A	25897	NM_183419.1	220483_s_at	1353	3781	2964	0	1292	797	1247	153	-0,815569371	0,15758717
RAP2B	5912	NM_002886.2	214487_s_at	3681	3850	1834	637,3333333	1895	506	2297	1679,3	-0,813548944	0,22950036
OR4A47	403253	NM_001005512.2	X	0	157	0	2082,3333333	0	0	0	2660	-0,813148092	0,35193942
C16orf57	79650	NM_024598.2	218060_s_at	0	660	369	287,3333333	0	1498	0	429,33	-0,811818443	0,65081023
CCDC136	64753	NM_022742.3	X	156	0	0	0	0	0	0	500,33	-0,811204452	0,35221181
HIST1H3G	8355	NM_003534.2	214509_at	3706	4446	5180	721,6666667	420	5232	3313	1623,7	-0,809814423	0,3366992
RPN1	6184	NM_002950.3	201011_at	882	735	950	2061,6666667	2381	0	1584	1722	-0,808172432	0,59696848
EEA1	8411	NM_003566.3	204841_s_at	796	1251	836	832	0	1714	2975	1347,7	-0,807306811	0,60863732
DENR	8562	NM_003677.3	221509_at	734	0	372	595	0	1710	0	1505,7	-0,805377049	0,66066887
KCTD9	54793	NM_017634.2	218823_s_at	868	0	380	999,3333333	0	2095	0	1651,3	-0,799905846	0,67369616
GABRG1	2565	NM_173536.3	X	150	0	0	704,3333333	0	0	0	1304,7	-0,799298424	0,35391643
GAS1	2619	NM_002048.1	204457_s_at	150	0	0	150	0	0	0	1650	-0,799298424	0,35391643
EVI1	2122	NM_001105077.2	221884_at	662	0	273	522,3333333	0	1169	0	1684	-0,798642579	0,64265666
C17orf57	124989	NM_152347.3	X	923	1130	363	2316	1591	0	1522	1681	-0,798221407	0,59279638
OVCH2	341277	NM_198185.2	X	146	0	0	1388,3333333	0	0	0	2298	-0,791118055	0,35512463
CERKL	375298	NM_201548.3	X	0	0	146	796	0	0	0	1440,7	-0,791118055	0,35512463
CDKN1B	1027	NM_004064.2	209112_at	5015	4268	6241	2436	2169	3264	1742	2508,7	-0,790436774	0,12921812
HESX1	8820	NM_003865.1	211267_at	145	0	0	519	0	0	0	1000,7	-0,789041205	0,3554363
SLC36A1	206358	NM_078483.2	213119_at	145	0	0	2199	0	0	0	1464,3	-0,789041205	0,3554363
IRF5	3663	NM_001098627.1	205469_s_at	0	0	4275	1218,3333333	0	389	0	560,33	-0,787542378	0,69344498

HOXD12	3238	NM_021193.2	221411_at	144	0	0	1315,333333	0	0	0	2191	-0,786951334	0,35575198
ENSA	2029	NM_207042.1	221487_s_at	2444	3044	2479	1184,333333	1257	556	2464	1525,3	-0,781217009	0,20598069
IL21	59067	NM_021803.1	221271_at	140	0	0	302	0	0	0	1491,3	-0,778458305	0,35705639
TSPAN17	26262	NM_001006616.1	X	0	0	140	1100	0	0	0	906,33	-0,778458305	0,35705639
COL11A1	1301	NM_001854.3	204320_at	0	140	0	455	0	0	0	584	-0,778458305	0,35705639
STK32A	202374	NM_145001.2	X	139	0	0	1544	0	0	0	2211	-0,7763008	0,35739334
C14orf37	145407	NM_001001872.2	X	0	0	135	1363,666667	0	0	0	753,67	-0,767528364	0,35878735
ANKRD20A1	84210	NM_032250.3	X	0	0	135	1291,666667	0	0	0	1422,3	-0,767528364	0,35878735
NOTCH2	4853	NM_024408.2	212377_s_at	3857	3848	3505	618,666667	3145	1063	1540	2066,3	-0,765507066	0,17068877
BBS1	582	NM_024649.4	218471_s_at	0	0	133	1105,333333	0	0	0	1535,7	-0,763054024	0,35951347
AFAP1	60312	NM_198595.2	203563_at	133	0	0	984,666667	0	0	0	182,33	-0,763054024	0,35951347
TSPAN7	7102	NM_004615.2	202242_at	0	130	0	1250	0	0	0	973	-0,756227847	0,36064146
HSPA1A	3303	NM_005345.4	202581_at	1777	3577	5568	2428	1573	1598	1438	2765,7	-0,755855395	0,18066894
THAP7	80764	NM_001008695.1	218492_s_at	1292	2944	2627	0	610	610	2720	1071,7	-0,752665946	0,27465307
FOXO3	2309	NM_001455.3	204131_s_at	1564	2312	1886	1342,666667	684	1421	714	1747,3	-0,752025432	0,15791404
ACTR8	93973	NM_022899.3	218658_s_at	1310	1309	1163	558	861	314	751	612,33	-0,745515943	0,17741091
HAUS2	55142	NM_018097.1	220071_x_at	217	1987	1695	0	2125	0	2691	602,67	-0,737683288	0,66343322
MARCKS	4082	NM_002356.5	201670_s_at	0	122	0	2110,333333	0	0	0	2256,7	-0,737310242	0,36390027
NFYB	4801	NM_006166.3	218128_at	1066	491	340	493,333333	0	966	1434	1839,3	-0,736348224	0,60293199
ASB9	140462	NM_001031739.1	205673_s_at	121	0	0	1461	0	0	0	1360	-0,734868228	0,36433571
LNP1	348801	NM_001085451.1	X	2388	2561	3516	1231	3185	187	3779	2048,3	-0,729150927	0,45523819
TNFSF13	8741	NM_172088.1	211495_x_at	0	606	0	1953	55	0	0	2581,3	-0,727611947	0,57138669
OR52A5	390054	NM_001005160.1	X	0	0	118	958,333333	0	0	0	2305	-0,727432976	0,36568313
ZNF512B	57473	NM_020713.1	55872_at	0	0	117	1234,666667	0	0	0	2817	-0,72491724	0,36614653
GEMIN8	54960	NM_001042480.1	219252_s_at	0	1341	0	779	0	140	0	717,33	-0,722956451	0,64649497
NDUFS2	4720	NM_004550.3	201966_at	0	114	0	1175	0	0	0	1083,7	-0,717254068	0,367582
ARHGAP27	201176	NM_199282.1	X	0	114	0	1425	0	0	0	3028	-0,717254068	0,367582
OR7G3	390883	NM_001001958.1	X	112	0	0	1775	0	0	0	1872,7	-0,712045628	0,36857865
HNRNPAB	3182	NM_004499.3	201277_s_at	625	693	580	606,666667	1601	0	1312	435,67	-0,7086794	0,62238384
PRC1	9055	NM_003981.2	218009_s_at	938	895	582	406,333333	1769	0	2304	908	-0,707140588	0,64537636
AGR2	10551	NM_006408.2	209173_at	110	0	0	1613	0	0	0	2036,7	-0,706754512	0,36960895
IQGAP2	10788	NM_006633.2	203474_at	0	1875	0	506	0	214	0	1528,3	-0,703536701	0,68090304
H2AFB2	474381	NM_001017991.1	214412_at	0	718	871	0	93	0	718	308,33	-0,701528574	0,66431809

LBX2	85474	NM_001009812.1	210023_s_at	625	209	1160	220,3333333	1161	0	1161	220,33	-0,698113066	0,6281604
TLX2	3196	NM_016170.3	211049_at	625	209	1160	4021,6666667	1161	0	1161	4005	-0,698113066	0,6281604
FST	10468	NM_006350.2	207345_at	0	105	0	595	0	0	0	1510,3	-0,693147181	0,37234398
KRTAP11-1	337880	NM_175858.2	X	0	0	104	583,6666667	0	0	0	1663	-0,690357764	0,37292029
DGCR14	8220	NM_022719.2	32032_at	0	482	339	830	0	0	1483	2166,7	-0,685983525	0,69499247
STUB1	10273	NM_005861.2	217934_x_at	0	1231	1088	1009,3333333	610	0	266	403	-0,685792133	0,68733172
PRUNE	58497	NM_021222.1	209586_s_at	3067	3293	2817	1697	1965	1795	1021	2809,3	-0,683704952	0,17671941
ARD1A	8260	NM_003491.2	203025_at	99	0	1243	403	1219	0	0	440	-0,68247016	0,70369923
PURA	5813	NM_005859.3	204021_s_at	0	1616	2372	232	1386	0	344	1352,7	-0,682159098	0,7244179
PAX3	5077	NM_181457.1	207679_at	100	0	0	2450,6666667	0	0	0	1880,7	-0,678960642	0,37533247
CCAR1	55749	NM_018237.2	X	0	1595	1107	1373,6666667	454	0	502	1294,7	-0,669403967	0,70241716
ZNF322B	387328	NM_199005.1	219376_at	1614	0	0	827,6666667	206	0	0	1668,3	-0,665852969	0,6896894
ACADSB	36	NM_001609.3	205355_at	1832	1594	1203	368,3333333	124	1607	2166	1922,3	-0,66540788	0,46616842
KIF9	64147	NM_022342.3	X	625	1801	396	427,6666667	2359	1815	0	857	-0,663999976	0,67525551
KLHL18	23276	NM_025010.3	212882_at	625	1801	396	1447,6666667	2359	1815	0	1582,7	-0,663999976	0,67525551
TBX18	9096	NM_001080508.1	X	93	0	0	2061,6666667	0	0	0	1789,7	-0,658027009	0,38001582
BAT2D1	23215	NM_015172.3	211944_at	1719	3369	2126	1035,6666667	3404	165	2884	1934,7	-0,650615599	0,50883663
KIAA1310	55683	NM_017991.3	220950_s_at	625	0	176	1453,3333333	1147	0	0	1904,7	-0,649264489	0,70014941
NT5M	56953	NM_020201.3	219708_at	0	0	90	2108,6666667	0	0	0	2182,3	-0,648636716	0,38222943
COMMD4	54939	NM_017828.3	206441_s_at	824	2442	1856	2518,3333333	1625	375	864	3656	-0,641917416	0,33130519
ATP5I	521	NM_007100.2	209492_x_at	661	1893	127	220,3333333	1436	0	1223	540,67	-0,638840026	0,68243003
ARL8A	127829	NM_138795.2	X	763	719	930	1465,6666667	0	1860	2808	3424	-0,638816971	0,68338392
IKZF5	64376	NM_022466.5	220086_at	1613	1312	1094	863,3333333	124	1325	1884	2507	-0,63767201	0,46379852
CLYBL	171425	NM_206808.1	X	0	0	1307	1731,6666667	183	0	0	1716,7	-0,632877997	0,6923538
GMPPA	29926	NM_013335.2	218070_s_at	1789	1494	2045	758,3333333	747	1287	841	260	-0,629183889	0,20200406
BAZ2A	11176	NM_013449.3	201355_s_at	3511	5255	5081	3586	2021	3569	1962	3778	-0,627201076	0,21728366
EIF2B2	8892	NM_014239.2	202461_at	1180	701	697	1738,3333333	2872	2150	0	2359,7	-0,623820174	0,69539962
DAPK3	1613	NM_001348.1	203890_s_at	831	0	1657	2173,3333333	328	621	0	2250,3	-0,623122048	0,71827721
MGC29506	51237	NM_016459.3	221286_s_at	5064	5197	7484	1446	1487	4439	4594	1925,3	-0,620745564	0,28340946
UBB	7314	NM_018955.2	200633_at	1916	1618	1714	2693,6666667	951	623	1369	2653,3	-0,618343536	0,22185804
RABL4	11020	NM_006860.2	205037_at	1461	0	0	2244	0	216	0	3057,3	-0,618224432	0,70756714
SMN2	6607	NM_022876.1	203852_s_at	1416	625	1416	610	625	490	625	2010,7	-0,615410318	0,24167619
NFKB2	4791	NM_001077493.1	207535_s_at	1699	3804	2178	100,6666667	2762	537	1464	735,33	-0,615186246	0,35024349

SCYL1	57410	NM_001048218.1	X	0	1289	1289	1762	0	218	1140	1679,3	-0,614496469	0,73243918
CEBPB	1051	NM_005194.2	212501_at	0	1749	984	1075,333333	299	0	879	2002,7	-0,612331751	0,73140679
STOML1	9399	NM_004809.3	33736_at	1104	2087	1152	1962	629	629	1042	3170	-0,611479818	0,23782796
MAN2A1	4124	NM_002372.2	205105_at	1970	1866	1586	506,6666667	1740	547	955	198,67	-0,610764893	0,26704223
ARHGAP4	393	NM_001666.3	204425_at	2397	3230	6060	820,6666667	2284	2302	1418	1443,3	-0,609745326	0,25954745
OR10A6	390093	NM_001004461.1	X	78	0	0	628,6666667	0	0	0	1200	-0,608183097	0,39264928
TOMM70A	9868	NM_014820.3	201519_at	2914	2810	3516	432	3185	374	3779	406,67	-0,607451601	0,44816776
CLPTM1L	81037	NM_030782.3	X	2716	1788	2041	1343	1003	1251	1282	918,67	-0,600375329	0,2098664
CLCN7	1186	NM_001287.3	209235_at	0	1594	1550	569	286	1371	0	511,33	-0,599240602	0,74911409
SLC27A6	28965	NM_014031.3	219932_at	0	73	0	0	0	0	0	305,67	-0,589762204	0,39791831
MRPL33	9553	NM_004891.3	203781_at	0	1848	1577	1111	2005	236	0	1692,3	-0,588794669	0,76189824
TRAM1	23471	NM_014294.4	201398_s_at	742	2523	1100	6188,333333	1180	404	720	5131,7	-0,587153901	0,34376247
CRIM1	51232	NM_016441.1	202551_s_at	72	0	0	1308,333333	0	0	0	2486,3	-0,585952639	0,39905274
ENTPD7	57089	NM_020354.2	220153_at	801	2216	0	4609,333333	688	0	433	2936,7	-0,584823142	0,74429254
AKR1C2	1646	NM_001354.4	217626_at	70	0	0	292,6666667	0	0	0	861,33	-0,578200352	0,40141073
MYL5	4636	NM_002477.1	205145_s_at	661	1829	96	2596,333333	1372	0	1159	2984	-0,578098353	0,71333436
PURB	5814	NM_033224.3	X	1202	3679	2154	396	1378	773	1556	1604,7	-0,577483354	0,31298543
C15orf33	196951	NM_152647.2	X	0	1738	1505	1823	296	0	1503	2610	-0,57686921	0,76064389
UBL7	84993	NM_032907.3	X	716	380	358	2503	1713	722	0	2563	-0,576506534	0,67824204
ZNF224	7767	NM_013398.1	220019_s_at	0	0	1704	1961	0	290	0	3143,7	-0,57639541	0,73827586
SLC10A3	8273	NM_019848.2	204928_s_at	0	768	1691	474,6666667	1025	0	213	1292,3	-0,576239268	0,7441295
RASSF1	11186	NM_170714.1	205714_s_at	770	62	2189	1106	1211	1289	0	1847	-0,571588083	0,72839582
UBAP1	51271	NM_016525.3	46270_at	662	0	278	1032,333333	2402	0	0	1393	-0,566503767	0,7628982
RNASEN	29102	NM_013235.4	218269_at	1386	1137	181	1266	2186	0	1748	2164,3	-0,564273861	0,72668375
POP4	10775	NM_006627.1	202868_s_at	648	1992	247	396	2106	2004	0	1628,7	-0,56382169	0,72708262
C19orf53	28974	NM_014047.2	217926_at	1429	1466	1995	0	683	1466	753	221	-0,563017828	0,27142816
FBXO7	25793	NM_001033024.1	201178_at	1534	2052	0	963,333333	703	0	810	163,33	-0,562455148	0,76619616
RCC2	55920	NM_018715.1	X	2376	3193	3954	208,333333	1251	1231	3612	219,33	-0,557222316	0,32783404
ITGAV	3685	NM_002210.2	202351_at	625	0	212	1857,333333	1818	0	0	2655,7	-0,554886248	0,75713616
ZNF75A	7627	NM_153028.1	X	0	2954	0	3046,333333	0	0	547	2128,3	-0,554826208	0,77618535
TIGD7	91151	NM_033208.2	X	0	2353	0	335,6666667	0	0	439	186	-0,550567933	0,76762247
ABCC6	368	NM_001171.3	215559_at	905	1024	1143	1271,333333	1061	518	356	2660	-0,549702697	0,30601112
PCDH12	51294	NM_016580.2	219656_at	0	0	63	1283,333333	0	0	0	1016,3	-0,549552875	0,41073496

RPS21	6227	NM_001024.3	200834_s_at	1648	2908	1408	2953	908	1270	1109	3185,3	-0,54882486	0,27486068
PUS1	80324	NM_001002020.1	218670_at	0	1576	0	244,6666667	292	0	0	1349,3	-0,548423427	0,74793762
HEY1	23462	NM_012258.3	44783_s_at	0	2102	0	1707,3333333	0	396	0	954,67	-0,546387352	0,76408607
HIST1H4D	8360	NM_003539.3	214516_at	4114	4694	5179	828,3333333	3715	820	6285	1006	-0,546126873	0,44011522
KLF6	1316	NM_001300.4	208961_s_at	3530	3909	3088	829	1676	2637	1870	1384	-0,543485708	0,25202634
ARL4A	10124	NM_005738.3	205020_s_at	137	891	0	1964,3333333	0	0	1784	268,33	-0,543294464	0,76578968
SMN1	6606	NM_022874.1	203852_s_at	1416	1100	1258	1104,6666667	625	963	625	1144	-0,541141346	0,25565249
USP22	23326	NM_015276.1	220862_s_at	0	991	1996	1788	1832	202	0	2098	-0,539636469	0,77556025
ZFP64	55734	NM_199427.1	218968_s_at	0	662	923	2458,6666667	0	387	298	2203,3	-0,539588648	0,73175104
PPM1B	5495	NM_177968.2	209296_at	1407	2408	0	912,6666667	517	1279	0	1687,3	-0,536814789	0,78082525
CBY1	25776	NM_001002880.1	203450_at	698	168	0	1337,6666667	0	1725	0	2381,7	-0,53642566	0,76409026
UBL4A	8266	NM_014235.3	221746_at	0	768	1494	230	1025	0	213	1354,7	-0,535337845	0,75937646
PBX1	5087	NM_002585.1	212151_at	0	59	0	1301,6666667	0	0	0	1795	-0,532004964	0,41696025
ORAI1	84876	NM_032790.2	X	0	1345	1345	416,6666667	1417	248	0	1742,3	-0,530499526	0,77297213
DTWD1	56986	NM_020234.4	219291_at	0	1503	1270	1552,6666667	296	0	1268	1847	-0,528971226	0,7731133
S1PR3	1903	NM_005226.2	X	0	58	0	1506,6666667	0	0	0	2641,3	-0,527469747	0,41863749
DPM2	8818	NM_003863.2	209391_at	741	310	995	1506,3333333	1933	0	1746	1321,7	-0,524442125	0,73115063
H3F3A	3020	NM_002107.3	211999_at	2469	2506	3042	270,6666667	2355	396	4078	270,67	-0,522984589	0,49526954
HIST1H1E	3008	NM_005321.2	208553_at	2760	4099	4074	2195,6666667	2230	2040	2141	2282	-0,515370319	0,26990468
WDR1	9948	NM_017491.3	200609_s_at	3278	3058	0	1693	0	1221	1736	1257,3	-0,514128625	0,80992517
GFPT1	2673	NM_002056.1	202721_s_at	0	905	207	82,33333333	0	0	2999	1212,3	-0,502659157	0,796932
ZBTB10	65986	NM_023929.3	219312_s_at	2159	2185	1134	1349,6666667	1827	1014	631	1674	-0,500478176	0,37022473
ZBTB7B	51043	NM_015872.2	205853_at	0	4142	4700	2024	0	1720	2540	1978,3	-0,495494313	0,82780296
CAMKK2	10645	NM_172226.1	210787_s_at	0	1173	1411	769,3333333	587	0	622	1410	-0,495209333	0,78067461
CDK9	1025	NM_001261.2	203198_at	833	1878	1545	689,3333333	854	529	1189	2550	-0,49384763	0,3596587
CCDC111	201973	NM_152683.1	X	2739	2930	1489	415,6666667	1502	1177	1519	469,33	-0,493681824	0,3173785
LYPLA2	11313	NM_007260.2	202292_x_at	0	0	2118	243	0	476	0	743,33	-0,48961353	0,79123709
KRT33B	3884	NM_002279.3	207787_at	0	50	0	605,6666667	0	0	0	257,67	-0,488779023	0,43419439
BRF2	55290	NM_018310.2	218954_s_at	1748	2147	1818	1001	737	1818	1158	513	-0,487835003	0,33609578
SYCP2	10388	NM_014258.2	206546_at	1194	1549	1051	463,3333333	749	416	1402	456	-0,487748752	0,37730829
UPF3B	65109	NM_023010.2	218757_s_at	0	154	609	2172,3333333	0	0	1614	1746,7	-0,487425758	0,78078805
C9orf66	157983	NM_152569.1	X	625	0	171	0	1837	0	0	759,33	-0,485047745	0,78612815
UBQLN4	56893	NM_020131.3	X	1574	3925	2616	1352,3333333	1266	1145	2616	3017,3	-0,479408194	0,38785019

SFRS5	6430	NM_006925.3	203380_x_at	2435	2983	2517	2021	3096	1803	767	1264,7	-0,478754084	0,40583773
MIA	8190	NM_006533.2	206560_s_at	0	48	0	635	0	0	0	1555,7	-0,478361508	0,43879613
GLRX3	10539	NM_006541.3	209080_x_at	757	2905	2643	1947,666667	1927	823	863	1785,3	-0,477838114	0,45263431
PIP5K1B	8395	NM_003558.2	205632_s_at	0	766	82	738	0	0	1191	2728,7	-0,477390517	0,77976952
PTMA	5757	NM_001099285.1	211921_x_at	3831	5450	4547	1402,666667	3130	1964	3716	1993,3	-0,472692347	0,33155241
STAU2	27067	NM_014393.1	204226_at	963	3231	2169	1406,666667	998	1040	1559	2065,3	-0,472086259	0,39987731
F8A2	474383	NM_001007523.1	203274_at	0	1350	1575	1410,666667	378	0	1350	1566,7	-0,465893228	0,8025465
RCSD1	92241	NM_052862.2	X	3944	4398	5559	291,3333333	1237	3381	5712	585,67	-0,462042251	0,4442489
SPEN	23013	NM_015001.2	201997_s_at	1105	2174	2966	4137,333333	1662	337	3120	4431,7	-0,457840255	0,55408396
CCT8L2	150160	NM_014406.4	220508_at	64	1272	0	64,33333333	0	940	12	506	-0,457322951	0,78674605
TNRC18	84629	NM_001080495.1	214964_at	0	0	182	489	0	35	0	1105,7	-0,457060241	0,63138609
CUL4B	8450	NM_001079872.1	210257_x_at	1568	0	844	462,6666667	0	258	1257	1780,7	-0,455009481	0,79983498
ZKSCAN1	7586	NM_003439.1	214670_at	823	1452	1560	935	621	1214	621	658	-0,453216731	0,3816929
PPP1R2	5504	NM_006241.3	202166_s_at	2363	3422	3006	1119	1537	1662	2439	2122,3	-0,450725483	0,34059843
SNX27	81609	NM_030918.5	221498_at	0	1034	0	579	0	259	0	2388,7	-0,447488167	0,77796437
COPG	22820	NM_016128.3	217749_at	1808	2431	2431	1365,666667	2460	429	2579	2919,7	-0,447293602	0,51507275
MARCH6	10299	NM_005885.2	201736_s_at	869	2740	2311	6201,333333	722	940	2100	5132,7	-0,445475264	0,46792333
HIST1H2BO	8348	NM_003527.4	214540_at	4627	6222	6438	654,6666667	1381	5260	6654	790,33	-0,445376712	0,47801964
XRCC5	7520	NM_021141.2	208643_s_at	1527	2652	1212	1715,333333	1566	1366	596	1998	-0,443466524	0,42546047
ATAD3A	55210	NM_018188.2	219068_x_at	936	382	1980	1411,666667	594	244	1251	1999,3	-0,44252858	0,54544389
BMP2K	55589	NM_198892.1	219546_at	661	1538	140	1393,333333	0	3054	926	1192	-0,441153874	0,78471401
NDUFAF3	25915	NM_199074.1	209177_at	2649	2726	3703	1839,333333	2770	955	2668	2940	-0,440204407	0,42240461
APP	351	NM_201414.1	200602_at	0	852	0	1383	0	0	221	1806,3	-0,433735724	0,77510513
MAP2K6	5608	NM_002758.3	205698_s_at	729	0	0	1068	0	189	0	966,67	-0,431307014	0,76755664
GALNT7	51809	NM_017423.2	218313_s_at	697	391	1509	2064	0	2307	3467	2496,7	-0,429976108	0,79481344
AFF2	2334	NM_002025.2	206105_at	954	0	0	645,3333333	0	253	0	511,67	-0,428425877	0,78418726
RAB25	57111	NM_020387.2	218186_at	1574	3324	2089	5249,666667	1266	1145	2089	4055,3	-0,424238407	0,40571588
SLC35E1	79939	NM_024881.3	220796_x_at	0	1606	1723	434,6666667	493	1547	0	1687	-0,422361683	0,82598289
HIST1H4K	8362	NM_003541.2	214516_at	4942	5087	5212	705	2008	2907	6299	607	-0,421550526	0,43000229
MIS12	79003	NM_024039.1	221559_s_at	2520	2432	2246	1160	3093	1245	1008	1544,7	-0,417677658	0,43700572
IRF2	3660	NM_002199.3	203275_at	2463	4149	3133	792,3333333	2421	1216	3101	2629,3	-0,415320313	0,42798942
SESN3	143686	NM_144665.2	X	1154	2640	0	2193,666667	0	1843	466	1182	-0,414993569	0,83258229
TGFBR2	7048	NM_001024847.2	207334_s_at	1634	1264	0	2783	1161	0	502	2421,7	-0,414613707	0,82320777

C6orf48	50854	NM_001040438.1	220755_s_at	2208	6136	6100	1094	2185	5142	2113	1369,3	-0,414074042	0,48542596
QSK	23387	NM_025164.3	204157_s_at	0	1094	2076	1605	1493	0	431	2582,3	-0,412584395	0,8276753
RNF40	9810	NM_014771.2	206845_s_at	867	501	361	180	0	1363	2404	193	-0,410113267	0,7861582
RBBP6	5930	NM_006910.4	212781_at	213	2043	596	1421,333333	3290	0	1677	1631	-0,40967467	0,80616508
TIMM8A	1678	NM_004085.2	205217_at	1503	2653	2751	2060,333333	1927	1146	1461	2166,3	-0,404596414	0,41109225
DEDD	9191	NM_001039711.1	215158_s_at	2253	1734	2961	1788	2090	741	2212	2151	-0,401088582	0,47178264
HIST1H2AM	8336	NM_003514.2	207156_at	4627	5259	5385	1045	1565	4221	6001	2074	-0,396288829	0,48535512
TMX4	56255	NM_021156.2	216027_at	0	0	895	1735,666667	0	0	264	2480,7	-0,394077606	0,79999574
C4orf42	92070	NM_052861.2	X	0	3327	1588	846,333333	0	1375	1173	1236,3	-0,392290445	0,84803006
IVNS1ABP	10625	NM_006469.4	201363_s_at	1131	3532	3528	525	1874	706	3263	1668,7	-0,390396231	0,56500514
RNF44	22838	NM_014901.4	203286_at	1027	1305	4886	2654,333333	546	1573	2331	2629,3	-0,390353402	0,58856606
BMS1	9790	NM_014753.2	203082_at	793	1949	0	569,666667	1002	0	469	669,33	-0,390201082	0,82984948
CRLS1	54675	NM_019095.3	X	0	1367	0	231,666667	0	414	0	804,67	-0,389943362	0,82103656
JUN	3725	NM_002228.3	201464_x_at	2147	2925	1306	0	1835	1447	956	385	-0,387423379	0,45138769
GPAM	57678	NM_020918.3	X	0	1852	0	559	0	0	571	740	-0,386256118	0,83429716
RAP2A	5911	NM_021033.5	214487_s_at	2002	1341	3104	545,666667	1265	1626	1265	1002,3	-0,384878973	0,43654196
EHBP1L1	254102	NM_001099409.1	91703_at	1956	5945	4125	913	1071	3384	4155	2822,7	-0,38346959	0,55185352
C5orf22	55322	NM_018356.1	203738_at	1105	856	181	1960	2186	0	1839	2680,3	-0,379674191	0,8114958
SBNO2	22904	NM_014963.2	215760_s_at	0	1247	1287	2165	402	1247	0	2781,7	-0,379523534	0,835124
HLA-B	3106	NM_005514.5	208729_x_at	0	1734	1573	421	832	0	1040	1775,7	-0,378011125	0,84304002
UCK2	7371	NM_012474.3	209825_s_at	1480	2099	1824	1632,666667	1261	415	3404	1491,7	-0,376940605	0,58789365
ETV3	2117	NM_005240.1	214480_at	2559	2774	1342	1791	1511	1210	1671	2509	-0,376156987	0,44357331
ATP6V0A2	23545	NM_012463.2	205704_s_at	0	912	1249	1183	0	746	486	2418,7	-0,374250227	0,82963659
TP53INP1	94241	NM_033285.2	X	4224	4299	2621	1480,333333	3019	3024	1691	2956,3	-0,373297904	0,44842185
NOMO3	408050	NM_001004067.2	217225_x_at	1688	2051	2120	2470,333333	2324	970	1059	2101,3	-0,370157524	0,46458904
RHOF	54509	NM_019034.2	219045_at	2995	5109	3593	1111	1895	1872	5095	1539	-0,368579384	0,49933351
C16orf48	84080	NM_032140.1	X	0	1724	0	2052,666667	0	0	562	2297	-0,367741083	0,84048888
TRIM25	7706	NM_005082.4	206911_at	0	1607	1720	2127	0	659	1375	3377,7	-0,366629597	0,84878448
QRICH1	54870	NM_017730.2	209174_s_at	1326	1307	2124	581	1384	639	1375	1096	-0,364162087	0,47694764
PPOX	5498	NM_000309.2	204788_s_at	1542	3731	2148	0	1519	1019	2656	142	-0,36372641	0,50922912
SIDT2	51092	NM_001040455.1	56256_at	874	1168	1208	0	961	542	780	142	-0,363532765	0,43977028
KLHL3	26249	NM_017415.1	221221_s_at	0	0	2001	2124,333333	0	0	664	1898,7	-0,362749834	0,84773934
PABPC4	8761	NM_003819.2	201064_s_at	1528	2236	2058	329,666667	1528	1283	1204	221,33	-0,360505309	0,42727539

SELK	58515	NM_021237.3	X	1489	1524	1959	926,3333333	1076	1619	856	1667,7	-0,359770207	0,44776554
HIST1H3J	8356	NM_003535.2	214509_at	4026	6106	6424	0	1565	4872	7001	114,33	-0,359464732	0,55350769
EXO1	9156	NM_130398.2	204603_at	2169	0	1463	2941,666667	648	0	1642	2180,7	-0,359273144	0,85458759
INTS6	26512	NM_001039937.1	222239_s_at	2070	840	2768	1283,333333	410	2148	1824	1900	-0,358864182	0,61269705
TGIF1	7050	NM_003244.2	203313_s_at	0	5008	0	1395	0	0	1698	1923	-0,358593715	0,87406818
C16orf93	90835	NM_001014979.1	X	625	501	361	1173	0	1051	2644	2855	-0,357246629	0,81041018
CHEK1	1111	NM_001274.3	205394_at	0	1415	3050	2269,666667	0	741	1972	2455	-0,356936651	0,86051348
HPS1	3257	NM_000195.2	217354_s_at	219	292	1439	485,6666667	1585	1480	0	2001,3	-0,356183975	0,81549103
RPL39	6170	NM_001000.2	208695_s_at	851	3844	3727	912,6666667	2455	989	1722	872,67	-0,35526276	0,59117118
HBXIP	10542	NM_006402.2	202299_s_at	705	366	984	1644	0	2478	2512	2753	-0,354908325	0,82415563
CCL3	6348	NM_002983.2	205114_s_at	0	0	2275	3341	0	0	780	4236,3	-0,352654994	0,85619727
HIST2H2AC	8338	NM_003517.2	X	5904	6047	5544	1654,666667	3021	3784	6011	2346	-0,351421119	0,45777058
ACY3	91703	NM_080658.1	X	28	0	0	853,3333333	0	0	0	1492,3	-0,351049972	0,51341292
HIST2H2BE	8349	NM_003528.2	202708_s_at	6454	5222	5734	244,3333333	3021	3784	5877	420,33	-0,350974016	0,45851915
WDR81	124997	NM_152348.2	X	0	2305	1935	1675,666667	838	1840	0	2122,7	-0,350169198	0,86272715
TBC1D1	23216	NM_015173.2	212350_at	0	0	694	1260,666667	0	233	0	862	-0,35014226	0,81267467
ARHGEF9	23229	NM_015185.1	203263_s_at	1239	1210	1388	515,6666667	660	845	1285	740	-0,349797767	0,45733018
ZNF304	57343	NM_020657.1	207753_at	0	0	1406	1371	0	0	485	2697,3	-0,348169343	0,84280808
HEXB	3074	NM_000521.2	201944_at	0	0	1269	93,66666667	438	0	0	657,33	-0,34728112	0,83957283
CPEB2	132864	NM_182485.1	X	0	1924	704	599,6666667	541	0	875	848,33	-0,345266419	0,84781537
RPRD2	23248	NM_015203.2	212553_at	2034	3031	2124	6580	1449	1485	2173	6420,3	-0,340631382	0,46405452
IFRD2	7866	NM_006764.3	209100_at	843	2593	3161	1020,666667	828	2193	1372	1866,3	-0,337537686	0,58514133
C1orf9	51430	NM_016227.1	203429_s_at	2047	3419	4050	616,6666667	3383	791	3836	1549,3	-0,33465585	0,6063033
VRK3	51231	NM_001025778.1	221999_at	0	0	1832	1312	662	0	0	2431	-0,334548902	0,85789574
Sep 06	23157	NM_145800.3	212415_at	1224	2225	2061	2120	830	830	2952	2661	-0,333503132	0,57605099
PLCB3	5331	NM_000932.1	213384_x_at	1472	2432	3335	243,3333333	1357	2238	1435	2151	-0,333496017	0,50792251
HIST2H2AB	317772	NM_175065.2	X	5220	4466	4615	1281	2578	3292	4643	1502,7	-0,333442279	0,47178468
ARID3B	10620	NM_006465.2	218964_at	2043	3062	2810	1586	1911	1799	1869	295	-0,333273752	0,45862145
HIST1H2BN	8341	NM_003520.3	207226_at	5257	5192	5300	1266	2609	3258	6299	1938	-0,329923475	0,50493023
TEX264	51368	NM_015926.3	218548_x_at	1199	0	1558	763	727	942	0	621,33	-0,329754413	0,85832361
VEGFA	7422	NM_003376.4	210512_s_at	831	2391	2434	453	1118	1367	1171	765,67	-0,329140823	0,54118321
UTP15	84135	NM_032175.2	X	952	2276	2615	1606	2715	328	2313	3126,7	-0,32770972	0,67662952
PSKH1	5681	NM_006742.1	213141_at	0	1337	0	471,3333333	0	491	0	2072,3	-0,327601196	0,85118278

CCDC72	51372	NM_015933.3	221791_s_at	755	1161	1851	861,6666667	935	1463	436	1305	-0,327147533	0,57246403
HIST1H2AB	8335	NM_003513.2	208569_at	2986	3391	2960	1648	1075	3169	3275	2668,3	-0,32650822	0,54784092
CCNG1	900	NM_004060.3	208796_s_at	0	0	1549	0	574	0	0	1404,3	-0,325525246	0,856954
SIRT6	51548	NM_016539.1	219613_s_at	0	1524	0	1915	0	568	0	2851,3	-0,323566982	0,85737651
CC2D1B	200014	NM_032449.1	X	1177	1323	2270	1650,666667	1323	719	1398	2213	-0,321843247	0,52462917
CCNE1	898	NM_057182.1	213523_at	1085	0	1235	257,3333333	500	1002	0	790,33	-0,321728331	0,85730439
ABHD14A	25864	NM_015407.3	210006_at	0	0	2492	3644,666667	944	0	0	3784,7	-0,320317008	0,87273972
CLIC4	25932	NM_013943.1	201560_at	0	2002	1103	0	514	0	1616	709,67	-0,320242052	0,86679655
MIB1	57534	NM_020774.2	X	0	1437	0	586	0	541	0	874,33	-0,3199763	0,85724732
CDK6	1021	NM_001259.5	207143_at	6356	6589	5836	0	3532	4826	5508	407	-0,317966626	0,48127751
SRD5A3	79644	NM_024592.2	218800_at	0	0	1235	1261,666667	0	0	467	2793,3	-0,317651572	0,8534567
ANKRA2	57763	NM_023039.3	218769_s_at	1252	2276	2615	2335,666667	2715	466	2266	4029,7	-0,311865536	0,64850627
SLC25A46	91137	NM_138773.1	212833_at	0	0	1867	842,6666667	0	724	0	221,67	-0,311597466	0,86891293
VPS13A	23230	NM_033305.2	213686_at	0	1140	1618	235,3333333	508	0	1402	804,67	-0,311383671	0,86754635
ARHGEF2	9181	NM_004723.2	209435_s_at	3835	6131	3183	246,6666667	2414	2680	4528	1322,3	-0,311311595	0,53209051
LITAF	9516	NM_004862.2	200706_s_at	0	4084	0	3446,333333	0	0	1612	4018,3	-0,308001738	0,8889981
ERCC1	2067	NM_202001.1	203720_s_at	0	0	1422	774,3333333	0	556	0	1022,7	-0,307641225	0,86286305
STXBP3	6814	NM_007269.2	203310_at	1520	0	0	3112,333333	0	0	596	2506,3	-0,3070629	0,86513736
WDR90	197335	NM_145294.4	X	1522	3014	4603	0	1644	3081	1660	523,33	-0,305295858	0,57920322
CTBP1	1487	NM_001012614.1	213980_s_at	0	2854	1420	257,3333333	0	1375	1173	433,33	-0,304517806	0,87996227
HIST2H4B	554313	NM_001034077.4	214516_at	5100	6057	5369	1830	4531	2880	5083	2563,7	-0,304405296	0,51053586
BTN2A3	54718	NM_024018.1	X	1762	0	2643	1013,666667	1701	1090	0	1960	-0,304219724	0,88157242
CXorf40A	91966	NM_178124.3	213315_x_at	871	0	0	527,3333333	0	342	0	612,67	-0,302993723	0,84879783
SMARCA5	8467	NM_003601.2	202303_x_at	1431	2338	0	1953	0	1496	893	1451	-0,302743817	0,878359
PRKD3	23683	NM_005813.3	218236_s_at	2408	1570	2233	0	1485	1707	1344	381,67	-0,299977044	0,50804474
NARG1	80155	NM_057175.3	219158_s_at	1711	3243	2947	0	789	2254	3734	218	-0,296704162	0,63070952
MPZL1	9019	NM_003953.4	210087_s_at	1202	3565	1422	6548,333333	625	625	6267	6445	-0,296398342	0,72932119
BRI3	25798	NM_015379.3	X	0	1023	0	278	0	0	416	796,67	-0,292980991	0,85971798
EID1	23741	NM_014335.2	X	1714	2733	2155	1163,666667	1692	1717	1436	1410,3	-0,292292174	0,51796697
C1orf26	54823	NM_001105518.1	X	717	2193	1700	435	699	941	1675	965,33	-0,292222199	0,60889938
GPN2	54707	NM_018066.3	218799_at	658	873	799	1476	2318	138	553	113,67	-0,291735942	0,72369119
CD40	958	NM_152854.2	35150_at	896	0	0	1069,333333	365	0	0	2086	-0,291457215	0,85601176
DUS2L	54920	NM_017803.3	219486_at	625	1630	1774	2361,666667	784	1120	852	3098,3	-0,291196024	0,58360325

TMEM117	84216	NM_032256.1	X	0	0	698	177,3333333	0	283	0	1196	-0,290795978	0,84716738
C7orf28A	51622	NM_015622.5	208310_s_at	2744	2334	1635	1105,6666667	1635	1635	1635	882	-0,289102475	0,52391798
DOK1	1796	NM_001381.2	216835_s_at	1635	0	0	898,3333333	680	0	0	1138,3	-0,28820624	0,87600879
UBE3C	9690	NM_014671.1	201817_at	625	1061	1211	898,3333333	663	329	1532	1138,3	-0,283374746	0,64012147
C6orf165	154313	NM_001031743.1	X	1598	0	0	493,3333333	675	0	0	1593,7	-0,28305316	0,87778526
PLA2G6	8398	NM_003560.2	204691_x_at	2017	1743	1768	0	1089	1483	1639	2919,3	-0,281742413	0,52925857
PRRT2	112476	NM_145239.2	X	2055	3494	3491	0	3279	2218	1472	4	-0,281715406	0,57553478
AHCYL1	10768	NM_006621.4	200850_s_at	0	0	978	428	0	0	412	693	-0,28131555	0,86429557
C1orf25	81627	NM_030934.3	220992_s_at	717	1964	1712	2560	699	941	1567	2799	-0,280060838	0,61272494
BTN2A2	10385	NM_006995.3	205298_s_at	3400	1665	914	0	2309	1055	912	1774,7	-0,279392657	0,64284568
FAM89B	23625	NM_001098784.1	32209_at	1956	3036	2072	1920,3333333	1071	1653	2987	2505,3	-0,278777601	0,59185397
TRIB3	57761	NM_021158.3	218145_at	0	0	966	248	0	412	0	515,67	-0,277262815	0,86600804
ERLIN2	11160	NM_001003790.2	221543_s_at	1428	1982	1941	878	646	2101	1753	1740,3	-0,274632289	0,61528997
SYNE2	23224	NM_015180.4	202761_s_at	1634	369	0	490,3333333	951	273	0	1417,3	-0,27414752	0,87241364
DALRD3	55152	NM_001009996.1	221934_s_at	2947	2125	3724	1616,6666667	2681	1339	2838	538	-0,2740951	0,58558184
TSHZ1	10194	NM_005786.4	X	1181	2701	2963	4525,3333333	2575	856	1876	4241,7	-0,272914812	0,63762959
CBWD6	644019	NM_001085457.1	220175_s_at	2845	1922	3418	897,3333333	2893	1740	1633	2830,3	-0,271966559	0,57447717
HIST1H2AG	8969	NM_021064.3	207156_at	3459	4441	3813	536,3333333	2415	2269	4722	2106,7	-0,270892357	0,57529437
FEM1B	10116	NM_015322.3	212367_at	0	2660	1498	2045	1093	0	1610	2380,7	-0,269993137	0,89377616
LTB4R2	56413	NM_019839.2	220130_x_at	800	0	0	1226	0	348	0	1313,3	-0,269595093	0,86391044
HIST1H2BF	8343	NM_003522.3	214455_at	5055	4982	5484	1317	4129	2616	5689	1354,3	-0,268850539	0,57253983
RBM42	79171	NM_024321.3	205740_s_at	0	1268	1326	1034	1347	549	0	3077,3	-0,268787837	0,88474388
E2F2	1870	NM_004091.2	207042_at	2333	1644	1759	3788	1240	1055	2283	3134,3	-0,268727466	0,58189589
PRL	5617	NM_000948.3	205445_at	1738	0	0	1488,6666667	0	769	0	893,67	-0,268224955	0,8866882
FAM62B	57488	NM_020728.1	X	0	1347	3615	2703,6666667	0	1243	1748	3537,7	-0,267215598	0,89743971
SAP30	8819	NM_003864.3	204900_x_at	2381	3241	1730	97,66666667	1960	1257	2425	1697,3	-0,265965927	0,58796022
DHRS1	115817	NM_138452.1	213279_at	800	0	0	844,6666667	0	355	0	2146,3	-0,263228369	0,86736904
FABP4	2167	NM_001442.1	203980_at	1712	0	0	3000,6666667	0	773	0	3808,3	-0,261547663	0,88934697
PLA2G15	23659	NM_012320.3	204458_at	1660	0	0	755	0	0	752	2442,3	-0,260360548	0,88915698
CNNM3	26505	NM_199078.2	220739_s_at	0	0	1419	510,6666667	0	648	0	798	-0,257149344	0,88683104
INTS3	65123	NM_023015.3	202809_s_at	0	1691	651	1535	0	635	794	2140,7	-0,256808373	0,88507942
H2AFZ	3015	NM_002106.3	200853_at	2021	3107	0	378,6666667	0	884	3263	1345,7	-0,256233228	0,90465772
PRR12	57479	NM_020719.1	X	1675	0	798	1373,3333333	0	238	2503	1985	-0,256201738	0,89281772

C8orf33	65265	NM_023080.1	218187_s_at	1371	1308	1540	1355,333333	683	1208	1536	2267	-0,255709589	0,59539698
RPL10	6134	NM_006013.2	200725_x_at	3241	3797	1787	2588	2494	2082	1966	1865,3	-0,254518935	0,59628289
HIST1H2BD	3017	NM_138720.1	209911_x_at	4476	5605	5633	1683	3784	3961	4388	2603,7	-0,254136089	0,56172657
MLLT6	4302	NM_005937.3	X	1573	3233	3844	1547,666667	3048	1458	2052	2623	-0,252709541	0,63251682
GOLGB1	2804	NM_004487.3	201057_s_at	1933	1823	2215	1922,333333	1667	1120	1946	1641	-0,252470685	0,58096935
IER2	9592	NM_004907.2	202081_at	874	2218	1621	0	2130	880	783	1685,3	-0,250460286	0,65803692
CSPP1	79848	NM_001077204.1	221925_s_at	2099	2518	4268	1234,666667	5459	1252	1545	1578	-0,250430875	0,68677351
NECAB3	63941	NM_031231.3	210720_s_at	625	1983	2161	516,666667	2188	1446	394	1095	-0,249482276	0,72704847
TECPR1	25851	NM_015395.1	X	0	1923	991	0	542	0	1651	307	-0,247467693	0,89637861
ZBTB41	360023	NM_194314.2	X	0	2115	1667	539,333333	1368	0	1218	1500,7	-0,247466755	0,90137415
TTC21B	79809	NM_024753.3	X	812	0	0	2389,333333	0	0	379	2849,7	-0,247151262	0,87650796
C9orf86	55684	NM_024718.2	X	0	1471	0	1013,666667	0	0	693	1777	-0,247133044	0,89238468
USP21	27005	NM_012475.4	218367_x_at	3223	3846	2775	1271,333333	3491	1980	2367	1560,3	-0,246287787	0,59464647
ZC3HAV1	56829	NM_020119.3	220104_at	1773	3577	3181	107,666667	1341	2394	2989	27,333	-0,246003736	0,63364588
LASS2	29956	NM_181746.2	222212_s_at	1070	1964	1334	2217	759	1197	1463	2948,3	-0,245585642	0,61512334
ANXA9	8416	NM_003568.2	211712_s_at	1070	1964	1334	2560	759	1197	1463	2799	-0,245585642	0,61512334
TAOK2	9344	NM_004783.2	204877_s_at	952	1473	1425	696,666667	683	1084	1282	1498	-0,244533621	0,60819095
NDUFC1	4717	NM_002494.2	203478_at	1198	2925	2450	1592,666667	789	1653	3133	1733	-0,244487131	0,68598591
HDGF	3068	NM_004494.1	200896_x_at	3903	4204	4413	0	2520	4067	3390	1486,3	-0,243700609	0,58719977
ORAI3	93129	NM_152288.1	221864_at	0	0	1231	1788,333333	587	0	0	2327,7	-0,242478751	0,89029375
SLC37A4	2542	NM_001467.4	202830_s_at	0	804	1859	2296	2462	285	0	1977,7	-0,241776214	0,89953095
FAHD2A	51011	NM_016044.2	222056_s_at	0	1548	1631	2517,333333	1122	1087	0	3089,7	-0,239811743	0,90113503
NUDT4	11163	NM_019094.4	212181_s_at	1556	3533	1229	208,333333	1010	1920	1690	886	-0,239354456	0,65912093
MYO5A	4644	NM_000259.2	204527_at	0	1813	1026	0	1091	825	0	833,67	-0,239002582	0,89862689
SMARCAD1	56916	NM_020159.2	X	0	1349	1456	1249,666667	0	1133	841	1593	-0,237942535	0,89938304
HIST1H2BJ	8970	NM_021058.3	X	5963	6262	6379	1194	4264	3646	7488	1362	-0,237859887	0,61431091
UBQLN1	29979	NM_013438.3	X	2259	1491	2901	1243	2380	1803	1109	3100,3	-0,23773212	0,63636004
PTBP2	58155	NM_021190.1	218683_at	1354	2279	2743	361,666667	876	1559	3016	218,33	-0,237260483	0,67409682
SLC38A2	54407	NM_018976.3	218041_x_at	2811	2525	3535	1906,666667	1865	2351	2799	2058,7	-0,236964823	0,59933035
CATSPER2	117155	NM_172095.1	217588_at	0	0	1337	3418,333333	650	0	0	4125	-0,236517739	0,89512408
C14orf21	161424	NM_174913.1	220130_x_at	800	0	0	940	0	387	0	2466,7	-0,235578675	0,88226458
GPR179	440435	NM_001004334.2	X	0	0	1626	610,666667	0	795	0	220,67	-0,235342281	0,90002979
RASAL3	64926	NM_022904.1	X	0	0	1706	1487	0	836	0	1632,3	-0,234749556	0,90131047

FAM100B	283991	NM_182565.2	X	1048	1725	3144	1196	2485	958	1174	1351	-0,234401194	0,68234317
SLC33A1	9197	NM_004733.2	203165_s_at	3106	3567	3110	1529	2481	2087	3282	2921	-0,234305788	0,6004122
C11orf61	79684	NM_024631.1	221208_s_at	0	1306	0	1190,666667	0	640	0	1186	-0,233836356	0,89584828
MYL6B	140465	NM_002475.3	204173_at	1627	2528	2728	1081,333333	1636	2728	1241	1420	-0,233315421	0,63826431
CSE1L	1434	NM_001316.2	210766_s_at	2571	1951	1821	2333,666667	1951	1186	1951	2820	-0,232848669	0,61532366
C9orf96	169436	NM_153710.3	X	0	1443	1053	1017	837	0	897	3082,3	-0,231712472	0,89936506
CASP3	836	NM_004346.3	202763_at	1625	2225	1489	1747,666667	1502	1177	1519	2193	-0,229684787	0,60892399
EIF1B	10289	NM_005875.2	201738_at	1174	1179	226	2370,666667	948	189	860	2527,3	-0,229443944	0,76840906
PCBP4	57060	NM_033008.1	209361_s_at	0	0	1891	2370,333333	944	0	0	2377,7	-0,228957003	0,90594422
SURF4	6836	NM_033161.2	X	0	1357	967	1414,666667	794	0	824	1444,3	-0,228535498	0,89918999
LYSMD3	116068	NM_198273.1	X	2217	1884	1638	1390,333333	2431	2014	698	2289,7	-0,227698019	0,68087694
ZNF131	7690	NM_003432.1	214741_at	625	2713	1259	503	2156	512	967	433,67	-0,227658002	0,73577749
RB1CC1	9821	NM_001083617.1	202034_x_at	2186	3698	2903	2145,333333	1354	2837	3075	3732,7	-0,227126096	0,65317422
PCM1	5108	NM_006197.3	214118_x_at	0	2199	0	1069,333333	0	1108	0	1534,3	-0,22626572	0,909937
LEMD3	23592	NM_014319.3	218604_at	1289	1522	862	1323,333333	1180	485	1480	1363,3	-0,22563181	0,67750478
NDUFV2	4729	NM_021074.2	202941_at	625	2655	1945	2986,666667	1334	987	1246	3317,3	-0,225156402	0,69909381
CTDSP2	10106	NM_005730.3	203445_s_at	0	2136	2450	2329	0	1202	2210	2759,3	-0,223992976	0,91459399
YIPF4	84272	NM_032312.2	209551_at	0	575	940	708,666667	277	976	0	1360	-0,222121847	0,89366253
POLR1D	51082	NM_015972.2	218258_at	1662	2169	3620	2333,333333	2312	2684	1075	2659,3	-0,221711579	0,67905483
EXOC2	55770	NM_018303.4	219349_s_at	0	3003	0	0	1539	0	0	1209,3	-0,221254036	0,91725237
SGMS1	259230	NM_147156.3	212989_at	2121	2138	1820	433	1399	1295	2346	1480,7	-0,219102219	0,63522761
HIST1H3E	8353	NM_003532.2	214509_at	1763	2534	2051	2087,666667	1259	1870	2015	2760,7	-0,217559821	0,63434286
CASK	8573	NM_003688.1	207620_s_at	0	1364	1839	1193	1221	0	1066	2008,3	-0,216312389	0,91110575
ATG4A	115201	NM_178270.1	213115_at	3145	0	2639	3253	2761	0	1564	4144	-0,216279062	0,92111431
ARL4D	379	NM_001661.3	203586_s_at	0	91	1413	0	91	91	91	714,33	-0,215067385	0,86314919
MIF	4282	NM_002415.1	217871_s_at	0	1562	3498	2005	1984	1443	0	2717,3	-0,214093997	0,91902637
ZNF219	51222	NM_001101672.1	219314_s_at	1195	1195	4038	628,666667	1591	1263	1511	1224,7	-0,213001721	0,70464669
CRADD	8738	NM_003805.3	209833_at	0	2606	1211	1364	0	761	2187	1650	-0,210516494	0,91664479
ID2	3398	NM_002166.4	201565_s_at	2023	2294	5114	220	2191	2362	2438	467,33	-0,209787433	0,67511275
C20orf111	51526	NM_016470.6	209020_at	2645	2397	847	220	1369	1321	1585	467,33	-0,208540277	0,69787856
ILVBL	10994	NM_006844.3	202993_at	0	0	1672	1233	0	889	0	1296,7	-0,207959241	0,91283184
ZMYND10	51364	NM_015896.2	203246_s_at	1369	0	2096	1423	1500	1021	0	1234	-0,207119014	0,91630803
CNN2	1265	NM_004368.2	201605_x_at	1885	1274	1525	2348	776	3146	796	3272	-0,206853043	0,72983984

MAZ	4150	NM_001042539.1	212064_x_at	1771	3131	3128	1943,666667	2845	2218	1472	1875	-0,206786593	0,67321831
HIST1H2AH	85235	NM_080596.1	207156_at	5745	6440	6380	0	4738	4077	6580	1216,3	-0,205729101	0,64582131
DOLPP1	57171	NM_020438.3	221817_at	0	0	1244	1623,333333	0	0	665	1615	-0,205326745	0,90828896
PHF12	57649	NM_001033561.1	X	1034	3102	3628	706,666667	1880	1529	2187	969	-0,204851507	0,71420151
ANKRD24	170961	NM_133475.1	X	0	1297	0	1336,666667	0	696	0	1347,3	-0,204211847	0,90965916
LSM2	57819	NM_021177.3	209449_at	732	2486	3956	1218	1971	1167	1701	1325,7	-0,203564008	0,74694087
BSG	682	NM_198590.1	208677_s_at	0	247	1363	1794	0	1285	136	1760	-0,203111192	0,90450281
TMEM175	84286	NM_032326.2	X	0	2203	2465	1638	1282	0	2295	1473,7	-0,202521006	0,92323286
FANCD2	2177	NM_001018115.1	X	2134	1480	2153	1080,666667	1842	928	2153	3143,7	-0,202285179	0,68392656
C19orf6	91304	NM_001033026.1	213986_s_at	2171	1597	1687	748,666667	938	3512	958	2345,3	-0,202138995	0,72812812
HIST1H2BG	8339	NM_003518.3	214455_at	2364	2993	2652	1769,333333	1580	2471	2616	1775	-0,201332384	0,65801293
NDUFB8	4714	NM_005004.2	201227_s_at	2996	2144	2148	0	4280	635	2741	162	-0,200988185	0,76429739
APH1A	51107	NM_001077628.1	218389_s_at	1400	1764	2399	2200,666667	1696	1362	1397	1615	-0,20082457	0,65820675
ZNF775	285971	NM_173680.3	X	2250	2661	3627	1623,333333	2052	1727	3345	3679,7	-0,200452583	0,67547329
HIST1H2BK	85236	NM_080593.1	209806_at	3736	3814	3814	5719,333333	2889	2700	3814	5002,3	-0,199915031	0,64840192
C17orf91	84981	NM_001001870.1	X	0	2380	1237	862,666667	838	1915	0	969,67	-0,199867077	0,92003746
HIST1H3B	8358	NM_003537.3	214509_at	3064	3121	3017	1805,333333	1330	3354	3537	2169,7	-0,199418212	0,69676479
RBAK	57786	NM_021163.3	X	1171	1902	1588	1290,666667	992	1828	1065	1693,7	-0,199297768	0,67615398
MAPKAPK5	8550	NM_139078.1	212871_at	1065	1899	1358	938	654	983	2331	1211,3	-0,198138644	0,72323918
FAM63B	54629	NM_001040450.1	222111_at	0	1727	2989	2370,333333	0	1118	2537	2399,7	-0,197744088	0,92506483
TTC32	130502	NM_001008237.1	X	1957	2334	2008	1015,666667	3345	542	2752	2280	-0,197701628	0,76602047
ACTR1B	10120	NM_005735.2	202135_s_at	1195	941	1630	417	812	1524	812	709	-0,19737723	0,68491541
LOXL3	84695	NM_032603.2	X	1237	0	0	527,666667	680	0	0	1628,3	-0,196195235	0,91248706
NRAS	4893	NM_002524.2	202647_s_at	3087	1474	1956	1682,333333	1866	1229	2145	1706	-0,196149693	0,68949602
C16orf72	29035	NM_014117.2	X	625	1994	967	1169	631	1027	1027	1308,7	-0,195952634	0,7164723
MAT2B	27430	NM_013283.3	217993_s_at	0	1142	1627	312	551	0	1859	2556,7	-0,194277159	0,91891676
HIST1H2AI	8329	NM_003509.2	207156_at	2995	4346	3512	1021,666667	1720	3269	4526	1502,3	-0,193957421	0,70107971
C14orf101	54916	NM_017799.3	219757_s_at	1200	0	883	937,333333	1134	517	0	1785,3	-0,193126219	0,91368352
NLGN2	57555	NM_020795.2	X	0	1007	0	1377,333333	558	0	0	1133,3	-0,192877018	0,90992513
DERL2	51009	NM_016041.3	218333_at	2279	2432	1934	984,333333	3093	1595	1211	1726	-0,192835258	0,69795741
CPEB3	22849	NM_014912.3	213297_at	650	2730	2707	997,333333	1939	1106	1257	1706,3	-0,192829859	0,75458638
PBX3	5090	NM_006195.4	204082_at	0	0	1207	487,666667	0	672	0	751	-0,191969949	0,91400516
NEDD1	121441	NM_152905.2	X	0	2493	295	2040,666667	526	793	0	3401,3	-0,191943954	0,91441945

TRAK2	66008	NM_015049.1	202124_s_at	625	1208	1463	2095	1312	337	1383	2947	-0,190623427	0,76145111
FXYD5	53827	NM_014164.4	218084_x_at	0	0	1456	2307,333333	0	816	0	2798,3	-0,190355975	0,91821601
IPO9	55705	NM_018085.4	213785_at	1633	2171	2369	3086	2148	974	2258	3674	-0,189626609	0,70457337
CYTIP	9595	NM_004288.3	209606_at	4172	3690	4102	2053,333333	3012	2998	3958	2097	-0,188920907	0,66536801
UBN1	29855	NM_001079514.1	207253_s_at	0	1042	2393	1584	856	0	1643	2815,7	-0,188910827	0,92325635
RBMX	27316	NM_002139.2	213762_x_at	1765	2304	2304	1099,333333	2401	933	2362	696,33	-0,188111263	0,71454211
SNRPE	6635	NM_003094.2	203316_s_at	1887	2189	3020	2421,333333	2297	1471	2095	3282	-0,187500812	0,68405577
TMUB1	83590	NM_031434.2	X	0	0	3024	1421,333333	1717	0	0	1688	-0,187417235	0,93058763
COPS8	10920	NM_198189.2	202141_s_at	0	1843	1152	235,333333	756	0	1589	804,67	-0,187167797	0,9224776
ADIPOR1	51094	NM_015999.2	217748_at	625	1436	1011	0	740	740	939	351,67	-0,186933428	0,69802516
TUBD1	51174	NM_016261.2	210389_x_at	1708	1299	1211	2093	1640	367	2494	1679	-0,18651637	0,78058942
POLDIP3	84271	NM_178136.1	212100_s_at	882	1553	882	1225,333333	882	882	882	1399,3	-0,18616678	0,68475289
NKAPL	222698	NM_001007531.1	X	1432	0	0	0	813	0	0	375,67	-0,186078191	0,91986283
AKAP10	11216	NM_007202.2	213396_s_at	1202	1149	1530	550	797	2409	622	1061	-0,185698856	0,74356191
SH3BGRL3	83442	NM_031286.3	221269_s_at	0	1474	753	0	1491	422	0	1014	-0,184168054	0,91926972
STAG3L3	442578	NM_001013739.2	X	3346	2257	2917	948,333333	2486	2257	2257	1294,7	-0,18352406	0,67695383
CENPN	55839	NM_001100625.1	219555_s_at	1813	2538	1872	0	1892	1076	2433	1951,3	-0,182527493	0,70756395
UBC	7316	NM_021009.4	208980_s_at	1750	3832	5447	832,666667	2782	3012	2523	944	-0,181921175	0,72756714
TXNDC15	79770	NM_024715.3	220495_s_at	0	0	1814	1660,333333	0	1045	0	2682,3	-0,181833487	0,92560395
HIST1H2BB	3018	NM_021062.2	208547_at	0	2123	0	367,333333	0	0	1225	242,33	-0,181586478	0,92805595
COPS5	10987	NM_006837.2	201652_at	2464	3119	4268	2396,333333	5459	1617	2146	1702,3	-0,181477384	0,74366647
C16orf13	84326	NM_032366.3	X	1522	1846	2911	0	1644	1733	1660	946,33	-0,181360764	0,69346151
ADPRHL2	54936	NM_017825.1	X	0	0	1131	195,333333	651	0	0	413,33	-0,180914409	0,91802694
ARRDC3	57561	NM_020801.1	X	4637	2631	4215	2044,666667	4134	1588	4547	2893,3	-0,180014318	0,74016002
CAPN10	11132	NM_023089.1	221040_at	1450	1895	2199	859,666667	1933	1102	1647	1303	-0,179429299	0,69930287
HIST2H2BF	440689	NM_001024599.2	X	2843	3502	3232	267	2482	2281	3318	473	-0,178443546	0,68660008
KTELC1	56983	NM_152305.1	218587_s_at	1392	1478	2242	390	2189	838	1462	2436,7	-0,178330877	0,72642435
RASA4	10156	NM_001079877.1	208534_s_at	457	0	122	1170,333333	0	2512	0	2195	-0,178040534	0,9217745
GTF2E1	2960	NM_005513.2	205930_at	625	345	396	928	2075	0	1760	1147,3	-0,177213391	0,90643155
STRADB	55437	NM_018571.5	X	872	1470	1725	411,666667	1574	496	1645	155,67	-0,176950929	0,75894048
DNAJC16	23341	NM_015291.2	212911_at	0	0	1754	2424,666667	0	0	1032	3307,7	-0,174828494	0,92810765
VAMP7	6845	NM_005638.3	202829_s_at	0	1458	0	1055,333333	0	858	0	1117	-0,17437362	0,92544352
HIST1H4I	8294	NM_003495.2	214516_at	5197	6102	5859	1752,333333	4357	3558	7092	2466,3	-0,174288303	0,70842195

SOCS7	30837	NM_014598.1	214015_at	0	0	2026	597	0	1195	0	1619,7	-0,174273175	0,93043556
NEK11	79858	NM_024800.3	219542_at	2213	2261	1841	1104,666667	1497	1910	1910	2000	-0,17288742	0,69233282
HIST2H4A	8370	NM_003548.2	214516_at	5208	6258	5389	1095	5245	3865	5164	1126	-0,171962637	0,69523332
RING1	6015	NM_002931.3	35685_at	3037	5003	2882	221	5483	3314	1434	1064,3	-0,171524756	0,76380107
XRCC6BP1	91419	NM_033276.2	X	712	2191	2191	731,666667	2601	1534	508	1933,7	-0,170816953	0,80272437
HIST1H2AC	8334	NM_003512.3	215071_s_at	3453	4512	3324	1979,333333	2925	2828	3746	3244	-0,170451532	0,70006712
MCART1	92014	NM_033412.2	X	0	1787	1185	153,333333	0	1005	1259	998,33	-0,169751511	0,92949722
C4orf34	201895	NM_174921.1	222336_at	1128	967	2150	286	1432	683	1432	2582,7	-0,169488019	0,74662819
IQCB1	9657	NM_001023570.1	211707_s_at	3908	2820	2931	1561,666667	2697	2445	2943	2515,3	-0,168995279	0,70038588
EAF2	55840	NM_018456.4	219551_at	3908	2820	2931	1344,333333	2697	2445	2943	1807	-0,168995279	0,70038588
ZRSR2	8233	NM_005089.3	208174_x_at	0	1483	0	1209	895	0	0	1803,7	-0,166147188	0,92938589
SELS	55829	NM_203472.1	X	1367	1657	1245	862,333333	1689	952	1061	3078	-0,165330618	0,71923989
ZNF473	25888	NM_001006656.1	213130_at	0	0	1085	694,333333	655	0	0	550,33	-0,165262582	0,92476225
PTPRC	5788	NM_080921.2	207238_s_at	1549	0	0	1144	938	0	0	1439	-0,165129006	0,93048781
RPP38	10557	NM_183005.3	205562_at	1727	2042	1456	564	2680	1077	1077	2309	-0,164934991	0,74686435
GAK	2580	NM_005255.2	40225_at	0	2463	2777	1569	1594	0	2607	2423,3	-0,164886572	0,93909611
NPR1	4881	NM_000906.2	204648_at	1359	1943	1906	1312,666667	1684	992	1827	1612,7	-0,164876076	0,72573946
P4HA1	5033	NM_001017962.1	207543_s_at	0	961	1532	542,666667	606	1473	0	390,33	-0,163672047	0,92990973
C5orf45	51149	NM_001017987.2	220341_s_at	0	0	2313	423,333333	0	1411	0	446,67	-0,163378736	0,93667291
MRPS30	10884	NM_016640.3	222275_at	949	2356	2468	359	2231	1550	975	261	-0,163042995	0,76642058
BBS9	27241	NM_014451.3	209958_s_at	1035	0	901	779,666667	619	916	0	1326,7	-0,162751192	0,9261229
RPS10	6204	NM_001014.3	211542_x_at	1298	1596	1625	2376,333333	1842	953	1170	3327	-0,162561359	0,72613556
SP3	6670	NM_003111.3	213168_at	1013	1591	2194	1376,333333	2031	670	1584	2181,7	-0,162324349	0,76974004
HIF1AN	55662	NM_017902.2	59999_at	2586	1543	1547	2525	3988	436	2140	3014,3	-0,162239707	0,82490596
LGMMN	5641	NM_005606.5	201212_at	0	1723	0	3904,333333	0	0	1057	3135,3	-0,161069655	0,9337731
PHF19	26147	NM_015651.1	X	2709	1987	4031	1706,666667	2091	3024	2112	2915,3	-0,160981781	0,73504324
SLC39A6	25800	NM_012319.3	202088_at	653	2151	1114	1848	912	993	1064	1560,7	-0,160848729	0,75900453
GHITM	27069	NM_014394.2	209248_at	950	2075	1153	795	1299	879	1223	1733,3	-0,160768727	0,74068061
RBBP5	5929	NM_005057.2	205169_at	1194	3143	1538	1768	1850	1722	1116	2262,7	-0,160466098	0,75593252
GSTZ1	2954	NM_145871.1	209531_at	0	1170	0	147	721	0	0	1076,3	-0,158755978	0,92908387
PLEKHB2	55041	NM_001100623.1	201411_s_at	0	0	798	1332,666667	0	0	490	1987,3	-0,158724227	0,92249523
GNG3	2785	NM_012202.1	222005_s_at	0	1258	1475	2461	0	1117	1026	2672,3	-0,158661557	0,93316635
PARP16	54956	NM_017851.4	219034_at	0	1610	1690	1700	0	956	1763	2970	-0,157670867	0,93637367

MOBK1A	92597	NM_173468.2	X	0	1939	0	2230,333333	0	1203	0	3452,3	-0,157556128	0,93683403
USP38	84640	NM_032557.4	X	0	2456	1200	945,6666667	0	1511	1213	1074,7	-0,15711008	0,93721893
NAMPT	10135	NM_005746.2	217739_s_at	3328	2795	3943	0	3183	2795	2572	887,33	-0,156527646	0,7213994
C12orf61	283416	NM_175895.3	X	1522	1118	1707	731,3333333	593	2710	1118	1104,3	-0,156143613	0,78992739
EI24	9538	NM_004879.3	216396_s_at	0	1170	545	0	507	0	783	214,67	-0,155219551	0,92697228
L3MBTL2	83746	NM_031488.4	X	0	0	1924	2486	0	0	1203	2434	-0,154987402	0,93780955
MPZ	4359	NM_000530.4	210280_at	0	1839	1513	0	1701	0	1026	595,67	-0,153709122	0,9381046
HMGB2	3148	NM_002129.2	208808_s_at	2937	3829	2554	1751,333333	2363	2626	2917	2466,7	-0,153136967	0,72926169
ZNF706	51123	NM_001042511.1	218059_at	642	2903	2031	1084,666667	1928	685	1808	890,67	-0,152890712	0,81505104
COG7	91949	NM_153603.1	213190_at	0	1843	1878	0	1806	1212	0	1657,3	-0,151235182	0,94038272
SH2D3A	10045	NM_005490.1	219513_s_at	1431	1098	2591	1318,333333	1049	1836	1338	769,33	-0,151196967	0,76325483
SLC30A1	7779	NM_021194.2	212907_at	0	0	2669	2057,666667	0	1691	0	1793,3	-0,151052257	0,94324233
EXT1	2131	NM_000127.2	201995_at	1192	2347	1662	2441,333333	959	1736	1772	2834	-0,15009061	0,76058353
FAM91A1	157769	NM_144963.2	X	0	1743	348	2508	777	0	500	2888,3	-0,149202207	0,93105701
RTCD1	8634	NM_003729.2	203594_at	0	1999	912	3142,666667	0	386	2964	3716	-0,14884242	0,93976393
RNF2	6045	NM_007212.3	205215_at	1378	1341	1196	1692	1160	1017	1195	3255,3	-0,148019392	0,73078357
MYD88	4615	NM_002468.3	209124_at	0	1952	4070	809	2845	1788	0	1642	-0,147852566	0,94644356
MTCH2	23788	NM_014342.2	217772_s_at	2362	1005	1940	92,33333333	2194	683	1958	780,33	-0,147824345	0,7996552
HIST1H2BC	8347	NM_003526.2	214455_at	3453	4698	3382	2735,666667	2925	2828	4252	3417	-0,147538326	0,74386435
KIAA0319	9856	NM_014809.3	206017_at	0	0	1558	1311,666667	996	0	0	2457,3	-0,147348228	0,93836232
CSRNP3	80034	NM_024969.2	220462_at	0	0	785	0	0	500	0	256,67	-0,146814942	0,92830103
PLSCR3	57048	NM_020360.2	56197_at	0	801	0	1733,666667	511	0	0	1489	-0,146371047	0,92887536
MAP2K2	5605	NM_030662.2	202424_at	0	997	1034	1120	610	1080	0	2227,7	-0,146338389	0,93457636
LMBRD1	55788	NM_018368.2	218191_s_at	625	664	1117	825,6666667	620	777	620	1841,7	-0,144006391	0,75430791
ITSN1	6453	NM_003024.2	207322_at	655	2097	985	1604,666667	1021	908	948	2137,7	-0,143206189	0,78352788
C16orf14	84331	NM_138418.2	X	2123	2447	3512	1255	2245	2334	2261	1355,7	-0,143172819	0,74837594
YTHDF2	51441	NM_016258.2	217812_at	871	0	0	1193	0	563	0	2214,7	-0,142381027	0,93227114
GMFG	9535	NM_004877.1	204220_at	1866	855	3062	1759,666667	1254	1186	2145	2475	-0,141668209	0,80093448
SAMD4B	55095	NM_018028.2	220457_at	2232	1286	3140	813,3333333	1653	1552	2292	1887	-0,141660481	0,77489265
RAB28	9364	NM_004249.2	207495_at	0	1523	0	0	991	0	0	1658,7	-0,141500266	0,94062324
ACADVL	37	NM_001033859.1	200710_at	0	1221	0	588	0	794	0	1666,3	-0,141278907	0,93781408
FAM60A	58516	NM_021238.1	220147_s_at	2556	2684	3109	278,3333333	2269	2815	2181	1319,3	-0,141149322	0,7455139
PHF16	9767	NM_014735.3	204866_at	921	0	0	1272,666667	0	0	599	1855	-0,140540183	0,9340574

SOAT1	6646	NM_003101.4	221561_at	0	1469	0	355,3333333	0	0	959	2715	-0,140361707	0,94066663
UCHL5	51377	NM_015984.2	219960_s_at	4273	4234	2760	2016,3333333	3157	2733	3792	2460,7	-0,140359226	0,75642895
ACTR5	79913	NM_024855.3	219623_at	878	1128	0	4006	0	688	940	4200,7	-0,139643337	0,93724705
TRIT1	54802	NM_017646.3	218617_at	0	1022	0	484,3333333	0	0	669	1233,3	-0,138709764	0,93650094
USE1	55850	NM_018467.3	221706_s_at	0	0	1217	1919,6666667	0	0	798	1921,3	-0,138554345	0,93901904
DPY19L4	286148	NM_181787.1	213391_at	0	2498	2118	1021,3333333	2849	1221	0	1033	-0,138302363	0,94801117
GLCCI1	113263	NM_138426.2	X	2348	1071	3275	2423,3333333	1203	1686	2678	1284,3	-0,138079496	0,80358552
HIST1H2AJ	8331	NM_021066.2	208583_x_at	4114	3345	3912	2624,3333333	2474	2831	5072	2979	-0,137789403	0,77015834
ATP5G3	518	NM_001689.4	207508_at	2532	862	2103	1711,6666667	2311	874	1499	2108	-0,137630997	0,8100212
LPCAT1	79888	NM_024830.3	201818_at	0	988	0	2115	0	649	0	2370,7	-0,137489546	0,93659268
CNFN	84518	NM_032488.2	X	1466	799	1077	1441,6666667	782	1010	1054	1738,7	-0,136805952	0,76614655
IVD	3712	NM_002225.2	203682_s_at	0	1102	0	818,6666667	727	0	0	1492,7	-0,136350852	0,93868502
MAS1	4142	NM_002377.2	208210_at	1443	0	0	1803,6666667	0	955	0	2279,3	-0,135841614	0,94243381
SRRM2	23524	NM_016333.3	207435_s_at	3035	1184	2350	2119,6666667	1147	1662	2946	2354	-0,134910433	0,80574546
HIST1H2AE	3012	NM_021052.2	208569_at	2364	2257	2652	0	1456	2471	2616	305	-0,13477118	0,76877083
ELP2	55250	NM_018255.1	X	653	1987	1114	342,6666667	912	993	1064	636,67	-0,134603573	0,79260392
PTP4A1	7803	NM_003463.3	200732_s_at	1328	1017	1270	900,6666667	1134	1488	675	318,67	-0,133957292	0,77890394
POGZ	23126	NM_015100.2	212153_at	1718	1148	1148	0	1148	1148	1148	551	-0,132950379	0,76350646
ACTG1	71	NM_001614.2	211995_x_at	1459	2768	3706	538	1997	3016	1666	68,667	-0,132697007	0,79629646
PINX1	54984	NM_017884.4	X	0	1970	477	1202	0	919	689	2186,3	-0,131866038	0,94164643
C1orf54	79630	NM_024579.2	219506_at	1147	1644	2080	1273	1610	1362	1201	2111,3	-0,131643135	0,77390465
SPG7	6687	NM_003119.2	202104_s_at	0	2020	0	76,333333333	1361	0	0	1141	-0,13043836	0,94852261
TMEM110	375346	NM_198563.1	213851_at	989	0	0	2276,6666667	0	664	0	3464	-0,130375391	0,94002158
INPP5F	22876	NM_014937.2	203607_at	0	1631	0	1563	0	1099	0	2201,7	-0,13013032	0,94635154
AP3B1	8546	NM_003664.3	203142_s_at	1440	1157	1605	2514	1671	499	2155	3499	-0,128196576	0,82692862
INTS8	55656	NM_017864.2	218905_at	0	2759	1812	233,3333333	2796	1214	0	298,33	-0,127741492	0,95183166
METTL13	51603	NM_001007239.1	206468_s_at	1296	2515	1366	269,6666667	1530	1296	1530	1767,7	-0,126993119	0,78593232
ANKRD40	91369	NM_052855.2	211717_at	0	0	2073	687,3333333	1415	0	0	1498,7	-0,126177409	0,95051978
PCDH24	54825	NM_017675.3	220186_s_at	0	0	1218	970,6666667	0	0	830	386,67	-0,125956292	0,94478444
C9orf40	55071	NM_017998.2	218904_s_at	0	1938	1220	1725	0	1393	1159	2748	-0,125950214	0,94860674
PFN1	5216	NM_005022.2	200634_at	0	5050	2167	952,3333333	2815	2665	0	876,67	-0,12550084	0,95595419
ORAI2	80228	NM_032831.1	217529_at	706	1757	2682	394	2235	1053	971	1198,3	-0,124837907	0,83401485
GPD2	2820	NM_001083112.1	211613_s_at	651	0	0	853,3333333	0	444	0	1550,7	-0,12407982	0,93702878

N-PAC	84656	NM_032569.2	218506_x_at	0	814	2165	608,6666667	856	0	1415	810	-0,124076204	0,94825866
RHOJ	57381	NM_020663.3	X	1128	0	0	1531	0	775	0	2243,3	-0,123126239	0,94514469
C10orf137	26098	NM_015608.2	213410_at	1625	2816	1314	616,6666667	1120	1850	2000	1441,3	-0,123080043	0,80425028
ZNF335	63925	NM_022095.3	222059_at	0	998	0	866	686	0	0	1563,7	-0,122721206	0,94379575
DLG4	1742	NM_001365.2	210684_s_at	0	1473	0	733	0	1015	0	369,33	-0,122624711	0,94846226
IL4I1	259307	NM_172374.1	207740_s_at	763	2642	1911	388,6666667	1493	1201	1493	2079,3	-0,121492968	0,82201486
ATP6V1D	51382	NM_015994.2	208898_at	2132	1507	1806	392	4621	794	1088	1661,7	-0,121184425	0,85110474
NUP62	23636	NM_016553.3	207740_s_at	739	2618	1887	0	1469	1177	1469	772,33	-0,121184025	0,82369288
PPP6C	5537	NM_002721.3	203529_at	0	1245	1176	708,6666667	2040	0	493	1278,7	-0,120967665	0,94893911
TSPYL2	64061	NM_022117.1	218012_at	0	0	1067	1500,6666667	738	0	0	2076,3	-0,120833744	0,94552778
C17orf61	254863	NM_152766.2	X	0	1608	0	1345,3333333	1116	0	0	1972	-0,120391364	0,95035887
SIX5	147912	NM_175875.3	217661_x_at	0	1147	0	2341,6666667	0	795	0	2393,7	-0,120287897	0,9466553
LZTS2	84445	NM_032429.1	X	1473	3180	4745	1321,6666667	2485	2127	2932	1948,3	-0,120149762	0,82020178
IFI35	3430	NM_005533.2	209417_s_at	625	2502	2643	0	1691	1084	1579	311,33	-0,119851956	0,8431232
STXBP2	6813	NM_006949.1	209367_at	1501	2200	2583	1658,6666667	2094	1245	2279	1713	-0,119482323	0,80273381
PSMC3IP	29893	NM_016556.1	205956_x_at	1410	2653	3455	288,3333333	1500	2491	2420	1058	-0,118535161	0,81509023
MAP2K1	5604	NM_002755.2	202670_at	0	99	218	0	0	1226	0	1055,3	-0,118504639	0,93928901
ASTE1	28990	NM_014065.2	221135_s_at	1894	2141	1721	1022,3333333	1413	1859	1859	1751,7	-0,117997527	0,78690549
CHCHD1	118487	NM_203298.1	X	1764	2341	2920	993	3692	2619	870	1902,7	-0,117721745	0,84105255
MAVS	57506	NM_020746.2	X	913	918	1595	1393,3333333	950	950	1037	1826,7	-0,117573932	0,79652981
KCTD7	154881	NM_153033.1	213474_at	0	0	1676	1527,6666667	1178	0	0	2752,3	-0,116282976	0,95252022
TULP2	7288	NM_003323.1	206733_at	0	0	525	1080,3333333	366	0	0	2531,3	-0,116256588	0,93783925
LEPROT	54741	NM_017526.2	202377_at	0	0	2105	1128,3333333	0	0	1484	1354,3	-0,11553929	0,95496203
LEPR	3953	NM_002303.3	211354_s_at	0	0	2104	161	0	0	1484	1235	-0,11538202	0,95502105
C1orf43	25912	NM_138740.2	X	1283	3993	4096	496	3254	1148	3971	731,33	-0,114836022	0,85762458
FADS1	3992	NM_013402.3	208962_s_at	0	1438	0	2420	1015	0	0	2935	-0,114690527	0,95166306
ANKRD22	118932	NM_144590.2	X	0	0	1082	3144,6666667	0	766	0	4384,3	-0,113253103	0,94922588
NUCKS1	64710	NM_022731.2	217802_s_at	2372	2624	2485	1205	2818	2950	1324	1099	-0,112197272	0,81652932
ZNF460	10794	NM_006635.3	216279_at	1684	2308	2168	0	2832	792	2667	600	-0,111734131	0,84365214
TMEM120B	144404	NM_001080825.1	219154_at	0	0	2300	4814	1649	0	0	4886,7	-0,110061782	0,95790169
GIN1	54826	NM_017676.2	219467_at	2265	2921	2766	2019,6666667	2629	1915	2629	3533,3	-0,107309427	0,80754335
ZNF575	284346	NM_174945.1	X	0	1745	1389	1489,6666667	1102	1595	0	2544,3	-0,105919472	0,95698798
MAPK6	5597	NM_002748.2	207121_s_at	954	1303	1657	0	1353	679	1623	235	-0,105700932	0,83395387

TOMM40L	84134	NM_032174.4	X	1933	1979	1763	133,6666667	1893	1290	2007	286,67	-0,105363093	0,8121287
DNAJC27	51277	NM_016544.1	X	929	2960	2999	1852,6666667	3136	1210	1587	1889,3	-0,10465649	0,86147154
RABL3	285282	NM_173825.3	213970_at	625	345	396	1306,3333333	2290	0	1986	2654	-0,104625644	0,94575116
IDH1	3417	NM_005896.2	201193_at	776	0	0	355,6666667	0	563	0	246	-0,1045747	0,94949607
SLC35C1	55343	NM_018389.3	218485_s_at	0	0	1077	208,3333333	0	783	0	2582,3	-0,10455252	0,95320555
ENY2	56943	NM_020189.4	218482_at	0	2833	1436	2565,3333333	2962	0	1000	2464	-0,104355091	0,96021389
RLF	6018	NM_012421.3	204243_at	0	1929	1777	933,6666667	1929	0	1298	2860	-0,103672573	0,95935492
ILF2	3608	NM_004515.2	200052_s_at	1586	2544	2391	1100	2090	1513	2233	1521,7	-0,103298173	0,82120369
ACBD7	414149	NM_001039844.2	X	1727	1441	1326	382,3333333	2079	1077	1077	785,67	-0,103014855	0,82711218
LZTR1	8216	NM_006767.3	203412_at	0	1140	1993	396	0	1034	1609	2549,3	-0,102836658	0,95809434
TIFA	92610	NM_052864.2	X	699	2946	1996	0	1289	943	2485	1619,7	-0,102822383	0,86851331
CKS1B	1163	NM_001826.1	201897_s_at	1134	3374	3689	1508,6666667	3200	990	3268	1894,7	-0,102422557	0,87334762
ZNHIT1	10467	NM_006349.2	201541_s_at	0	2334	2359	1092,3333333	2476	1634	0	1636,3	-0,101904241	0,96186326
SMPDL3B	27293	NM_014474.2	205309_at	1508	0	0	957,3333333	0	1112	0	924,67	-0,10037428	0,9582972
MRPL10	124995	NM_148887.1	X	0	1596	2875	1969	2184	0	1552	2300	-0,10031531	0,96188584
AKAP8	10270	NM_005858.2	203848_at	1445	1357	1620	0	1203	1620	1203	1509	-0,100095209	0,81849293
MAP7D1	55700	NM_018067.3	217943_s_at	0	0	1701	1379,3333333	0	0	1256	2663,3	-0,100064003	0,9594576
ERC1	23085	NM_015064.2	215606_s_at	965	0	1734	0	1786	690	0	818,67	-0,100018966	0,95821329
TMEM39A	55254	NM_018266.1	218615_s_at	1961	1900	2843	0	2790	1407	1995	347,67	-0,09977057	0,83301232
RPS15A	6210	NM_001019.4	200781_s_at	2088	2531	2772	1982,6666667	2341	1870	2476	2875,7	-0,099758941	0,81977599
SSSCA1	10534	NM_006396.1	203114_at	2420	3183	1935	2754	1532	2005	3588	3640,3	-0,09970661	0,84061018
MRFAP1	93621	NM_033296.1	X	2593	2320	2664	1616,6666667	2556	1764	2630	1635,3	-0,099673908	0,82134409
MTMR10	54893	NM_017762.2	220286_at	1626	2912	775	4083,6666667	1691	773	2094	4439	-0,097151108	0,87211875
DEF6	50619	NM_022047.3	221293_s_at	625	1828	1786	1518,3333333	1749	1563	557	376,33	-0,096107917	0,87571535
UTP3	57050	NM_020368.1	209486_at	3538	3288	2025	0	2252	2477	3178	351,33	-0,094356462	0,83784501
DDX28	55794	NM_018380.2	203784_s_at	625	1896	1611	1572,3333333	1014	1236	1150	1704,7	-0,094070266	0,85754875
TMEM208	29100	NM_014187.3	221597_s_at	656	2886	2643	577	2751	1495	920	1952,3	-0,093780063	0,88696833
OBFC1	79991	NM_024928.3	219100_at	0	0	1963	1968,6666667	0	0	1478	1919,3	-0,093766238	0,96316284
RGL1	23179	NM_015149.3	209568_s_at	2433	1693	1972	0	1873	1207	2710	364,67	-0,092915022	0,84683249
HIST1H2AK	8330	NM_003510.2	207156_at	2609	4305	3543	100,6666667	2609	2609	4421	184	-0,092667017	0,84379831
PSMC6	5706	NM_002806.2	201699_at	1074	2447	1340	2387,6666667	2644	1782	561	4011,3	-0,092538075	0,8826749
LYRM2	57226	NM_020466.4	X	0	1535	1297	1480,3333333	1314	1146	0	3182,7	-0,092033046	0,96188616
NKTR	4820	NM_005385.3	215338_s_at	0	1554	1475	628,6666667	2289	0	755	824	-0,091977538	0,96283156

C5orf54	63920	NM_022090.3	220770_s_at	0	1723	2527	1310,666667	1932	1715	0	1651,3	-0,090425022	0,96543635
ZNF680	340252	NM_178558.3	X	768	0	0	465	583	0	0	1229,7	-0,089847314	0,95671612
CHD9	80205	NM_025134.4	212615_at	0	1587	0	395,3333333	0	1209	0	1329	-0,089709555	0,96323965
LRIG1	26018	NM_015541.2	211596_s_at	0	2580	0	742,6666667	0	1970	0	1791,7	-0,089322534	0,9667697
LTV1	84946	NM_032860.3	X	934	1165	1267	1624,3333333	753	1443	971	1843,7	-0,087529384	0,8499704
P4HB	5034	NM_000918.3	200654_at	1143	2618	2452	1037,3333333	1539	2623	1399	1583,3	-0,086848408	0,86597894
CBWD2	150472	NM_172003.2	220175_s_at	2723	2366	2871	933,6666667	3521	2622	1545	2860	-0,085765294	0,85748014
HIST1H2BL	8340	NM_003519.3	207611_at	6338	6770	6632	418,3333333	4175	5488	9598	1012,7	-0,085565527	0,85768994
NETO2	81831	NM_018092.3	218888_s_at	0	0	819	1410,6666667	632	0	0	1687,3	-0,084629036	0,95991868
ROBLD3	28956	NM_014017.1	218291_at	767	3925	2690	1063,3333333	1659	1417	2690	2700,7	-0,083664048	0,8944082
GOLGA4	2803	NM_002078.3	201567_s_at	2322	2785	1099	0	2982	731	2527	540,67	-0,082970444	0,89492773
SLC25A3	5250	NM_002635.2	200030_s_at	1142	2104	2550	1891,6666667	2311	1085	1906	1730	-0,082142363	0,87332423
USO1	8615	NM_003715.2	201832_s_at	1562	1842	0	568,6666667	0	1291	1741	278,67	-0,081493021	0,96757322
RAB5A	5868	NM_004162.3	209089_at	0	1436	706	1118	1129	702	0	1738	-0,081095126	0,96418207
CPSF4	10898	NM_006693.2	206688_s_at	0	2403	700	3569,3333333	1072	1233	0	3769	-0,080834713	0,96643906
DDX25	29118	NM_013264.2	219945_at	1172	973	2076	1164	1208	1208	1272	1399,3	-0,080690438	0,86359587
SEC14L1	6397	NM_001039573.1	202083_s_at	0	0	1065	1362,6666667	0	833	0	2171,7	-0,080611895	0,96410335
HSPD1	3329	NM_199440.1	200807_s_at	2194	3227	3500	1589,6666667	2543	1930	3976	1115,7	-0,079080122	0,86930251
SPCS2	9789	NM_014752.1	201239_s_at	1824	1873	2349	1437,3333333	2376	1656	1608	2476,7	-0,078561629	0,85966426
ZIK1	284307	NM_001010879.2	X	0	1114	0	1227,3333333	0	878	0	474,33	-0,078166994	0,96556561
ZBTB20	26137	NM_015642.3	205383_s_at	890	381	174	2008,3333333	2517	0	1401	2120,3	-0,076896637	0,96052706
GDAP2	54834	NM_017686.2	219473_at	688	4061	1346	2512,6666667	2320	1547	835	2375	-0,07649248	0,90974162
PSMD10	5716	NM_170750.1	219485_s_at	1729	0	2639	1479,6666667	2761	0	1314	2439,3	-0,075603813	0,9714098
HIST2H3C	126961	NM_021059.2	X	8311	10431	8175	302,3333333	7697	6903	10628	199,67	-0,075569837	0,86521362
NME1-NME2	654364	NM_001018136.1	201577_at	2134	2179	2945	1623,3333333	1500	2300	3160	2656,7	-0,07526183	0,87388029
NME1	4830	NM_000269.2	201577_at	2134	2179	2945	2780,3333333	1500	2300	3160	2924	-0,07526183	0,87388029
HIST1H2BM	8342	NM_003521.2	208515_at	6395	6618	6632	0	4249	5488	9598	413	-0,075154884	0,87429918
ANKRD17	26057	NM_032217.3	222329_x_at	1285	1620	1724	2501	543	1619	3232	2787	-0,07398371	0,90609859
HIST1H4B	8366	NM_003544.2	214516_at	4097	4697	4337	1748,3333333	3519	4049	4702	2493,3	-0,072962132	0,86595452
TIPARP	25976	NM_015508.3	212665_at	0	2679	0	1903	0	2150	0	2831,3	-0,072868906	0,97320285
NOMO1	23420	NM_014287.3	217225_x_at	1386	2276	807	1638,3333333	2392	807	1058	2140,7	-0,072445016	0,89985986
MED26	9441	NM_004831.3	216423_at	2573	2571	2268	1032,6666667	2370	2773	1836	1172	-0,072079458	0,86957771
MEX3C	51320	NM_016626.3	218247_s_at	2308	1975	2102	1877	2037	1762	2149	2387,7	-0,071764749	0,86728624

SCAND1	51282	NM_016558.2	218206_x_at	2950	3192	3010	1154	3135	2111	3451	1678,7	-0,071492707	0,87241012
RECQL4	9401	NM_004260.2	213520_at	0	0	1316	121	0	0	1063	957	-0,070274356	0,9702192
JMJD6	23210	NM_001081461.1	215233_at	3704	3966	5262	971,3333333	3421	3980	4600	731	-0,069894054	0,87418697
CDIPT	10423	NM_006319.3	201253_s_at	0	1268	998	2302,333333	1070	0	957	1511,3	-0,069645599	0,96983487
MCCC1	56922	NM_020166.3	218440_at	903	1547	1176	740	938	938	1512	2589,7	-0,069392726	0,88187974
MEF2A	4205	NM_005587.1	212535_at	0	946	0	1615,666667	0	766	0	2055,3	-0,069133086	0,9684973
CRYZL1	9946	NM_145858.2	219767_s_at	655	1957	1106	1149,666667	1178	952	1032	1776,7	-0,067982847	0,89386011
BOD1	91272	NM_138369.1	X	0	1189	1148	762,666667	1294	0	858	1644	-0,067736152	0,97093693
TMEM187	8269	NM_003492.2	204340_at	3339	3233	5110	1379	2971	3144	4817	636,67	-0,06762431	0,88411978
CA9	768	NM_001216.1	205199_at	886	0	0	1384,333333	723	0	0	2054,7	-0,066520478	0,96925505
CDCA7L	55536	NM_018719.2	X	1454	0	0	244,666667	0	0	1189	537,33	-0,06631085	0,97251974
TLE3	7090	NM_020908.1	212769_at	0	2746	1096	1416,666667	1072	2301	0	2181,7	-0,065863425	0,97423921
C11orf65	160140	NM_152587.3	X	0	1550	0	0	1271	0	0	343,33	-0,065449733	0,97324274
CCDC9	26093	NM_015603.1	206257_at	0	0	1062	0	0	872	0	1605,3	-0,064696565	0,9713192
ANKRD46	157567	NM_198401.2	212731_at	0	1933	1309	957,333333	1443	1443	0	1054,7	-0,064443132	0,97409301
SRRT	51593	NM_015908.4	222047_s_at	1201	2297	2260	2045	3228	592	2667	2049,7	-0,063941554	0,92290292
PSMA3	5684	NM_002788.2	201532_at	1370	2063	2851	1377	2173	1604	1910	1835	-0,063433612	0,89263934
TULP3	7289	NM_003324.3	221964_at	797	0	1654	422,333333	0	656	1659	865	-0,062579959	0,97337525
RXRB	6257	NM_021976.3	209148_at	3638	4992	2485	0	5483	3367	2024	2351,7	-0,062455094	0,90544002
CARD6	84674	NM_032587.3	X	2209	2212	1972	1387	1794	1867	2382	2175,7	-0,062420508	0,88529125
CDKN2AIPNL	91368	NM_080656.1	X	1147	1055	1195	1079	953	1221	1028	1369,3	-0,062321108	0,88483782
RBMX2	51634	NM_016024.2	204097_s_at	0	2356	1579	3382,333333	1866	0	1659	4874,3	-0,060846288	0,9764807
RALY	22913	NM_016732.1	201271_s_at	1903	2237	2577	1304	2444	1490	2512	1388,3	-0,059983658	0,89543056
TACC1	6867	NM_006283.1	217437_s_at	2114	831	1751	1635,666667	2343	496	2196	2688,3	-0,059086851	0,92894636
CASP9	842	NM_032996.1	203984_s_at	0	0	1233	2506,333333	0	0	1032	3469,3	-0,058537779	0,97493469
PRICKLE2	166336	NM_198859.2	X	0	1347	0	2203,333333	1128	0	0	2766,7	-0,058432608	0,97544997
ATP2C1	27032	NM_001001486.1	209935_at	1569	1454	2433	5803,333333	1906	1318	1852	4227,3	-0,058398589	0,89877821
BOLA3	388962	NM_001035505.1	X	1135	2861	2131	1741,333333	2240	1721	1508	1701,3	-0,058117454	0,90710077
TBL3	10607	NM_006453.2	209820_s_at	3377	4652	2785	2128	4681	2575	3062	2338,3	-0,056410516	0,90471293
TROVE2	6738	NM_001042369.1	212839_s_at	3274	4234	2760	1836,333333	3157	2697	3792	2753,7	-0,056342608	0,89963664
C20orf135	140701	NM_080622.3	X	0	462	424	2013,666667	388	0	424	2753,7	-0,05619331	0,96962404
AVEN	57099	NM_020371.2	219366_at	0	1269	0	3178	0	0	1071	2947,3	-0,055826328	0,97626357
RMND5A	64795	NM_022780.2	212482_at	977	3685	2714	1376	1480	3559	1571	2207	-0,055736381	0,92669926

C14orf138	79609	NM_001040662.1	218940_at	625	976	142	361,6666667	2804	1978	0	2715	-0,055614835	0,9728814
APOO	79135	NM_024122.2	200032_s_at	0	871	0	713,3333333	0	0	738	1388,3	-0,054217241	0,97494612
KDSR	2531	NM_002035.2	202419_at	0	1177	0	1326,3333333	0	1000	0	243,67	-0,053581319	0,97686086
SEC24A	10802	NM_021982.1	212902_at	3133	2331	4070	316	3318	2771	2753	896	-0,053398699	0,90566614
NUAK2	81788	NM_030952.1	220987_s_at	1039	1603	1631	0	1493	1231	1262	378,33	-0,052298368	0,90678158
PIGO	84720	NM_152850.2	214991_s_at	888	1514	1576	0	2349	654	1174	519	-0,051815817	0,92598282
KIF16B	55614	NM_024704.3	219570_at	0	771	0	3181,6666667	0	658	0	4285,3	-0,051737154	0,97542194
NLRX1	79671	NM_024618.2	219680_at	0	1296	0	1154	0	1111	0	1349	-0,050706225	0,97857181
GCDH	2639	NM_013976.2	208369_s_at	0	1031	419	1083,6666667	216	1676	0	2394,3	-0,050093373	0,97684054
PPP1R14B	26472	NM_138689.2	212680_x_at	660	1677	2415	3535	1357	1162	1466	5086,3	-0,049601346	0,92760526
CYCS	54205	NM_018947.4	208905_at	1532	1245	2169	1077,3333333	1667	1333	1603	1175	-0,049596986	0,9125223
RPL29	6159	NM_000992.2	213969_x_at	1647	2143	1735	1808,3333333	1876	1542	1823	2290,3	-0,049424882	0,90918982
CKAP2	26586	NM_018204.3	218252_at	1915	1537	3162	1992,3333333	942	3348	2539	2460,3	-0,048819826	0,93227092
ZKSCAN4	387032	NM_019110.3	213625_at	1432	0	0	1024,6666667	1235	0	0	576,67	-0,048782965	0,97982696
TRAPPC3	27095	NM_014408.3	203512_at	0	0	1125	1276	0	0	970	2574,7	-0,048713967	0,97878716
PTCD1	26024	NM_015545.2	202961_s_at	0	2403	941	1542,6666667	1313	1489	0	2668,7	-0,048713703	0,9803604
KIF27	55582	NM_017576.1	X	0	0	1071	0	0	0	924	721,67	-0,04848034	0,9786605
POLR3D	661	NM_001722.2	208361_s_at	0	2508	0	319	0	2168	0	308,33	-0,048249531	0,98215514
HIST1H4E	8367	NM_003545.3	214516_at	5831	6126	7522	3904	6306	4146	8900	4275,7	-0,047733794	0,91946099
SLC35E2	9906	NM_182838.1	215169_at	1364	2113	2150	666,3333333	1866	1337	2150	355	-0,047717547	0,91752541
S100A6	6277	NM_014624.3	217728_at	625	0	0	560	0	0	540	843	-0,047500021	0,97629757
S100A5	6276	NM_002962.1	207763_at	625	0	0	2124	0	0	540	2980,7	-0,047500021	0,97629757
S100A10	6281	NM_002966.2	200872_at	0	1066	0	945,3333333	0	0	923	2018	-0,04729729	0,97916767
NF2	4771	NM_000268.2	218915_at	0	1082	1301	563,3333333	785	0	1553	1333,3	-0,046839548	0,98009412
COX7C	1350	NM_001867.2	201134_x_at	1175	1335	1441	1955,6666667	1755	687	1621	2309,3	-0,046779647	0,92570047
HYPK	25764	NM_016400.2	210183_x_at	2830	3004	2129	2300	3514	1629	2745	3727,7	-0,046594813	0,92236018
C9orf128	392307	NM_001012446.1	X	0	0	1767	1575,3333333	0	1535	0	2029	-0,046493799	0,98159819
C9orf127	51754	NM_016446.3	207839_s_at	0	0	1767	2097,3333333	0	1535	0	2461,3	-0,046493799	0,98159819
MFSD11	79157	NM_024311.2	X	2714	4808	4066	446,6666667	3639	4378	2901	1352,7	-0,045875267	0,92089413
NKIRAS1	28512	NM_020345.3	X	1700	2672	1961	573,6666667	1784	1889	2307	897	-0,045098745	0,9193462
PAK4	10298	NM_001014834.2	203154_s_at	0	1736	0	97,66666667	0	1517	0	591,33	-0,044537661	0,98231966
IMP3	55272	NM_018285.2	221688_s_at	1536	3558	3460	1338,6666667	2818	2801	2097	2210,3	-0,044536972	0,92848469
RNF207	388591	NM_207396.2	X	1123	1123	1222	1472,3333333	1376	423	2294	1600,7	-0,043310897	0,943325

FNTB	2342	NM_002028.3	1773_at	0	0	2569	1529,333333	2255	0	0	2130,3	-0,043186251	0,98412221
CUTA	51596	NM_001014838.1	221488_s_at	964	1904	4206	1528	2224	1868	1639	2336	-0,042853488	0,94021038
C19orf66	55337	NM_018381.2	53720_at	0	0	1061	1186,666667	0	932	0	1944	-0,042568883	0,98125966
IDE	3416	NM_004969.2	217496_s_at	733	2395	2834	1900,666667	3425	950	1347	1944,3	-0,042481334	0,94851634
ZNF187	7741	NM_001023560.1	213218_at	2065	0	0	1817,333333	1820	0	0	3223,7	-0,041774471	0,98399115
TM2D2	83877	NM_031940.3	X	1158	2756	2786	429	1916	1237	3309	423,67	-0,04160006	0,94026991
CNNM2	54805	NM_017649.3	206818_s_at	0	1138	0	906	0	1003	0	2171	-0,041509108	0,98201166
SRF	6722	NM_003131.2	202401_s_at	774	2307	1616	185	1616	2103	750	1431,7	-0,040949041	0,9434177
STX10	8677	NM_003765.1	212625_at	2821	4252	3639	0	3416	3578	3159	1415,7	-0,040765392	0,92587222
EIF2S1	1965	NM_004094.4	201144_s_at	1550	1499	1843	1310,666667	4365	794	1088	2054,7	-0,039671839	0,94969262
RNF4	6047	NM_002938.3	212696_s_at	1081	1623	2166	1579	2483	1370	992	1969,3	-0,038920165	0,93995754
LNX2	222484	NM_153371.3	X	842	1772	3606	1975,666667	1711	2609	1075	2401	-0,038762316	0,94897812
THAP11	57215	NM_020457.2	212910_at	1139	1866	2180	1868,666667	1637	1694	1488	2351,7	-0,038620525	0,9329191
SNTB1	6641	NM_021021.2	214708_at	0	1890	0	4130,333333	0	0	1683	4231,3	-0,03834364	0,9850624
HIST2H3A	333932	NM_001005464.2	X	8318	10431	7997	1586	8552	6843	10566	1970,7	-0,038329892	0,93126743
C1orf124	83932	NM_032018.4	X	2688	2305	4475	0	2932	2184	3865	2384	-0,037718862	0,93762636
ADAM9	8754	NM_001005845.1	202381_at	1094	2692	2735	3604,666667	1852	1173	3309	3439,3	-0,037709223	0,94690466
MYLIP	29116	NM_013262.3	220319_s_at	1458	1698	916	3570,666667	2085	983	986	3384,3	-0,037705504	0,94042395
ANKZF1	55139	NM_001042410.1	218274_s_at	1029	2704	1922	846,666667	3196	716	2081	1498,7	-0,037064226	0,9529212
BARD1	580	NM_000465.2	205345_at	1075	1892	1111	610,333333	1893	961	1111	223,67	-0,036648714	0,94016765
SPATS2	65244	NM_023071.3	218324_s_at	3308	2171	3057	2233,666667	1937	3322	3056	2122,7	-0,036446755	0,93729704
BCL10	8915	NM_003921.3	205263_at	801	729	1016	2387,333333	960	494	1117	2440,3	-0,036037709	0,94069252
ZNF416	55659	NM_017879.1	X	0	1215	0	1932	0	1089	0	1767,3	-0,036024741	0,98463533
HIST1H3C	8352	NM_003531.2	214509_at	0	1707	0	880,666667	0	0	1534	1530,7	-0,035292282	0,9859807
C1orf103	55791	NM_018372.3	220235_s_at	0	0	1170	141,666667	0	1051	0	1308,3	-0,035276483	0,98483495
RPL15	6138	NM_002948.2	221476_s_at	1427	2374	1663	1585	1574	1602	2009	2129,3	-0,035251765	0,93750561
HIST2H2AA3	8337	NM_003516.2	218280_x_at	8865	10431	8399	1964	8768	7498	10638	2049,7	-0,034874414	0,93641466
XIAP	331	NM_001167.2	206536_s_at	0	0	1068	1496	0	961	0	2525,3	-0,034675887	0,98479583
STAMBPL1	57559	NM_020799.2	X	1075	0	1962	701,666667	0	1213	1567	786,67	-0,034560514	0,98594044
RGS18	64407	NM_130782.2	X	0	850	0	901,666667	0	765	0	624,67	-0,034478529	0,98408458
TIRAP	114609	NM_001039661.1	X	1369	0	1398	3360,333333	0	1172	1472	3525	-0,034167726	0,9859145
PITRM1	10531	NM_014889.2	205273_s_at	0	863	0	1513,666667	0	778	0	2335,7	-0,033941124	0,98439018
UBAP2L	9898	NM_014847.2	209947_at	1513	4083	3416	619	3483	1378	3971	2646,3	-0,033623737	0,95392569

BCL9	607	NM_004326.2	204129_at	0	1564	0	553	0	0	1413	1571,7	-0,033505624	0,98645865
KCTD13	253980	NM_178863.2	221889_at	0	1385	1524	394	3300	0	573	434,33	-0,033391933	0,98670775
C20orf3	57136	NM_020531.2	206656_s_at	0	1363	1327	772,3333333	0	1375	1190	971	-0,033003632	0,98631253
MYL6	4637	NM_021019.3	212082_s_at	2817	5239	5520	777,6666667	3645	5120	3960	2494,7	-0,032498898	0,94530575
KIAA1683	80726	NM_025249.2	X	625	0	550	0	0	1178	260	1806	-0,032432129	0,98418738
PSENN	55851	NM_172341.1	218302_at	0	1671	0	818,3333333	1516	0	0	363,33	-0,032145914	0,98718746
RPS6KB1	6198	NM_003161.2	204171_at	1458	1086	958	121,3333333	1526	367	2420	600	-0,032035052	0,9613164
SNX2	6643	NM_003100.2	202114_at	0	0	951	2042,333333	0	0	863	2555	-0,03183908	0,98568724
RAD9A	5883	NM_004584.2	204828_at	725	2514	1000	0	1634	1477	687	448,33	-0,031714272	0,95687753
CAPG	822	NM_001747.2	201850_at	0	395	0	0	0	358	0	226	-0,031526247	0,98240216
MTAP	4507	NM_002451.3	211363_s_at	1016	2068	1284	1551,333333	1658	1261	1177	1788	-0,030650643	0,94812245
TRMT12	55039	NM_017956.3	219299_at	1537	2506	2581	414	2195	1988	2083	637,67	-0,029849596	0,94708255
PPP1R3B	79660	NM_024607.2	X	0	2483	0	683,6666667	0	2272	0	953,67	-0,029416499	0,98915677
STARD3	10948	NM_006804.2	202991_at	733	0	0	1259,666667	670	0	0	1527	-0,029328047	0,98601005
TMEM70	54968	NM_001040613.1	219448_at	1073	4122	2375	388	4557	1829	1154	366	-0,029189616	0,96427824
P2RY12	64805	NM_022788.3	X	869	0	0	1950,666667	0	797	0	2422	-0,028318907	0,98702155
C3orf1	51300	NM_016589.3	X	1361	1477	1472	1188	882	1514	2031	1886,7	-0,02808591	0,95290858
TBCC	6903	NM_003192.2	202495_at	1556	2796	2634	1227,666667	1195	3285	2678	3085,7	-0,02807874	0,95772244
ATG9A	79065	NM_001077198.1	202492_at	1180	2704	1964	1548,666667	3196	830	2166	3085,7	-0,027684922	0,96261347
PPIE	10450	NM_203456.1	202494_at	1050	711	1462	1000	791	1602	793	1107,7	-0,027024905	0,95733616
FXC1	26515	NM_012192.3	217981_s_at	0	2286	1237	714	3057	0	850	378,33	-0,02692768	0,98950858
BET1	10282	NM_005868.4	202710_at	1526	2522	2217	1874,333333	2363	1941	1716	3407	-0,026817078	0,95265833
PRKAA1	5562	NM_006251.5	214917_at	0	1125	2603	742	995	0	2712	1689	-0,026762165	0,98958521
RAD23A	5886	NM_005053.2	201046_s_at	2300	2669	3919	1715	2243	2670	3707	479,33	-0,026651092	0,95430036
C4orf37	285555	NM_174952.1	X	1286	0	0	1231,333333	0	1188	0	1418,3	-0,026104921	0,98903508
RNF126	55658	NM_194460.1	215031_x_at	476	0	1026	617,6666667	513	881	0	730,33	-0,0257815	0,98776149
DDX39	10212	NM_005804.2	201584_s_at	1354	1124	1354	5831,666667	1124	1510	1124	4272	-0,025338666	0,95365588
Sep 09	10801	NM_006640.3	41220_at	0	0	1010	736	0	936	0	1530,3	-0,024977943	0,98894716
CAPNS1	826	NM_001749.2	200001_at	1519	1764	1941	3092,333333	1977	1493	1634	3641,3	-0,02491307	0,95429194
RHEB	6009	NM_005614.3	201452_at	1620	1883	1950	3050,666667	1641	1696	1984	3641,3	-0,024601881	0,95436675
ZADH2	284273	NM_175907.3	X	625	2414	2838	1978	2443	856	1911	2419,7	-0,024294532	0,97057839
SUZ12	23512	NM_015355.1	213971_s_at	1361	1361	786	1741,666667	1256	1066	1012	1611,3	-0,024044895	0,95801008
ATP5H	10476	NM_006356.2	210149_s_at	0	1433	1439	1498,666667	1313	0	1461	1670,3	-0,023830632	0,99026384

PPP2R5B	5526	NM_006244.2	204611_s_at	1103	951	1014	1263,333333	1504	1438	454	3360,7	-0,023669096	0,9653955
DVL3	1857	NM_004423.3	201908_at	0	1375	2527	2107	0	2457	1317	3299,3	-0,023515269	0,99093874
HIST2H2AA4	723790	NM_001040874.1	218280_x_at	8865	10431	8399	476,3333333	9099	7498	10638	382	-0,022543194	0,95886506
C15orf39	56905	NM_015492.4	204494_s_at	625	2574	647	1063,666667	929	1136	929	2124	-0,02237399	0,96983839
NFRKB	4798	NM_006165.2	206968_s_at	0	1226	908	950	0	939	1113	1378,3	-0,020812305	0,99093365
RBM3	5935	NM_006743.3	208319_s_at	0	2490	978	2440	1268	0	1813	4597	-0,01961352	0,99219193
EIF2C1	26523	NM_012199.2	218287_s_at	1593	1442	611	1297,333333	1451	651	1402	1451,7	-0,019450611	0,97179294
SPCS1	28972	NM_014041.2	217927_at	2418	3004	1750	1338	3070	1792	2179	2285	-0,019418458	0,96683203
GBA2	57704	NM_020944.2	X	1878	0	3233	1409	3849	1487	0	2285	-0,019233942	0,99299708
C10orf119	79892	NM_024834.2	217905_at	804	0	1381	0	0	807	1298	432	-0,019213366	0,99166227
CXorf15	55787	NM_018360.1	219969_at	1164	0	0	1902,666667	1098	0	0	844,33	-0,019202516	0,99177851
C6orf182	285753	NM_001083535.1	X	0	1041	1370	138,3333333	633	0	2116	1354,7	-0,019153851	0,99198049
KIFAP3	22920	NM_014970.2	203333_at	0	1191	0	411,6666667	0	0	1126	1283	-0,018468009	0,99213381
ARNT	405	NM_001668.2	210828_s_at	0	1251	0	734	0	0	1183	1450,3	-0,018402941	0,99224367
RPL5	6125	NM_000969.3	200937_s_at	1274	1534	1259	2855	1838	1610	786	428,33	-0,01773947	0,97088781
ATP6V1F	9296	NM_004231.2	201527_at	1523	2294	2793	1360	1685	2182	2521	2222	-0,017153602	0,9705035
SLC25A13	10165	NM_014251.1	203775_at	0	0	1434	2017,666667	1362	0	0	2459,3	-0,016988815	0,99304531
RPL24	6152	NM_000986.3	214143_x_at	1529	1827	2088	566,3333333	1761	1939	1623	2307	-0,016958368	0,96880142
C10orf111	221060	NM_153244.1	X	1979	1652	1927	376,6666667	2680	1494	1494	729,33	-0,016864694	0,97075105
WDR3	10885	NM_006784.1	218882_s_at	696	3287	1561	2215	2315	1762	835	3940,7	-0,016686534	0,97911218
LAMB4	22798	NM_007356.2	216622_at	808	0	0	657	0	768	0	2074,3	-0,016607835	0,99229123
ZNF302	55900	NM_001012320.1	218490_s_at	0	1583	0	208,3333333	0	1506	0	1415,7	-0,016461611	0,99339773
SAP30L	79685	NM_024632.4	219129_s_at	0	0	1840	1757,333333	1751	0	0	1769	-0,016389198	0,99362255
RPL22	6146	NM_000983.3	220960_x_at	1123	1123	1222	1467	1376	423	2494	1738,7	-0,015620984	0,97997699
CCNB1	891	NM_031966.2	214710_s_at	1173	0	816	2716,333333	1324	0	691	2813,7	-0,014454237	0,99363161
TRDMT1	1787	NM_004412.4	206308_at	0	0	692	1716	0	662	0	1946,3	-0,014453131	0,99304766
WDR17	116966	NM_181265.2	X	661	0	0	950	633	0	0	1368,7	-0,014100793	0,99314304
MRPL24	79590	NM_024540.2	218270_at	1538	4771	4481	448	2939	3025	3553	1398,3	-0,014016244	0,97914492
IPP	3652	NM_005897.1	219843_at	909	1012	1396	0	1156	979	1089	1563,7	-0,013705812	0,97518834
C6orf138	442213	NM_001013732.2	X	0	0	916	1268	0	879	0	2401,7	-0,013517834	0,99390947
POLL	27343	NM_013274.2	221049_s_at	0	916	0	1830	0	881	0	2172	-0,012772955	0,99424654
KLF1	10661	NM_006563.3	210504_at	0	918	0	2694	0	884	0	2280	-0,012374055	0,99442972
TFIP11	24144	NM_001008697.1	202750_s_at	0	0	1799	1384,666667	1736	0	0	1813,3	-0,011782433	0,99540092

MTBP	27085	NM_022045.3	X	1944	3358	2668	1494,666667	2394	2633	2668	2003	-0,011740111	0,97906111
IFT20	90410	NM_174887.2	210312_s_at	0	1375	0	1055	1327	0	0	2465	-0,011714236	0,99517041
LRRFIP1	9208	NM_004735.2	211452_x_at	0	1606	2227	2264,333333	0	2657	1299	2497,3	-0,011502797	0,99558287
XAB2	56949	NM_020196.2	218110_at	1622	2642	3184	2047,666667	2695	1699	2880	1815,7	-0,01137922	0,98117126
NUP54	53371	NM_017426.2	218256_s_at	0	2250	2533	480,3333333	0	2040	2700	1227,7	-0,011271898	0,99584478
GLIPR1L1	256710	NM_152779.2	X	957	0	0	1122,333333	0	925	0	2168,3	-0,011158643	0,99502563
PGAP1	80055	NM_024989.3	213469_at	1382	1510	2509	715,6666667	2434	1100	1892	1177	-0,010700309	0,9828873
ZNF267	10308	NM_003414.3	219540_at	0	1103	0	1772,333333	0	0	1069	2672,7	-0,010294491	0,99555365
HSPE1	3336	NM_002157.1	205133_s_at	1969	3160	3230	1507,666667	2693	1938	3742	2320	-0,009446739	0,98421715
APLF	200558	NM_173545.1	X	1528	0	0	3214	0	0	1486	3538,3	-0,009199007	0,99629209
CCDC66	285331	NM_001012506.1	X	1321	1867	1583	0	2257	1905	884	393	-0,00808484	0,98713596
MRPS18B	28973	NM_014046.2	217408_at	3359	4402	4304	451	4142	3256	4617	1857,3	-0,007235154	0,98688777
MMADHC	27249	NM_015702.1	217883_at	1639	1877	2550	448,6666667	2949	1455	1788	1002,3	-0,007178498	0,987981
ASPSR1	79058	NM_024083.2	X	0	0	1798	0	0	1760	0	593,67	-0,007060836	0,9972475
HCFC1	3054	NM_005334.2	202473_x_at	3082	2819	4382	0	3285	3410	3331	377	-0,006751997	0,98776543
MESDC2	23184	NM_015154.1	X	1289	1692	1765	1831	1269	1103	2691	2515,7	-0,006598054	0,98939699
UBE2W	55284	NM_018299.3	218521_s_at	1738	3070	0	1520,333333	3072	0	1703	1756,3	-0,006506565	0,99759793
TSEN34	79042	NM_024075.2	218132_s_at	1211	0	0	263	1189	0	0	983,67	-0,00603583	0,99744853
HNRNPA0	10949	NM_006805.3	201054_at	1048	1163	2443	290	1099	1333	1998	574	-0,006018632	0,99055527
TPR	7175	NM_003292.2	201731_s_at	1078	2710	3046	153,3333333	2524	1223	2835	888,33	-0,005849942	0,99170781
RABL2A	11159	NM_013412.1	220500_s_at	0	1601	2407	4767	2373	1601	0	3504,3	-0,004712483	0,99820128
PCBD2	84105	NM_032151.4	X	0	0	1535	230,6666667	1515	0	0	410	-0,004329065	0,99825929
NOSIP	51070	NM_015953.3	217950_at	2104	1479	1612	0	1695	1479	1976	1884	-0,004183904	0,99241626
ZNF512	84450	NM_032434.2	X	1287	0	0	2358,333333	0	1271	0	2658,7	-0,004121639	0,99828111
GDF6	392255	NM_001001557.1	X	965	0	0	2358,333333	0	953	0	2658,7	-0,004106828	0,99817698
MTDH	92140	NM_178812.2	212248_at	3907	3607	4205	2558	4097	3732	3831	3905,3	-0,00385484	0,99278553
CYP11A1	1583	NM_000781.2	204309_at	880	0	0	1974,666667	0	873	0	2379,3	-0,002617325	0,99881444
ATPBD4	89978	NM_080650.2	X	0	2436	1581	169,6666667	2680	1426	0	404	-0,002420361	0,99907822
HSD17B8	7923	NM_014234.3	213540_at	3037	3238	1183	585,3333333	3673	2195	1434	2071,7	-0,002359259	0,9966687
FBXO48	554251	NM_001024680.1	X	1448	0	0	1440,666667	0	0	1438	2209	-0,002286246	0,99907023
PCGF3	10336	NM_006315.4	212753_at	1373	1802	1243	1493	1706	1339	1339	1639	-0,001847315	0,99665504
PHF13	148479	NM_153812.1	217658_at	0	1679	0	1095,666667	0	0	1671	2490,3	-0,001577912	0,99937746
FITM2	128486	NM_001080472.1	X	0	1266	810	1728,333333	0	743	1373	2248,7	-0,001492387	0,99934897

ZNF576	79177	NM_024327.1	219088_s_at	1517	2046	1484	2408	1195	1903	2020	3678	-0,000721479	0,99874144
C17orf95	124512	NM_001080510.2	X	1674	1982	1880	1346,666667	2181	1002	2845	2344,7	-0,000228422	0,99964075
ORMDL3	94103	NM_139280.1	X	0	1120	787	1444,333333	745	1182	0	1696,3	-0,000201466	0,99991045
IQGAP1	8826	NM_003870.3	200791_s_at	947	0	0	2121	0	0	947	3161	-8,88E-16	1
PPT1	5538	NM_000310.2	200975_at	0	1545	0	2309	0	0	1545	2634,7	0	1
C10orf32	119032	NM_144591.2	X	0	1770	0	554,333333	1770	0	0	1235	0	1
C19orf22	91300	NM_138774.2	221764_at	0	0	1525	370,666667	0	1525	0	4434,3	0	1
KISS1R	84634	NM_032551.3	X	0	0	924	1965	0	924	0	2184,3	0	1
C20orf4	25980	NM_015511.3	218089_at	0	0	812	2390,666667	0	0	812	2347	0	1
CD55	1604	NM_000574.2	201925_s_at	661	0	0	561,333333	0	0	661	1159,3	4,44E-16	1
SNHG3-RCC1	751867	NM_001048197.1	206499_s_at	0	625	625	169,666667	625	0	625	404	8,88E-16	1
CDK10	8558	NM_052988.3	203469_s_at	0	997	0	0	0	0	997	398	8,88E-16	1
ZNF585A	199704	NM_152655.2	X	0	1670	0	0	0	1670	0	1046,3	8,88E-16	1
GLB1	2720	NM_001079811.1	201576_s_at	0	1562	0	588	0	1562	0	1644,7	1,78E-15	1
TMPPE	643853	NM_001039770.1	X	0	1583	0	0	0	1583	0	414,33	1,78E-15	1
C1orf27	54953	NM_017847.4	218721_s_at	934	2710	3046	976	2524	1079	2835	1827,3	2,21E-05	0,9999706
SFMBT2	57713	NM_001029880.1	X	1032	1584	1721	1534,333333	920	1599	1918	1829,7	0,001229679	0,99798264
HIST1H1C	3006	NM_005319.3	209398_at	1401	3525	2959	979,333333	2601	1771	3200	1867	0,002527234	0,99608444
HECTD2	143279	NM_173497.1	X	0	1649	0	1072,666667	0	0	1662	2106,7	0,002594047	0,99897414
PPP4R2	151987	NM_174907.2	X	0	769	0	2299,666667	0	776	0	3498,3	0,002962982	0,99861838
C1orf2	10712	NM_006589.2	203550_s_at	625	1831	1293	1348,333333	1831	492	1652	359,33	0,003189726	0,99593497
CES2	8824	NM_198061.1	209668_x_at	2091	2510	2510	1282	2113	2510	2510	1509	0,003464053	0,99357508
STYK1	55359	NM_018423.1	220030_at	655	0	0	220,333333	0	662	0	1294,3	0,00346452	0,99832243
RRAD	6236	NM_004165.1	204803_s_at	1490	1909	1909	0	1507	1909	1909	1185,3	0,00374412	0,99314126
TRRAP	8295	NM_003496.1	214908_s_at	1281	1079	1570	868	1251	1257	1397	176	0,003917406	0,99282301
C10orf46	143384	NM_153810.4	X	726	2843	0	1754,666667	0	1329	1581	2282	0,004261105	0,99829429
ZBTB48	3104	NM_005341.1	205025_at	0	1445	0	1726,666667	0	0	1464	2683,7	0,004309916	0,9982501
C9orf37	85026	NM_032937.3	X	918	2484	1694	1533,666667	1449	866	3116	2719,7	0,004459409	0,9939988
POMZP3	22932	NM_012230.3	210910_s_at	2470	2642	2380	1995,333333	2934	2523	2127	3461	0,004576305	0,99155784
RNF103	7844	NM_005667.2	202636_at	1112	2092	1396	1565,333333	1524	1410	1535	1678,3	0,004812186	0,9915525
ZNF143	7702	NM_003442.4	221873_at	1386	2085	3230	888,666667	2323	1944	2101	1645,7	0,005006185	0,9916357
COL11A2	1302	NM_080680.2	213870_at	2305	2418	1183	3054,333333	2129	2195	1434	3338	0,005064558	0,99167127
GNL3	26354	NM_014366.4	217850_at	1466	2022	2058	1664	1834	1695	1997	1861	0,00569169	0,98960276

SRCAP	10847	NM_006662.2	212275_s_at	0	1247	0	780,6666667	1272	0	0	926,33	0,006538721	0,99726421
FAM134C	162427	NM_178126.2	212697_at	2126	3473	3446	840,3333333	2995	2499	3472	1620	0,006899292	0,98790721
UBR5	51366	NM_015902.4	208883_at	1286	3272	981	2542	2180	1376	1411	3541	0,007325936	0,98932993
RP11-529I10.4	25911	NM_015448.1	X	0	1117	0	757,3333333	0	1144	0	2254,7	0,007857195	0,99663578
MGEA5	10724	NM_012215.2	214972_at	1307	3482	2364	869,6666667	2105	2491	2105	1069,7	0,007929534	0,98722167
LMNB1	4001	NM_005573.2	203276_at	3418	3356	3925	2215	4154	2674	4154	2895	0,008232367	0,98525302
ATP6V1B2	526	NM_001693.3	201089_at	0	1344	0	0	0	1378	0	940	0,008236853	0,99660933
CBWD5	220869	NM_001024916.2	220175_s_at	2762	1152	2857	1359,3333333	3910	1669	1430	1321,7	0,008610459	0,98793493
PUS3	83480	NM_031307.2	221277_s_at	1612	1178	2470	0	1648	1648	1776	199	0,008846298	0,98480513
CCDC25	55246	NM_018246.2	218125_s_at	0	1826	912	1102	0	1309	1309	2111,7	0,008935909	0,99630172
MCM10	55388	NM_182751.1	220651_s_at	1786	731	0	0	866	0	1552	386,67	0,009050974	0,99617992
MTMR2	8898	NM_201278.1	203211_s_at	0	1719	1686	0	1601	0	1861	386,67	0,00914954	0,99640753
CHAC1	79094	NM_024111.2	219270_at	0	0	1524	1118	0	0	1567	1961	0,009185671	0,99631647
TUBG1	7283	NM_001070.3	201714_at	2126	3473	3446	1617,6666667	3017	2499	3472	2345,3	0,009326755	0,98365414
SP4	6671	NM_003112.3	206663_at	1500	0	693	913,3333333	1018	0	1053	1849,7	0,009383559	0,99592148
RUFY2	55680	NM_017987.4	X	0	0	1232	1219	0	0	1268	1521,7	0,009486806	0,99602435
DNAJC2	27000	NM_014377.1	213097_s_at	3824	3524	3032	899,3333333	3452	3324	3670	625,33	0,010005979	0,98138362
PPP2R1B	5519	NM_181699.2	202883_s_at	0	1557	0	482,3333333	1605	0	0	1303,7	0,010025818	0,99599806
TRIM38	10475	NM_006355.2	203610_s_at	1640	2544	1575	763,6666667	2400	1647	1717	1213,7	0,010615404	0,9814728
C1orf63	57035	NM_020317.3	209007_s_at	1552	1572	2148	0	1658	1578	2071	489,33	0,010993753	0,98007648
UFC1	51506	NM_016406.3	217797_at	1574	1901	1827	2076,6666667	1865	1595	1901	3022,7	0,011183043	0,97923332
UQCRB	7381	NM_006294.2	205849_s_at	1598	1654	1598	1559,3333333	1654	1598	1654	1988	0,011376282	0,97859756
SLK	9748	NM_014720.2	206874_s_at	975	1089	1089	46,33333333	1791	253	2565	396,33	0,011435332	0,98791801
DAG1	1605	NM_004393.2	205417_s_at	0	0	1699	2824,6666667	0	1759	0	3840	0,011469021	0,9955036
C16orf89	146556	NM_152459.3	X	0	1086	0	410	0	0	1126	1218,3	0,011895404	0,99488249
TMEM149	79713	NM_024660.2	219690_at	0	2099	0	1547,6666667	2177	0	0	3041,7	0,012077494	0,99545771
BNIP3L	665	NM_004331.2	221479_s_at	0	0	1146	1513,6666667	0	0	1190	2345,7	0,012399288	0,99472808
RNF168	165918	NM_152617.2	X	1802	1874	1802	1553,3333333	1802	1874	1874	2345,7	0,0129536	0,97563534
C7orf25	79020	NM_024054.2	221573_at	0	0	1230	4377	0	0	1280	4090	0,013125055	0,99450425
C20orf24	55969	NM_018840.2	217835_x_at	1241	1675	1094	0	1197	1210	1635	140,67	0,013289571	0,97629282
FAM96B	51647	NM_016062.1	218074_at	2091	2510	2510	1260	2179	2510	2510	2312,7	0,013645316	0,97463945
PBRM1	55193	NM_018313.3	220355_s_at	1669	2470	2327	1522,6666667	2150	2011	2313	2371,7	0,013681152	0,97512065
ETHE1	23474	NM_014297.3	204034_at	0	1144	850	532	1021	994	0	1537	0,013931698	0,99387394

KIF2B	84643	NM_032559.4	X	709	0	0	1414	0	740	0	1548,3	0,013975452	0,99338464
FBXO33	254170	NM_203301.1	X	0	1426	2026	832,3333333	3556	844	0	624,67	0,01402737	0,99458564
TNFAIP1	7126	NM_021137.3	201207_at	0	1375	0	1888,666667	1436	0	0	2590,7	0,014316409	0,99414587
HIST1H3D	8351	NM_003530.3	214509_at	4556	4699	5849	1222	5021	4073	6398	444,67	0,01463146	0,97375687
EIF4G2	1982	NM_001418.3	217607_x_at	938	3468	1919	2340,666667	3063	1171	1827	2829	0,015458087	0,97915929
IQWD1	55827	NM_018442.2	217908_s_at	1251	3955	3774	0	2800	2558	2741	942,33	0,015694866	0,9767552
HIST1H2AD	3013	NM_021065.2	214522_x_at	4549	4692	5842	1907	5021	4073	6398	2664	0,016035809	0,97124031
MINA	84864	NM_032778.4	213189_at	1349	792	1678	1956	1020	1352	1368	2816	0,016260995	0,97264459
MAP3K7IP1	10454	NM_153497.2	203901_at	0	0	1178	1874,333333	0	1238	0	2816	0,016356511	0,99309534
GDPD1	284161	NM_182569.2	X	986	2099	2285	383,6666667	2017	1942	1271	553,33	0,016493111	0,97377368
C17orf79	55352	NM_018405.2	X	0	0	1056	996,6666667	0	0	1111	1648,3	0,016692913	0,9927863
B4GALT4	8702	NM_003778.3	210540_s_at	625	0	0	1071,333333	0	0	658	1292,3	0,016759051	0,99183351
COX6C	1345	NM_004374.2	201754_at	1442	2565	2128	1096,333333	2270	1609	2270	1843,7	0,017082883	0,97041641
HELLS	3070	NM_018063.3	X	1580	2549	1774	364,3333333	3203	738	3167	2169,7	0,017493616	0,97733426
ZNF643	65243	NM_023070.1	207219_at	0	0	954	1854,333333	1007	0	0	1485	0,01775072	0,99215892
ADRM1	11047	NM_175573.1	201281_at	0	1212	1107	2430,333333	1249	1134	0	2819,3	0,017829441	0,99242931
PSMC2	5701	NM_002803.2	201067_at	3535	3929	3397	619	3625	3578	3843	1806	0,018226145	0,96587487
NCKIPSD	51517	NM_016453.2	218697_at	0	0	1193	1092,666667	1262	0	0	1460,7	0,018515826	0,99221034
TMCO1	54499	NM_019026.2	208716_s_at	2674	2818	2818	1175	2859	2748	2859	2132,3	0,018628267	0,96497992
CCDC61	729440	NM_001080402.1	X	945	1001	1001	1554	1001	1001	1001	1646	0,018898448	0,96446328
ALG1	56052	NM_019109.3	X	0	1329	0	1552	0	0	1409	2872	0,01927319	0,99207563
EXOC8	149371	NM_175876.3	X	2688	2305	4525	1429,666667	3178	2430	3865	2026,7	0,020661575	0,96535726
DECR2	26063	NM_020664.3	219664_s_at	0	0	850	1030,666667	0	906	0	2598,7	0,020910176	0,99053157
C6orf115	58527	NM_021243.2	X	0	1374	0	1148,333333	0	1465	0	1065	0,021152675	0,9913679
NDEL1	81565	NM_001025579.1	208093_s_at	0	2816	0	2084	3003	0	0	3276,3	0,021321451	0,99242951
C16orf53	79447	NM_024516.3	218300_at	2055	4020	4132	1235	3219	2823	4009	2063,7	0,021385227	0,96431827
EIF2B5	8893	NM_003907.2	212351_at	1175	2852	3480	3515	2219	2427	2320	3719,3	0,022023366	0,96597747
HIP1	3092	NM_005338.4	205426_s_at	0	1094	0	844,3333333	0	0	1170	1648,7	0,022094689	0,9905419
PPP2CA	5515	NM_002715.2	208652_at	2670	1152	2939	2181,333333	2770	1752	1996	2474,7	0,022295304	0,96530222
EFHC1	114327	NM_018100.3	219833_s_at	0	1674	1596	395	1791	0	1596	1467,7	0,022325939	0,99117959
CCL27	10850	NM_006664.2	207955_at	0	0	540	1278,666667	579	0	0	1811,7	0,022637069	0,98859362
SLC25A23	79085	NM_024103.2	X	0	0	1778	290	0	1904	0	631,33	0,022638007	0,99123417
MPI	4351	NM_002435.1	202472_at	1071	1561	1664	1274,666667	2186	678	2002	1967,7	0,022736064	0,96705518

RPL37	6167	NM_000997.4	200092_s_at	2167	2813	2529	1293,666667	2351	2355	2983	1276	0,022828946	0,95812123
RPLP1	6176	NM_001003.2	200763_s_at	1540	1557	1004	330,666667	1850	674	2061	475,33	0,022848006	0,96632728
LAX1	54900	NM_017773.2	207734_at	0	1973	0	171,666667	2115	0	0	358,33	0,022997624	0,991275
SELT	51714	NM_016275.3	217811_at	2699	2905	3029	4662,333333	3094	2797	2943	3606,7	0,023176951	0,95657986
HIST1H4J	8363	NM_021968.3	214516_at	3170	2612	3213	825,333333	2913	2750	3567	841,67	0,023707995	0,95639622
C1orf77	26097	NM_015607.2	202560_s_at	1830	2066	1806	504,666667	1956	1999	1878	1506,3	0,02403769	0,954986
INPP5A	3632	NM_005539.3	203006_at	1145	0	0	3082,666667	0	0	1233	3414	0,024374088	0,98967553
TUSC2	11334	NM_007275.1	203273_s_at	2070	1251	2399	970	2906	2245	1025	1085,3	0,024865083	0,96289806
C16orf61	56942	NM_020188.2	218447_at	660	2319	1469	490	2064	538	2178	1615,3	0,02515937	0,96985686
PDCD7	10081	NM_005707.1	X	0	0	1579	805,666667	1704	0	0	1636,3	0,025165382	0,99003014
RPL30	6156	NM_000989.2	200062_s_at	1843	3526	2429	1728	3526	1895	2553	1881,3	0,025697982	0,95747374
U2AF1L4	199746	NM_144987.2	X	0	2328	0	1121,666667	2516	0	0	1804	0,025727441	0,99054986
CNTF	1270	NM_000614.2	208597_at	893	0	0	1050,666667	0	966	0	2747	0,025776027	0,98847692
GLT8D1	55830	NM_152932.1	218146_at	1912	2403	1149	1334	2469	1445	1601	1320	0,025831023	0,95771817
CUL5	8065	NM_003478.3	203531_at	732	1692	1449	2438,666667	1051	1522	1218	4069,3	0,026325416	0,95708864
ZFAND2B	130617	NM_138802.1	X	0	1546	0	1885	1675	0	0	1997,7	0,026467296	0,98947387
POMT2	29954	NM_013382.4	220632_s_at	0	907	0	1490,333333	984	0	0	2097	0,026736518	0,98809303
C9orf85	138241	NM_182505.3	X	1362	2089	1994	1396,333333	2127	846	3409	1444,3	0,027168018	0,96189508
FAM108B1	51104	NM_016014.2	220285_at	1362	2214	2062	1257	2252	846	3529	1962,7	0,027222604	0,9624826
CASC4	113201	NM_177974.1	X	0	2774	2382	1487,333333	2959	0	2425	2131	0,027334941	0,99011376
EEF2	1938	NM_001961.3	200094_s_at	2288	1575	2463	1643,666667	1994	2866	1687	2341,7	0,027393384	0,95273368
STK39	27347	NM_013233.2	202786_at	1285	0	747	1918,333333	0	981	1065	1656,7	0,027465826	0,98795913
NCAPG2	54892	NM_017760.5	219588_s_at	1711	2615	2030	1875,666667	2444	1956	2066	3198,7	0,027652037	0,95006639
RDH10	157506	NM_172037.2	X	1169	1910	2626	641	2441	1308	2001	1205,3	0,028189703	0,95493482
HIST1H3H	8357	NM_003536.2	214509_at	3744	4702	3966	1833	3234	3688	6373	2611,7	0,028350925	0,95148548
KDM6A	7403	NM_021140.1	203991_s_at	0	330	804	1200	1169	245	0	1736,7	0,028568982	0,98596263
CKB	1152	NM_001823.3	X	0	1209	0	2545,333333	1320	0	0	2870	0,028935703	0,98790227
TBL2	26608	NM_012453.2	212685_s_at	0	1003	915	1937,666667	0	1003	1003	1502,3	0,03013687	0,9866894
SHMT1	6470	NM_148918.1	209980_s_at	0	1501	1577	1780,333333	1729	1501	0	3903,3	0,030396746	0,98785946
STX3	6809	NM_004177.3	216985_s_at	704	0	0	1901,666667	0	773	0	2134	0,030545577	0,98560464
ARPC5	10092	NM_005717.2	211963_s_at	1485	1516	1795	1078	1696	1030	2533	1358,3	0,030563516	0,9497152
HDAC4	9759	NM_006037.3	204225_at	0	0	1086	1874	0	0	1192	3420	0,030639695	0,9869007
ARHGAP17	55114	NM_018054.4	218076_s_at	0	923	1215	343	1449	0	850	499,33	0,031045935	0,98663276

TMEM130	222865	NM_152913.1	X	1281	693	1448	2499	1111	1044	1221	2932,7	0,031138807	0,94719065
WBSCR16	81554	NM_030798.3	221247_s_at	0	740	0	1998,666667	0	814	0	2217	0,031167469	0,98548466
SLC25A28	81894	NM_031212.3	221432_s_at	885	2912	1101	0	1688	1099	1688	513,33	0,031457196	0,95413508
MBOAT7	79143	NM_024298.2	209179_s_at	1080	0	0	877,666667	1189	0	0	1432,3	0,031631661	0,98646495
CLK2	1196	NM_003993.2	203229_s_at	1546	1000	1698	903,666667	1569	1127	1637	2083,3	0,032086535	0,9443022
USP19	10869	NM_006677.1	214674_at	0	0	1182	411,666667	1303	0	0	1093,7	0,032099003	0,98652945
C17orf45	125144	NM_152350.2	X	1480	2700	2107	796	2855	3269	993	1015	0,032688397	0,95342082
VAV1	7409	NM_005428.2	206219_s_at	1585	963	2583	3055,666667	1341	1828	1783	4681,3	0,033369622	0,94679574
RPL7L1	285855	NM_198486.2	X	2196	2196	1983	1117	2196	2196	2196	1956,3	0,033766074	0,93667376
CCDC51	79714	NM_024661.3	218722_s_at	1814	1404	3199	1835	1967	1706	2694	3040,3	0,034117827	0,94446645
TMEM146	257062	NM_152784.3	X	1242	1229	3032	1111	2056	1181	2116	2435	0,034129389	0,94830151
CARS	833	NM_001751.4	212971_at	625	1796	1592	2322	1879	971	1090	3387	0,034158747	0,95000542
STOML2	30968	NM_013442.1	215416_s_at	914	1927	1908	1630,333333	2950	868	1457	2440	0,035036893	0,95091095
CACNB1	782	NM_000723.3	210967_x_at	1919	1616	1649	290,3333333	2272	2272	1100	187,67	0,035109391	0,94128423
ZNF800	168850	NM_176814.3	X	0	3322	2029	2980,333333	0	3294	2278	3477	0,03550872	0,9872232
MBD3	53615	NM_003926.5	202463_s_at	1699	2080	2113	0	2153	1636	2360	1069,7	0,035539247	0,93551785
C15orf42	90381	NM_152259.3	X	1742	488	1031	561	834	1212	973	1220	0,035795809	0,94723013
MAP2K5	5607	NM_002757.2	210482_x_at	1546	2007	1629	2732,333333	1804	1732	1804	3031	0,035975924	0,9333053
PDIA6	10130	NM_005742.2	208639_x_at	739	1032	0	93,33333333	1032	0	825	1210,7	0,036003175	0,98380851
ISG20L2	81875	NM_030980.1	212766_s_at	3318	3800	1595	1033	3662	1526	4011	1633,3	0,036084814	0,94834127
ATG2A	23130	NM_015104.1	213300_at	1514	1240	1366	1378,666667	2021	1817	777	2537,7	0,036214701	0,94256105
BANK1	55024	NM_017935.3	219667_s_at	1125	0	0	270,666667	0	1257	0	126,33	0,036520734	0,98453451
HBS1L	10767	NM_006620.2	209314_s_at	1654	1363	649	0	1745	941	999	783,33	0,036944887	0,94349331
BZRAP1	9256	NM_004758.1	205839_s_at	4450	3564	6428	8972,333333	4049	5338	5273	8409,3	0,036972683	0,935585
LIPA	3988	NM_000235.2	201847_at	659	0	1143	2005,333333	1148	735	0	2148,3	0,03705053	0,98337597
CRYBA1	1411	NM_005208.3	206982_at	887	0	0	432	994	0	0	370,33	0,037366833	0,9833377
GPATCH4	54865	NM_182679.1	X	1933	2165	2165	2194,666667	2165	2165	2165	3113	0,037507224	0,92972054
SNRK	54861	NM_001100594.1	209481_at	0	0	906	2434	1016	0	0	2950,7	0,037608149	0,98331057
BRP44	25874	NM_015415.2	202427_s_at	1507	3955	3774	1144,333333	3075	2722	3016	1825	0,037677544	0,94082889
KRCC1	51315	NM_016618.1	218303_x_at	897	1585	1303	0	1303	1225	1303	527,67	0,037779492	0,93292666
HIST1H4H	8365	NM_003543.3	214516_at	2305	2874	2685	1471	2906	2372	2906	1541	0,039386671	0,92735918
SFRS2	6427	NM_003016.3	214882_s_at	2502	4623	2491	123	3454	3466	2716	337	0,039938336	0,93180328
UCHL1	7345	NM_004181.3	201387_s_at	0	997	0	1232	0	0	1126	851,33	0,039992167	0,98263734

TDRKH	11022	NM_006862.3	221052_at	0	1247	0	0	1408	0	0	809,33	0,040023185	0,98343536
LIN37	55957	NM_019104.1	213526_s_at	0	2406	0	684	2717	0	0	947	0,040284421	0,98535514
CHCHD2	51142	NM_016139.2	217720_at	1879	0	1793	790	2056	0	1855	1518,3	0,041019252	0,9842081
MSN	4478	NM_002444.2	200600_at	1074	2107	673	1294	1779	988	985	2992,3	0,04126361	0,93932063
LONP1	9361	NM_004793.2	209017_s_at	1350	1341	3032	0	2168	1289	2228	346	0,041366559	0,93549819
ATP5G2	517	NM_005176.5	208764_s_at	814	2218	1750	357	1797	1075	1858	1369	0,041396263	0,93701284
SEC61G	23480	NM_014302.3	203484_at	3412	1624	3121	1786	2628	2541	2941	2148,7	0,041825177	0,92956758
CDV3	55573	NM_017548.3	213554_s_at	2682	1563	2976	392,3333333	2523	2115	2656	333,33	0,042015079	0,92770713
PCYT1A	5130	NM_005017.2	204209_at	1942	2495	2495	382,6666667	2495	2495	2205	1284,3	0,042031502	0,92247155
FAM156A	29057	NM_014138.3	X	0	1349	1131	757	1445	1205	0	1450,3	0,043529372	0,98185242
DCUN1D3	123879	NM_173475.1	X	1319	1075	2444	463,3333333	2320	2567	661	1564	0,043633191	0,94307108
CARHSP1	23589	NM_001042476.1	218384_at	1078	1780	1706	2748	1230	1708	1780	3489,3	0,043790254	0,92391419
P4HTM	54681	NM_177938.2	222125_s_at	0	0	1552	230,6666667	0	1772	0	430,67	0,043791758	0,98269129
HIST1H2AL	8332	NM_003511.2	207156_at	2466	1770	3402	1297,6666667	3210	1731	3051	2419,7	0,043930365	0,92824627
RASSF3	283349	NM_178169.2	X	2068	2645	2489	1476,3333333	2043	2350	3241	2271	0,044329123	0,92076432
DDX59	83479	NM_031306.2	X	0	1461	1589	1489,6666667	1428	0	1862	2336	0,044854267	0,98209884
MLL2	8085	NM_003482.3	211790_s_at	1509	3173	2570	1434,3333333	3373	4169	1000	1782	0,045312797	0,94071823
SEC31B	25956	NM_015490.3	209889_at	735	853	994	2282,6666667	1722	297	1375	2673	0,04566568	0,94346285
SFT2D2	375035	NM_199344.1	214838_at	0	727	0	2237	0	0	836	2780,7	0,045687628	0,97874784
DEPDC1	55635	NM_017779.3	220295_x_at	1826	0	1988	0	2042	2042	0	400	0,045847421	0,98248972
C8orf76	84933	NM_032847.1	X	0	1422	614	1414	1635	614	0	1780,3	0,04607256	0,97992473
ACSL4	2182	NM_004458.1	202422_s_at	778	1871	1353	3150	1410	1392	1158	4039,7	0,046440072	0,92341131
C9orf41	138199	NM_152420.1	X	694	1019	1124	914	1673	539	1012	1772,3	0,046636676	0,92953944
SCAMP3	10067	NM_005698.2	201771_at	718	2356	2251	646,3333333	2584	740	2294	401	0,046728455	0,94240443
MCEE	84693	NM_032601.2	X	1836	1914	2613	2193,3333333	2751	1320	2911	2194,3	0,04700632	0,92352969
CAMK1	8536	NM_003656.3	204392_at	921	0	0	738,3333333	0	1064	0	1171,3	0,047391496	0,97911685
VCP	7415	NM_007126.2	203564_at	3419	1324	2589	3277,3333333	3620	1227	3045	4228,3	0,047683152	0,9337286
RRP12	23223	NM_015179.2	216360_x_at	0	1114	0	2351,3333333	0	0	1288	3431	0,047779004	0,97980062
RPL7	6129	NM_000971.3	212042_x_at	1628	2453	3227	628,6666667	3042	1882	2602	1557	0,04787133	0,91981407
AP1G1	164	NM_001128.5	203350_at	2177	2339	1500	335,3333333	3030	1752	1663	2548,3	0,048013629	0,91904708
ADH5	128	NM_000671.3	208847_s_at	1657	2197	924	1949,3333333	805	2197	2197	2064	0,04812181	0,93180796
YWHAG	7532	NM_012479.2	X	692	2939	3855	1252,3333333	1698	2620	2055	1714	0,04832931	0,93993595
VPS52	6293	NM_022553.4	214585_s_at	3299	3159	3623	907,3333333	3623	3329	3623	1641	0,048484411	0,9094505

EXOC4	60412	NM_021807.3	X	0	1194	784	2526	0	813	1335	3125	0,04865441	0,97871363
GALR2	8811	NM_003857.2	211226_at	1075	1713	1176	1194,666667	2101	772	1544	1184,7	0,048703139	0,92433174
ZACN	353174	NM_180990.2	X	1075	1713	1176	116	2101	772	1544	332	0,048703139	0,92433174
TM2D3	80213	NM_078474.2	221702_s_at	913	2676	1779	1324,666667	2317	1174	1855	1821,7	0,048713409	0,92751017
MARCH9	92979	NM_138396.4	X	568	2711	2346	208,3333333	1761	1724	1392	404,33	0,048927053	0,93631665
MPV17	4358	NM_002437.4	X	1858	2388	2795	0	2624	2481	2209	1099,3	0,04898434	0,91118245
HSPA8	3312	NM_006597.3	210338_s_at	2766	5008	4617	1772,333333	4469	3558	4667	1803	0,049273258	0,91485342
C2orf37	80067	NM_025000.2	220172_at	847	0	0	954	0	985	0	1108,3	0,049500003	0,9777934
TRMT61A	115708	NM_152307.2	52741_at	0	1582	0	3281,333333	1838	0	0	2612,7	0,049559693	0,9805216
ARPP19	10776	NM_006628.4	221482_s_at	1679	1818	2007	1474	2207	1175	2742	1342	0,049790148	0,91765926
C2orf78	388960	NM_001080474.1	X	1309	1271	1341	519,6666667	1665	1228	1271	1758,7	0,050374986	0,90731075
LRRC29	26231	NM_001004055.1	X	656	2886	2643	0	2751	1780	1198	1178,7	0,050620187	0,93634477
PARP9	83666	NM_031458.1	X	0	1495	0	2536,666667	0	1743	0	3178,3	0,050689049	0,97985744
RTKN2	219790	NM_145307.2	X	0	0	1558	1000	1819	0	0	1249,3	0,051171583	0,97983669
ZNF337	26152	NM_015655.2	37860_at	0	1224	0	2610,333333	0	0	1430	2900,3	0,05126824	0,97877687
B3GALT4	8705	NM_003782.3	210205_at	2761	2558	3022	1017	3022	2728	3022	984	0,051279607	0,90447545
PRKG2	5593	NM_006259.1	207505_at	625	0	0	1054	0	732	0	1422	0,051532336	0,97521712
ZNF687	57592	NM_020832.1	X	988	2350	1720	561	2007	1259	1850	1053,7	0,051576262	0,9170848
KRIT1	889	NM_004912.3	216713_at	2862	1975	2669	1582	3482	2069	2447	1687,7	0,051659222	0,90987962
GSTO1	9446	NM_004832.1	201470_at	704	1789	0	2791,666667	0	1559	949	3157,7	0,052281222	0,97800355
KCMF1	56888	NM_020122.4	217938_s_at	1829	2686	1593	410,6666667	2537	1102	3275	422,67	0,05262036	0,92116301
PLXDC1	57125	NM_020405.3	214081_at	914	0	0	0	1073	0	0	428,33	0,052662563	0,97679777
SLC17A7	57030	NM_020309.2	204229_at	393	463	463	1571	463	463	463	1264,3	0,052781186	0,90155623
TSEN2	80746	NM_025265.2	219581_at	0	0	1431	0	0	1680	0	332,33	0,052960539	0,97878291
ZNF7	7553	NM_003416.2	205089_at	0	1192	0	525	0	0	1401	1222	0,053232684	0,97785529
ZW10	9183	NM_004724.2	204812_at	0	1709	0	614	0	0	2008	849,67	0,053311462	0,97938926
EIF3G	8666	NM_003755.3	208887_at	877	1691	0	2257	1426	1228	0	2336,3	0,054334276	0,97740086
TICAM2	353376	NM_021649.3	214658_at	1361	1061	1282	0	1325	578	2831	294,67	0,054512709	0,92615461
ZNF425	155054	NM_001001661.1	X	2697	2535	2535	1002,666667	2535	2418	3333	1515,3	0,054569496	0,89985612
PPTC7	160760	NM_139283.1	X	1221	1025	2574	2690,333333	1365	1654	1687	3805	0,0545798	0,91221561
CRELD2	79174	NM_024324.2	218358_at	0	1288	0	220,6666667	1524	0	0	1421,3	0,055487852	0,97730381
NPHP1	4867	NM_000272.2	206285_at	0	661	1139	2514	1182	0	755	2730	0,055593899	0,9751354
PRRG2	5639	NM_000951.1	205617_at	1081	1081	1004	890	1189	1081	1081	1494,7	0,055609198	0,8960469

REEP4	80346	NM_025232.2	218777_at	0	1491	0	220,3333333	0	1765	0	211	0,055718745	0,97788202
POU2AF1	5450	NM_006235.1	205267_at	1941	2884	1609	433,6666667	1931	2011	2748	965,33	0,055998924	0,90333064
USP45	85015	NM_001080481.1	X	0	362	1165	417,6666667	537	939	0	1583,3	0,056232271	0,97349522
TMED7	51014	NM_181836.3	214658_at	1376	1076	1297	2420,3333333	1340	593	2846	3136	0,056240654	0,92336156
EBP	10682	NM_006579.1	219483_s_at	0	916	1383	2512	1124	0	1338	661	0,056309464	0,97613865
MRPS24	64951	NM_032014.2	X	0	0	1498	3434	1779	0	0	5082	0,056784443	0,97748783
MYCBPAP	84073	NM_032133.3	X	0	0	1071	771	1273	0	0	470,33	0,056863135	0,97583123
SF3B4	10262	NM_005850.3	209044_x_at	872	2691	2843	1953,3333333	3088	1093	2353	3561,3	0,057096126	0,92515638
SNAP23	8773	NM_003825.2	209131_s_at	2472	2556	2608	1135	3621	1589	3400	1415	0,057290462	0,90585061
SBF1	6305	NM_002972.1	39835_at	792	0	0	1549	0	944	0	2849	0,057522469	0,97387575
ADM2	79924	NM_024866.4	220538_at	792	0	0	1648,6666667	0	944	0	1534,3	0,057522469	0,97387575
RPUSD2	27079	NM_152260.1	221940_at	1095	2548	3275	1647	3506	2287	1358	2133,3	0,057698483	0,91919583
MECP2	4204	NM_004992.2	202616_s_at	754	0	1722	160	1464	1061	0	808,33	0,058373823	0,97547014
ZDHHC24	254359	NM_207340.1	205634_x_at	769	0	0	160	0	921	0	808,33	0,059068819	0,97300826
ACTN3	89	NM_001104.1	X	769	0	0	441	0	921	0	1103,3	0,059068819	0,97300826
SUDS3	64426	NM_022491.2	X	0	920	0	415	1102	0	0	2076	0,05928509	0,97397812
ITGA10	8515	NM_003637.3	206766_at	1674	2441	2245	0	2282	1941	2479	690,67	0,059452627	0,89266076
ZNF398	57541	NM_020781.2	X	2653	2535	2535	1972,3333333	2535	2418	3333	1539	0,06002191	0,88988396
CHORDC1	26973	NM_012124.1	218566_s_at	811	2101	1549	361,3333333	2678	1329	890	503	0,06029069	0,91520843
C2orf67	151050	NM_152519.2	215046_at	1644	1070	0	2031,3333333	979	0	2156	3082	0,060458273	0,97539187
PPWD1	23398	NM_015342.1	213483_at	2021	1614	1915	2391	2947	1056	2408	3559,7	0,060996839	0,90474641
THAP5	168451	NM_182529.1	X	2472	2853	2958	208,3333333	2666	2816	3340	380	0,061002668	0,88748903
DNAJB9	4189	NM_012328.1	202843_at	2472	2853	2958	549,6666667	2666	2816	3340	992	0,061002668	0,88748903
CCDC96	257236	NM_153376.2	X	625	1460	996	1698,3333333	1256	1089	802	3020,7	0,061105643	0,90059161
TADA2B	93624	NM_152293.2	X	625	1460	996	1002	1256	1089	802	1224	0,061105643	0,90059161
PCBP1	5093	NM_006196.2	208620_at	3958	3618	4675	1654	3216	4383	5718	997	0,061722573	0,89183724
MAP2K3	5606	NM_145109.2	207667_s_at	0	0	1872	374,6666667	0	2258	0	1325,7	0,062037426	0,97650046
CRB3	92359	NM_139161.3	X	0	0	1545	0	0	1866	0	396	0,062372576	0,97546841
ALG12	79087	NM_024105.3	218444_at	0	1126	0	1309,3333333	1362	0	0	1151	0,062667383	0,97369829
TWISTNB	221830	NM_001002926.1	214729_at	2216	884	1420	2253,3333333	2149	762	2053	2362,3	0,063027623	0,91159899
RPS2	6187	NM_002952.3	221798_x_at	2931	4535	3079	316,3333333	4474	3021	3663	975,33	0,063166547	0,88902947
ZNF225	7768	NM_013362.2	207125_at	0	1647	0	2114,3333333	1995	0	0	3290	0,063371009	0,97539782
RPS17P16	402057	NM_001080499.1	X	0	1159	0	2419,3333333	0	1405	0	2320	0,063413383	0,97355361

TRIM4	89122	NM_033017.2	X	0	2040	1852	2419,333333	2585	1770	0	2320	0,063440383	0,97595487
ENO1	2023	NM_001428.2	217294_s_at	824	2239	3424	682	1538	1394	3581	936	0,063516106	0,91872805
TMEM140	55281	NM_018295.2	218999_at	0	1912	0	824	0	0	2319	1273	0,063873048	0,97591686
PRKAR2A	5576	NM_004157.2	204843_s_at	1160	0	2300	2788	2038	1590	0	3132	0,06391602	0,97501214
JUND	3727	NM_005354.3	203751_x_at	625	0	550	1229	0	1579	260	627,67	0,064159683	0,96959677
DNAJC24	120526	NM_181706.4	213853_at	906	1124	0	1279	1752	0	705	531	0,064307895	0,97231387
PDE6G	5148	NM_002602.2	210060_at	899	1008	1050	846,6666667	1050	1050	1050	1506,7	0,064378273	0,87993951
ANKIB1	54467	NM_019004.1	X	2713	2160	2669	2094,6666667	3546	2133	2511	1895,7	0,06443666	0,88591789
PMS2L5	5383	NM_174930.3	X	1809	2198	2427	2476	2427	2198	2198	3041,3	0,064439056	0,8814321
PFKFB2	5208	NM_001018053.1	207931_s_at	1221	732	0	2294,6666667	0	675	1609	3041,3	0,064546098	0,97185812
SFPQ	6421	NM_005066.1	201586_s_at	1283	3332	1381	2231	3277	876	2498	2237	0,065020548	0,91578963
ARL17	641522	NM_001103154.1	221740_x_at	840	2192	2300	3200	2414	864	2475	3525,3	0,065467325	0,91259462
S100A13	6284	NM_005979.2	202598_at	1229	1465	1218	0	1403	1398	1364	1982,7	0,065498941	0,87826711
CEP120	153241	NM_153223.2	X	1206	1339	2755	1169	1807	1772	1698	1605,7	0,065712855	0,89161804
C9orf100	84904	NM_032818.2	X	886	0	0	899,6666667	1084	0	0	825,33	0,066216899	0,97076444
LIMA1	51474	NM_016357.3	217892_s_at	0	1712	1439	330,3333333	1679	1795	0	1181	0,066571754	0,97367278
C13orf27	93081	NM_138779.2	213346_at	0	0	1123	0	1376	0	0	427,33	0,066916859	0,97193906
TSSK2	23617	NM_053006.3	214371_at	660	0	989	819,3333333	0	839	955	1025	0,066922425	0,96954752
RNF113A	7737	NM_006978.1	209565_at	1582	109	2865	580,3333333	733	1257	719	384	0,067516155	0,94448766
BCL2	596	NM_000633.2	203685_at	1574	3200	3606	308	3103	3293	2182	308	0,067648622	0,89128879
MSRA	4482	NM_012331.2	219281_at	0	807	0	960,6666667	0	992	0	1652,7	0,067663499	0,96951224
C7orf63	79846	NM_001039706.1	219455_at	0	1446	0	0	1775	0	0	460,33	0,067698162	0,97306299
CACYBP	27101	NM_014412.2	211761_s_at	2579	3596	2988	3070,3333333	3214	2944	3596	3551,7	0,06807033	0,87586977
UBA5	79876	NM_198329.1	218289_s_at	1989	3142	2011	612,3333333	2388	2059	3142	695	0,068329493	0,88137684
KCTD2	23510	NM_015353.1	212564_at	0	1628	1244	1706,3333333	1508	0	1656	1660	0,069087576	0,97215263
ATRIP	84126	NM_032166.2	X	1814	980	2811	0	1656	1131	3295	393	0,069676315	0,90321071
PDCD6IP	10015	NM_013374.3	217746_s_at	732	0	0	227,3333333	907	0	0	845,67	0,070160013	0,96770848
ZDHHC9	51114	NM_016032.2	X	625	0	0	1825,3333333	0	776	0	1948	0,07060993	0,96628928
STAG3L2	442582	NM_001025202.2	X	1775	2198	2427	1627,3333333	2427	2198	2198	2625,3	0,070711147	0,87030344
FSIP1	161835	NM_152597.4	X	0	0	1194	1624,3333333	0	0	1480	2133,3	0,070777545	0,97073792
C16orf58	64755	NM_022744.1	222190_s_at	0	1736	2063	901,6666667	1552	0	2859	1557	0,071091602	0,97299701
RAD21	5885	NM_006265.1	200608_s_at	2133	2189	1117	1812,6666667	2195	2133	1383	4197,7	0,071258429	0,88309697
MRPL17	63875	NM_022061.2	222216_s_at	1163	1802	1908	1159	2606	1165	1634	798,67	0,071449355	0,88432779

SNX19	399979	NM_014758.2	202358_s_at	1060	1549	0	1320,666667	0	1502	1359	2544,7	0,071631197	0,9705277
MRPS14	63931	NM_022100.1	203801_at	1591	2386	1631	622,3333333	2145	1661	2159	241,33	0,071702326	0,87238045
TCEB1	6921	NM_005648.2	202824_s_at	1305	4122	2177	712,6666667	4557	2177	1467	766,33	0,07191355	0,90354617
PGBD4	161779	NM_152595.4	X	1475	2147	1060	324	2493	547	3035	449,33	0,072081095	0,91319005
LAMP2	3920	NM_002294.1	200821_at	1736	328	1381	750	1130	585	1502	2226,7	0,072513496	0,91338873
GPBP1	65056	NM_022913.1	X	1945	0	832	757,6666667	1691	1195	0	621,33	0,072627307	0,97025735
MAP2K7	5609	NM_145185.2	209951_s_at	2130	1620	2906	0	2143	3090	1887	329,67	0,072797722	0,87646151
ARID1A	8289	NM_006015.4	210649_s_at	1269	3363	3449	1457,666667	2842	2271	2847	1843	0,072802785	0,88829721
APOA2	336	NM_001643.1	219466_s_at	744	1570	1385	280,3333333	1450	912	1528	1841	0,07282632	0,88221908
METTL2B	55798	NM_018396.2	221079_s_at	805	1823	2491	702	1660	1660	1660	1288,7	0,072841518	0,8880031
ZFAND1	79752	NM_024699.1	218919_at	1156	1373	1264	910,3333333	1407	1373	1296	1288,7	0,072972643	0,86436157
ATF6	22926	NM_007348.2	203952_at	1464	1648	1682	0	1828	1428	1940	337	0,073219261	0,86603784
DAP3	7818	NM_004632.2	208822_s_at	4159	3548	3714	1453	4402	3527	4402	1791,3	0,073331736	0,86503486
UHMK1	127933	NM_175866.3	X	625	2243	2108	2099	2074	782	2283	2645,7	0,073600505	0,90770862
DDX17	10521	NM_006386.4	208718_at	1094	1220	974	2095,333333	1192	1147	1192	2545,3	0,074316604	0,86227296
ZNF652	22834	NM_014897.1	205594_at	2320	1084	1930	402,6666667	2989	1390	1463	1428,7	0,074332439	0,88586727
YARS2	51067	NM_001040436.1	218470_at	2064	2265	2941	1539,666667	2264	2890	2634	2664,7	0,074817632	0,86471722
PIK3R4	30849	NM_014602.2	212740_at	0	1282	1056	1654	1159	0	1466	2393,3	0,074829187	0,96858183
NUDT9	53343	NM_024047.3	218375_at	0	1456	0	1290,666667	0	0	1828	610,33	0,075150746	0,97021021
CHRN2	1141	NM_000748.2	206635_at	699	2143	1959	0	1984	775	2400	307,33	0,075417506	0,90177165
HERPUD1	9709	NM_014685.2	217168_s_at	1940	3506	1554	1623,666667	2772	1193	4013	1391	0,075876039	0,8943007
C1orf93	127281	NM_152371.2	X	625	0	0	863,6666667	0	0	789	2666	0,076043698	0,96377081
CCDC138	165055	NM_144978.1	X	0	301	0	80	0	382	0	702,33	0,076064689	0,9563782
ZBTB1	22890	NM_014950.1	205092_x_at	2272	3130	5356	1889	4564	4364	2406	2612,3	0,076137594	0,88182982
TBL1XR1	79718	NM_024665.3	221428_s_at	3605	3547	4341	1853,666667	6226	3433	3271	2612,3	0,076751794	0,8691327
INCENP	3619	NM_020238.2	219769_at	1083	837	1830	401	1252	1617	1036	1031,3	0,076799794	0,87379024
SSR2	6746	NM_003145.3	200652_at	1194	2311	1587	1159	2005	1242	2219	1663	0,076807556	0,87364803
hCG_1646420	644672	NM_001101389.1	X	0	1130	0	928,3333333	0	0	1429	868,67	0,077337468	0,96772534
SERTAD3	29946	NM_203344.1	219382_at	1059	1379	1741	2628,333333	1531	1159	1813	3481	0,077568114	0,86534014
NDUFA7	4701	NM_005001.2	202785_at	2752	3532	3095	3015	3135	3199	3793	2988,7	0,077844745	0,85718048
RPS28	6234	NM_001031.4	208904_s_at	2752	3532	3095	2769	3135	3199	3793	3723,3	0,077844745	0,85718048
NR2F6	2063	NM_005234.3	209261_s_at	0	0	939	1228	0	1191	0	225,33	0,078133569	0,96608326
MRPL13	28998	NM_014078.4	218049_s_at	1871	2660	2668	0	2394	2633	2668	534,67	0,078202932	0,85831489

ZNRF2	223082	NM_147128.3	X	1690	0	1119	1440,333333	492	103	598	2023	0,07822783	0,95795412
PMS2L3	5387	NM_005395.2	X	2235	2514	2132	2650	2514	2401	2514	3249,3	0,078311838	0,85445464
XRRA1	143570	NM_182969.1	X	1473	1873	2349	421	2376	1818	1902	1235,3	0,078373673	0,8607478
MTA2	9219	NM_004739.2	203444_s_at	2520	1871	1856	2423,333333	1987	1858	3005	2596	0,078606689	0,86239246
RNF13	11342	NM_007282.4	201779_s_at	1084	2188	1390	0	1747	1982	1209	921,33	0,078653907	0,86969533
GNE	10020	NM_005476.3	205042_at	0	1029	0	3210	1309	0	0	4013	0,079199323	0,96630614
RAC2	5880	NM_002872.3	213603_s_at	0	1518	1107	1341,333333	0	1615	1325	1475	0,079636741	0,96735187
PKD1	5310	NM_001009944.1	202328_s_at	756	1132	1066	431	1101	1101	961	842	0,080079855	0,8556823
RGS14	10636	NM_006480.4	38290_at	992	1199	3053	1200,666667	1628	1374	2075	2110,7	0,080116593	0,88067535
C12orf42	374470	NM_001099336.1	X	664	0	0	624	0	849	0	761,33	0,080317214	0,9623353
DPYD	1806	NM_000110.3	204646_at	0	700	0	1210,666667	0	0	895	934,33	0,080387352	0,96276148
UBE2Q1	55585	NM_017582.6	217978_s_at	1190	3605	3216	1565,666667	3322	1349	3932	1489,7	0,080901425	0,89305765
DUSP11	8446	NM_003584.1	202703_at	1664	1626	1696	1053	2232	1616	1626	2039,3	0,081170981	0,85195895
DMXL2	23312	NM_015263.2	212820_at	880	0	0	3015	0	0	1130	2996	0,082112066	0,96389667
INSR	3643	NM_000208.2	213792_s_at	0	1378	943	1192,666667	1641	0	1016	2164	0,082127356	0,96549885
TMED10	10972	NM_006827.5	200929_at	1590	1727	1976	968,333333	2118	1813	1813	748,67	0,082393242	0,84827327
RPS27L	51065	NM_015920.3	218007_s_at	632	2186	2468	2933	1794	1210	2034	4566	0,083365532	0,88708702
KIAA1826	84437	NM_032424.1	X	625	2171	1532	1906,333333	1636	1171	1405	2568	0,083506826	0,87738002
JUP	3728	NM_002230.1	201015_s_at	730	0	0	632	0	944	0	1353	0,084168952	0,96143758
PURG	29942	NM_013357.2	220860_at	0	1074	0	2498	0	1387	0	5340,7	0,084213315	0,96455931
WRN	7486	NM_000553.3	205667_at	0	1074	0	1504,333333	0	1387	0	3065,7	0,084213315	0,96455931
LRRC32	2615	NM_005512.1	203835_at	720	0	0	1367,666667	0	933	0	1515	0,084828001	0,96102255
SKP1	6500	NM_006930.2	200719_at	1886	831	1158	1668,666667	1537	1537	996	3155	0,08510669	0,86208168
MSTO1	55154	NM_018116.2	218296_x_at	1721	2691	2469	2018,666667	3088	1759	2722	3295	0,08518113	0,85507487
ALDH3A2	224	NM_000382.2	210544_s_at	0	1148	1733	229	1897	1358	0	535,33	0,085224264	0,96573455
EIF3H	8667	NM_003756.2	201592_at	1407	2910	1615	3261	2562	1578	2119	2616,7	0,085434763	0,8599066
HEXIM2	124790	NM_144608.1	X	1156	2206	3331	141,333333	1953	2248	2510	2826,3	0,085456332	0,86639123
MPHOSPH10	10199	NM_005791.1	212885_at	1888	2009	2876	2318,333333	2803	1635	3083	3886,3	0,085816547	0,85612744
PTGES3	10728	NM_006601.4	200627_at	3318	3110	2735	1675	3582	2850	3582	2361,7	0,085953562	0,84260118
CREBL2	1389	NM_001310.2	201989_s_at	0	0	1553	917	0	2015	0	1893,3	0,08607829	0,96643193
LMNB2	84823	NM_032737.2	218188_s_at	0	1053	0	2006,666667	0	1368	0	2391	0,086155771	0,96361371
DDHD2	23259	NM_015214.1	X	1111	0	1799	0	1859	1397	0	602,67	0,086292147	0,96533737
C18orf55	29090	NM_014177.2	X	1505	1949	735	1537,666667	1652	1029	1652	2386,7	0,086366408	0,86671983

TMEM218	219854	NM_001080546.1	X	873	0	0	317,3333333	1137	0	0	905,33	0,086761033	0,96184884
VPS33B	26276	NM_018668.3	218415_at	803	1456	1478	2163,6666667	2165	1586	653	3015	0,086883063	0,87603488
SLC39A7	7922	NM_001077516.1	202667_s_at	3200	2779	1183	2018,6666667	2730	2796	1795	3301	0,086897698	0,86752464
RANBP9	10048	NM_005493.2	202583_s_at	1728	2071	2182	1277,3333333	3091	1665	1972	1898,3	0,086935522	0,84979563
EIF2A	83939	NM_032025.3	X	2406	3238	2514	2403,3333333	3004	3079	2756	3117	0,087338792	0,84032251
SNX33	257364	NM_153271.1	X	1361	2164	1993	1923	2025	2157	1753	3117	0,087753726	0,84408161
WDR7	23335	NM_015285.2	212880_at	0	2071	1632	256,3333333	2611	0	1689	654	0,088078799	0,9664072
BOLA2B	654483	NM_001039182.1	209836_x_at	1163	3085	2709	1203	3267	2368	1643	1392,7	0,088367887	0,86819526
NMD3	51068	NM_015938.3	218036_x_at	0	1899	1085	259,3333333	0	2279	1183	365,67	0,088815015	0,96457252
DAZAP2	9802	NM_014764.2	212595_s_at	1270	1639	1521	0	2246	822	2238	745	0,089000566	0,8642493
IRGQ	126298	NM_001007561.1	221877_at	1322	1813	1361	1267,6666667	1195	2167	1649	2015	0,089085026	0,84626751
CITED2	10370	NM_006079.3	209357_at	2221	2163	4753	1022,6666667	2662	2676	4201	1381,3	0,089491313	0,85802971
SH2B2	10603	NM_020979.2	205367_at	0	660	0	871	0	868	0	2173,7	0,089537503	0,95809979
C11orf10	746	NM_014206.2	218213_s_at	2089	2668	2668	1255,6666667	3088	2043	3088	944,67	0,089587324	0,84135753
FEN1	2237	NM_004111.4	204768_s_at	2089	2668	2668	242,3333333	3088	2043	3088	365	0,089587324	0,84135753
KIAA1712	80817	NM_001040157.1	X	2595	2298	1466	1722	2716	1466	2880	2947,7	0,089919116	0,85437625
COX18	285521	NM_173827.2	X	0	1523	2139	1695	0	2105	2033	2805,3	0,090156782	0,96546981
YTHDC1	91746	NM_133370.2	212455_at	1059	2411	1182	216,3333333	2005	971	2039	693,33	0,090445155	0,86379526
MKLN1	4289	NM_013255.3	204423_at	1689	1585	2602	1275,6666667	2210	2717	1526	1712,7	0,090737244	0,8470704
SIGLEC10	89790	NM_033130.3	X	744	0	0	2385,3333333	0	983	0	3364,7	0,0912505	0,95848286
TMEM194A	23306	NM_015257.1	212621_at	982	1212	2432	987,6666667	1782	1807	1188	1738	0,091480467	0,85570812
ACAD11	84129	NM_032169.4	X	1928	3142	2011	1096,3333333	2388	2141	3142	2258	0,091558678	0,84148214
FARS2	10667	NM_006567.3	204283_at	0	1359	391	485,3333333	1419	497	0	609,33	0,091571005	0,95864663
YY1AP1	55249	NM_139119.2	217836_s_at	3534	3548	3714	2053,3333333	4172	3527	4172	2715	0,091750551	0,83020773
GPATCH3	63906	NM_022078.1	218895_at	1057	1782	1640	280,6666667	2096	1203	1618	596	0,091781691	0,84505823
SNAPIN	23557	NM_012437.3	X	789	1068	1375	217	954	1498	1073	1856,7	0,092020737	0,84240316
MTPAP	55149	NM_018109.2	218947_s_at	1539	1593	815	495,6666667	1301	1663	1225	1231,7	0,092605659	0,84474199
C1orf101	257044	NM_173807.3	X	629	0	667	2475	748	0	745	2739,7	0,092616027	0,95577151
NUP85	79902	NM_024844.3	218014_at	1807	2089	2304	2475	2235	2235	2304	2739,7	0,092695113	0,82909052
ZBTB11	27107	NM_014415.2	204847_at	1996	1483	1744	1317,3333333	2533	2109	1279	1763,7	0,092946525	0,84237661
C7orf44	55744	NM_018224.2	206497_at	2351	1540	2624	2437,3333333	2587	2052	2372	2923,3	0,093113213	0,83686278
HNRNPU	3192	NM_031844.2	200593_s_at	2662	2362	3936	840,6666667	3383	2235	4334	1986,3	0,09318617	0,84531827
SRBD1	55133	NM_018079.3	219055_at	0	1073	795	0	1263	0	897	1150,3	0,093186983	0,95905249

TOP3A	7156	NM_004618.3	204946_s_at	1401	1977	1614	1279	2058	1289	2236	2625,3	0,093622125	0,83848007
PRMT7	54496	NM_019023.1	219408_at	1518	3123	2471	2715,333333	2364	2134	3084	3891	0,09375836	0,84328724
C3orf26	84319	NM_032359.2	X	2043	0	0	1523,666667	0	0	2712	1336,7	0,093822489	0,96538187
BRD1	23774	NM_014577.1	204520_x_at	0	474	768	890	0	296	1617	1377,7	0,093953087	0,95594936
SLC5A1	6523	NM_000343.1	206628_at	0	740	0	1348,333333	0	986	0	1658,7	0,094012343	0,95721792
GSR	2936	NM_000637.2	205770_at	738	1013	0	508,333333	0	984	1013	508,33	0,09422985	0,95794921
TOB1	10140	NM_005749.2	202704_at	1663	2261	2869	0	2631	1763	3098	647	0,094974917	0,84013344
ATP5B	506	NM_001686.3	201322_at	2575	2738	2150	1078	2421	2734	3053	1358	0,09528366	0,82609987
BAG1	573	NM_004323.4	211475_s_at	2445	1296	1368	2172	2324	1296	1923	3068,7	0,095654533	0,84371242
GNB5	10681	NM_006578.3	204000_at	0	0	946	0	1266	0	0	360,33	0,095807298	0,95873575
SLC1A2	6506	NM_004171.3	208389_s_at	0	0	0	1410,666667	0	5	0	1886	0,095894024	0,82484983
TOP1	7150	NM_003286.2	208901_s_at	0	777	837	189,666667	0	817	1067	837	0,096083661	0,95644802
FOXM1	2305	NM_202002.1	202580_x_at	1165	1610	1387	703	1463	1494	1598	374,33	0,097103586	0,82270568
OAZ1	4946	NM_004152.2	215952_s_at	0	1650	1785	2701,666667	1569	2517	0	3034,7	0,097117003	0,96250847
ENAH	55740	NM_001008493.1	217820_s_at	0	0	944	536	0	0	1270	372	0,097540974	0,95799552
ZC3H8	84524	NM_032494.1	X	1389	1123	1512	2719	1566	1293	1566	2703,3	0,097570567	0,82274469
CALM2	805	NM_001743.3	200623_s_at	2552	3509	2560	819	3229	2954	3229	1539	0,097885108	0,82228728
MRPL32	64983	NM_031903.2	X	1787	1662	2413	2755,333333	2661	1433	2529	3855,7	0,098424189	0,83423823
TLK2	11011	NM_006852.2	212986_s_at	2000	1466	1292	2628,333333	1787	3248	877	2524	0,098727955	0,85797217
ARFIP2	23647	NM_012402.2	202109_at	0	2286	919	2728,333333	3057	0	926	2088,7	0,098817235	0,96119584
HCFC2	29915	NM_013320.1	219484_at	0	0	1044	3124	1410	0	0	2791	0,098948916	0,95831858
MDM4	4194	NM_002393.2	205655_at	0	1300	1118	2851,333333	1872	1048	0	2572	0,099125906	0,958958
RRP15	51018	NM_016052.3	214764_at	0	1410	1736	1258,333333	1885	0	1754	1587,7	0,099303145	0,96091581
N4BP2L2	10443	NM_033111.3	202258_s_at	2236	1742	2437	1584	2437	2352	2236	1328,3	0,099338507	0,81922121
BST2	684	NM_004335.2	201641_at	0	2701	2206	1759,333333	0	2185	3680	2520,3	0,099440053	0,96413095
FDPS	2224	NM_002004.2	201275_at	1725	2798	2431	2007,666667	2516	2254	2798	2520,3	0,099871512	0,82313473
THUMPD1	55623	NM_017736.3	213025_at	0	995	0	0	1348	0	0	946	0,099912607	0,95749373
CHMP5	51510	NM_016410.3	218085_at	2420	1457	1529	1158,333333	2403	1457	2084	2131,3	0,100026195	0,83038159
PPP1R10	5514	NM_002714.2	201703_s_at	2734	4674	4304	392,666667	4954	3256	4617	412,67	0,100607553	0,82841761
TINF2	26277	NM_001099274.1	220052_s_at	0	0	805	1469	0	0	1094	2284,3	0,100636549	0,95517126
PPP1R15B	84919	NM_032833.2	X	2764	3476	3402	654,333333	3591	3548	3476	492,67	0,100782629	0,8146576
PSMB7	5695	NM_002799.2	200786_at	1385	1560	1693	352	1836	1657	1632	370,33	0,100883798	0,81420299
PRKAR2B	5577	NM_002736.2	203680_at	0	0	805	1081,333333	0	0	1095	1742,7	0,100936985	0,95504237

OGFRL1	79627	NM_024576.3	219582_at	798	0	0	1186,666667	0	0	1086	2072	0,101081009	0,95489294
CDR2	1039	NM_001802.1	209501_at	0	662	0	0	0	0	902	196	0,1011454	0,95291029
TMF1	7110	NM_007114.2	213024_at	1102	1655	1507	1261,666667	2396	1253	1244	1277	0,101434935	0,83207199
LENEP	55891	NM_018655.2	221115_s_at	750	569	786	0	750	611	999	1726,3	0,101748875	0,82163318
C5orf51	285636	NM_175921.4	X	1106	345	1238	2167,666667	2306	178	1517	3266,7	0,101798845	0,9077759
NSMCE2	286053	NM_173685.1	X	2840	2398	1274	1817,666667	2745	1884	2285	1773,7	0,10188596	0,83386244
ASH1L	55870	NM_018489.2	218554_s_at	3525	4352	3618	1485	4011	3916	4809	2156,7	0,102336293	0,81310249
PUS7L	83448	NM_031292.3	221025_x_at	2072	2477	3131	0	2932	2763	2702	1492,3	0,102367415	0,81538293
IRAK4	51135	NM_016123.1	219618_at	2072	2477	3131	0	2932	2763	2702	964,33	0,102367415	0,81538293
IMMP2L	83943	NM_032549.2	X	698	2014	1665	2334,666667	1276	1260	1997	2979,3	0,103143182	0,84545813
NDUFA4	4697	NM_002489.2	217773_s_at	2204	2686	2168	1129	2722	2229	2889	1792	0,103277573	0,81228133
C4orf43	55319	NM_018352.2	218513_at	778	1539	0	1438,666667	760	2153	0	2248,7	0,103337546	0,95683058
TARS2	80222	NM_025150.3	221189_s_at	952	2178	1431	3004	2225	819	2225	2944	0,103638348	0,85238284
C1orf66	51093	NM_015997.2	218914_at	2620	3800	1768	513,333333	3662	1576	4167	1292	0,103709456	0,84755376
KIAA1370	56204	NM_019600.2	X	1351	2693	1228	2268,666667	1884	3008	1079	2946,3	0,103930974	0,84853906
LYRM4	57128	NM_020408.3	218561_s_at	0	1343	375	2782,666667	1403	497	0	3580	0,105137428	0,95238694
POLD2	5425	NM_006230.1	201115_at	0	822	0	840,666667	0	0	1133	2002,3	0,105317502	0,953383
DNAJB6	10049	NM_005494.2	208810_at	0	0	660	1172,666667	0	0	911	2644,7	0,105387181	0,95098092
GABPB1	2553	NM_016654.3	206173_x_at	2639	3713	3248	2225,333333	3435	3492	3649	3192,3	0,105701266	0,80772404
PRCC	5546	NM_005973.4	208938_at	1347	3799	3713	439	3805	1695	4056	1620	0,105709284	0,85464813
EIF3A	8661	NM_003750.2	200597_at	3105	3091	3422	990,666667	3961	3322	3433	196,33	0,105791706	0,80510866
FBXO38	81545	NM_030793.3	221257_x_at	890	912	1856	1221,333333	2872	1726	414	2809,3	0,105842734	0,87879822
LRRC41	10489	NM_006369.4	215765_at	1357	1871	1530	911,333333	1295	2015	2051	1952,7	0,105975226	0,81493628
PSMA2	5683	NM_002787.4	201316_at	1572	1569	2413	1231,333333	2661	1218	2529	2076	0,106214801	0,83042815
POLR2J	5439	NM_006234.4	212782_x_at	1343	1687	1687	2575	1872	1505	1872	3907	0,106355259	0,80686799
CLPX	10845	NM_006660.3	204809_at	1533	2311	2828	969,666667	2066	2428	2756	1291	0,106436648	0,81690091
RAB3IP	117177	NM_022456.3	X	0	0	709	4173,333333	0	982	0	3325,7	0,106653126	0,95122307
DGCR2	9993	NM_005137.2	214198_s_at	660	0	1177	8915,333333	0	942	1143	8653,7	0,106717504	0,95281966
RAP1GDS1	5910	NM_001100430.1	209444_at	0	1318	3248	369	0	2314	2558	1479,7	0,106810822	0,96045625
TSR2	90121	NM_058163.1	213079_at	0	972	0	3819,333333	1348	0	0	4886,7	0,107591131	0,95412088
BCL7B	9275	NM_001707.2	202518_at	625	827	937	1500,666667	1172	488	1172	2697,3	0,107715245	0,83146583
AFTPH	54812	NM_001002243.1	217939_s_at	0	2050	2690	3454,333333	2495	0	3062	3688	0,108001904	0,96076201
ZNF710	374655	NM_198526.1	213542_at	625	0	0	661,333333	0	870	0	658,67	0,108039823	0,9491602

FLNB	2317	NM_001457.2	208613_s_at	0	1270	1500	379,6666667	1502	1760	0	677,67	0,108120322	0,95642027
PRRC1	133619	NM_130809.2	221734_at	0	1040	0	3611,6666667	0	0	1445	3946,7	0,108298556	0,95449049
SIN3A	25942	NM_015477.1	X	2278	2229	2996	3499,3333333	2613	2444	3304	4053,3	0,108416052	0,80572695
PHF7	51533	NM_016483.4	221611_s_at	2093	2710	2788	811	2718	2845	2837	1835	0,108447901	0,80218492
ARL5B	221079	NM_178815.3	X	2313	2740	2499	559,6666667	5122	1982	2165	557	0,109046033	0,82877994
MEF2D	4209	NM_005920.2	203003_at	1193	2650	2798	1794,6666667	2288	2212	2436	2568	0,109314142	0,8235112
ABCC5	10057	NM_005688.2	209380_s_at	0	1911	1433	1305,3333333	1911	1995	0	3065,7	0,109317143	0,95753305
RAF1	5894	NM_002880.2	201244_s_at	1169	3108	1904	650,3333333	1755	2013	2731	252,67	0,109559369	0,82852108
ARHGAP12	94134	NM_018287.5	207606_s_at	698	1343	3057	1066,6666667	1765	2487	913	2555,7	0,109637415	0,86033983
TMEM85	51234	NM_016454.2	X	1554	1938	0	534,3333333	2049	0	2049	1294,7	0,109828857	0,95772275
FNIP1	96459	NM_001008738.2	X	1729	1489	2498	977	1514	2327	2545	1451,7	0,109946547	0,81428228
INPPL1	3636	NM_001567.2	201598_s_at	1808	3036	1476	424	2452	3154	1461	780,33	0,110118236	0,82787254
CROT	54677	NM_021151.2	204573_at	272	2725	2699	1848,6666667	2986	490	1948	1842	0,110704738	0,90456466
DUSP12	11266	NM_007240.1	218576_s_at	1247	1100	858	1611	474	1597	2159	2117	0,110973066	0,85199251
TRA2B	6434	NM_004593.1	200892_s_at	1726	3278	2796	0	3278	2106	3206	187	0,111193198	0,81501957
NOP56	10528	NM_006392.2	200875_s_at	732	2212	1159	3566,3333333	924	1159	2462	3660,7	0,111714352	0,84529513
ATF5	22809	NM_012068.3	204998_s_at	1233	2818	2054	701,6666667	1845	1699	3195	1901	0,111911118	0,82506672
PKLR	5313	NM_000298.4	222078_at	1231	2197	1830	1105,6666667	1915	1653	2197	1074,7	0,112242536	0,80591
NFIB	4781	NM_005596.2	213029_at	0	0	1892	993,3333333	0	0	2656	1531	0,112307203	0,95819135
ZNF184	7738	NM_007149.1	213452_at	1372	3783	3063	3052,3333333	4412	1894	2673	3525	0,112400444	0,83795133
HADH	3033	NM_005327.2	201035_s_at	1953	0	1255	1904,3333333	0	1210	2844	2375,7	0,112459353	0,95614093
ZNF642	339559	NM_198494.2	X	778	0	0	172,6666667	0	1097	0	994,67	0,112697418	0,94963973
ANXA7	310	NM_004034.1	201366_at	0	1735	1179	0	2768	1038	0	1069,3	0,112749304	0,95530032
PDK1	5163	NM_002610.3	206686_at	0	893	441	449,3333333	0	794	703	728,67	0,112843766	0,94625367
WDR19	57728	NM_025132.3	220917_s_at	732	0	0	0	1033	0	0	440,33	0,112857893	0,94887689
ASL	435	NM_000048.3	204608_at	0	0	989	784,6666667	0	1396	0	1035,7	0,113435551	0,95190643
ZNF202	7753	NM_003455.2	204327_s_at	0	1065	1277	2365	1493	0	1286	2970,7	0,113588341	0,95263584
HCN3	57657	NM_020897.1	X	1340	794	1520	0	1391	1127	1459	447,67	0,113711408	0,80671426
EEF1A1	1915	NM_001402.5	213614_x_at	2076	5549	4393	369,3333333	4856	3330	4416	1734,3	0,114003491	0,82294759
ARID4B	51742	NM_016374.5	221230_s_at	2045	1519	3423	966	3538	1196	3544	2057,7	0,114414598	0,84125689
SMEK2	57223	NM_020463.1	222270_at	2481	3067	2325	645,3333333	2526	3816	2595	1204	0,114871558	0,79738654
IAH1	285148	NM_001039613.1	X	0	625	0	1419	0	0	889	1961,7	0,115120395	0,94597744
SETDB1	9869	NM_012432.2	203155_at	0	506	728	217	688	0	763	1815,3	0,115212443	0,94447265

HMGN3	9324	NM_004242.2	209377_s_at	1394	0	1455	1656,333333	1730	0	1663	1980,3	0,115404843	0,95381781
GRK6	2870	NM_001004106.2	202849_x_at	951	0	1505	932,3333333	0	1505	1351	552	0,115492735	0,9521868
DNMT1	1786	NM_001379.1	201697_s_at	1385	1799	1565	984,6666667	1953	1683	1683	1054,3	0,11549618	0,78952664
MYST1	84148	NM_032188.1	214885_at	0	905	0	549,6666667	0	0	1286	598	0,115504936	0,950123
C19orf43	79002	NM_024038.2	X	1747	2413	2748	2118	3020	2702	2013	2990,3	0,115651798	0,7990603
VPS36	51028	NM_016075.2	X	1383	1063	2561	826,3333333	942	2747	2065	2156,7	0,115994379	0,8356438
CAP1	10487	NM_006367.3	200625_s_at	2733	2488	3143	246,6666667	2868	3536	2992	328,67	0,116233758	0,78847883
MGAT2	4247	NM_002408.3	203102_s_at	1174	2781	3589	72,66666667	3764	2760	1605	824	0,116396513	0,83644923
ZYG11B	79699	NM_024646.1	X	0	1176	0	3067,333333	0	0	1674	2740,3	0,116447782	0,95243892
IKBKAP	8518	NM_003640.2	202490_at	1977	254	1255	2653,333333	761	761	1592	2562,7	0,11735047	0,87039328
GATAD2B	57459	NM_020699.2	X	1571	3705	2314	189,6666667	2695	2646	2695	1036,3	0,11740716	0,80613605
ZNF672	79894	NM_024836.1	218068_s_at	1725	0	1303	1546	2000	0	1604	1708,3	0,117475774	0,95353661
ST6GALNAC4	27090	NM_175040.3	221551_x_at	1444	0	1117	1327,333333	0	1492	1548	3230	0,118330241	0,95157392
IP6K2	51447	NM_001005909.1	218192_at	1589	1037	2274	297	1517	2037	1739	1203,3	0,118659743	0,80306209
PIGP	51227	NM_153682.2	221689_s_at	0	2032	1427	616,6666667	0	2038	2040	398,67	0,119057213	0,95409596
TRAPPC4	51399	NM_016146.3	217959_s_at	2134	2732	3184	766,3333333	3357	2360	3357	2151,7	0,119219744	0,79097676
FGFR1	2260	NM_015850.3	222164_at	0	992	0	1167,666667	1426	0	0	2280,7	0,119453901	0,94949429
SDF2	6388	NM_006923.2	203090_at	2136	2451	2488	1141	2595	2524	2857	1743,3	0,120036303	0,77956512
SUPT6H	6830	NM_003170.3	208420_x_at	2136	2451	2488	2365,333333	2595	2524	2857	1954,3	0,120036303	0,77956512
CLASP1	23332	NM_015282.1	212752_at	2367	1765	2060	122,6666667	2636	1331	3523	1955	0,120373588	0,81022162
RPS27	6232	NM_001030.3	200741_s_at	1871	2324	1672	1409	2303	1708	2659	1755	0,120404569	0,78850737
C22orf25	128989	NM_152906.3	X	0	842	1761	385,6666667	0	2214	965	1338,3	0,120434688	0,95079682
TNRC6B	23112	NM_001024843.1	213254_at	625	0	0	1331	0	904	0	1672,7	0,120605982	0,94352419
VMA21	203547	NM_001017980.2	X	0	1151	0	219,6666667	0	1660	0	420,33	0,120744692	0,95053684
SUCLG2	8801	NM_003848.2	214835_s_at	1887	1113	0	0	2570	1178	0	397	0,120948178	0,95215724
AURKA	6790	NM_198434.1	204092_s_at	0	1277	1866	659,6666667	2647	1298	0	1359,3	0,121132453	0,95259327
CDC37	11140	NM_007065.3	209953_s_at	2214	1470	4230	1814,666667	2664	2669	2797	1774,3	0,121312712	0,81012813
ATP11B	23200	NM_014616.1	212536_at	2300	3154	3794	1471,333333	3332	3307	3603	1165,3	0,121453455	0,78504382
SLC39A14	23516	NM_015359.2	212110_at	0	1118	767	3126	0	2070	597	3256,3	0,121592472	0,94761846
MLF2	8079	NM_005439.1	200948_at	804	0	0	1220	0	1165	0	1648,3	0,121728545	0,94617925
BUB1	699	NM_004336.2	209642_at	2467	1870	2036	2108,333333	2969	2114	2164	2020,3	0,122154379	0,78240317
SFRS12IP1	285672	NM_173829.3	217608_at	1297	0	2284	1169,333333	1981	0	2167	1369,3	0,122453376	0,95298481
CKS2	1164	NM_001827.1	204170_s_at	814	2202	1321	921,3333333	2713	639	1973	1305,3	0,122583346	0,84487459

KIAA1377	57562	NM_020802.2	X	0	0	902	1068	0	0	1310	3058,3	0,122686755	0,94712005
PAPSS1	9061	NM_005443.4	209043_at	0	965	0	386,3333333	0	1403	0	468,33	0,123150045	0,94769288
PRKACB	5567	NM_182948.2	202741_at	0	834	0	2022,666667	0	1216	0	3186,3	0,12384098	0,94572693
MITD1	129531	NM_138798.1	X	1665	2024	1014	1492	2273	2165	1010	1784,7	0,123951607	0,81043191
ABCF3	55324	NM_018358.2	202394_s_at	671	1326	1480	1381	1588	685	1766	1673,7	0,124570925	0,81908427
EBAG9	9166	NM_198120.1	204278_s_at	660	2573	2233	1253,666667	3107	1397	1280	1470	0,124702645	0,84098008
DNAJA3	9093	NM_005147.3	205963_s_at	1780	3489	1564	1085,666667	3578	1718	2305	1416	0,124902258	0,8081674
CENPK	64105	NM_022145.3	X	2021	1656	1915	1589,666667	2947	1316	2408	2592,3	0,124957449	0,79416193
HBP1	26959	NM_012257.3	209102_s_at	2275	1652	1326	718,3333333	1085	2365	2832	1432,3	0,125227817	0,8085985
SRP14	6727	NM_003134.4	200007_at	1224	1905	1525	0	1693	1287	2384	1039,3	0,125288139	0,78861479
PIK3IP1	113791	NM_052880.3	221756_at	1601	2124	1532	523	1686	2443	1849	1741,7	0,125559693	0,77830579
GNB1L	54584	NM_053004.2	219560_at	1295	3236	2573	698,3333333	1431	3338	3300	3207,3	0,125746353	0,81872507
FAM108C1	58489	NM_021214.1	X	0	386	0	1302,333333	0	0	570	2052,7	0,125883473	0,93388417
RCE1	9986	NM_005133.2	205333_s_at	2275	2014	2357	2131,666667	2272	3061	2272	2825,7	0,126094507	0,77271785
SERP1	27230	NM_014445.3	200971_s_at	2331	3238	2405	1584,333333	3045	3120	2797	2434	0,126294375	0,77234218
PFKFB1	5207	NM_002625.2	207537_at	681	2383	0	1767,333333	1612	0	1487	1787	0,127101981	0,94876405
C11orf59	55004	NM_017907.1	X	1487	2840	2258	2159	3327	2280	1850	3023,7	0,127864462	0,79066237
SPHK2	56848	NM_020126.3	40273_at	659	941	1359	2306	2333	941	564	2383,7	0,127970025	0,82795718
GTF2H2C	728340	NM_001098728.1	221540_x_at	1379	2179	2179	1510	2179	2104	2104	1758,7	0,127994961	0,7743455
CEBPG	1054	NM_001806.2	204203_at	673	1180	0	1818	0	938	1253	3461	0,128373579	0,94362564
UQCRH	7388	NM_006004.2	202233_s_at	1299	1813	1472	2208	1237	2015	2051	2088,7	0,128444459	0,77912524
TARBP1	6894	NM_005646.3	202813_at	0	0	808	151,6666667	1195	0	0	1692,3	0,128473146	0,94340017
DOCK10	55619	NM_014689.2	219279_at	625	0	0	942,6666667	0	0	927	2643,3	0,128845699	0,93985978
SRP68	6730	NM_014230.2	X	1248	1886	1349	439,3333333	2702	986	1758	1283	0,128969797	0,80016627
SENP2	59343	NM_021627.2	218122_s_at	1108	1174	1342	2671,666667	1342	1342	1434	3822,7	0,12901125	0,76364243
DHX30	22907	NM_138615.1	212674_s_at	0	766	1632	919	0	1632	1136	556,33	0,12927042	0,94608575
OS9	10956	NM_006812.2	200714_x_at	1153	0	2079	1260,333333	2197	1615	0	880,67	0,129369367	0,94938834
ASNA1	439	NM_004317.2	202024_at	1747	2440	3240	2603	3446	3053	1940	3122	0,129401692	0,78722822
PI4K2B	55300	NM_018323.2	X	0	1450	1556	2877,666667	1657	0	2015	2944,7	0,129496235	0,94886998
RIN1	9610	NM_004292.2	205211_s_at	221	1331	659	2803	566	911	572	5340,7	0,129565128	0,83803974
MED22	6837	NM_133640.3	206593_s_at	1521	2334	2294	1766,666667	2482	1928	2518	1759	0,129580561	0,77325477
ISCU	23479	NM_014301.2	209075_s_at	989	2792	2700	2337	2238	1712	2888	2960,3	0,129830958	0,80904853
WIPF1	7456	NM_003387.4	202664_at	1387	1292	3330	2786,333333	1372	2574	2508	2791	0,130254198	0,80757917

RHBDD3	25807	NM_012265.1	217622_at	2144	3495	2466	1223,666667	2792	2790	3522	2139,3	0,130958618	0,77099458
FRG1	2483	NM_004477.2	204145_at	1589	2302	2222	1458	2406	2765	1815	2145	0,131012712	0,77177398
ORMDL2	29095	NM_014182.4	218556_at	2151	2459	3014	1050,333333	2803	2570	3292	2170,3	0,131614467	0,76442079
KLRK1	22914	NM_007360.1	205821_at	0	0	919	2925,666667	0	0	1373	3271,3	0,132047568	0,9435038
BRAP	8315	NM_006768.2	209922_at	0	2067	1021	1250,333333	2418	0	1304	1712	0,132434275	0,94773855
NUP160	23279	NM_015231.1	214962_s_at	1124	1981	2432	2985,666667	2050	1602	2464	3521	0,132466471	0,78447443
EWSR1	2130	NM_013986.2	210011_s_at	1847	3437	2547	462,6666667	2711	2728	3262	1295	0,132474253	0,77210644
CSNK2A1	1457	NM_001895.3	212073_at	0	738	1034	9231,666667	0	1006	1137	8968	0,132711608	0,94135339
KIAA0922	23240	NM_015196.2	209760_at	866	0	0	1828	0	0	1299	3025	0,133257858	0,94227589
GBE1	2632	NM_000158.2	203282_at	0	0	1572	0	2352	0	0	1342	0,133259296	0,94893
CTNNA1	8727	NM_003798.2	202468_s_at	0	0	727	1001,333333	0	0	1095	1826	0,13425535	0,93957946
BTG2	7832	NM_006763.2	201236_s_at	5199	6103	4610	3050,666667	6554	5770	5794	2899	0,134326494	0,75664907
TMOD3	29766	NM_014547.3	220800_s_at	0	0	420	0	0	0	636	1241	0,13438787	0,93115547
TRIB2	28951	NM_021643.1	202479_s_at	0	2142	0	535	3215	0	0	2080,7	0,134587923	0,95137709
SLC7A6OS	84138	NM_032178.1	X	1215	3123	2471	2502,333333	2192	2089	3084	2322	0,135093028	0,78929377
DRG1	4733	NM_004147.3	202810_at	2205	2476	1806	356,3333333	2745	1918	2816	819,67	0,135118884	0,76250998
STAG3L1	54441	NM_001002840.1	X	1873	2280	1867	1252,666667	3439	1867	1867	1168	0,135205703	0,77166127
ZHX1	11244	NM_007222.3	X	0	323	1351	4074,333333	1341	0	496	5428	0,135325374	0,9383241
S100A4	6275	NM_019554.2	203186_s_at	625	0	0	2565,666667	0	0	946	3235,7	0,135502078	0,93691751
ZNF780A	284323	NM_001010880.1	215570_s_at	0	940	1460	979,3333333	1239	0	1672	2720	0,135558731	0,94386199
SHC1	6464	NM_003029.3	214853_s_at	2327	3943	4114	389,3333333	5244	2026	5341	966	0,135606282	0,80038182
ADAM10	102	NM_001110.2	202604_x_at	1494	2960	342	477	1335	1335	1306	560	0,135642163	0,84627526
CA8	767	NM_004056.4	220234_at	0	759	0	736,6666667	1149	0	0	1340,7	0,136015252	0,9394129
ARID4A	5926	NM_002892.3	205062_x_at	2863	1265	2442	1598,666667	4755	2977	939	1325,3	0,136099993	0,83168946
FANCF	2188	NM_022725.2	218689_at	1087	2526	2288	1880,333333	2338	1912	2126	2247	0,136343824	0,7802446
HSPA2	3306	NM_021979.3	211538_s_at	725	0	0	944	1099	0	0	820	0,136354078	0,93864581
ACP6	51205	NM_016361.3	218795_at	0	1194	0	1221	1808	0	0	1853,7	0,136896641	0,94464572
TUBB	203068	NM_178014.2	212320_at	3847	3960	2691	1526,333333	4718	2879	4563	2980,3	0,13725988	0,76633704
GSPT2	23708	NM_018094.2	205541_s_at	0	1253	732	1845,666667	886	0	1572	2038,7	0,137281553	0,94086953
ZNF286A	57335	NM_020652.1	220250_at	0	1888	0	0	2858	0	0	1556,7	0,137308397	0,94925591
PPT2	9374	NM_138717.1	209490_s_at	693	1069	0	1324,333333	1854	0	605	2944,3	0,137340337	0,9399348
RMI1	80010	NM_024945.2	218979_at	4058	3121	3586	222	4440	3225	4798	494,67	0,137460488	0,75708072
CYB561D2	11068	NM_007022.3	209665_at	770	0	2697	790,3333333	2101	1506	0	389,33	0,137760239	0,94595377

BAP1	8314	NM_004656.2	201419_at	1975	2828	2811	763,6666667	2718	2963	2955	468	0,137785679	0,75381704
SETDB2	83852	NM_031915.1	X	2024	1486	2508	1451,3333333	2432	3098	1518	631	0,137878854	0,77536271
NR2C1	7181	NM_003297.1	204791_at	0	1071	685	787,3333333	0	1071	1045	464,67	0,138314617	0,93872171
IFRD1	3475	NM_001550.2	202146_at	2293	2385	3118	0	2519	3058	3363	30	0,138632028	0,75318368
LRSAM1	90678	NM_001005374.1	X	1222	2228	3213	838	2725	1974	2477	1095,3	0,138769807	0,78144863
PRR14	78994	NM_024031.2	218714_at	1462	1530	1242	273,6666667	1764	1568	1530	494,33	0,138877419	0,74747949
HISPPD1	23262	NM_015216.2	203253_s_at	1212	1831	1704	902	1950	1515	1950	217,67	0,138972066	0,7556747
PCTK1	5127	NM_033018.2	207239_s_at	0	0	1253	639,3333333	0	1911	0	668,67	0,139334819	0,94425519
PTEN	5728	NM_000314.4	217492_s_at	4067	5406	4748	649	5491	5156	5612	90,667	0,139578618	0,74706092
SLC25A32	81034	NM_030780.2	221020_s_at	2323	4303	2748	590	3576	3248	3605	590	0,139715506	0,75979259
AZIN1	51582	NM_148174.2	212461_at	1670	4893	4145	0	4142	2993	4172	349,67	0,139968796	0,79061634
DDAH2	23564	NM_013974.1	208659_at	1197	3322	3630	586	2633	3117	2691	377	0,140082498	0,79196372
ZNF740	283337	NM_001004304.3	X	1620	3054	2253	405,6666667	1934	2664	3306	266	0,140377663	0,76800935
CD46	4179	NM_002389.3	208783_s_at	0	0	2813	94,33333333	0	0	4297	269,33	0,140610695	0,95171956
MTMR3	8897	NM_021090.3	202197_at	726	0	0	1315,6666667	1115	0	0	1396,3	0,140657429	0,93683205
C15orf24	56851	NM_020154.2	217898_at	1296	2147	881	104	2493	492	3035	198	0,141124627	0,83981387
MSH5	4439	NM_002441.3	212913_at	1751	4208	4404	823,6666667	3614	4069	3381	623,67	0,141151998	0,77944431
FOSB	2354	NM_006732.1	202768_at	0	0	468	0	0	724	0	356,33	0,141760422	0,92950759
ZBTB25	7597	NM_006977.2	214482_at	2641	2705	4993	0	5485	4185	2385	66,667	0,142270536	0,78127349
AARS	16	NM_001605.2	201000_at	545	1595	1966	2133,3333333	2549	867	1196	2274,3	0,14247811	0,81748005
ASNS	440	NM_183356.1	205047_s_at	0	1074	1424	2144,6666667	1737	1360	0	2274,3	0,143334484	0,94131145
HEY2	23493	NM_012259.2	219743_at	1208	0	0	1824,3333333	0	0	1868	2539,7	0,143853131	0,94210749
RBM38	55544	NM_183425.1	212430_at	894	3162	1261	0	1332	1978	2099	502	0,14394849	0,79516361
PIK3CG	5294	NM_002649.2	206369_s_at	1326	1549	1829	2530,3333333	1268	2797	1639	3395	0,144564762	0,76329193
TRIM69	140691	NM_182985.3	X	699	1205	1205	1092	1205	1087	1205	2403,3	0,144666342	0,75090285
SDCCAG10	10283	NM_005869.2	X	1156	0	2284	775,3333333	1890	0	2167	1923	0,144797189	0,94405075
C14orf169	79697	NM_024644.2	X	0	1249	0	2054	1938	0	0	2827	0,145028452	0,94205082
C2orf43	60526	NM_021925.2	219008_at	0	1537	975	2488,3333333	1395	0	1673	3269,7	0,145880005	0,94022374
RPL10A	4736	NM_007104.4	200036_s_at	2440	2009	3926	696,6666667	3891	3111	2471	977,33	0,146102016	0,75858098
RAB33B	83452	NM_031296.1	221014_s_at	2000	3421	964	735,6666667	1198	2896	2966	1111,7	0,146716182	0,80550002
FAM86B1	85002	NM_001083537.1	65585_at	1389	3377	1753	3402,3333333	1764	2958	2459	3350,3	0,14695508	0,77081569
ZNF280C	55609	NM_017666.2	X	0	1188	1488	1654	1930	1430	0	2908,7	0,147029917	0,94072475
PCTK2	5128	NM_002595.2	206474_at	2254	2782	2180	1025,3333333	3223	2311	2861	2666,3	0,147145894	0,73807305

SARNP	84324	NM_033082.2	X	2051	2459	3014	2650,666667	2803	2570	3292	2391	0,147370393	0,73886786
SMU1	55234	NM_018225.2	218393_s_at	1371	1442	1848	1299,666667	2123	1589	1694	3403,7	0,147763402	0,73745477
TCTA	6988	NM_022171.2	203054_s_at	1753	2104	3144	1465,333333	4274	1714	2472	2428,7	0,147875071	0,77174313
HNRNPD	3184	NM_031370.2	209330_s_at	1962	2260	1837	1690,666667	1707	2396	3114	2388	0,148138246	0,74543376
CTRL	1506	NM_001907.1	214377_s_at	765	1515	1962	1132,333333	1363	1373	1909	1418,3	0,148172156	0,76783238
ATE1	11101	NM_007041.2	X	0	1029	1580	3511,333333	0	1445	1764	4095,7	0,148184873	0,93980188
SCYL2	55681	NM_017988.4	221220_s_at	848	0	1038	808,333333	946	1460	0	1964,3	0,148191492	0,93577707
TSTA3	7264	NM_003313.2	201644_at	0	0	1225	2444	0	0	1921	2630,7	0,148504203	0,94049861
ZBTB43	23099	NM_014007.2	204181_s_at	0	845	0	766,333333	0	1328	0	820,67	0,148576269	0,93565779
TSC22D2	9819	NM_014779.2	204094_s_at	2537	3784	2573	1148,333333	3378	3455	3316	2267,3	0,148880341	0,73617086
STARD7	56910	NM_020151.3	200028_s_at	985	1201	1199	1130,666667	1628	1556	879	2267,3	0,148899739	0,74828551
OPA3	80207	NM_001017989.2	206357_at	0	1231	1023	3192,333333	1608	0	1231	2693,7	0,148993501	0,9377909
DDX5	1655	NM_004396.2	200033_at	2293	3239	2257	254,333333	3086	2641	3225	538	0,149064114	0,73598496
CCDC90A	63933	NM_001031713.2	220094_s_at	805	0	0	1685,333333	1268	0	0	2590,3	0,149217341	0,93471023
GTF2H2	2966	NM_001515.3	221540_x_at	1057	1879	2091	425,333333	1862	1619	2167	1622,3	0,14931339	0,75127182
CEND1	51286	NM_016564.3	219591_at	995	530	0	1488,333333	726	1149	0	1026,3	0,14970895	0,93162277
ZC3H11A	9877	NM_014827.4	205788_s_at	0	2135	1310	2318	2483	0	1773	2522,7	0,149902596	0,94239221
MYO6	4646	NM_004999.3	203216_s_at	984	0	0	1309,333333	1552	0	0	1849,7	0,150054488	0,93713027
PSMD5	5711	NM_005047.2	203447_at	1449	1449	1003	1087	2182	1093	1391	2915,7	0,150071142	0,75175881
FBXW4	6468	NM_022039.3	221519_at	399	1060	1129	929	1166	541	1202	1277,7	0,150267039	0,79015296
MRPL38	64978	NM_032478.2	X	0	707	1165	1752,666667	1165	0	1119	1921,7	0,150493782	0,93435399
ACAP2	23527	NM_012287.3	212476_at	1323	1098	1359	1167,666667	1583	1580	1246	2991,3	0,150523471	0,72993958
CCDC150	284992	NM_001080539.1	X	0	0	1062	1674	1677	0	0	2023,3	0,150577288	0,93792055
POLR2J3	548644	NM_001097615.1	212782_x_at	1406	1598	1908	579,666667	1858	1908	1908	1517,3	0,150657081	0,72819095
SRPR	6734	NM_003139.2	200918_s_at	807	2522	3191	3818	1561	2961	2229	4931	0,151246215	0,79754882
CMC1	152100	NM_182523.1	X	792	0	1040	1625,333333	1279	1023	0	2402,3	0,151974942	0,93364179
MCM6	4175	NM_005915.4	201930_at	0	0	835	144,333333	0	0	1326	1703	0,151978178	0,93409698
SNRPB	6628	NM_003091.3	208821_at	1462	1369	1502	1714,333333	2002	1515	1572	2705,7	0,152332958	0,72558952
DKC1	1736	NM_001363.2	201479_at	625	988	0	2066,666667	1066	0	924	2258	0,152746111	0,93123154
SEC23B	10483	NM_006363.4	201582_at	0	0	1687	2140,666667	2679	0	0	3518	0,153074349	0,94249336
ZFPL1	7542	NM_006782.3	214310_s_at	1640	1796	2054	2096	1856	1830	2830	3518	0,153256602	0,73254109
CNBP	7555	NM_003418.2	206158_s_at	2603	3836	3631	2253,666667	4227	3569	3818	2172,7	0,15359598	0,72812933
CDKL3	51265	NM_016508.2	219831_at	2849	762	1205	267	4664	632	1408	382,33	0,153895856	0,83676712

PARL	55486	NM_018622.5	218271_s_at	1191	1338	2035	810	1823	1572	1806	1295	0,154145342	0,73298313
WIPF2	147179	NM_133264.4	212051_at	681	919	723	3831,666667	1375	1287	406	4245,3	0,15419292	0,78071219
CHID1	66005	NM_023947.2	X	645	0	0	1204,333333	0	1034	0	2568,3	0,154450924	0,92914015
STK10	6793	NM_005990.3	40420_at	0	1126	1290	271	2272	1020	0	1294	0,15451141	0,93680221
RSBN1L	222194	NM_198467.1	X	1532	3248	3417	2217,666667	2796	2692	3605	2677,3	0,154582519	0,75274759
GRN	2896	NM_002087.2	200678_x_at	0	1413	0	2845,333333	2257	0	0	2771,7	0,154795212	0,93984699
TXNRD2	10587	NM_006440.3	211177_s_at	1699	2396	1604	1035,666667	1932	2103	2567	2089,7	0,154882057	0,72885644
ARHGAP11B	89839	NM_001039841.1	X	3189	3491	3854	9231,666667	4240	3815	4232	9078,3	0,155100175	0,71855945
ASPM	259266	NM_018136.3	219918_s_at	340	1117	1588	2338,333333	580	1003	1679	3353	0,155171092	0,81023628
PPP3R1	5534	NM_000945.3	204507_s_at	3537	3949	2337	681,666667	4246	3003	4090	2149,3	0,155424502	0,7352497
RPSA	3921	NM_002295.4	213801_x_at	660	1274	2494	824,333333	1556	1504	1444	1411	0,155602483	0,77471326
CORO7	79585	NM_024535.2	219040_at	2518	3720	1354	0	3809	2104	2536	475,67	0,155831326	0,76560366
NSF	4905	NM_006178.2	202395_at	1790	2477	2550	1108	2778	2741	2378	1472	0,155946593	0,72321598
LMAN2	10960	NM_006816.1	200805_at	1201	1763	3368	457,666667	2229	1975	2600	1246,3	0,155946638	0,75845623
MLH1	4292	NM_000249.2	202520_s_at	3885	1947	3379	547	4767	3224	2664	2589	0,156205673	0,74961913
KIAA0226	9711	NM_014687.1	212733_at	1652	1801	3033	846,666667	2801	2875	1798	1786,3	0,156469783	0,74316344
KBTBD4	55709	NM_016506.4	218569_s_at	0	1417	1333	377	2238	0	1357	217	0,156946037	0,93731647
SPAG7	9552	NM_004890.2	200053_at	654	2841	0	1328	3056	982	0	2204,7	0,157182636	0,93871723
TOMM40	10452	NM_006114.1	202264_s_at	1805	663	1164	664,333333	1236	1080	1688	401,33	0,157397955	0,75749732
ATR	545	NM_001184.3	209902_at	790	2973	2997	1533,333333	3029	1428	2630	1489,7	0,15742407	0,7971086
RPS18	6222	NM_022551.2	201049_s_at	2375	3159	3623	1761,333333	3623	3329	3623	2292,7	0,157438596	0,72123568
C15orf57	90416	NM_052849.2	X	1386	2638	2965	0	3497	2610	1912	278,67	0,157476773	0,75235302
PKN2	5586	NM_006256.2	212628_at	714	0	1878	1341	0	1885	1150	1585,3	0,157497883	0,93538673
ABCB10	23456	NM_012089.1	X	0	0	349	2293,666667	0	0	569	2523	0,157582372	0,91628451
FOXA3	3171	NM_004497.2	X	1012	1225	1225	3102,333333	1374	1299	1374	3916	0,157793119	0,71401237
TYW1	55253	NM_018264.2	218347_at	1182	1825	1968	508	1970	1734	2005	522,33	0,157855258	0,72616105
MGST1	4257	NM_145791.1	X	782	0	0	251,666667	0	0	1268	551,33	0,158700562	0,9303657
COG4	25839	NM_015386.2	212189_s_at	2444	3080	2944	982,333333	3295	3295	3295	1429,3	0,158816842	0,71265098
ZNF613	79898	NM_024840.2	X	0	1333	0	1165	0	0	2157	1346	0,159008797	0,93758038
B4GALT1	2683	NM_001497.2	211631_x_at	625	0	2064	1196	878	0	2391	1753	0,159732338	0,93493808
PEX11B	8799	NM_003846.1	202658_at	3075	5372	4599	1502,333333	5138	4431	5410	2033,3	0,160448963	0,72403842
RAB13	5872	NM_002870.2	202252_at	1270	1785	1277	2347	1764	1240	2152	2438	0,160597972	0,72723814
C5orf25	375484	NM_198567.2	X	1531	1174	1284	63,333333	1086	1534	2256	815	0,161223459	0,73179912

FOXRED1	55572	NM_017547.2	X	807	2589	3191	519,3333333	1656	2961	2229	332	0,162068153	0,7826962
WBP11	51729	NM_016312.2	217822_at	2281	1382	2881	0	2881	2213	2330	286,33	0,162631388	0,73095016
TRIM3	10612	NM_006458.2	213884_s_at	0	1685	755	552,6666667	2456	0	850	1813	0,163444556	0,93298874
DDN	23109	NM_015086.1	214788_x_at	761	0	1263	1862	0	893	1769	2254,7	0,163551179	0,93031498
MRPS16	51021	NM_016065.3	218046_s_at	2118	2673	2738	1600,3333333	3174	2960	2704	3626	0,163732501	0,70652482
ALDH16A1	126133	NM_153329.2	X	1680	2518	2541	1554,6666667	2663	2541	2609	3626	0,164227669	0,7112463
RHOA	387	NM_001664.2	200059_s_at	1753	2391	3431	544,6666667	4283	2001	2759	1280,7	0,16484225	0,7413928
ALAS1	211	NM_199166.1	205633_s_at	0	1040	672	401	830	1392	0	1554,3	0,164973782	0,92708037
KNTC1	9735	NM_014708.4	206316_s_at	2638	3117	2673	664	3194	2476	4570	1054	0,165091143	0,71811706
YME1L1	10730	NM_014263.2	201351_s_at	2596	3030	2739	1414,3333333	3079	2930	3929	2867,7	0,165160138	0,70495634
ABCB6	10058	NM_005689.1	203192_at	0	440	1970	866	700	0	2060	1201,3	0,165442454	0,93052106
DEPDC4	120863	NM_152317.2	X	1140	0	766	1948,3333333	1238	1168	0	2934	0,165558015	0,92838226
TGS1	96764	NM_024831.6	219231_at	2064	1798	3021	2795,3333333	3331	1826	3038	3540,7	0,165596139	0,72885611
FDXR	2232	NM_004110.3	207813_s_at	0	0	925	1211,3333333	1531	0	0	1661,3	0,165848785	0,9299967
RAB1F	5877	NM_002871.3	204477_at	845	1774	1049	515,3333333	1581	1199	1375	558,33	0,165951878	0,7261492
CCT4	10575	NM_006430.2	200877_at	1466	1519	1279	630	1972	1594	1498	561	0,165999611	0,70314813
C7orf28B	221960	NM_198097.2	208310_s_at	1309	1317	1689	501	1689	1689	1689	1180,3	0,166205942	0,70126678
GTPBP8	29083	NM_138485.1	221046_s_at	1094	0	0	807	1812	0	0	1372,7	0,166405523	0,93218894
MKNK2	2872	NM_017572.3	218205_s_at	0	0	1287	2463,6666667	0	2130	0	2229	0,16641267	0,93437859
MASTL	84930	NM_032844.1	X	2590	3024	2739	1202,3333333	3079	2934	3923	1917	0,166529424	0,70257453
ABCF1	23	NM_001025091.1	200045_at	538	1710	2572	314,6666667	2171	794	2285	423,33	0,166565825	0,8020896
SLC35B4	84912	NM_032826.3	X	1025	1023	1335	156	1175	1207	1637	1270	0,166602584	0,70740472
RPL7A	6130	NM_000972.2	217740_x_at	1218	2041	1991	3132,6666667	2228	1625	2264	2514,7	0,166630662	0,7181814
XRN1	54464	NM_001042604.1	X	1342	2583	2210	2973,6666667	1821	2335	2986	2816,3	0,167058324	0,72666907
ARL6	84100	NM_032146.3	X	0	0	1446	228	2397	0	0	1787,7	0,167111715	0,93561505
WDR42A	50717	NM_015726.2	202250_s_at	1893	2386	2643	670,6666667	3424	1853	3118	292,67	0,167508411	0,71995801
TAF1D	79101	NM_024116.2	221580_s_at	2048	2688	2652	1364	2688	2424	3717	1869	0,167805641	0,70843963
RAG1AP1	55974	NM_018845.2	219125_s_at	965	2424	2506	1858,3333333	2470	1577	2506	624,33	0,167959445	0,74912118
RPL36AL	6166	NM_001001.3	207585_s_at	1174	2521	3589	603,6666667	3764	2928	1605	1644,3	0,16852335	0,76452592
TUT1	64852	NM_022830.1	218965_s_at	2378	3701	3179	1860,3333333	4221	2661	4140	1825,3	0,168595106	0,71502688
ACO2	50	NM_001098.2	200793_s_at	625	2326	1758	689,6666667	2372	628	2856	312,33	0,168707694	0,80756676
CSAD	51380	NM_015989.3	221139_s_at	1375	2909	2008	328,3333333	1689	2419	3276	1456,7	0,168956015	0,73400452
WDSOF1	25879	NM_015420.5	X	2606	3400	2951	1645,6666667	3576	3377	3610	2408,7	0,169585687	0,69519093

C22orf29	79680	NM_024627.5	219560_at	1204	3236	2573	2111	1522	3338	3300	2656,7	0,170088896	0,75777846
ST3GAL3	6487	NM_006279.2	X	0	1879	2732	929,6666667	2603	0	3296	1532	0,170153508	0,93840078
C3orf31	132001	NM_138807.2	X	2027	1729	1811	2125	2623	1605	2523	2196	0,170528248	0,70538133
CLTC	1213	NM_004859.3	200614_at	3910	1796	3467	965,3333333	3322	3486	3519	2605,3	0,170566281	0,72105844
ZNF524	147807	NM_153219.2	X	1106	1738	1686	2006,3333333	1769	1769	1738	2593	0,170759537	0,70177622
UBE2J1	51465	NM_016021.2	X	1301	1782	1680	831	1714	1564	2436	1744,7	0,170810955	0,70515088
CNOT4	4850	NM_013316.2	210203_at	2525	2523	3119	1466	3859	2137	4032	2450,3	0,170936826	0,71491131
OSTF1	26578	NM_012383.3	204479_at	0	0	772	1702	0	1300	0	472,67	0,171121232	0,92505442
DCP1B	196513	NM_152640.3	X	0	204	829	2060,3333333	0	208	1370	2540	0,171134322	0,91628083
EPM2AIP1	9852	NM_014805.2	202909_at	3831	1731	3379	0	4759	3224	2448	467,67	0,171153005	0,73656327
APPBP2	10513	NM_006380.2	202630_at	2957	1809	2124	1918	3083	2178	2839	4095	0,171381094	0,7066056
FBXO8	26269	NM_012180.2	X	2082	2238	1607	1082,3333333	2716	1607	2880	2339,7	0,171627513	0,71257136
NDUFB9	4715	NM_005005.2	X	0	2681	952	795,6666667	2575	0	1671	1531	0,171934775	0,93404143
RUNDC2A	84127	NM_032167.2	X	1062	1293	2635	492	2741	1597	1394	1432,7	0,172299313	0,74229351
GPX1	2876	NM_000581.2	200736_s_at	0	477	1279	2873,6666667	1714	603	0	3137,3	0,172604917	0,92391226
RPL13A	23521	NM_012423.2	210646_x_at	1838	1910	1838	1142	1982	1910	2872	1673,7	0,172750687	0,69625089
CCNL1	57018	NM_020307.2	220046_s_at	1582	3695	3500	1079,6666667	3144	2952	3718	2196	0,172940264	0,72663547
MAP3K9	4293	NM_033141.2	214969_at	0	0	1092	242	1845	0	0	371,67	0,172974278	0,92964679
SPRYD4	283377	NM_207344.2	X	865	1808	1776	4063	2052	1036	2208	5470	0,173091253	0,74029998
RPL3L	6123	NM_005061.2	206768_at	1200	846	1273	266	1344	1273	1279	163,33	0,173134676	0,69513811
HACL1	26061	NM_012260.2	X	1042	1528	2126	946	2721	1632	1288	663,67	0,173228486	0,73058886
SUPT3H	8464	NM_003599.2	206506_s_at	1693	2362	2154	3274,3333333	2517	2295	2517	3779,7	0,173279339	0,69166374
NSUN6	221078	NM_182543.1	X	2140	2865	2080	2089,3333333	5122	2484	1689	2544	0,173401254	0,74005898
CORO1C	23603	NM_014325.2	221676_s_at	0	912	0	1265,6666667	0	0	1546	1624,3	0,173709452	0,92666771
PFDN1	5201	NM_002622.4	201507_at	1959	1272	1138	1074,3333333	1805	1128	2362	1127	0,174529654	0,721555
NUBP2	10101	NM_012225.1	X	0	908	0	407	0	1546	0	264,67	0,175150895	0,9260291
CLIC1	1192	NM_001288.4	208659_at	1745	4465	4625	1208,6666667	3776	4260	3804	1833,7	0,175250442	0,73265743
FNTA	2339	NM_002027.2	200090_at	1529	2782	2493	1817	2782	2420	2676	2286	0,175332518	0,70215181
LYRM1	57149	NM_020424.2	203897_at	730	1377	2373	340,6666667	2386	2567	661	223	0,17535357	0,78699428
SPSB3	90864	NM_080861.3	46256_at	0	766	0	2118,6666667	0	1307	0	2155,3	0,175441957	0,92315634
LSM4	25804	NM_012321.2	202737_s_at	1525	1086	1412	920	1562	1632	1562	1574,3	0,175476151	0,68794435
PHF5A	84844	NM_032758.3	X	625	2326	1779	899,3333333	2372	649	2856	1543,3	0,175495256	0,79858125
MLL5	55904	NM_182931.2	X	4267	4944	6177	3033,3333333	5907	5111	7327	4244,3	0,17590957	0,69424097

LRP10	26020	NM_014045.3	201412_at	0	0	1738	495,3333333	2959	0	0	400	0,176193081	0,93466156
TYMS	7298	NM_001071.1	202589_at	0	466	1847	653,3333333	0	1173	1264	2450	0,176195525	0,92507922
PRRG4	79056	NM_024081.4	207291_at	875	0	0	1529	1499	0	0	2475,3	0,177096324	0,92467101
USF1	7391	NM_207005.1	X	1950	3315	1909	0	2750	2393	3209	354,67	0,177863029	0,70038278
C9orf95	54981	NM_017881.1	219147_s_at	0	0	733	732,6666667	0	1261	0	2989	0,178027495	0,92134524
KIAA0913	23053	NM_015037.2	210593_at	1163	1740	2028	1280	4015	2226	784	1133	0,178529327	0,77219513
SBDS	51119	NM_016038.2	X	1539	2372	2152	973,3333333	2482	2128	2552	609,33	0,178607103	0,68849756
BRMS1	25855	NM_001024957.1	215631_s_at	442	1822	692	2456,666667	947	1196	857	3174,7	0,179134159	0,7526937
PIP5KL1	138429	NM_173492.1	X	379	8	633	1164	903	0	716	1366	0,179641743	0,90844633
ILF3	3609	NM_012218.2	211375_s_at	2687	1842	2965	1216	2780	2916	3115	1894,3	0,179776983	0,68765244
SF3B3	23450	NM_012426.3	200687_s_at	2293	3080	2944	1473,666667	3295	3295	3295	1910,7	0,179941313	0,67917832
SLC38A5	92745	NM_033518.1	X	0	1572	1302	2501,333333	2428	0	1453	3515,3	0,179975286	0,92900644
DDX27	55661	NM_017895.6	221780_s_at	1025	1676	1902	623	2435	1430	1624	2687,3	0,1809938	0,70598018
TAF10	6881	NM_006284.2	200743_s_at	1970	4021	3191	1004,333333	4433	3455	2858	2367,7	0,182022953	0,70420817
NUP205	23165	NM_015135.1	212247_at	2049	1733	1531	859,6666667	2200	2093	2049	2645	0,182282936	0,67474669
STX11	8676	NM_003764.2	210190_at	877	0	0	1850	1528	0	0	2137	0,182672573	0,92249535
RNF141	50862	NM_016422.3	219104_at	7	0	762	2796,333333	1962	0	0	3818,7	0,183634407	0,92197713
RGP1	9827	NM_001080496.1	203169_at	1143	0	3233	1327,333333	3903	1651	0	3076,3	0,183757687	0,93233348
PPIB	5479	NM_000942.4	200967_at	1202	1771	1639	803,6666667	1352	2751	1639	916,33	0,184551165	0,6995303
C2orf7	84279	NM_032319.1	X	771	1258	2388	0	1711	1452	1639	497	0,184975633	0,72052646
HSD17B7	51478	NM_016371.2	220081_x_at	1282	871	1690	1275,333333	1306	1768	1434	1692,3	0,184993113	0,69162069
DUSP13	51207	NM_001007271.1	219963_at	1021	1021	1172	1499,666667	1330	1373	1174	1774,3	0,18506903	0,66807853
CCDC86	79080	NM_024098.3	203119_at	976	1825	1620	364,6666667	2381	986	2151	604	0,185104899	0,72224648
DAAM1	23002	NM_014992.1	216060_s_at	0	1144	2116	1498	3156	1343	0	1411	0,185303702	0,92861823
GPX4	2879	NM_001039847.1	201106_at	1032	1103	938	1143,666667	816	1468	1564	792,33	0,185467794	0,69088275
FADD	8772	NM_003824.2	202535_at	0	1568	293	1248	0	739	1113	1776,3	0,185472319	0,91673904
VT11B	10490	NM_006370.1	209452_s_at	0	682	0	1924,333333	1201	0	0	1585,3	0,185512217	0,91696151
RBM12B	389677	NM_203390.2	51228_at	1557	3015	1955	383	2979	2080	2595	1398,3	0,185523068	0,69288436
RBM39	9584	NM_184234.1	208720_s_at	2387	3011	2476	1004,666667	3075	3075	3295	2358	0,185687599	0,667963
UBE2H	7328	NM_182697.1	217799_x_at	1667	2343	1555	1493,333333	1806	2556	2313	2656	0,186605759	0,67927336
CDK4	1019	NM_000075.2	202246_s_at	568	2779	2725	1822,333333	2127	2090	1718	2656	0,186681787	0,76759982
H2AFJ	55766	NM_177925.2	X	695	3546	4821	1566	3309	3009	2116	2832,3	0,186900553	0,78659955
BRCC3	79184	NM_024332.2	221196_x_at	2457	1779	2374	1628	3312	1650	3338	2832,3	0,187133805	0,69861135

CS	1431	NM_004077.2	208660_at	1717	3407	2200	1300	3273	2389	2897	1664	0,187166412	0,69038439
HSPB1	3281	NM_001537.2	200942_s_at	0	0	548	631,3333333	0	0	973	1822,7	0,18746769	0,91189087
APEX2	27301	NM_014481.2	204408_at	781	2984	0	581,3333333	2096	0	1971	436,33	0,187720509	0,92784868
SLC39A8	64116	NM_022154.5	209267_s_at	1609	661	1636	980,6666667	861	1616	2213	475,33	0,187732418	0,73636611
SURF2	6835	NM_017503.2	205224_at	1040	1733	1726	2156,3333333	1881	1525	1917	2689,3	0,187870617	0,68134865
UBE2B	7320	NM_003337.2	202333_s_at	2505	762	1236	951	4664	632	1408	1941,3	0,188185181	0,79710558
ZNF804A	91752	NM_194250.1	215767_at	1791	3738	0	3485,6666667	3162	3737	0	3213	0,18818547	0,9338487
ST3GAL2	6483	NM_006927.3	217650_x_at	923	1775	1421	322,6666667	1287	1913	1676	1035,3	0,18854435	0,6889648
TTLL5	23093	NM_015072.3	214672_at	0	0	692	1453,6666667	1230	0	0	2428,7	0,188620048	0,91594383
WDR82	80335	NM_025222.3	201934_at	1096	1228	1167	1492,3333333	1334	1486	1411	2788	0,19012407	0,65818245
DTX3L	151636	NM_138287.2	X	0	1061	0	1482,6666667	0	1890	0	2057,7	0,190410516	0,92257145
GALK2	2585	NM_001001556.1	205219_s_at	1227	2110	988	2102,3333333	2499	1216	1501	2764,7	0,190762317	0,70717331
E2F8	79733	NM_024680.2	219990_at	660	1134	1341	1078	1454	773	1596	1861	0,190930404	0,70688332
USP13	8975	NM_003940.1	205356_at	0	1213	2538	731,3333333	0	1515	3621	1694,7	0,191165315	0,92821215
DNTTIP2	30836	NM_014597.3	202776_at	945	0	0	1733	0	0	1689	2347,3	0,191266808	0,92036427
SLC46A3	283537	NM_181785.2	214719_at	0	0	1080	1273	1929	0	0	1246,7	0,191331114	0,92250361
RPL19	6143	NM_000981.3	200029_at	1296	1951	2017	1691	2873	2873	1100	2629	0,191390364	0,71667478
RPS29	6235	NM_001030001.1	201094_at	1271	1849	1849	931,3333333	2005	2005	1931	2047	0,191661649	0,66454091
TAPT1	202018	NM_153365.2	216373_at	625	2461	0	1531,6666667	1224	0	2258	2805,7	0,191682632	0,92360686
EEF1B2	1933	NM_001959.3	200705_s_at	2572	3197	3759	0	4345	3190	3980	597,33	0,192233194	0,66669069
KLRC4	8302	NM_013431.2	210690_at	0	0	919	2840	0	0	1650	2333,3	0,192701321	0,9193392
SLC1A5	6510	NM_005628.1	208916_at	995	2814	2536	1935,6666667	1907	2313	2892	4095	0,193046133	0,71475618
DNAJB2	3300	NM_006736.5	202500_at	0	840	1253	2294,6666667	1145	1655	0	3254,7	0,193485529	0,91849004
LRRN3	54674	NM_018334.4	209841_s_at	817	0	0	2509,6666667	1472	0	0	2946	0,193561169	0,91696017
TMEM9B	56674	NM_020644.1	218065_s_at	0	1336	2718	518,6666667	2776	2350	0	2677,3	0,193644337	0,9280405
TMEM59	9528	NM_004872.3	200620_at	2039	3702	3536	1565	3794	3263	3867	916	0,193671799	0,6755402
DLG1	1739	NM_004087.2	202515_at	820	2813	1071	1257,3333333	1652	2623	1028	2330	0,19380014	0,74256064
TRIM24	8805	NM_015905.2	213301_x_at	0	302	0	447	0	0	552	2002	0,193819177	0,89494151
ZMYND8	23613	NM_012408.3	209048_s_at	3375	2491	4983	1870	3559	4792	4408	2508	0,194007065	0,67973182
MAP4	4134	NM_002375.3	243_g_at	685	1415	738	709,3333333	900	738	1945	2596,3	0,194371253	0,71861532
RPS8	6202	NM_001012.1	200858_s_at	1863	2556	2893	1272,6666667	3060	2650	3060	1727	0,194948664	0,6616411
SYMPK	8189	NM_004819.2	202339_at	1073	1353	1353	398,6666667	1577	1427	1577	1916,3	0,194990809	0,65353818
PIH1D1	55011	NM_017916.1	217872_at	1762	2684	2832	1305	2974	2832	2866	1124	0,195089485	0,66341628

PLCXD2	257068	NM_153268.1	X	0	0	898	449,3333333	1625	0	0	477	0,195238547	0,91795532
FAM173B	134145	NM_199133.2	X	661	1949	2899	1666,666667	3111	1153	1890	2856,7	0,195527137	0,75634818
CALU	813	NM_001219.2	200757_s_at	1822	1700	3094	1209,666667	2944	2379	2471	1541	0,195547985	0,67285102
TOR1A	1861	NM_000113.2	202349_at	0	0	0	3124,666667	0	0	12	3476,3	0,195928888	0,67159305
TAF6L	10629	NM_006473.2	213209_at	0	569	1236	0	1047	0	1224	316	0,196123197	0,91405385
C11orf54	28970	NM_014039.2	X	2007	2688	2652	2110,333333	2688	2556	3765	3596,3	0,196325857	0,66217855
MRPL54	116541	NM_172251.2	X	663	1139	1807	0	1849	1278	1051	471	0,196347389	0,70491017
C1orf96	126731	NM_145257.2	X	625	0	0	799,3333333	0	1140	0	2660,3	0,196795816	0,91057411
NDUFB11	54539	NM_019056.3	218320_s_at	474	2814	2296	891,6666667	2269	2331	1062	2824,7	0,196869535	0,77561989
HNRNPUL1	11100	NM_007040.2	208713_at	2654	3349	2725	594	4509	2512	3881	374,67	0,197862413	0,66712654
ATP6V1E1	529	NM_001039367.1	208678_at	1745	2512	2396	1097,333333	2550	2586	2896	640	0,197987631	0,65374326
CDC25B	994	NM_004358.3	201853_s_at	0	0	335	1086,333333	0	620	0	1747,3	0,198563948	0,89540965
ZNF597	146434	NM_152457.1	X	663	2421	0	1833	0	1893	1556	2206	0,198672858	0,9209061
RIT1	6016	NM_006912.4	209882_at	770	0	0	1377	1410	0	0	2023	0,198747792	0,91380974
ZNF417	147687	NM_152475.2	X	935	1579	0	1807,333333	1643	0	1643	3114	0,198756942	0,91922874
RFC4	5984	NM_002916.3	204023_at	1414	2569	1890	1937	2413	2188	2373	2626	0,198849548	0,66221226
CDC73	79577	NM_024529.3	218578_at	625	2599	0	1864	1650	0	1810	2223,7	0,198936866	0,92110903
RIPK2	8767	NM_003821.5	209544_at	2017	2256	2459	2314,666667	3071	3076	2160	3260,7	0,199107338	0,65352329
ORC5L	5001	NM_002553.2	204957_at	929	2541	2235	319,3333333	2198	1969	2235	1127	0,199549882	0,69658077
POLDIP2	26073	NM_015584.3	X	1368	2874	1030	1022,666667	2276	2674	1220	1360	0,200015464	0,7151282
STAG1	10274	NM_005862.2	202294_at	1125	3027	2217	1131,333333	2692	1749	2942	2016	0,200386236	0,69960346
GAR1	54433	NM_018983.3	219110_at	0	182	1316	2268	0	532	860	2626	0,200594381	0,90483791
RPS25	6230	NM_001028.2	200091_s_at	2134	2732	2491	930,6666667	3357	2360	3357	1897,7	0,200603212	0,65235405
BOD1L	259282	NM_148894.2	X	1757	1626	0	2634	1999	2621	0	3821	0,200656916	0,92354181
TAF12	6883	NM_005644.2	209463_s_at	1456	2657	4531	169	3847	1710	4886	809,67	0,200944693	0,73261235
COX17	10063	NM_005694.1	203880_at	0	732	0	1152,666667	0	0	1350	1672,7	0,200948174	0,91196729
EEF1B4	644820	NM_001089876.2	X	705	0	0	455,6666667	1301	0	0	138	0,201033633	0,91120627
FAM49B	51571	NM_016623.3	217916_s_at	785	2168	2480	0	1762	1614	2739	665,33	0,201367341	0,71580278
CCDC15	80071	NM_025004.2	220466_at	0	1272	0	0	0	0	2341	560	0,201550446	0,92127733
LTA4H	4048	NM_000895.1	208771_s_at	799	2178	1922	2497,333333	2219	1498	1859	2528	0,201782459	0,69785328
CAPZA1	829	NM_006135.2	208374_s_at	2377	1287	2583	58	1539	2256	4185	1352,7	0,201787914	0,70647064
INO80	54617	NM_017553.1	X	1152	1727	1459	1515,333333	1159	1459	3158	1859,7	0,201874667	0,69520876
RNF151	146310	NM_174903.4	X	1923	2428	2909	1544,333333	3080	2575	3150	2153,7	0,201920997	0,64988415

GTF2F1	2962	NM_002096.2	202356_s_at	1707	1544	1449	2715,666667	1973	2049	1741	3444,7	0,20203668	0,64050978
C6orf1	221491	NM_178508.3	X	0	920	912	569	1627	953	0	2108	0,202134094	0,91289712
SEC61A1	29927	NM_013336.3	217716_s_at	3168	2998	1158	960,666667	3428	3257	1817	1801,3	0,202275964	0,71125296
SMARCC2	6601	NM_139067.1	201321_s_at	2056	1280	1691	0	1511	3106	1751	681,33	0,202942257	0,67597724
TTLL12	23170	NM_015140.2	216251_s_at	808	0	0	1881,666667	0	0	1498	4748,7	0,202964504	0,91302593
LAMC1	3915	NM_002293.3	200771_at	0	1982	0	1400,333333	0	0	3657	2265	0,203030139	0,92713862
ERGIC2	51290	NM_016570.2	218135_at	2267	1256	1387	1090	2482	2581	1140	1129	0,203468707	0,69223922
ATP5L	10632	NM_006476.4	207573_x_at	1858	2024	1298	3755,666667	2389	1554	2433	3227,3	0,203509448	0,6604228
GAL3ST3	89792	NM_033036.2	X	1127	1741	2176	729	2057	1905	2024	200,33	0,204373778	0,6578164
C1orf151	440574	NM_001032363.1	X	2345	1720	2477	1242	2649	2571	2721	1599,3	0,204561133	0,64221986
TRAF3	7187	NM_145726.1	208315_x_at	0	1011	845	343	0	1024	1554	767,33	0,204617443	0,9119757
C14orf1	11161	NM_007176.1	202563_at	0	0	692	2788,333333	1292	0	0	3312,7	0,204819683	0,9092969
RHOG	391	NM_001665.3	203175_at	1613	1770	1809	2487,666667	1771	3057	1771	2736	0,204827735	0,65518133
RSRC2	65117	NM_198261.2	202301_s_at	2106	3117	2673	1786,333333	3194	2339	4358	2240	0,205055922	0,6612528
CUEDC2	79004	NM_024040.2	218097_s_at	1057	1712	1323	922,333333	1711	1493	1746	1255	0,205128289	0,64686819
SECISBP2	79048	NM_024077.3	218265_at	814	4808	1206	281,333333	3463	639	3957	3182,3	0,205182674	0,8026885
HSPA9	3313	NM_004134.5	200692_s_at	1417	1381	1748	1657,666667	1950	1656	1973	2154,7	0,205447876	0,63780874
POLR2J2	246721	NM_032959.4	60815_at	1030	1630	1830	0	1708	1908	1758	437	0,205463301	0,65255634
PARG	8505	NM_003631.2	X	2167	2568	3011	1520	3424	2688	3386	2802	0,205725829	0,64178584
STK38	11329	NM_007271.2	202951_at	1125	2258	2258	0	2191	1734	2816	504,67	0,205875257	0,67472312
SNX25	83891	NM_031953.2	X	667	2835	1789	686,666667	762	3862	2147	1205,3	0,206393552	0,76989403
NACA	4666	NM_005594.3	222018_at	1563	2636	2969	856	3065	2983	2501	884,67	0,207061834	0,65674471
MRPS22	56945	NM_020191.2	219220_x_at	734	1579	1119	788,333333	1703	1835	779	2808	0,207564385	0,69436028
ABCC10	89845	NM_033450.2	213485_s_at	0	959	887	2250,666667	1486	1076	0	3176,3	0,207570331	0,91063505
C9orf50	375759	NM_199350.3	X	871	891	1520	2452,333333	1658	821	1629	3024,7	0,207949324	0,67768031
WDR27	253769	NM_182552.3	X	1280	0	0	2683,333333	0	2404	0	3024,7	0,208281179	0,91893408
MAB21L1	4081	NM_005584.2	206163_at	625	0	0	958,333333	0	1181	0	1688	0,208423253	0,90572799
CALCOCO2	10241	NM_005831.3	210817_s_at	661	0	0	328	0	0	1249	517,33	0,2086145	0,90681644
CCDC151	115948	NM_145045.4	X	1029	1944	1503	2097,333333	1834	1836	1684	2856,7	0,209174507	0,6486779
C12orf32	83695	NM_031465.2	X	1479	1296	1701	630,333333	1777	1808	1912	542,33	0,209178969	0,63036751
SND1	27044	NM_014390.2	201622_at	664	2818	2600	1977,333333	2295	1425	2818	2086,3	0,209253564	0,73586076
TIMM23	10431	NM_006327.2	218118_s_at	2144	2568	3011	1953,666667	3424	2688	3386	3777	0,209258075	0,63660249
ZNF770	54989	NM_014106.2	X	1136	2277	1245	2772,333333	1945	1474	2122	3295	0,209761518	0,66184415

MCM2	4171	NM_004526.2	202107_s_at	1171	1990	4222	269,6666667	2934	2189	2894	500,67	0,209821189	0,7009708
COX5A	9377	NM_004255.2	203663_s_at	1322	1420	1500	993,3333333	2284	1431	1626	3237	0,209857532	0,63886571
CCT5	22948	NM_012073.3	208696_at	661	1817	2767	1537	3111	1153	1758	2340,3	0,210234662	0,73536024
TFRC	7037	NM_003234.1	208691_at	1444	2038	1497	2784,3333333	2955	1576	1786	3312	0,210260028	0,65528783
ALG3	10195	NM_005787.4	207396_s_at	1550	2513	2901	784,6666667	2444	2743	3185	832	0,210628079	0,65069897
C15orf29	79768	NM_024713.1	218791_s_at	0	528	0	2782,3333333	1007	0	0	3328,3	0,210802484	0,9010278
KAZALD1	81621	NM_030929.3	217511_at	1497	1609	2610	1033	2037	3397	1720	2991,3	0,211238185	0,66642718
FAM175B	23172	NM_032182.3	212837_at	891	1409	2232	2239	2453	996	2176	2148,7	0,211452091	0,69937122
KLHL20	27252	NM_014458.3	210635_s_at	0	1501	1391	1105,6666667	2258	0	1754	2391,7	0,211563626	0,91702255
PLEKHG2	64857	NM_022835.1	X	1154	1198	2683	1150	3596	1523	1286	2391,7	0,211948248	0,70851022
RETSAT	54884	NM_017750.2	218124_at	1440	1887	2607	365	2926	1865	2468	1242	0,212546564	0,65060324
CDCA5	113130	NM_080668.2	X	1410	1631	1853	3240	1720	1665	2830	3907,3	0,212658673	0,64393781
PPM1E	22843	NM_014906.3	205938_at	659	0	0	2244	0	0	1261	2769	0,212751784	0,90505946
ELMOD3	84173	NM_032213.3	X	1440	2006	2607	3249,6666667	2926	1984	2468	3908,3	0,212776166	0,64761087
TBCA	6902	NM_004607.2	203667_at	969	864	969	2881,3333333	1187	1041	1255	3481	0,212907022	0,6228858
RBM5	10181	NM_005778.1	201394_s_at	2214	1973	1919	1462	2684	2243	2650	1976,3	0,213097433	0,62315566
ST7L	54879	NM_017744.4	219964_at	2377	1535	2583	1250	1904	2256	4185	1301,7	0,213994107	0,66798331
RAB6A	5870	NM_002869.4	210406_s_at	1495	1253	1426	1440,3333333	2725	1411	1327	2402	0,214034819	0,65349514
C9orf6	54942	NM_017832.2	218998_at	1642	462	1580	0	1096	1096	1927	2497,7	0,214198568	0,71462007
AP4S1	11154	NM_007077.2	210278_s_at	1740	1860	1808	0	1808	2487	2487	753,33	0,214367769	0,62566871
C1orf83	127428	NM_153035.1	X	1914	3702	3536	924,3333333	3794	3263	3867	1236,7	0,214600924	0,64843526
RPL27A	6157	NM_000990.4	203034_s_at	2772	3802	1773	1419,6666667	4008	2964	3013	2413	0,215329901	0,65324088
KIAA1530	57654	NM_020894.1	X	0	1102	750	1317,6666667	1246	0	1278	1955	0,215367694	0,90717087
SAMD8	142891	NM_144660.1	X	1372	1372	1559	145,6666667	1791	1877	1678	1394,7	0,215781532	0,61712987
NPIPL2	440348	NM_001018059.2	X	806	1129	1079	3179,6666667	1339	1057	1339	4689,7	0,216170995	0,6265782
RNF10	9921	NM_014868.4	208632_at	1226	2714	0	580,6666667	1178	115	613	778,67	0,216962511	0,89282282
DHODH	1723	NM_001361.3	213632_at	625	0	0	3176	0	0	1213	3838,3	0,217224644	0,90209144
CSNK1A1	1452	NM_001892.4	208866_at	1383	3352	2113	945,6666667	2884	2377	2758	1440,3	0,217392699	0,6556142
ZFP36L1	677	NM_004926.2	211962_s_at	4174	2130	3326	1532	5534	3791	2714	2221	0,217419995	0,66225171
HEATR1	55127	NM_018072.4	218594_at	0	1552	1411	1185	2215	0	1912	2049,3	0,217976563	0,91498101
GIYD2	79008	NM_178044.1	218317_x_at	2664	3287	1999	1741	3659	3210	2879	1973,7	0,218252945	0,62904715
AKT1S1	84335	NM_001098632.1	X	1363	3101	3167	834	3177	2336	3490	1421,3	0,21832858	0,66579954
NDC80	10403	NM_006101.1	204162_at	2229	2684	2515	516,6666667	2947	3141	3141	423,67	0,218371632	0,61343046

ACAD10	80724	NM_025247.4	219986_s_at	0	2067	1021	720,3333333	2655	0	1541	1906,3	0,218500261	0,91498472
MTERFD1	51001	NM_015942.3	219363_s_at	2097	4028	3624	1640,3333333	4223	3512	3990	2382,3	0,218583805	0,64001756
PPM1K	152926	NM_152542.2	X	1158	2275	701	0	908	1447	2732	545	0,218715816	0,7125794
NUP88	4927	NM_002532.3	202900_s_at	1768	2455	1408	0	3361	1596	2206	651	0,218740472	0,65562511
RPS19	6223	NM_001022.3	202649_x_at	1141	1564	1291	827,6666667	1687	1574	1687	757,33	0,219328804	0,61589371
POLR1C	9533	NM_004875.2	207515_s_at	3013	3238	2314	0	3797	3012	3837	622	0,220466512	0,61964708
RPL32	6161	NM_001007073.1	200674_s_at	1494	1927	2292	2216,3333333	2664	1838	2625	3368,7	0,220638309	0,62830836
C12orf60	144608	NM_175874.3	X	1728	1677	2881	0	2881	2425	2330	452,33	0,220921471	0,63102929
SMCR8	140775	NM_144775.2	X	1528	1409	1741	3790,3333333	2185	1416	2363	3459	0,220951259	0,62714649
SLC29A1	2030	NM_001078177.1	201801_s_at	1141	0	859	2672,3333333	1099	0	1745	2276,3	0,220993361	0,90668782
RDBP	7936	NM_002904.5	209219_at	1274	2625	2150	0	2843	1806	2733	592	0,221105084	0,64949926
WDR22	8816	NM_003861.1	X	1137	594	0	615,3333333	2017	656	0	854	0,221490612	0,90396667
NDUFA1	4694	NM_004541.2	202298_at	1725	109	2865	2822,6666667	909	1296	982	3295	0,221513598	0,81957954
ACBD6	84320	NM_032360.2	X	0	1728	1840	0	0	2044	3039	1313,7	0,221726724	0,9167263
SNX17	9784	NM_014748.2	200991_s_at	815	2250	2375	1518,3333333	2238	2464	1550	451,67	0,221821731	0,68199927
TBC1D17	79735	NM_024682.1	218466_at	1578	3101	3167	281,3333333	3177	2732	3490	3462,7	0,221889506	0,64289028
SUMO2	6613	NM_001005849.1	208738_x_at	1003	1155	1780	805,3333333	1437	1429	1972	1097,3	0,222378744	0,63238468
ZNF548	147694	NM_152909.2	215766_at	0	0	731	1166,6666667	1441	0	0	2086,7	0,222907543	0,9031391
PTDSS1	9791	NM_014754.1	201433_s_at	2068	4028	3624	463	4220	3512	3990	950	0,222956496	0,63460308
DDX46	9879	NM_014829.2	202462_s_at	660	0	940	2706	0	1265	969	3832,7	0,223272408	0,9009099
UBE2CBP	90025	NM_198920.1	X	801	0	0	806	1582	0	0	973,33	0,223822598	0,9046606
NCLN	56926	NM_020170.3	222206_s_at	0	0	1451	1836	0	0	2858	4068	0,224273059	0,91526197
TMEM93	83460	NM_031298.2	221255_s_at	870	0	0	2078,6666667	1722	0	0	3024,7	0,224775707	0,90594079
TRNAU1AP	54952	NM_017846.4	218977_s_at	0	1376	1331	1005,3333333	1902	0	1902	892,67	0,224787595	0,91083954
IRX5	10265	NM_005853.5	210239_at	0	0	962	960,3333333	0	0	1906	1085	0,225371504	0,90765589
EIF3E	3646	NM_001568.2	208697_s_at	1434	2591	1917	1979,6666667	2514	2289	2450	2641	0,225805547	0,62031557
COX7A2L	9167	NM_004718.2	201256_at	1706	2206	2421	1002,6666667	3271	2400	2299	1423	0,226375841	0,6150682
NARG2	79664	NM_001018089.1	218713_at	1942	1900	1401	2117,3333333	2479	1793	2307	2779	0,226523895	0,61305315
INHBC	3626	NM_005538.2	207687_at	907	1170	1234	410	1304	1414	1414	1295	0,22664924	0,60499908
FBXO45	200933	NM_001105573.1	X	1734	2695	1909	744,3333333	1909	2718	3409	1234,3	0,226738845	0,62932033
RAE1	8480	NM_003610.3	211318_s_at	0	1361	957	1428,3333333	1841	1410	0	3027,7	0,227271394	0,90687293
RUNDC1	146923	NM_173079.1	X	0	2110	1683	0	2443	2889	0	199	0,227404739	0,91551746
ARMC7	79637	NM_024585.2	219096_at	1261	1064	0	721,3333333	1878	1424	0	1241,3	0,22744881	0,90701435

ISY1	57461	NM_020701.2	X	3124	2150	2336	637,3333333	3790	3035	2710	773	0,227586867	0,61274168
PRKCSH	5589	NM_001001329.1	200707_at	918	1833	1392	2144,6666667	1723	1725	1573	3121,3	0,227627277	0,62462846
POLR2E	5434	NM_002695.2	217854_s_at	1073	1215	1324	2160,3333333	1080	1732	1841	3542	0,227933215	0,61839306
NDUFS3	4722	NM_004551.1	201740_at	0	1147	1063	1279,6666667	2238	0	1087	1976,7	0,228046414	0,90619459
TRAF6	7189	NM_145803.1	205558_at	0	2179	732	2638,3333333	2373	0	1346	3190,3	0,228213217	0,90940825
MCART6	401612	NM_001012755.3	X	1215	875	0	2380,6666667	0	1608	1324	2529,7	0,228573001	0,9043238
FIZ1	84922	NM_032836.1	X	1415	1738	1686	1430,3333333	2294	1769	2047	2817	0,229709862	0,60034588
CCNG2	901	NM_004354.1	202769_at	1283	0	0	1245	0	2571	0	1198	0,229762554	0,91126418
CCDC137	339230	NM_199287.2	X	1121	1339	1533	692,6666667	1880	1533	1605	2752	0,230356164	0,6009707
MARCH7	64844	NM_022826.2	202653_s_at	868	1275	2111	48,33333333	1190	1947	2030	955,67	0,230462433	0,65034263
CD14	929	NM_001040021.1	201743_at	1071	577	1348	2337,3333333	1277	955	1381	3846,3	0,230467491	0,64028067
BTD	686	NM_000060.2	214117_s_at	1317	1253	2347	745	2721	1830	1563	1916,7	0,230501118	0,63607272
TOR1AIP1	26092	NM_015602.2	212408_at	2865	3041	3401	0	4152	3434	4162	1263	0,230502177	0,59680073
KIAA1430	57587	NM_020827.1	X	667	2676	1789	1109,6666667	762	3844	2190	2066	0,23054233	0,74178603
ARVCF	421	NM_001670.1	205784_x_at	0	663	1160	2329	0	1613	965	1500	0,231496468	0,90017227
MAGEH1	28986	NM_014061.3	218573_at	0	1065	284	1151	1455	425	0	2531,3	0,231544171	0,89248331
HMG2	3151	NM_005517.3	208668_x_at	955	0	1084	509	0	1740	1202	2007,7	0,231638734	0,90283057
MDC1	9656	NM_014641.2	203061_s_at	2682	3359	2307	1133,6666667	4356	2422	3962	2985,7	0,231873148	0,62098933
BRCA1	672	NM_007296.2	204531_s_at	2294	1173	1955	928,6666667	1994	2146	2482	417	0,232059627	0,62049958
SART3	9733	NM_014706.3	209128_s_at	989	2955	2792	1815,6666667	2574	1989	3224	4220,7	0,232337084	0,67035587
BCL2L13	23786	NM_015367.2	217955_at	1878	2854	2363	308	2668	2704	3540	1388,3	0,232389531	0,60584098
ZNF317	57693	NM_020933.2	X	931	1059	1415	1210	1415	1415	1415	2499,3	0,233157201	0,59899854
TRAF7	84231	NM_032271.2	X	1826	3838	2145	1498	3157	3056	3153	3295	0,233398943	0,62238496
SPATA21	374955	NM_198546.1	X	0	664	1054	1743	1310	0	1089	3295	0,233587642	0,89796093
EXOC3L	283849	NM_178516.3	X	667	752	1276	1077,3333333	1313	718	1384	1270,7	0,233799719	0,63944526
ELMO3	79767	NM_024712.3	219411_at	667	752	1276	932,6666667	1313	718	1384	1020,3	0,233799719	0,63944526
FBXO28	23219	NM_015176.1	202272_s_at	425	0	1570	932,6666667	1962	0	697	1020,3	0,234099774	0,8997012
HNRNPA2B1	3181	NM_002137.3	205292_s_at	3130	3326	5545	1445	4918	3546	6699	1951	0,234167154	0,63054732
PTPN23	25930	NM_015466.2	X	0	1934	1699	1268	3265	2043	0	1654,3	0,234477273	0,9124503
MRPL43	84545	NM_176792.1	X	871	2958	3370	1574,3333333	2383	2604	2857	2042,3	0,234849717	0,68297801
SF3B2	10992	NM_006842.2	200619_at	1270	2033	2777	2320,6666667	2529	2344	2463	3466	0,23501554	0,62058829
VDAC1	7416	NM_003374.1	212038_s_at	818	773	1917	1667,3333333	1126	1386	1596	2094,7	0,236123178	0,64282595
CBLL1	79872	NM_024814.1	220018_at	1176	2063	2149	594,3333333	3013	2931	1206	1369	0,236621102	0,65725811

RPL3	6122	NM_000967.3	211666_x_at	1239	3253	3005	661,6666667	3375	2669	2754	659	0,236950311	0,64438258
RBM10	8241	NM_152856.1	215089_s_at	474	2719	2209	470	2417	2296	1062	1555,7	0,236964456	0,7301104
CDC42EP3	10602	NM_006449.3	209286_at	0	903	0	1453,333333	0	1854	0	1777,7	0,236987139	0,90203784
STK16	8576	NM_003691.2	209622_at	625	0	1865	1394	1814	1325	0	2246	0,237151436	0,90283651
TTC9C	283237	NM_173810.3	X	2303	3079	3004	1885	3255	3255	4112	1721,3	0,237345191	0,59235471
NOTCH2NL	388677	NM_203458.3	214722_at	669	3938	3724	916	3150	1888	3409	2417	0,237632828	0,72971895
HELQ	113510	NM_133636.2	X	1949	2432	2423	0	2735	2924	2943	258,67	0,237719879	0,58513165
SMAD4	4089	NM_005359.3	202526_at	2939	1823	1699	416,3333333	3140	1841	3229	1996,3	0,237850413	0,62302213
LRCH3	84859	NM_032773.2	X	1090	1464	843	408	726	2597	1464	476,67	0,237889134	0,66877477
CSTF1	1477	NM_001033521.1	202190_at	0	953	2190	1892,333333	2647	1622	0	2343	0,2379129	0,90775016
TRNT1	51095	NM_182916.2	X	0	916	1100	1097,333333	1252	0	1658	3237	0,23797064	0,89997775
SYNGAP1	8831	NM_006772.1	X	964	2355	2452	2441,333333	3362	1750	1946	2853	0,237974608	0,65780401
RAG2	5897	NM_000536.2	215117_at	700	0	0	2117,333333	0	0	1446	2779	0,238197956	0,89613847
CBX8	57332	NM_020649.1	219755_at	0	827	838	1403	0	1279	1121	2077,3	0,238740838	0,89546838
AP3S2	10239	NM_005829.3	202399_s_at	2059	1834	1109	3060	2057	1594	2633	4545,7	0,238971339	0,61772066
MED30	90390	NM_080651.1	X	1294	0	1294	1362	2044	0	1690	1905,3	0,239086188	0,90458715
C14orf149	112849	NM_144581.1	X	1667	2280	1352	1370,666667	2836	2983	1253	1834,7	0,239907034	0,64075377
SMAD5	4090	NM_001001420.1	205187_at	660	1177	1655	1267,666667	1154	1548	1496	1308	0,240037937	0,62901281
CHD4	1108	NM_001273.2	201183_s_at	662	0	1215	2426	0	1263	1325	2890,7	0,240345269	0,89683862
FKBP4	2288	NM_002014.2	200895_s_at	515	0	0	0	0	1075	0	1209	0,24035199	0,88790026
SLC39A1	27173	NM_014437.3	217778_at	2303	4518	2851	2172,333333	2860	4514	4744	1369	0,240528452	0,62075713
RBPJ	3516	NM_203284.1	207785_s_at	1082	3001	1519	2268	1531	3160	2114	2867,3	0,240747211	0,6543261
NFE2L1	4779	NM_003204.1	200758_s_at	326	3029	2803	2085,333333	2709	601	3581	2867,3	0,241362713	0,79072008
FTSJ1	24140	NM_177434.1	205324_s_at	0	1307	1300	1553,666667	2428	0	1453	1802	0,241381772	0,90402905
SORD	6652	NM_003104.4	201562_s_at	0	1293	1532	1886	0	1706	2412	1117	0,24158154	0,90532382
RPS3	6188	NM_001005.3	208692_at	1093	2182	1860	1598,333333	2254	1816	2254	1974,3	0,241760879	0,60867894
UBXN4	23190	NM_014607.3	212006_at	386	0	1466	1327	741	0	1608	2274,3	0,241879567	0,89432964
IMPDH2	3615	NM_000884.2	201892_s_at	2028	1178	1907	540	2397	1706	2318	1536	0,242086673	0,6033911
MALT1	10892	NM_173844.1	210017_at	0	2494	1195	395,3333333	2560	0	2423	979,33	0,242174313	0,90906394
KBTBD11	9920	NM_014867.1	204301_at	708	0	0	443	0	1481	0	469,67	0,242380312	0,89474537
EXTL2	2135	NM_001033025.1	209537_at	625	816	2426	1543,333333	565	2473	1847	3004	0,242469325	0,72463056
SMURF2	64750	NM_022739.3	205596_s_at	659	2592	552	2207	1627	836	1461	3479,7	0,242542865	0,7018383
RPS11	6205	NM_001015.3	200031_s_at	2922	3519	3391	1993,666667	3678	3734	5273	2242,7	0,242670256	0,58608892

ZAK	51776	NM_016653.2	218833_at	625	0	0	494,6666667	0	0	1311	868,33	0,242817998	0,89167097
GABPB2	126626	NM_144618.1	X	2030	2281	3059	2086,333333	2907	2416	4201	2891,3	0,243303969	0,60190796
ZFP36L2	678	NM_006887.3	201368_at	1237	2768	920	1781,666667	2080	1626	1953	2806,3	0,24360472	0,6412514
HNRNPK	3190	NM_002140.2	200097_s_at	2892	3103	3586	282,6666667	4440	3225	4688	875	0,244092006	0,58436105
MTCP1	4515	NM_001018025.2	205106_at	1981	1963	2699	1608,666667	3370	1917	3396	4008,7	0,244420058	0,60376895
DNM2	1785	NM_004945.2	202253_s_at	625	363	2070	1875,666667	1090	1107	832	1784,3	0,244427629	0,69656858
HADHA	3030	NM_000182.4	208629_s_at	1520	2727	3181	3516	3437	2624	3063	4516,7	0,244838625	0,60926856
C7orf55	154791	NM_197964.2	X	1227	2242	2799	1230	2181	2579	2872	955,33	0,24489669	0,6152459
RAD51	5888	NM_133487.2	205024_s_at	1520	1534	2397	1310,666667	2646	2167	2045	1482	0,24501788	0,59079155
PDCD11	22984	NM_014976.1	212422_at	1095	2691	2066	790	2795	1590	2881	385	0,245652874	0,63610189
GEM	2669	NM_181702.1	204472_at	663	0	0	1636,666667	1403	0	0	2067,7	0,245951806	0,89181672
LYSMD1	388695	NM_212551.3	X	1375	2563	2359	0	2669	2018	3250	642,67	0,246395523	0,60732752
IARS	3376	NM_013417.2	204744_s_at	625	0	1023	1894	0	991	1370	3129	0,246891176	0,89148524
CCDC41	51134	NM_016122.2	205228_at	1345	1456	1106	1260,333333	1492	1620	1895	3072,3	0,247072894	0,57523806
VAMP2	6844	NM_014232.1	214792_x_at	690	1214	0	2565,666667	1797	989	0	3023	0,247259958	0,89476749
DNAJC19	131118	NM_145261.2	X	958	1362	1580	748,6666667	2114	1362	1516	2150,7	0,247356988	0,59455191
IGF2BP1	10642	NM_006546.3	X	0	1106	0	1350,666667	0	0	2342	2901	0,247722827	0,90210196
C20orf43	51507	NM_016407.2	217737_x_at	401	0	0	1210,666667	0	860	0	1334,7	0,247846209	0,87785956
RDX	5962	NM_002906.3	212397_at	625	0	0	529	0	0	1332	1369	0,248055667	0,88956653
WDR53	348793	NM_182627.1	X	1679	2608	1881	881,6666667	1881	2718	3409	1554,7	0,248266023	0,59862492
CD47	961	NM_198793.2	213856_at	0	660	1107	1211,333333	1248	0	1248	2020	0,248303156	0,89238172
ANKRD11	29123	NM_013275.4	219437_s_at	1433	1642	2073	1869,333333	2820	1261	2902	1988,3	0,248309704	0,62114898
RBM33	155435	NM_001008408.3	X	1973	2604	2774	2155,333333	2328	3371	3841	2158	0,248369013	0,58924404
NDUFB4	4710	NM_004547.4	218226_s_at	248	1650	1791	426,3333333	1072	1184	1264	1995,7	0,248549892	0,72504306
ACAD8	27034	NM_014384.2	221669_s_at	0	0	728	1905,666667	0	0	1552	2589,3	0,248740733	0,89289182
GGA3	23163	NM_138619.1	211815_s_at	2796	3340	2108	2073,333333	3838	2969	3661	2528	0,249039902	0,58175651
MRPS7	51081	NM_015971.2	217932_at	2796	3340	2011	3598,666667	3838	2835	3661	3957	0,249313599	0,58614208
TATDN1	83940	NM_032026.2	X	0	2681	584	1493,333333	2575	0	1303	1871,3	0,249499267	0,90217255
MRPL30	51263	NM_145212.2	X	1351	2024	700	2599,333333	2273	2165	829	2658	0,249508883	0,66971672
CAMLG	819	NM_001745.2	203538_at	986	955	1303	745,3333333	963	1635	1662	2310	0,249626811	0,59272324
FAM83E	54854	NM_017708.3	220312_at	658	874	1221	364	2195	874	783	441	0,250491808	0,64311207
NSUN5C	260294	NM_148936.2	213842_x_at	890	1477	2173	729,3333333	1915	2896	1100	1913,3	0,250528674	0,64631812
ZBED4	9889	NM_014838.2	204799_at	0	988	0	1841,666667	2113	0	0	1747	0,250729021	0,89875539

SLC7A5	8140	NM_003486.5	201195_s_at	1479	3074	2908	1480,333333	2988	2988	3162	2834	0,251081982	0,59973347	
KCTD5	54442	NM_018992.2	218474_s_at	1197	2578	1424	1583	2720	2509	1377	1773	0,251227373	0,62439081	
MRPS18A	55168	NM_018135.2	221693_s_at	0	1162	1338	0	2418	0	1378	464	0,25176386	0,89925836	
TCEB2	6923	NM_007108.2	200085_s_at	855	3442	913	1934,666667	2315	1628	1537	2438,7	0,251840327	0,6737112	
PXMP4	11264	NM_183397.2	219428_s_at	0	1089	894	2106	1447	1447	0	1540	0,252026987	0,89390923	
FAM49A	81553	NM_030797.2	209683_at	719	0	0	1208,666667	0	1549	0	3255,7	0,252164297	0,89127282	
VPS13B	157680	NM_017890.3	213243_at	1760	2753	2498	743	3008	2865	3008	2076	0,252295669	0,57291044	
RABL2B	11158	NM_001003789.1	220500_s_at	0	765	1840	998	1860	1631	0	1552,3	0,252511142	0,89835167	
ADHFE1	137872	NM_144650.2	X	1001	1990	1280	2621,333333	3123	1066	1644	2728	0,252553033	0,64052096	
UIMC1	51720	NM_016290.3	220746_s_at	695	0	0	2897,666667	0	1500	0	3664	0,252635249	0,89029358	
FCRL1	115350	NM_052938.3	X	1228	0	0	2301,333333	2638	0	0	3688,3	0,252721088	0,90233152	
C19orf23	148046	NM_152480.1	X	1033	1817	1887	1241	1993	2028	1887	1779,7	0,253088889	0,585539	
METTL4	64863	NM_022840.3	219698_s_at	2007	2684	2515	1757,666667	2947	3141	3141	2716,7	0,253095921	0,56366805	
NOL12	79159	NM_024313.2	219324_at	625	1981	3419	1807,333333	2346	1669	2346	2343,3	0,253586198	0,68430535	
SMG1	23049	NM_015092.3	210057_at	1927	1818	1677	652,666667	2062	2285	2683	1843	0,253586942	0,56236341	
TNPO3	23534	NM_012470.2	214550_s_at	2405	2877	2089	409	2745	3417	3315	743,33	0,253930009	0,56639235	
TTBK2	146057	NM_173500.3	213922_at	0	0	363	2749	0	0	795	4216,7	0,254046684	0,87214051	
EYA3	2140	NM_001990.2	206379_at	1985	3679	1780	1366,666667	2684	3225	3236	1906,3	0,254185074	0,59498331	
USP2	9099	NM_004205.3	207213_s_at	625	0	0	1169,333333	0	1357	0	1111,3	0,254185544	0,88711566	
GSS	2937	NM_000178.2	211630_s_at	898	1717	1612	0	1648	1754	1863	801,33	0,254749919	0,58666338	
SKIV2L	6499	NM_006929.4	203727_at	1299	2625	2203	1257,666667	2843	2089	2733	4095	0,254791674	0,59344956	
FAM119A	151194	NM_145280.3	X	946	1921	3057	2561,333333	3271	1688	2179	3373,3	0,254872283	0,6442808	
C1orf57	84284	NM_032324.1	X	699	0	0	1697,333333	1519	0	0	2404,3	0,254917007	0,88953788	
FEM1C	56929	NM_020177.2	213341_at	1009	821	1545	1047	1071	1704	1523	1709,3	0,255150379	0,59273066	
LIN28B	389421	NM_001004317.2	X	0	0	1206	1637	0	0	2611	3024	0,25526386	0,90108742	
CHIC2	26511	NM_012110.2	219492_at	1029	1217	0	68,33333333	0	972	2788	1407,3	0,255302226	0,89634432	
MPV17L2	84769	NM_032683.2	X	0	514	0	2475,666667	0	1125	0	2813	0,255931703	0,88136153	
ZFP36	7538	NM_003407.2	201531_at	1502	1327	1897	1361,333333	1736	2088	2263	2264,3	0,255934754	0,56631295	
YIPF3	25844	NM_015388.2	216338_s_at	3013	3221	2089	1571,666667	3797	3012	3837	2466	0,256079293	0,57157371	
TAX1BP3	30851	NM_014604.2	215464_s_at	870	0	0	1377	1894	0	0	1820,3	0,25624906	0,89401543	
ZNF689	115509	NM_138447.1	X	2024	1396	1765	375	2690	1728	2328	1257	0,25625677	0,57439314	
ZNF142	7701	NM_001105537.1	204474_at	1189	1378	2744	2149	2158	2431	1863	1385,3	0,256264261	0,60243164	
ZNF711	7552	NM_021998.4	207781_s_at	0	315	0	0	0	0	0	697	298,33	0,256328419	0,86658484

C12orf30	80018	NM_024953.2	X	1464	2677	2548	1940,666667	2793	2677	2904	1338,3	0,257056316	0,57970079
ZNF282	8427	NM_003575.2	212892_at	0	416	0	0	0	917	0	546	0,257074908	0,8749245
C6orf154	221424	NM_001012974.1	X	2412	2777	1713	1232	3196	2411	3236	3176,3	0,257136695	0,57393885
IFT57	55081	NM_018010.2	218100_s_at	0	0	755	1377,333333	0	0	1654	1906,3	0,257863136	0,89020723
YWHAZ	7534	NM_003406.2	214848_at	1102	2634	2484	0	2807	2082	2695	409,67	0,258060953	0,60864174
INTS4	92105	NM_033547.3	X	0	1090	972	986	1394	0	1664	2047	0,258106172	0,89244369
SIP1	8487	NM_001009182.1	211115_x_at	926	0	1030	750,6666667	1713	1220	0	1720,7	0,258276965	0,89126204
C7orf45	136263	NM_145268.2	X	1077	1466	1183	1874,333333	1611	1576	1611	2937,3	0,258408953	0,55584199
PRR3	80742	NM_001077497.1	204795_at	1639	2249	2212	993,6666667	4253	1857	2254	545,33	0,258835591	0,59960445
ATP1B3	483	NM_001679.2	208836_at	1974	2352	1826	721,6666667	2297	2770	2913	1121,7	0,259038729	0,55692466
SESN1	27244	NM_014454.1	218346_s_at	0	880	769	354	633	0	2343	559	0,259409013	0,88842963
DNAJB11	51726	NM_016306.4	X	2095	2597	2773	842	4207	2829	2773	1159,3	0,259572101	0,56743048
PPPDE2	27351	NM_015704.1	212528_at	1696	2692	3554	2487	3601	2527	3907	3046	0,259905631	0,59287794
MSL2	55167	NM_018133.2	218733_at	1942	4289	2053	2127	2504	3930	3824	2713,3	0,2613278	0,60384904
SLC10A7	84068	NM_032128.2	X	1519	1638	2103	2498	1528	2176	3478	2937	0,262634944	0,59023617
ADCK1	57143	NM_020421.2	X	666	0	0	2360,333333	1484	0	0	2557	0,262997064	0,88520943
C19orf24	55009	NM_017914.2	221587_s_at	733	1217	1287	2021,666667	1393	1428	1287	2747,3	0,263535991	0,56663501
BRAF	673	NM_004333.3	206044_s_at	660	1044	2432	2313,333333	1500	1475	1694	3587,3	0,263651567	0,63027119
CCT7	10574	NM_001009570.1	200812_at	771	1282	2348	1237	1921	1518	1777	398,67	0,263998495	0,61129745
XRCC6	2547	NM_001469.3	200792_at	1675	2713	3554	902,6666667	3601	2548	3907	398,67	0,264188635	0,58766277
GNG7	2788	NM_052847.2	206896_s_at	0	625	625	2600,333333	0	1399	625	4823,7	0,264236557	0,87814343
CANX	821	NM_001746.3	200068_s_at	625	908	2751	2031	2544	361	3740	2789,7	0,26451654	0,75819558
AARSD1	80755	NM_025267.2	222064_s_at	0	1948	1521	704,6666667	2281	2889	0	1852,7	0,264534008	0,90068505
SLC35B2	347734	NM_178148.1	X	1000	1937	4085	1657,333333	4527	2134	1826	1183,7	0,26464963	0,665979
RPL18A	6142	NM_000980.2	200869_at	1481	1915	1519	714	2486	1857	2079	1071,7	0,264860186	0,55079848
AK2	204	NM_013411.3	212172_at	1706	1465	1529	362	1481	2063	2789	375,33	0,265307895	0,56620405
POLR3K	51728	NM_016310.2	218866_s_at	1079	1654	1688	259,6666667	2146	1512	2074	798	0,265368279	0,56475251
GNL1	2794	NM_005275.2	203307_at	1936	2249	2277	1797,666667	4149	2154	2470	3131,3	0,265371674	0,57118494
RPS5	6193	NM_001009.3	200024_at	2298	3439	4022	221,3333333	4195	4432	3805	1173,7	0,265454192	0,5620481
DDX21	9188	NM_004728.2	208152_s_at	1516	2982	2901	232,3333333	3081	3081	3081	1015	0,265529049	0,57506996
WASL	8976	NM_003941.2	205809_s_at	1004	1602	3656	2632	1570	2491	3363	3297	0,265565881	0,646501
GABRB2	2561	NM_021911.2	207352_s_at	702	988	0	2262,333333	1365	1141	0	3322	0,265577733	0,88451934
FUT10	84750	NM_032664.3	X	0	826	0	301,3333333	0	1851	0	1296	0,265653574	0,88932916

BTN2A1	11120	NM_078476.1	211256_x_at	1171	704	593	1018	2214	704	704	2486,7	0,266217743	0,64321999
FLAD1	80308	NM_025207.3	212541_at	2626	3314	3494	231	5285	2307	5561	879,33	0,26648223	0,59840676
ERP44	23071	NM_015051.1	208958_at	915	2374	1777	76	2931	1647	1795	552,67	0,266720123	0,60968821
C19orf20	91978	NM_033513.2	X	1051	1697	1596	2134,333333	1428	1925	2324	2804,7	0,266901678	0,56887938
C17orf90	339229	NM_001039842.1	50374_at	899	1082	1276	547,3333333	1624	1276	1348	1193,3	0,267039993	0,54881996
RPL23AP82	284942	NM_203302.2	X	0	765	1671	2154	1860	1548	0	2924,3	0,26710607	0,89159043
SMPD4	55627	NM_017951.2	207856_s_at	1052	2432	2550	770,6666667	2718	2089	2585	523,33	0,267693137	0,59641002
C2orf69	205327	NM_153689.4	X	0	1356	1140	949,6666667	2803	0	1240	1529,3	0,267840747	0,89339483
USMG5	84833	NM_032747.2	X	917	2691	1998	2462,666667	2795	1379	2881	2943	0,268005686	0,63084716
NUSAP1	51203	NM_016359.2	219978_s_at	1739	2474	1936	979,6666667	2897	2113	3062	1822,3	0,268618606	0,55336012
ECE2	9718	NM_014693.3	206728_at	1251	2513	2979	0	2418	2743	3185	387,33	0,268960189	0,58773934
SLC3A2	6520	NM_001013251.1	200924_s_at	1703	3052	1291	492	3277	2501	1848	1694,7	0,269174658	0,59601698
DNAJB12	54788	NM_001002762.1	202865_at	0	720	0	1878,333333	1635	0	0	3342,3	0,269553356	0,88459233
TMEM209	84928	NM_032842.3	222267_at	1471	1998	1504	358	2178	2108	2178	1670,3	0,269868268	0,54028252
GNB2L1	10399	NM_006098.4	200651_at	2298	3170	3597	914	4965	2224	5348	1664,3	0,269907814	0,59806793
TMPO	7112	NM_003276.1	209753_s_at	2014	1922	3468	2171	3476	2410	3624	3453	0,270383745	0,57095364
WDR70	55100	NM_018034.2	219193_at	1974	2622	2803	2176	2983	2914	3776	3453	0,270644994	0,54602721
MAK16	84549	NM_032509.2	211686_s_at	771	1664	0	550,3333333	0	1831	1597	1383,3	0,271032296	0,89008831
TXNIP	10628	NM_006472.2	201008_s_at	2769	2711	2121	1697,333333	3319	2679	4055	1822	0,271061288	0,54795578
DHX16	8449	NM_003587.3	203694_s_at	0	1196	0	2169,333333	2716	0	0	3121,3	0,271073793	0,89536598
RRS1	23212	NM_015169.3	209567_at	1001	2242	1280	1224	3372	1066	1817	1303,7	0,271606279	0,62927734
RINT1	60561	NM_021930.4	218598_at	1093	1857	1721	220,3333333	2210	1825	1973	1513	0,271834671	0,55325394
BRD8	10902	NM_139199.1	202227_s_at	1696	1050	2630	688	2561	1358	3066	1409	0,271922098	0,61265729
UQCRC2	7385	NM_003366.2	200883_at	1287	2624	2624	1391,333333	2624	2639	2914	1821	0,272142467	0,57151988
PSMA8	143471	NM_001025097.1	X	911	0	0	351	0	2080	0	1568,3	0,272144866	0,88915294
TC2N	123036	NM_152332.3	X	625	0	0	270,3333333	1433	0	0	1823	0,272156799	0,88000485
RRM2	6241	NM_001034.1	201890_at	2218	3825	3407	1619,666667	3944	4320	3855	2139,7	0,272308023	0,55150207
GIGYF2	26058	NM_015575.3	212260_at	922	1776	1099	1588,333333	1459	1401	2013	2260,7	0,272402202	0,56704717
RIC8A	60626	NM_021932.4	221647_s_at	2173	3387	2887	2302,666667	3843	3621	3472	2578,3	0,272441108	0,54292384
HDAC9	9734	NM_178423.1	205659_at	1416	1272	1563	689,3333333	1272	1644	3074	1614	0,273176901	0,57932459
PNKP	11284	NM_007254.2	218961_s_at	1133	2146	2146	2615,333333	2222	2503	2146	3133	0,273336081	0,56315421
CALR	811	NM_004343.2	214315_x_at	1378	3129	4921	3807	3789	2816	4543	4110,3	0,273352075	0,62346438
TMEM39B	55116	NM_018056.1	218770_s_at	0	1191	1016	2116,666667	1583	0	1752	4095,3	0,273399246	0,8879571

EZH2	2146	NM_152998.1	215006_at	1037	759	1583	2129,333333	1591	1517	1186	4095,3	0,273404225	0,56689594
RGS2	5997	NM_002923.2	202388_at	1069	2899	0	1602,666667	3550	0	2000	4211,3	0,273866213	0,89866651
CDKAL1	54901	NM_017774.2	220039_s_at	0	407	1739	3025	2285	717	0	4095	0,273928476	0,88496884
NOL7	51406	NM_016167.3	210097_s_at	1218	1945	1280	1469,666667	3368	1209	1708	2149,7	0,27468288	0,59989799
COPS2	9318	NM_004236.2	202467_s_at	625	2110	1197	2807,333333	2499	1007	1448	1722	0,274789712	0,63524322
C12orf41	54934	NM_017822.3	221821_s_at	1404	1693	1762	258,666667	2371	2217	1831	187,67	0,275111821	0,5335949
LMAN1	3998	NM_005570.2	203294_s_at	704	2112	1228	738,333333	1216	1746	1987	1216,3	0,275169643	0,60360452
YEATS2	55689	NM_018023.3	221203_s_at	625	1139	1213	591,666667	743	1935	1387	1610,3	0,275441124	0,60354409
GNAI2	2771	NM_002070.2	201040_at	1056	2346	2617	1239,666667	1660	3663	2456	1818,7	0,275794385	0,60908331
ARPC2	10109	NM_005731.2	208679_s_at	1118	1524	1537	0	2472	1135	2150	1509,7	0,275904403	0,57313628
WHSC1	7468	NM_001042424.1	209054_s_at	1166	1767	1198	0	1345	2058	2058	998,33	0,276094623	0,55283646
RPS13	6207	NM_001017.2	200018_at	1101	2540	2540	1771	2540	2540	2540	2114	0,276100453	0,57853737
SDHB	6390	NM_003000.2	202675_at	792	572	1417	1901,333333	726	1053	1949	2982,7	0,276368766	0,61639613
ANKRD39	51239	NM_016466.5	X	673	0	1083	1790,666667	0	1270	1332	2883	0,276371571	0,88082748
NBPF3	84224	NM_032264.2	201103_x_at	0	1543	1418	1936,333333	2272	0	2223	3747,3	0,276550143	0,89323676
RAB4B	53916	NM_016154.3	219807_x_at	0	486	0	2134,666667	0	1134	0	3747,3	0,276680392	0,87124386
C16orf86	388284	NM_001012984.2	X	0	1413	252	947,666667	0	695	1217	1438,7	0,276793438	0,87504799
FAM128B	80097	NM_025029.2	212995_x_at	1191	2515	2654	1913,333333	2961	2194	2828	2282,7	0,276915868	0,57627277
CBX3	11335	NM_016587.2	200037_s_at	2719	3326	5427	1126,333333	5184	3546	6148	2268	0,276962945	0,57233426
TBCCD1	55171	NM_018138.2	206451_at	2003	2771	2910	2278	4042	3168	2910	2194	0,277184712	0,54063929
JTB	10899	NM_006694.3	200048_s_at	1189	3040	2858	1568	3040	2587	3040	2231,3	0,277351282	0,58685852
ABT1	29777	NM_013375.2	218405_at	2013	1847	182	0	2231	293	2460	575	0,277862014	0,78217184
CENPL	91687	NM_033319.1	X	2165	3335	1504	1120,666667	3407	2251	3280	1984,3	0,278103353	0,57174673
VPS39	23339	NM_015289.2	212156_at	937	1379	1488	1171,333333	1751	1461	1751	1579	0,278773251	0,53869889
ZSCAN16	80345	NM_025231.1	219676_at	687	0	0	1379,666667	1606	0	0	2260,3	0,278955039	0,87981229
KIAA0174	9798	NM_014761.2	200851_s_at	1209	2630	2630	820,666667	2701	2666	2701	485	0,279014655	0,56826324
TRAP1	10131	NM_016292.2	201391_at	1062	1452	1312	1038,333333	2007	1618	1452	2545	0,27913526	0,53314111
IPO8	10526	NM_006390.2	205701_at	0	534	0	1466,333333	0	1254	0	2994,3	0,279295342	0,87289088
RPP30	10556	NM_001104546.1	203436_at	0	1068	1956	1318	0	2142	2273	2296,3	0,279373482	0,89201962
C18orf56	494514	NM_001012716.1	X	0	625	2222	1950	0	1746	1865	2598,7	0,279435009	0,88870062
ADNP	23394	NM_015339.2	201773_at	1074	995	704	1033	905	1530	1275	1738,3	0,280322755	0,54842356
ETFDH	2110	NM_004453.2	205530_at	2021	2292	1297	809,666667	2886	1614	3024	2004	0,28202086	0,56647871
BECN1	8678	NM_003766.2	208946_s_at	1506	3128	3063	1800,666667	3305	3231	3171	2492,3	0,282442886	0,55779975

CBWD3	445571	NM_201453.2	220175_s_at	3005	2286	2201	628,6666667	4098	2707	3195	2758	0,282495373	0,5337578
NOMO2	283820	NM_173614.2	217225_x_at	625	2058	960	2305,6666667	1398	1759	1191	3587,3	0,282956388	0,59950976
VMAC	400673	NM_001017921.2	X	1329	1454	1329	1817	2144	1680	1680	3054	0,283042751	0,51949141
ATF4	468	NM_182810.1	200779_at	2297	3976	4275	3894	4240	4893	4417	3644	0,283123576	0,54492706
ANP32A	8125	NM_006305.2	201038_s_at	1748	3036	2224	1784	3284	2620	3225	2657	0,283186752	0,53780853
CIRBP	1153	NM_001280.1	200810_s_at	733	1217	2262	3422,6666667	1473	2518	1287	3283,3	0,283197833	0,60607694
OIP5	11339	NM_007280.1	213599_at	1741	2496	1936	1437	2871	2251	3062	2214,7	0,283260361	0,52955317
KIAA0319L	79932	NM_024874.3	217929_s_at	0	0	509	0	0	0	1212	560,67	0,28361192	0,86977262
NCDN	23154	NM_014284.2	209556_at	0	0	509	1532,3333333	0	0	1212	3025	0,28361192	0,86977262
C3orf21	152002	NM_152531.3	X	0	1666	717	1523,6666667	0	1629	1738	2090,3	0,283682271	0,88450806
C14orf143	90141	NM_145231.2	214264_s_at	1094	0	0	2384,3333333	2584	0	0	2233,7	0,283889349	0,88899558
PTRH2	51651	NM_016077.3	218732_at	1882	2346	1790	949,6666667	2857	2435	2679	1472,3	0,284068071	0,51935863
WRNIP1	56897	NM_020135.2	X	728	0	0	890	1728	0	0	1740,7	0,284222334	0,87928661
INVS	27130	NM_183245.1	210114_at	1134	2374	1729	0	2931	1866	2014	1,6667	0,284615579	0,55958742
AP1S2	8905	NM_003916.3	203299_s_at	0	1526	3090	830,6666667	3840	0	2905	2298	0,285169784	0,89814536
C4orf14	84273	NM_032313.2	X	625	1337	852	0	1290	1409	935	520,33	0,285265996	0,55748676
ZSCAN29	146050	NM_152455.3	X	2043	1575	2623	1730,6666667	3086	2316	2796	2199,7	0,285357528	0,53325474
FKBP2	2286	NM_004470.2	203391_at	812	1611	3539	2662	2007	3707	1480	4289,7	0,285409443	0,64514052
SLC25A4	291	NM_001151.2	202825_at	0	893	480	2102,6666667	0	893	1151	3385,7	0,285592201	0,87002841
PRDX4	10549	NM_006406.1	201923_at	0	291	0	893,6666667	0	0	707	2888	0,286146679	0,85030014
ERAL1	26284	NM_005702.2	212087_s_at	1214	1420	0	2719,3333333	2686	1526	0	2946,3	0,286229317	0,88737592
TBC1D22A	25771	NM_014346.1	33778_at	1976	2070	2100	476,6666667	2460	3380	2460	1317,3	0,287441287	0,51672224
THOC1	9984	NM_005131.2	204064_at	827	1680	1802	0	1684	2458	1447	969,67	0,287460976	0,56869217
FYTTD1	84248	NM_032288.5	X	1041	0	1738	929,3333333	0	2985	1449	439,67	0,287989304	0,88765088
RPS14	6208	NM_005617.3	217298_at	1078	1371	1742	1041	1973	1474	2120	2087	0,288248196	0,53122411
MRPL49	740	NM_004927.2	201717_at	1426	4267	2222	2195	3034	3441	3096	3139,7	0,288325516	0,57731784
HARBI1	283254	NM_173811.2	X	1881	1755	2716	1678,3333333	2880	2696	2761	2135	0,288639977	0,52088
KIAA0652	9776	NM_014741.2	209021_x_at	1881	1755	2716	1277,3333333	2880	2696	2761	1252,7	0,288639977	0,52088
SF3B1	23451	NM_012433.2	201071_x_at	1236	3422	2920	2180,6666667	3778	2802	2795	2647	0,288921517	0,58036437
C19orf25	148223	NM_152482.2	X	735	0	0	2035,3333333	0	1770	0	2525,7	0,289033496	0,87771863
FAM86A	196483	NM_201400.1	222013_x_at	1251	1962	1542	0	1701	1948	2739	357,33	0,289106852	0,534182
ERLIN1	10613	NM_001100626.1	202441_at	1754	2478	2757	2705	3446	2437	3417	1675,7	0,289378154	0,52993624
PSME1	5720	NM_176783.1	200814_at	0	1120	914	2600	2011	0	1225	2863,3	0,289396225	0,87997514

CBWD1	55871	NM_018491.3	220175_s_at	3069	1071	1664	1535,333333	3354	1946	2016	2887,7	0,28989058	0,58645487
FAM136A	84908	NM_032822.1	215947_s_at	0	548	906	512	1030	1169	0	1276,3	0,289895438	0,87008303
NLGN4X	57502	NM_181332.1	221933_at	661	0	0	1696,666667	0	1600	0	2268,7	0,290299053	0,8744561
PMVK	10654	NM_006556.3	203515_s_at	1076	3935	4068	415	2910	3171	4504	866,67	0,290903041	0,62318527
GNB2	2783	NM_005273.2	200852_x_at	0	1081	1096	427,3333333	2518	1136	0	1530,3	0,291035934	0,88148154
TDP1	55775	NM_018319.3	219715_s_at	1060	0	0	631,6666667	2566	0	0	542,33	0,291952086	0,88546192
CLK1	1195	NM_004071.2	214683_s_at	3033	1959	985	579	2039	2252	3090	1257	0,29223754	0,58274612
ZNF17	7565	NM_006959.2	X	710	0	0	500,6666667	0	0	1728	1280,3	0,29239713	0,87555559
METTL11A	28989	NM_014064.2	X	871	891	1554	1407	2014	821	1772	1229,3	0,29275682	0,5772013
FAS	355	NM_152872.1	216252_x_at	0	1505	718	599,3333333	1876	0	1405	1141,3	0,293220635	0,87953214
TTYH2	94015	NM_032646.5	X	625	1188	877	2958,666667	1188	1188	1130	4508	0,293599774	0,52589134
LPIN1	23175	NM_145693.1	212274_at	988	2109	717	0	1647	1805	1229	367,67	0,293622782	0,57689053
CCDC134	79879	NM_024821.2	220077_at	658	3166	3166	735,3333333	2624	2287	2693	3264,3	0,294002482	0,64254958
GON4L	54856	NM_001037533.1	219846_at	1643	1585	921	955,6666667	1717	1717	1985	3264,3	0,294074972	0,5275244
UMODL1	89766	NM_001004416.2	X	977	0	0	2391,333333	0	0	2384	2784	0,294361385	0,88273935
MTIF2	4528	NM_002453.2	203095_at	1509	1100	1477	1345,666667	2640	1219	1857	2350,3	0,294467531	0,54320513
HNRNPA1	3178	NM_002136.2	200016_x_at	1485	4677	4093	3016	3796	3897	4682	4441,3	0,294868017	0,58627833
QSOX1	5768	NM_002826.4	201482_at	804	1331	0	380	0	1512	1734	2042,3	0,294961062	0,87835416
CRKRS	51755	NM_015083.1	219226_at	846	1793	2772	809,6666667	2048	3239	1551	1876	0,295014868	0,60003618
DLD	1738	NM_000108.3	209095_at	910	1829	2545	0	3284	2071	1523	601	0,295122593	0,58857378
MANEA	79694	NM_024641.2	219003_s_at	1264	1270	1645	2294,333333	1152	1794	3119	2731,7	0,29528862	0,56115642
TTPAL	79183	NM_024331.3	219633_at	794	1414	1272	1126,666667	1948	1414	1272	2495,3	0,295476759	0,53311841
VAMP3	9341	NM_004781.3	211749_s_at	625	0	0	962,6666667	1538	0	0	1767	0,295491882	0,87093607
XRCC2	7516	NM_005431.1	207598_x_at	990	1595	1113	491	1523	1735	1631	338,33	0,295592963	0,51375639
ZNF564	163050	NM_144976.2	X	625	0	1539	325,3333333	1539	1539	0	418,33	0,295706452	0,87731112
RPS16	6217	NM_001020.4	201258_at	1806	3345	2041	2525,666667	3078	3206	3054	2316,7	0,296032006	0,52397032
RAB3GAP2	25782	NM_012414.2	202372_at	1668	2620	1779	764	3558	2742	1953	2018,7	0,296885883	0,53319722
TMEM68	137695	NM_152417.1	X	1747	1326	3021	1911,666667	3331	1545	3340	2834,3	0,297499068	0,57718358
CHMP1B	57132	NM_020412.3	X	1507	2464	2165	1397	2537	3059	2545	1855,7	0,29755296	0,51397742
C10orf2	56652	NM_021830.3	218590_at	871	2958	2786	0	2383	2604	2857	742,33	0,29797552	0,59409158
ABCC1	4363	NM_004996.3	202805_s_at	0	1450	257	3588,333333	0	1297	728	4154,3	0,298197142	0,86670296
PHKB	5257	NM_001031835.1	202738_s_at	2967	1966	2117	368	3485	2196	3968	771,33	0,298328895	0,53008851
BOLA2	552900	NM_001031827.1	209836_x_at	2474	3287	1500	1839,333333	3659	3040	2709	1978,3	0,29944572	0,53681666

EP300	2033	NM_001429.2	202221_s_at	302	1508	910	1639	1794	557	1046	2325,7	0,29983425	0,65291722
WDR40A	25853	NM_015397.1	X	0	1459	2563	0	2592	0	3569	499	0,299895311	0,89074857
SNRPG	6637	NM_003096.2	205644_s_at	1710	1660	2893	1753,333333	3193	2873	2216	1690,7	0,300052017	0,5249001
MAPK7	5598	NM_139033.1	35617_at	1000	1360	1894	3827,666667	2032	1822	1729	3423	0,300256183	0,51845162
NIP30	80011	NM_024946.2	217896_s_at	1679	2549	3036	2045,333333	3496	2234	4116	2442	0,300258513	0,53849011
TCF4	6925	NM_003199.2	222146_s_at	0	0	1168	1823,666667	0	0	2898	4298	0,300376631	0,88470712
STRN3	29966	NM_001083893.1	204496_at	1179	1259	1242	702,3333333	1242	1921	1921	2321	0,300592469	0,50663841
ATP6V1C1	528	NM_001695.4	202873_at	1075	2398	1317	687,3333333	2498	1353	2498	751,33	0,300858094	0,55934072
BRD2	6046	NM_005104.2	214911_s_at	2188	4816	4454	2449	5217	4605	4838	3003	0,300915722	0,5377746
CREB3L4	148327	NM_130898.2	X	2277	5419	3758	819,3333333	4018	4718	6057	1963	0,300929019	0,54630526
DARS2	55157	NM_018122.3	218365_s_at	2066	3335	1405	102,3333333	3407	2152	3280	486	0,301169767	0,54995128
DECR1	1666	NM_001359.1	202447_at	1671	2254	1533	13	2751	2059	2535	480	0,301437621	0,50521164
ALOXE3	59344	NM_021628.1	207708_at	0	479	0	3193,666667	0	1206	0	4117,7	0,301629986	0,86067494
SPG21	51324	NM_016630.3	215383_x_at	556	1070	1265	1362,333333	1551	963	1265	1350,3	0,301688357	0,54687348
RPS3A	6189	NM_001006.3	200099_s_at	731	2205	1859	1572,333333	2229	1629	2065	1749,7	0,301735826	0,5724465
CCDC34	91057	NM_030771.1	X	910	1679	826	1192	997	1349	2346	2643	0,301822651	0,56475258
MDM2	4193	NM_006881.2	217373_x_at	625	2087	0	370,6666667	0	1889	1733	1595,3	0,301942348	0,87934883
ZNF3	7551	NM_017715.2	212684_at	1200	2678	2429	1147,666667	3315	1922	3057	2766,7	0,302468524	0,55334499
PIAS2	9063	NM_004671.2	214442_s_at	1886	2530	2505	325,6666667	3208	3190	2910	736,33	0,30251652	0,49477608
H2AFV	94239	NM_138635.3	212206_s_at	1150	1185	2894	325,6666667	2927	1150	2927	736,33	0,302682769	0,60080485
KIF11	3832	NM_004523.2	204444_at	721	1555	1439	1277	1334	2004	1515	3222,7	0,302788271	0,54094103
NARS2	79731	NM_024678.3	219217_at	1168	1871	1676	1085,666667	2362	2198	1765	1794	0,302989925	0,50847988
STAT3	6774	NM_003150.3	208991_at	0	0	287	1564,333333	0	735	0	2181,7	0,303215396	0,84216122
GMEB2	26205	NM_012384.2	44146_at	1020	2592	1692	1740,666667	2050	2014	2724	2965,7	0,304309057	0,54447994
CCDC102B	79839	NM_001093729.1	220301_at	1488	1835	1907	1460,333333	2898	2135	2113	2816,7	0,304606277	0,49732969
MED1	5469	NM_004774.3	203496_s_at	2322	1218	1183	284	1818	2239	2070	1201,7	0,304819153	0,52401049
DMTF1	9988	NM_021145.2	203301_s_at	2539	2456	2652	562,3333333	3189	3833	3394	893	0,305044875	0,48535571
GNL3L	54552	NM_019067.4	205010_at	1330	1514	1677	2006	1974	2269	1898	2657	0,305104594	0,4887707
SULT1A4	445329	NM_001017391.1	203615_x_at	2729	3287	1500	1637	3659	3210	2879	2270	0,305164357	0,52972566
ABHD4	63874	NM_022060.2	218581_at	2492	444	2540	657,3333333	1957	1610	2277	1454	0,305182299	0,64977944
ZFAND2A	90637	NM_182491.1	X	1075	895	960	1507,666667	997	1212	1931	2085	0,305242504	0,51553153
BAK1	578	NM_001188.3	203728_at	583	1728	2049	1980,666667	2285	1353	1695	2417,7	0,305554408	0,59197971
FKBP15	23307	NM_015258.1	31826_at	625	1043	3192	2480	1274	1936	2145	3529,7	0,305629285	0,62318514

ERBB2IP	55914	NM_018695.2	217941_s_at	1476	2119	694	1141	899	2470	2470	2481,3	0,305691725	0,61002684
SUPT5H	6829	NM_003169.2	201480_s_at	1878	3400	2318	1567,666667	3321	3402	3297	1816	0,305864112	0,50663511
PNN	5411	NM_002687.3	212037_at	2666	2674	2041	2329,666667	4796	3274	2330	2673	0,305884116	0,52247397
DDHD1	80821	NM_030637.1	X	0	1197	1018	1736	1828	1686	0	1501	0,305957305	0,87549852
PKM2	5315	NM_002654.3	209446_s_at	1209	2157	3285	1527	2115	4408	2322	2146,7	0,306704393	0,57252375
NFKBIE	4794	NM_004556.2	203927_at	1000	1845	1988	1315	2430	2095	1826	2887,7	0,306976939	0,5225254
PEX1	5189	NM_000466.2	215023_s_at	1807	2105	1809	340	3211	1845	2936	539,67	0,307193595	0,50623356
BET1L	51272	NM_016526.4	220470_at	1614	3387	2656	146,3333333	3628	3107	3257	2332,7	0,3073	0,51921657
CEP152	22995	NM_014985.2	215170_s_at	1246	653	1654	1228,666667	1825	1266	1485	2788,7	0,307403035	0,54282093
KIF20A	10112	NM_005733.1	218755_at	1569	923	2630	818,3333333	2561	1231	3066	1772,3	0,307603806	0,58642226
TMEM199	147007	NM_152464.1	X	1126	2874	1202	583,6666667	2406	2674	1536	665,67	0,307681878	0,56219983
PPA1	5464	NM_021129.3	217848_s_at	1193	3104	986	357	2161	2001	2149	1650,3	0,307694668	0,56551637
SET	6418	NM_003011.2	40189_at	453	3215	2338	1643,666667	2209	850	4642	2375	0,307922268	0,70422159
TMCO6	55374	NM_018502.3	221096_s_at	1071	577	1601	2155	1459	1062	1634	3139,7	0,308040566	0,55235441
SPTY2D1	144108	NM_194285.2	X	1138	1867	1341	1206,333333	3127	1112	2081	2169,7	0,30840269	0,5565901
C19orf61	56006	NM_019108.2	221335_x_at	1360	2693	2796	1842,333333	2816	3665	2524	2360,7	0,309036228	0,52891814
C1orf182	128229	NM_144627.2	X	1038	1748	1581	1633,333333	1942	1321	2850	1764,3	0,309166826	0,53358493
FAM9C	171484	NM_174901.4	X	799	0	0	2541,333333	2044	0	0	2888,3	0,309338447	0,87237543
NDUFA6	4700	NM_002490.3	202000_at	1022	1094	1824	280,6666667	2273	946	2419	1386,7	0,309473538	0,5624701
QARS	5859	NM_005051.1	217846_at	1563	2346	1902	445,6666667	2805	2234	2839	841,33	0,309979711	0,49271244
EIF3CL	728689	NM_001099661.1	215230_x_at	1168	1719	1065	375,6666667	1853	1719	1719	2232	0,310094864	0,49431695
CENPQ	55166	NM_018132.3	219294_at	2444	2617	962	963	2802	2582	2177	447,33	0,310204547	0,5531937
CHMP2A	27243	NM_198426.1	202121_s_at	2689	3446	3616	2590	4334	4875	4040	3646	0,31043037	0,48510013
ESRRA	2101	NM_004451.3	1487_at	1535	1664	3146	1304,333333	2648	2551	3043	2057,3	0,310740313	0,5180591
RPL22L1	200916	NM_001099645.1	X	1581	1657	1343	1703,666667	1857	1657	2926	3573	0,310747836	0,503169
ING1	3621	NM_005537.3	210350_x_at	3665	2096	5476	0	4432	4677	5179	1094	0,310802615	0,53505967
HSPA14	51182	NM_016299.2	219212_at	787	1788	1811	786,6666667	1334	2903	1692	476,67	0,311355472	0,56205773
RPL28	6158	NM_000991.3	200003_s_at	1529	3609	3124	846,6666667	4489	2512	3920	1567,3	0,312016828	0,54653843
RPL23	9349	NM_000978.3	200888_s_at	2068	2128	1897	764,3333333	2792	2473	3104	1530,7	0,312314072	0,47736289
CARS2	79587	NM_024537.1	218153_at	3482	1871	4974	480	3767	4419	4995	1074	0,312463955	0,53832907
KIAA1586	57691	NM_020931.1	X	907	2333	2287	2171,666667	2994	1965	2123	2337	0,312814433	0,55226023
CCDC18	343099	NM_206886.2	X	1593	1593	1839	1069,333333	1950	1914	3221	1351,3	0,313168057	0,49780197
COMT	1312	NM_000754.2	208818_s_at	1249	2396	1156	2809,333333	1782	1953	2567	3413,3	0,31317324	0,52238674

RPL12	6136	NM_000976.2	200088_x_at	561	2644	2728	1252	2725	1737	2229	1757,3	0,313873732	0,62461787
AIFM1	9131	NM_004208.2	205512_s_at	1488	2025	3125	2053,333333	5206	2151	2168	3229	0,313878487	0,56151339
FANCG	2189	NM_004629.1	203564_at	811	1176	1426	2495,333333	2713	536	2405	2124,3	0,314115236	0,6273682
PHB2	11331	NM_007273.3	201600_at	2680	936	2243	1302,333333	2273	1707	3764	2105,7	0,314995817	0,57303682
AIMP2	7965	NM_006303.3	202138_x_at	625	1408	2017	3013,666667	2976	809	1917	1042,3	0,315026007	0,61579248
UGCG	7357	NM_003358.1	204881_s_at	980	0	1283	267,666667	2895	1127	0	1439	0,315040705	0,87341617
PSMD11	5717	NM_002815.2	208777_s_at	733	1178	1367	907,666667	1625	1298	1459	2399	0,315113354	0,50105014
THYN1	29087	NM_014174.2	218491_s_at	0	0	505	1764,333333	0	0	1326	1914,7	0,315780691	0,85671866
CUL1	8454	NM_003592.2	207614_s_at	625	2505	2859	1235,666667	1690	2299	3019	1932,3	0,316249345	0,61388642
APBA3	9546	NM_004886.3	215148_s_at	663	1526	2184	1317	2375	1804	1350	3296	0,316302806	0,56715002
HIST4H4	121504	NM_175054.2	214516_at	695	3646	4516	1458,666667	3910	3109	2466	2362,7	0,316317866	0,64568174
DDX49	54555	NM_019070.3	210811_s_at	716	1384	968	411,666667	1384	1312	1384	1857,3	0,31638881	0,49717464
PSMB10	5699	NM_002801.2	202659_at	765	1976	2106	1640,333333	1964	1692	2510	3216,7	0,317168944	0,55031604
VPS24	51652	NM_016079.2	217837_s_at	886	1189	942	2336	2115	1035	1189	3043	0,317704684	0,50986446
C2orf79	391356	NM_001013663.1	X	1328	2519	2003	1324,666667	2661	2474	2661	1916	0,317905129	0,49485893
KLHDC2	23588	NM_014315.2	217906_at	921	2788	0	1491	2464	2732	0	3769	0,317938063	0,88112944
DLGAP5	9787	NM_014750.3	203764_at	1071	1162	832	848,333333	2359	1030	1118	2316	0,318015566	0,52537816
NNT	23530	NM_182977.2	202783_at	1433	1254	3246	2352,666667	3278	2116	2206	2613,3	0,318633841	0,54207258
PCYOX1	51449	NM_016297.2	203803_at	709	745	598	736,333333	1011	819	1011	1411,3	0,318868231	0,47181853
ANKRD34A	284615	NM_001039888.2	X	1887	2380	2458	1600,666667	2651	3882	2811	2291,7	0,319309116	0,48141447
ROM1	6094	NM_000327.2	205806_at	1565	621	1487	0	1584	1453	1662	589	0,319540054	0,53031799
EMG1	10436	NM_006331.5	209233_at	2450	1187	2243	951,333333	2273	2004	3764	1532,7	0,319693909	0,52960521
INTS5	80789	NM_030628.1	53968_at	1117	1923	1295	2230	2204	1774	1875	2146	0,319873549	0,48822775
C11orf58	10944	NM_014267.4	201784_s_at	990	2783	2608	429	3194	2047	2899	710	0,320317112	0,55200756
HPS6	79803	NM_024747.4	219052_at	0	177	0	1339	487	0	0	1368,7	0,320368249	0,81321264
C6orf150	115004	NM_138441.2	X	0	2759	2277	2019,666667	972	972	241	2405,7	0,320413881	0,84401282
GTF2I	2969	NM_032999.1	210891_s_at	1362	1162	0	1111,666667	0	2038	2053	2216,7	0,321002682	0,87313671
LRWD1	222229	NM_152892.1	X	1170	77	2447	2173	2373	1728	154	2393,7	0,321152433	0,79463406
SERF1A	8293	NM_021967.1	219982_s_at	1245	1189	1471	1727,333333	1914	1752	1719	1780	0,32128893	0,46516345
ZNF496	84838	NM_032752.1	X	625	0	0	1465,333333	0	0	1666	2880	0,321891986	0,86089707
CCT6A	908	NM_001762.3	201327_s_at	1639	1506	3015	1291,666667	3073	2388	2684	1356,7	0,321998565	0,50270922
AGA	175	NM_000027.2	204333_s_at	698	2946	1229	401,666667	2529	891	2980	778	0,322126906	0,62539731
PODXL	5420	NM_005397.3	X	594	0	0	1805,666667	0	1587	0	2565,3	0,32239662	0,85918652

AEBP2	121536	NM_153207.3	X	824	0	1023	971,3333333	1779	1263	0	2519	0,322664302	0,86421374
KCNQ5	56479	NM_019842.2	X	1365	3112	1579	0	2679	2091	3179	510,67	0,322895794	0,51941446
CCDC97	90324	NM_052848.1	X	1474	1689	2239	0	3084	2154	2239	336	0,324754176	0,48008766
C7orf64	84060	NM_032120.2	221595_at	1745	2043	1711	1137,6666667	3211	1783	2841	1884,7	0,324828307	0,48572198
VT11A	143187	NM_145206.2	X	1208	2019	1972	1206	2560	2278	2204	2966,3	0,324943355	0,48134093
SLC39A13	91252	NM_152264.2	X	0	854	1306	1180	0	1647	1818	2400,7	0,325332931	0,86710815
C22orf13	83606	NM_031444.2	X	1198	1671	2793	946,3333333	2315	2963	2185	2012	0,325883195	0,5090386
CFL1	1072	NM_005507.2	200021_at	1621	3003	3934	0	3976	3136	4107	317,67	0,32592973	0,5136573
C20orf30	29058	NM_001009925.1	220477_s_at	2355	4303	2417	1307,6666667	3841	3335	5109	1919,7	0,326043285	0,49873914
WDR23	80344	NM_181357.1	201886_at	1485	1507	3300	2283	3544	1661	3365	3001,7	0,326605776	0,54447783
SS18L1	26039	NM_198935.1	213140_s_at	625	931	1175	604,6666667	1760	1294	812	2151,7	0,32698661	0,5168915
PAPOLG	64895	NM_022894.2	219160_s_at	732	1418	0	954,6666667	1592	1762	0	2024	0,32707186	0,865763
GZF1	64412	NM_022482.3	X	0	1024	555	1664,6666667	991	1556	0	2323,7	0,327184879	0,8571272
KIAA0317	9870	NM_001039479.1	202128_at	0	1006	2127	822,6666667	2724	2116	0	1207,3	0,327220577	0,87516699
MTF2	22823	NM_007358.2	203347_s_at	1189	2556	1091	2246,3333333	924	2745	3512	2604,3	0,327348118	0,59385733
ZNF319	57567	NM_020807.1	X	0	0	369	1224,3333333	0	1011	0	3047,7	0,327593491	0,8412447
CDNF	441549	NM_001029954.2	X	909	1666	1873	1450,6666667	1456	2903	1814	2125	0,328248849	0,52032423
CCDC45	90799	NM_138363.1	X	1950	3066	2041	1263	3214	2835	3609	2733,7	0,328520354	0,47323284
GGPS1	9453	NM_001037277.1	202321_at	1135	1360	3244	2397,3333333	3359	1196	3365	3112,7	0,328595028	0,58581208
SAE1	10055	NM_005500.1	217946_s_at	1237	1492	1371	1078	2023	1673	2023	1750,7	0,328732391	0,4569228
C6orf134	79969	NM_024909.1	218874_s_at	1120	2901	2079	0	4045	2125	2125	439,67	0,328957685	0,53855768
C19orf48	84798	NM_199250.1	X	659	1647	1726	423,3333333	2188	1426	1634	2665	0,329123413	0,53215135
COPB2	9276	NM_004766.1	201098_at	1199	1865	1459	231	2604	2445	1387	1188,7	0,329227147	0,4958463
SRP9	6726	NM_003133.4	201273_s_at	1646	287	1744	0	880	1248	2081	734,67	0,329250671	0,64201175
SCMH1	22955	NM_012236.2	221216_s_at	658	0	0	2194,6666667	0	0	1793	1378,7	0,329410404	0,85961248
PEX26	55670	NM_017929.3	219180_s_at	774	0	2402	5173,6666667	0	2026	2496	4144,7	0,329527607	0,87331888
GSDMB	55876	NM_018530.2	215659_at	0	1068	297	1035,6666667	745	1182	0	1435,7	0,330132901	0,84852135
TOR1AIP2	163590	NM_145034.2	214801_at	2264	2440	2800	966,3333333	3551	2833	4162	1558,7	0,330276342	0,46324992
DUT	1854	NM_001025248.1	208955_at	1629	2315	0	1288,3333333	2579	0	3967	2346,3	0,330661576	0,88018308
IKBKB	3551	NM_001556.1	209341_s_at	0	973	2280	1296,6666667	1972	3064	0	1913,7	0,330856857	0,874575
Sep 02	4735	NM_006155.1	200778_s_at	1422	3547	3649	2223	3755	3407	3908	3130,3	0,330907202	0,52103116
CXCR4	7852	NM_001008540.1	217028_at	1391	1153	4338	0	3925	1304	3701	400,67	0,331265159	0,6105076
RPL4	6124	NM_000968.2	200089_s_at	2164	3113	2794	599,6666667	4440	2682	4293	2151,7	0,331517479	0,47952193

EPS15	2060	NM_001981.2	217887_s_at	1939	585	1251	1418	1692	1757	1314	1722,3	0,332119274	0,53763763
LSM8	51691	NM_016200.3	219119_at	2279	2697	1332	2658	2893	2606	2964	2987,3	0,332248624	0,48504897
MCL1	4170	NM_021960.3	200797_s_at	2140	3944	2380	2184	4021	3694	3685	1820,7	0,332394599	0,47706133
CDC27	996	NM_001256.2	217880_at	1746	1824	1341	1709,666667	2306	2198	2306	2406	0,332900784	0,4537945
CRTC2	200186	NM_181715.1	X	2463	5594	4166	1543	4719	5297	6268	1798	0,333403937	0,49663315
SNRPD3	6634	NM_004175.3	202567_at	1255	1671	2736	2037,666667	2372	2963	2242	2328,7	0,333995179	0,49183014
UBP1	7342	NM_014517.3	218082_s_at	2244	1543	3918	2031,333333	3333	3216	3471	2738,7	0,334060703	0,50209135
ITFG2	55846	NM_018463.2	220589_s_at	0	695	876	620,666667	0	2320	724	1911,7	0,334485231	0,85634573
FUT8	2530	NM_178154.1	203988_s_at	0	1284	856	1255	2753	1101	0	2513,3	0,334798155	0,86422802
NSUN4	387338	NM_199044.2	X	625	0	0	1264,333333	0	1733	0	1777,3	0,334919793	0,85602839
PWP1	11137	NM_007062.1	201606_s_at	919	1408	1444	480,666667	2531	793	2564	1219,7	0,33549742	0,55533733
ZMYM6	9204	NM_007167.3	219925_at	625	1617	1272	1752	1696	1065	1976	2593,3	0,335614326	0,52537563
RNF139	11236	NM_007218.3	209510_at	2774	3186	3418	1627	4478	4255	4371	2758,7	0,336657074	0,4440634
DDX56	54606	NM_019082.2	217754_at	2496	2266	4618	345	4086	4272	4142	1742	0,337704021	0,4808015
ASNSD1	54529	NM_019048.1	217987_at	810	1434	1390	1582,333333	1459	1618	1907	1805	0,337741948	0,47302336
RNF38	152006	NM_194329.2	218528_s_at	945	1481	3256	1144,666667	3353	1822	2078	311	0,337994237	0,5492679
CBR1	873	NM_001757.2	209213_at	0	283	0	0	0	0	808	1063	0,338620905	0,82620074
SFRS7	6432	NM_001031684.1	213649_at	1118	2355	2283	2521	2889	2150	2701	4420,7	0,339290517	0,4909308
RSPRY1	89970	NM_133368.1	X	1544	2549	3036	0	3631	2234	4116	568,33	0,340517774	0,49557646
SLC39A5	283375	NM_173596.1	X	1064	1559	1175	2962,666667	1839	2978	997	2873,3	0,340647374	0,51852209
LPPR2	64748	NM_022737.1	218509_at	705	785	1108	2239,666667	1225	1225	1154	3846,3	0,340671795	0,45194314
UBL5	59286	NM_001048241.1	218011_at	1724	2409	2460	2623,666667	2691	3945	2691	4103,3	0,340739128	0,46103256
PDPR	55066	NM_017990.3	220236_at	1282	2554	2142	1710,666667	2788	2568	2744	1739,7	0,340740364	0,47184831
KBTBD2	25948	NM_015483.1	212447_at	2722	1089	2799	1147,333333	3765	1477	4183	1907	0,341346799	0,56420696
PARP1	142	NM_001618.3	208644_at	1434	312	1930	853	1163	1105	1930	1134,7	0,341356072	0,61295991
MADD	8567	NM_130470.1	38398_at	0	0	348	2568,333333	0	996	0	3340	0,341430795	0,83334996
TPM3	7170	NM_001043353.1	214365_at	662	3014	1890	2249,333333	2332	1582	2888	2545	0,341459646	0,57430865
LEPRE1	64175	NM_022356.2	220750_s_at	943	2196	1323	2036	3155	1196	2042	2304,7	0,3415711	0,53177019
ZNF546	339327	NM_178544.2	X	1133	1577	1328	2466,333333	2690	920	2690	3224,3	0,341692257	0,53043107
NUP155	9631	NM_153485.1	206550_s_at	1588	2601	2735	2229,666667	2981	2843	3741	2791,3	0,341876829	0,46578649
C21orf7	56911	NM_020152.2	221211_s_at	625	1636	2099	1022	2282	1185	2247	588,33	0,342166303	0,55228342
POLR2K	5440	NM_005034.3	202634_at	0	2019	830	804,333333	2580	0	1837	1896,7	0,342755669	0,86679971
PBXIP1	57326	NM_020524.2	212259_s_at	963	5568	2742	469	2543	2821	5792	1974	0,343020203	0,60712974

ZMYM4	9202	NM_005095.2	202049_s_at	0	1466	165	2460,666667	525	0	1368	1922	0,343383269	0,84480559
TFDP1	7027	NM_007111.3	212330_at	687	0	1525	1555,333333	0	2472	1204	2478,7	0,343715825	0,86037855
NDUFS1	4719	NM_005006.5	203039_s_at	2303	2982	2833	1485,666667	4345	3173	3980	3121,7	0,343991957	0,4446992
DCAKD	79877	NM_024819.3	221224_s_at	1346	2005	2316	1899,666667	2599	2382	2856	2200,7	0,344048459	0,45643173
FBXO15	201456	NM_152676.1	X	625	2037	735	1231,333333	1613	1029	1613	2809	0,344306091	0,5383861
FBL	2091	NM_001436.2	211623_s_at	2269	1494	1660	423,666667	2448	2493	2614	2405,3	0,344760217	0,44462777
COPE	11316	NM_007263.3	220469_at	625	1279	863	1870,666667	1279	1207	1279	3303,3	0,344874282	0,46609486
SFRS4	6429	NM_005626.3	201696_at	842	2164	661	837,333333	1418	1512	1610	363,67	0,345198833	0,52339898
UBE2M	9040	NM_003969.3	203109_at	2613	1996	2406	2245,666667	2801	4316	2942	2964,3	0,345418417	0,45152361
UPF2	26019	NM_080599.1	203519_s_at	2576	2368	2000	1400,333333	3290	3397	3095	3109,7	0,345444845	0,43503033
RRP8	23378	NM_015324.2	203170_at	2644	5970	3575	401	6452	4795	5163	2940	0,345489878	0,48198489
WHSC1L1	54904	NM_023034.1	221248_s_at	2894	1215	2197	1685	5681	2999	1286	3180,3	0,345814947	0,57782318
EIF3C	8663	NM_001037808.1	215230_x_at	807	1882	1543	0	1972	1804	1882	1517	0,3458416	0,48182468
PPM1D	8493	NM_003620.2	204566_at	1418	3682	2785	3001,666667	3226	3164	4053	4420,7	0,346229613	0,49577262
AP1M1	8907	NM_032493.2	X	1283	937	1754	398	1913	1835	1717	2405,3	0,346298952	0,45725151
MRPS18C	51023	NM_016067.1	220103_s_at	1401	2432	2423	1132,666667	2735	2924	2943	2489,7	0,346768951	0,4571649
KLHL12	59349	NM_021633.2	219931_s_at	375	535	0	2296,666667	1413	411	0	2700	0,347468157	0,83231805
CENPP	401541	NM_001012267.1	X	1062	2523	966	269,333333	2262	1291	2543	499,33	0,347560191	0,52378682
RASSF5	83593	NM_182665.2	X	1402	1166	2656	2022	2201	2408	2354	2064	0,348607235	0,47669968
RFX5	5993	NM_001025603.1	202963_at	1830	2390	2532	1096	2871	3136	3522	1804	0,348641619	0,4375367
SFRS1	6426	NM_006924.4	208863_s_at	2598	3244	1677	2722,333333	4181	3094	3133	3342,7	0,349123168	0,46468664
RG9MTD3	158234	NM_144964.2	X	0	0	662	1851,333333	1915	0	0	2136	0,349201336	0,85253791
CCDC103	388389	NM_213607.1	X	1159	1701	1375	1029,333333	2306	1702	1990	1240,7	0,349501433	0,44203953
B3GNT1	11041	NM_006876.2	203188_at	56	262	0	1024,666667	152	56	56	1888	0,349535327	0,69860371
TEX10	54881	NM_017746.2	218104_at	2387	1583	1472	343	3256	1619	3033	649	0,349599048	0,4819424
ORC2L	4999	NM_006190.3	204853_at	625	0	1479	1083,666667	2004	1337	0	2183,7	0,349672444	0,85602226
SON	6651	NM_138927.1	214988_s_at	1733	3649	2782	484,666667	3990	3049	4153	278,67	0,349708666	0,47111734
P2RX1	5023	NM_002558.2	210401_at	0	819	0	0	0	2369	0	695,33	0,350100542	0,85849569
PNPT1	87178	NM_033109.2	X	703	1528	1596	1652	1746	1528	1864	3771,3	0,350350719	0,48197672
NDUFA11	126328	NM_175614.2	X	1505	1755	1505	301	2484	2149	2149	618	0,350469053	0,42752909
SLC31A1	1317	NM_001859.2	203971_at	625	1216	3192	2308	1447	2109	2315	3188,3	0,350699689	0,5694422
GOSR1	9527	NM_001007025.1	204630_s_at	1624	1014	1482	421	2744	1631	1580	1043,3	0,351317757	0,4660047
MARS	4141	NM_004990.2	201475_x_at	767	2124	2050	2770	2188	2088	2124	2822	0,351318426	0,50462569

SMC2	10592	NM_001042550.1	204240_s_at	2189	1709	1706	475,3333333	2733	2229	3030	1292,7	0,351602561	0,43518434
PDIA4	9601	NM_004911.4	211048_s_at	1167	2867	3086	745	2601	2920	3937	1886	0,351719537	0,50557004
FBXO43	286151	NM_001029860.2	X	0	1418	643	690,6666667	2154	0	1236	1613,7	0,352329887	0,85483448
EFTUD2	9343	NM_004247.2	X	1150	1692	1366	1175,6666667	2306	1693	1981	2240	0,352733332	0,43843077
C19orf70	125988	NM_205767.1	X	1167	542	1136	1156,3333333	1274	1519	1091	1723,3	0,353282107	0,47668327
TST	7263	NM_003312.4	209605_at	0	0	130	465,3333333	0	0	404	1621,7	0,353712393	0,78067454
MPST	4357	NM_001013440.1	203524_s_at	0	0	130	159,6666667	0	0	404	641,67	0,353712393	0,78067454
PIN1	5300	NM_006221.2	202927_at	944	1674	2815	1431	2369	2319	2369	2188,3	0,354197962	0,49434158
TMEM64	169200	NM_001008495.2	X	1055	1629	1556	2402	3054	1559	1641	3076,3	0,354291226	0,47186602
CREBBP	1387	NM_001079846.1	202160_at	725	0	798	2476	925	0	1839	3076,3	0,354533109	0,84623574
TMEM104	54868	NM_017728.3	220097_s_at	894	1736	1502	567	1963	1670	2086	418,67	0,354917883	0,45554396
C11orf48	79081	NM_024099.3	221637_s_at	1731	3350	2461	1222,6666667	4135	3385	2977	1385	0,355142017	0,45610281
STX5	6811	NM_003164.3	203330_s_at	868	4408	2142	939,3333333	4651	1731	2988	2426,7	0,355378311	0,58639668
RAPGEF1	2889	NM_005312.2	204543_at	0	984	1313	1019	2887	0	1313	1745,3	0,355466885	0,85838909
RPL18	6141	NM_000979.2	200022_at	944	1226	2435	302	2618	1226	2578	1880,3	0,355571856	0,51759283
PLD6	201164	NM_178836.2	X	661	0	1908	2249,3333333	0	1850	2011	2570,3	0,355666732	0,85849792
BDH1	622	NM_203314.2	211715_s_at	741	0	2276	3078,6666667	0	1878	2646	2937,7	0,355863455	0,86264344
MRPL4	51073	NM_146388.1	218105_s_at	1063	0	688	804	0	1838	1175	1556	0,356016723	0,84930647
DDTL	1E+08	NM_001084393.1	X	2094	2231	1607	576,3333333	2801	2940	2675	1255,7	0,35644419	0,42552237
DDX19B	11269	NM_007242.4	202576_s_at	1253	872	2132	1031,3333333	2604	1871	1410	1478,7	0,356606828	0,49099369
HIBADH	11112	NM_152740.2	215316_at	0	557	1110	2399,6666667	1140	0	1609	2565	0,356608613	0,84668289
UNG	7374	NM_080911.1	202330_s_at	0	879	761	2656,6666667	0	1886	1049	2565	0,356689239	0,84757601
RSL1D1	26156	NM_015659.2	212018_s_at	703	1623	2144	340,6666667	1970	2169	1695	1520,7	0,357144972	0,50123795
MRPL15	29088	NM_014175.2	218027_at	0	675	0	600,6666667	2001	0	0	1762,7	0,357393011	0,8501761
RAB40C	57799	NM_021168.3	213466_at	654	4049	3130	266,3333333	2816	3035	2881	681,33	0,35769723	0,59082277
SNRNP25	79622	NM_024571.2	218493_at	839	1746	1922	1497,3333333	2151	1834	2115	3155,7	0,358150317	0,47070556
TMEM87A	25963	NM_015497.2	212202_s_at	1549	2694	2830	2276	2857	2656	4589	3292,3	0,358332601	0,46801596
RPS12	6206	NM_001016.3	213377_x_at	1931	2114	1424	2088,3333333	2374	2273	3183	2006,7	0,358567253	0,43569128
GNPAT	8443	NM_014236.2	201956_s_at	1348	1800	2893	0	2682	2601	2978	1147,7	0,358941176	0,45580472
RPP14	11102	NM_007042.3	204245_s_at	0	1146	1185	242,6666667	2373	1699	0	517,33	0,359227585	0,85702331
C1orf50	79078	NM_024097.1	219406_at	943	2053	1378	2532	3155	1217	2063	3340	0,359547398	0,50417493
MYH9	4627	NM_002473.3	215182_x_at	1198	1347	1891	1143,6666667	2327	1919	2030	973,33	0,35964527	0,43137179
DDX42	11325	NM_203499.1	201788_at	1446	2196	2835	1488,3333333	3460	2404	3207	2716,3	0,359688655	0,45463208

TLCD1	116238	NM_138463.2	X	1049	2446	1882	0	2224	2909	2218	1070,7	0,359817	0,46875733
GFOD2	81577	NM_030819.2	221028_s_at	1091	2359	2945	1698,666667	2820	2945	2712	1810,3	0,359972614	0,48233756
USP47	55031	NM_017944.3	221518_s_at	0	720	1441	885,6666667	0	2061	1503	1480,3	0,360009491	0,85338966
G2E3	55632	NM_017769.2	X	682	0	0	0	2038	0	0	675,67	0,360090669	0,84952749
CCDC47	57003	NM_020198.1	217814_at	1677	2372	2835	673,6666667	3691	2635	3438	805,33	0,360162861	0,44112797
CPT2	1376	NM_000098.1	204264_at	0	426	1332	1490	1405	0	1218	1944,7	0,360312534	0,84490575
ASB13	79754	NM_024701.2	218862_at	0	1340	1404	688,6666667	0	2298	2436	3417,3	0,360429212	0,86099066
SPOP	8405	NM_003563.3	204640_s_at	1355	928	1553	1020,666667	1696	1624	2115	2567,7	0,360454536	0,43733455
WDR5B	54554	NM_019069.3	219538_at	659	2408	522	0	1839	738	1839	1047,3	0,360758931	0,58508677
CDK7	1022	NM_001799.2	211297_s_at	0	0	668	623	2004	0	0	2871,7	0,361287586	0,84845258
EIF4A2	1974	NM_001967.3	200912_s_at	2064	3781	3255	1163	4399	3745	4589	2572,7	0,361833627	0,44136756
ACOX1	51	NM_007292.4	209600_s_at	1330	1536	2689	0	2389	2489	2762	275,67	0,362122874	0,44952273
SAFB	6294	NM_002967.2	201748_s_at	2247	2430	3496	888,3333333	4232	3633	3701	1692,3	0,362281449	0,42736652
MAN2B1	4125	NM_000528.2	209166_s_at	3174	1574	2692	856,3333333	4652	3398	2539	1287	0,362371869	0,46937538
GART	2618	NM_000819.3	212378_at	1667	3649	2782	1778,666667	3990	3049	4153	3017,3	0,362538238	0,45979317
FBXO5	26271	NM_012177.2	218875_s_at	897	1951	908	1222,333333	2117	1095	2060	2660	0,362540662	0,49238161
USPL1	10208	NM_005800.3	204190_at	2361	2496	3602	803,3333333	4237	3329	4489	1150	0,362592871	0,43136858
TMEM203	94107	NM_053045.1	X	964	2390	2856	1956	2882	2127	3221	3342	0,362922341	0,50154778
CCDC12	151903	NM_144716.2	X	1488	2600	2040	3427,666667	2858	3444	2400	3342	0,363010847	0,43987324
NECAP2	55707	NM_018090.3	220731_s_at	0	664	1396	1887,333333	1908	0	1466	2525,7	0,363146493	0,85055867
ZFYVE1	53349	NM_021260.1	X	543	0	0	3106,666667	1644	0	0	2635,3	0,363203776	0,84099913
SUV39H2	79723	NM_024670.3	219262_at	625	2686	1779	1423,666667	1208	2184	3414	1944,3	0,363265169	0,56917268
CHCHD3	54927	NM_017812.2	211927_x_at	704	1612	1502	1316,333333	1666	1777	1738	2229,7	0,363490389	0,46391461
HPS5	11234	NM_007216.3	204544_at	2148	2616	1756	2961,666667	4071	2828	2567	2752	0,363528705	0,43606161
PRDX3	10935	NM_006793.2	209766_at	0	697	779	1383,333333	2104	0	779	2821	0,363540549	0,84234765
GTF2H1	2965	NM_005316.2	202453_s_at	2148	2616	1734	425,6666667	4071	2828	2545	3057,3	0,364843081	0,43564392
SLC25A40	55972	NM_018843.2	X	3047	2941	3683	1122,333333	5724	4150	4175	2792,3	0,365334852	0,41963387
TRIM16	10626	NM_006470.3	204341_at	394	1058	0	208,3333333	1131	1131	0	437	0,365378965	0,83707982
SLTM	79811	NM_001013843.1	217828_at	1418	1763	1532	2337,666667	2835	1699	2400	2720	0,365423748	0,42859656
CPSF3	51692	NM_016207.2	X	2403	852	1559	2998,333333	2365	2111	1937	3076,7	0,365450885	0,47747243
BAT5	7920	NM_021160.1	X	1298	2308	1565	897	2643	2516	2130	1047,7	0,365576366	0,43351609
FBXL12	54850	NM_017703.1	220127_s_at	1302	2021	1859	1887,333333	1991	3727	1991	2487,7	0,365828967	0,45564314
H3F3B	3021	NM_005324.3	211999_at	2188	3578	966	1834,333333	4694	1869	2609	1784,3	0,365982621	0,54295736

CECR5	27440	NM_033070.2	218592_s_at	0	475	1067	887,6666667	0	1246	1246	2134,3	0,366116274	0,83966118
RCBTB2	1102	NM_001268.2	204759_at	951	0	1936	0	1764	3163	0	2366,7	0,366184287	0,8595383
CDKN2C	1031	NM_001262.2	211792_s_at	3035	3723	3764	2121	3946	4785	6786	1199	0,366343458	0,43045927
RPL38	6169	NM_000999.3	202029_x_at	625	1355	877	883,6666667	1355	1355	1239	2174,3	0,36724181	0,44518332
SF3B5	83443	NM_031287.2	221263_s_at	1972	1564	644	380,3333333	1723	1816	1941	1299,3	0,36737097	0,48945455
FARSA	2193	NM_004461.2	216602_s_at	1164	3220	4618	2064	3943	2934	4548	2230,3	0,367761708	0,52693373
TMEM205	374882	NM_198536.1	X	1111	1237	1973	2116,3333333	2096	2022	1951	2912	0,368032672	0,42929322
ZKSCAN5	23660	NM_014569.3	203730_s_at	1072	3279	3575	1448,6666667	5625	3110	2188	2106,7	0,368487325	0,54389688
RBL2	5934	NM_005611.2	212332_at	0	634	0	0	0	0	1946	429,33	0,36859237	0,84416525
OXSR1	9943	NM_005109.2	202696_at	782	1172	1087	431,6666667	1434	2926	726	2550,7	0,369404481	0,5197568
HIST1H1A	3024	NM_005325.3	208484_at	2559	2611	2385	911,3333333	3744	3465	3759	3397,3	0,370976361	0,39936573
NMT1	4836	NM_021079.3	201158_at	1240	2005	2316	2306	2599	2382	2856	3182,7	0,371076509	0,43139943
B2M	567	NM_004048.2	201891_s_at	1508	2088	1668	2306	2652	1692	3591	3182,7	0,371221976	0,44581976
RAB3D	9545	NM_004283.2	208466_at	705	785	1672	378	1495	1421	1350	471,33	0,371273788	0,45776841
CBX5	23468	NM_012117.1	212126_at	1281	4649	4093	2049,6666667	3961	3897	4851	2309,3	0,371501649	0,51623391
DBF4	10926	NM_006716.3	204244_s_at	2773	2941	3657	156	5668	3913	4120	241,33	0,371733004	0,41587966
HPDL	84842	NM_032756.2	X	0	0	949	821,6666667	0	0	2926	1791,3	0,371804548	0,85520884
FTL	2512	NM_000146.3	213187_x_at	682	2529	2509	0	2911	1973	2333	1415	0,37190553	0,52879685
SLC30A7	148867	NM_133496.3	X	625	933	1825	252,6666667	565	2373	2448	1332	0,372343816	0,57763562
JARID2	3720	NM_004973.2	203297_s_at	625	903	760	0	1047	432	2916	428,33	0,372346047	0,57206354
PITX1	5307	NM_002653.4	209587_at	0	504	0	656,6666667	0	0	1573	1707,7	0,372775586	0,83485134
C11orf57	55216	NM_018195.3	218314_s_at	0	1684	125	926,6666667	0	876	802	2186,3	0,372848659	0,8321587
VPS72	6944	NM_005997.1	202261_at	1760	1712	4835	1490,3333333	4553	2267	4350	1245,3	0,372860329	0,51210075
ZWILCH	55055	NM_017975.3	218349_s_at	2745	3113	3681	6260,3333333	5400	3416	5253	4622	0,373599924	0,42115023
ZNF789	285989	NM_213603.2	X	971	2422	3010	1131	3040	2644	2730	1950,3	0,373643613	0,48571383
TADA2L	6871	NM_001488.3	209938_at	702	1082	1723	687	1831	1493	1493	1130	0,373984968	0,45268764
SYT11	23208	NM_152280.2	209198_s_at	1202	1173	480	335,6666667	1239	1239	1384	2232	0,374324021	0,46547573
GATS	352954	NM_178831.4	X	0	2463	2824	1151	508	508	1172	2094,7	0,374627634	0,81625047
ZNF394	84124	NM_032164.2	214714_at	1190	3865	3419	2424,6666667	5610	3136	2774	3987,3	0,374861145	0,5193976
C6orf64	55776	NM_018322.1	218784_s_at	699	1232	0	727	1777	0	1515	2071,7	0,374910567	0,8445512
ADAL	161823	NM_001012969.1	X	1678	0	775	36,66666667	3054	0	1327	1068,3	0,374911015	0,85202596
OPA1	4976	NM_130831.1	212213_x_at	1469	2116	1846	2561	2813	3321	1906	4083	0,37491388	0,42705196
DCTN6	10671	NM_006571.2	203261_at	0	821	1239	1363	0	2114	1502	2426	0,375058437	0,84703471

BAT4	7918	NM_033177.2	X	1716	3636	2914	469	4435	3498	3634	1363	0,375155393	0,4398276
RTTN	25914	NM_173630.3	X	829	1094	0	2368	2466	0	1150	2689,7	0,375842289	0,84542599
COPS7B	64708	NM_022730.1	219997_s_at	625	674	1111	2699,333333	969	1110	1371	3730,7	0,376068378	0,4285464
PNRC1	10957	NM_006813.1	209034_at	1001	1023	479	2721,333333	1216	1199	1063	3730,7	0,37630188	0,44374657
POLR2B	5431	NM_000938.1	201803_at	1088	1337	852	451,3333333	1891	1983	1035	1177,7	0,376347078	0,44222866
KIAA1429	25962	NM_015496.3	X	1240	2099	1623	3123,666667	2801	2475	1904	4567	0,376736973	0,42292501
CETN3	1070	NM_004365.2	209662_at	742	1672	2804	1826	2747	1591	2503	1850	0,377408205	0,51164254
NPAT	4863	NM_002519.2	209798_at	2593	3399	3573	1250,333333	5318	4349	4255	1553	0,378284538	0,40326598
KIAA0494	9813	NM_014774.1	201778_s_at	739	0	949	628,6666667	1627	0	1366	802	0,379249927	0,83913021
ZNF34	80778	NM_030580.3	219801_at	1557	2961	1227	459,6666667	2199	2590	3129	1331,7	0,379359197	0,4526025
BTBD10	84280	NM_032320.5	X	1245	1907	1285	531,6666667	3164	1825	1667	94,667	0,379824506	0,43725289
RAB23	51715	NM_016277.3	220955_x_at	0	869	0	904,6666667	2748	0	0	1045	0,379871754	0,84995622
KIAA0196	9897	NM_014846.3	201985_at	1444	2085	908	1367,333333	2745	1600	1972	1912,7	0,38054301	0,45300583
LETMD1	25875	NM_001024668.1	207170_s_at	873	1968	2750	1380,333333	2815	2562	2080	1924	0,381196083	0,47849384
TMEM69	51249	NM_016486.3	X	1616	2932	3222	208,3333333	3935	3511	3492	512,67	0,381337544	0,42742119
KIAA0528	9847	NM_014802.1	212943_at	648	937	1085	2527	721	1691	1721	4004,7	0,381356753	0,46672611
RHD	6007	NM_016124.3	210429_at	1276	1374	2422	2330	2526	2112	2526	2534,7	0,381686332	0,42404285
EEF1G	1937	NM_001404.4	211927_x_at	743	3546	1377	746,6666667	3715	1027	3030	2414	0,382446668	0,57962818
RPL13	6137	NM_033251.1	212734_x_at	697	1920	1475	1981,333333	2193	1545	1869	3175,7	0,383654682	0,46214185
HTRA2	27429	NM_145074.2	211152_s_at	2457	3609	2080	281	3865	3672	4136	1277	0,38394602	0,40793779
MAD2L1	4085	NM_002358.2	203362_s_at	1098	1709	1417	850	2271	1096	3412	1639	0,384323669	0,47688207
PSME3	10197	NM_005789.2	200988_s_at	1451	3559	3379	1907,666667	3879	3765	3812	1895	0,384336645	0,450547
ZNF451	26036	NM_015555.2	212557_at	1109	1911	1911	1487,666667	2276	1999	2850	2729	0,384631723	0,41990905
NR3C1	2908	NM_001018076.1	201865_x_at	975	2093	1995	938,6666667	1387	3298	2851	1001	0,384949075	0,47960826
PES1	23481	NM_014303.2	202212_at	849	1225	0	2173,666667	1971	0	1697	1945,3	0,384951991	0,84350136
PSPH	5723	NM_004577.3	205194_at	1350	1216	2927	0	3008	2099	2440	889,67	0,384962489	0,45176244
CREB3	10488	NM_006368.4	209432_s_at	625	1516	3648	718,6666667	3038	1781	2063	553	0,385058693	0,54929865
SAFB2	9667	NM_014649.2	32099_at	2366	2287	3243	1818,333333	4232	3578	3701	1802,7	0,385145264	0,39535917
YWHAQ	10971	NM_006826.2	213699_s_at	625	1318	1151	1220,666667	1397	1177	1862	2709,7	0,385196813	0,43891916
ATAD2	29028	NM_014109.2	218782_s_at	982	1720	1518	1739,333333	2001	1582	2613	2280,3	0,386745272	0,42235183
STRAP	11171	NM_007178.3	200870_at	798	989	1280	1658,333333	752	1397	3106	1903	0,387471193	0,50533227
SMCHD1	23347	NM_015295.2	212579_at	0	841	1076	1673	0	1749	1682	2804,7	0,388278713	0,83987183
ARPC5L	81873	NM_030978.1	220966_x_at	3486	3886	2930	317,3333333	5896	4264	5086	905,33	0,388526856	0,39203551

ZCCHC6	79670	NM_024617.2	220933_s_at	1484	1770	746	1990,333333	1940	1356	2422	3190,3	0,388534552	0,4541183
SFRS8	6433	NM_004592.2	202775_s_at	1031	2409	1652	1367,333333	2640	1857	2716	3388,7	0,388900613	0,43868958
SR140	23350	NM_001080415.1	212061_at	2440	2817	1709	1806	2848	3494	3819	2598,7	0,389117553	0,40353342
PYGO2	90780	NM_138300.3	X	963	3217	3622	2182,666667	3144	3422	3388	4249,7	0,389165739	0,50029862
RPRD1B	58490	NM_021215.3	X	901	2568	2250	0	2568	2568	2568	246	0,389355728	0,46004379
SERTAD2	9792	NM_014755.1	202656_s_at	3118	1675	3269	521,333333	4256	3374	3852	471	0,389693388	0,42014475
C2orf63	130162	NM_152385.1	X	1758	1039	2482	2049,666667	2365	2937	2123	2690,7	0,389699573	0,43637727
TIMM44	10469	NM_006351.2	203092_at	1192	1334	2243	1550,666667	2576	1749	2576	1671,7	0,389896925	0,42252885
POLA2	23649	NM_002689.2	204441_s_at	1092	2671	3112	2046,666667	3112	3049	3112	2932	0,390029526	0,45846866
RPS27A	6233	NM_002954.3	200017_at	1733	1039	2482	0	2365	2937	2098	835,33	0,390512465	0,43570558
HADHB	3032	NM_000183.2	201007_at	976	2727	3181	1047,333333	3437	2624	3063	2264	0,390695667	0,47956303
CHCHD8	51287	NM_016565.2	220647_s_at	693	1728	1762	879,333333	2290	2290	1320	862	0,391289838	0,46973538
SRP72	6731	NM_006947.3	208803_s_at	1136	663	2523	1752	741	2418	3468	2676,7	0,391301881	0,57138254
CDC42SE1	56882	NM_020239.3	218157_x_at	1621	2855	3539	1198,333333	3226	3464	4778	337,67	0,391714448	0,43133844
SENP1	29843	NM_014554.2	X	2025	1160	1502	0	2159	3746	1426	580	0,391879443	0,45499306
DERL1	79139	NM_024295.3	218172_s_at	1498	1080	1085	1606,666667	2234	1227	2100	1568,7	0,39203483	0,41491322
SUPV3L1	6832	NM_003171.3	212894_at	1413	1887	909	625,666667	2541	1228	2548	1004,3	0,392337392	0,45409862
FUBP1	8880	NM_003902.3	203091_at	3188	1362	1906	1103,666667	3085	3119	2823	2349,3	0,39332362	0,42452909
MYNN	55892	NM_018657.3	218926_at	2179	2402	3384	985,666667	3751	3862	4006	1050	0,393623661	0,38859176
STK4	6789	NM_006282.2	205411_at	1222	2732	2562	1456	3096	2553	3557	1139,7	0,393790945	0,43386919
RBM8A	9939	NM_005105.2	213852_at	873	2744	2322	1456	2669	2510	2744	1139,7	0,394488254	0,46649108
SGK1	6446	NM_005627.2	201739_at	0	1659	506	1194	1848	1517	0	2726,3	0,395183809	0,83801121
PHC3	80012	NM_024947.3	215521_at	1818	2446	1392	850,666667	3090	1852	3571	2740,3	0,395467479	0,42516513
CCDC127	133957	NM_145265.2	X	745	2479	974	616	2479	2169	1114	227,33	0,395996045	0,49974632
EXOSC3	51010	NM_001002269.1	X	734	1335	638	844,666667	1782	806	1456	1472	0,396639578	0,45125667
KIN	22944	NM_012311.2	205664_at	1787	3094	1627	1778	3440	2643	3281	1947,3	0,396997576	0,40873426
POLR3A	11128	NM_007055.2	X	1967	2664	786	0	3848	2285	1563	465	0,397618578	0,50247912
C2orf34	79823	NM_024766.2	219617_at	1143	2175	2967	367,333333	3451	3080	2310	2036	0,397772999	0,44134447
ILK	3611	NM_001014794.1	201234_at	1463	3947	1989	0	4028	3200	2964	722,67	0,397939356	0,44232566
SCARB1	949	NM_005505.4	201819_at	965	994	884	1521,333333	1218	1454	1607	1733,7	0,398469096	0,37365431
BPTF	2186	NM_182641.3	209271_at	803	1680	1250	2369,333333	1680	1680	2008	822,67	0,399361706	0,40781999
ALG2	85365	NM_033087.3	X	1014	2122	1596	649,333333	2604	2050	2156	993,33	0,399421715	0,40951151
SNAPC5	10302	NM_006049.2	213203_at	2556	2512	3179	2195	4991	2815	4844	2485,7	0,399714918	0,40076484

RPS6	6194	NM_001010.2	200081_s_at	1472	1660	2185	457	3301	1975	2742	2057,7	0,400001938	0,39687435
TUBGCP4	27229	NM_014444.2	211337_s_at	2327	1051	2629	466,6666667	3086	2494	2802	1675	0,400023294	0,43422082
THTPA	79178	NM_024328.2	218540_at	1126	1537	786	912,6666667	2387	974	1969	1613,7	0,400266875	0,45015538
CCT8	10694	NM_006585.2	200873_s_at	625	2237	2353	1653,6666667	2883	1359	2837	3204	0,400730072	0,51953685
LY6G6F	259215	NM_001003693.1	X	1022	1873	1060	787,6666667	2042	1977	1695	1941,7	0,400903494	0,40015637
FAM40B	57464	NM_020704.1	X	1907	0	708	255,3333333	1979	2308	0	435,67	0,401327291	0,84266393
PREPL	9581	NM_006036.3	212215_at	920	1574	2470	1981,3333333	2850	2479	1709	3175,7	0,401644857	0,44453987
TMEM49	81671	NM_030938.2	220990_s_at	1655	2119	1578	1015	2857	2435	2679	1087,3	0,401894314	0,3724029
RHBDD1	84236	NM_032276.2	X	0	2799	1463	394,6666667	3676	0	3749	893	0,402027622	0,85732718
C9orf75	286262	NM_173691.2	X	700	1919	2255	2993,3333333	2281	1724	2620	2699,7	0,403154801	0,4688737
TIMM17A	10440	NM_006335.1	215171_s_at	0	2391	284	1281,3333333	1061	0	2227	2397,7	0,403321625	0,83668961
PPP2R5D	5528	NM_006245.2	202513_s_at	698	3229	2399	2670,3333333	3784	2364	2057	2867,7	0,403371343	0,51897378
RNF160	26046	NM_015565.1	215596_s_at	694	1461	1322	0	1654	1533	1802	2032,3	0,403503646	0,40849479
RPS24	6229	NM_001026.3	200061_s_at	1967	2467	786	746	3536	2345	1563	1683	0,403590768	0,48401002
ARFGAP2	84364	NM_032389.3	211975_at	1764	1444	1993	462	2363	2222	3276	2410,3	0,40388169	0,38169917
ZNF641	121274	NM_152320.1	X	484	0	0	703,6666667	1662	0	0	1660	0,404051889	0,82184608
ALKBH4	54784	NM_017621.2	222228_s_at	872	77	2285	168,3333333	2373	1548	154	442	0,404058186	0,73682165
SLC35E3	55508	NM_018656.2	218988_at	625	2399	1463	1673	2435	1209	2545	3294,7	0,404177208	0,4997361
MUT	4594	NM_000255.2	202959_at	1364	2617	1297	2321,3333333	2802	2582	2177	2790,7	0,404729496	0,40780564
SH3BGR	6450	NM_007341.2	204979_s_at	625	538	840	1255,6666667	905	931	1157	2980,3	0,405051854	0,37973341
ZCRB1	85437	NM_033114.3	X	1168	2415	2285	1231,3333333	2731	2490	3227	2826	0,405256833	0,4099042
DYNC112	1781	NM_001378.1	211684_s_at	1010	0	533	1732,6666667	2231	829	0	2832	0,40544515	0,82629841
LCA5L	150082	NM_152505.3	X	625	538	840	1341,6666667	905	931	1159	1671	0,405620198	0,37918952
YWHAH	7533	NM_003405.3	201020_at	0	1385	1171	353,6666667	601	108	1096	310,67	0,405942604	0,78784627
PAAF1	80227	NM_025155.1	218957_s_at	693	1497	1565	443,3333333	2290	2290	1063	2839,3	0,406573962	0,45749382
EIF2B4	8890	NM_015636.3	209429_x_at	769	2199	2925	2298,3333333	2923	2478	2350	3124,7	0,407376582	0,47556267
LY6G5B	58496	NM_021221.2	X	1285	3319	2552	0	3944	3007	3143	1976	0,407524766	0,42681995
PRPS1	5631	NM_002764.2	208447_s_at	2017	286	1192	1675,6666667	1070	2058	1100	1882,7	0,407639256	0,55906708
CDC26	246184	NM_139286.3	X	1357	2955	1828	1662	2890	2856	3050	1824,7	0,408305067	0,40025661
XPO1	7514	NM_003400.3	217578_at	811	3223	1727	681	2260	2713	2543	904	0,408648422	0,47053607
SAR1A	56681	NM_020150.3	201542_at	1167	1858	1106	1810,3333333	1963	2086	2020	2680	0,408674996	0,37984946
HIRIP3	8479	NM_003609.2	204504_s_at	1551	645	2491	1659,6666667	2081	1651	2517	2105,7	0,409256268	0,4744954
TRIM39	56658	NM_021253.2	X	1448	1589	1124	595,3333333	2623	1313	2591	2772,3	0,409457089	0,40741965

SFRS2B	10929	NM_032102.2	X	735	1384	1804	284	2378	2120	1261	1751,3	0,409460706	0,4385936
CHERP	10523	NM_006387.5	202229_s_at	1367	2521	2393	0	2926	3171	3062	942,67	0,409518226	0,38863367
TNKS1BP1	85456	NM_033396.2	X	0	186	1297	2739	335	0	2560	4291	0,409641697	0,82130035
FCSD2	9873	NM_014824.1	203620_s_at	2237	2698	4070	2033,333333	4783	3680	4799	2788	0,409837529	0,38855949
DBR1	51163	NM_016216.2	219149_x_at	762	1152	0	827	1612	0	1894	2148	0,410398649	0,83121896
SMARCC1	6599	NM_003074.2	201075_s_at	2028	2084	2850	1697	3524	3524	3350	938,67	0,41088922	0,36417581
BCS1L	617	NM_001079866.1	207618_s_at	907	1096	2499	969,6666667	2126	2431	1672	1538,7	0,410917762	0,43721698
M6PR	4074	NM_002355.2	200901_s_at	886	1616	1348	1185	1703	1798	2199	3294	0,412104378	0,38463528
CDC2L5	8621	NM_031267.2	207318_s_at	1774	1052	3336	1480,333333	3322	2932	2227	2893	0,412487214	0,44601444
ATP5C1	509	NM_005174.2	205711_x_at	1536	3094	1804	2123	3440	2643	3281	2461	0,412872705	0,39513735
PIK3C2B	5287	NM_002646.2	204484_at	0	1435	2040	980,6666667	0	3053	3341	2428	0,413312089	0,84878862
SELI	85465	NM_033505.2	X	1261	1791	1561	2622,333333	2340	1675	3145	4140,7	0,414035551	0,38757607
HMMR	3161	NM_012484.1	209709_s_at	2481	1187	2917	0	3789	2784	2846	271,67	0,414041833	0,41937936
KIAA0895L	653319	NM_001040715.1	X	667	1100	2321	1453,666667	2659	718	3138	2676,7	0,415583811	0,54216233
ZNF639	51193	NM_016331.1	218413_s_at	0	1102	1192	2057,666667	0	1585	2918	2728	0,415748319	0,83620608
TMEM30A	55754	NM_018247.2	217743_s_at	1758	1245	2346	1167,666667	2914	2526	2455	1671,3	0,416188972	0,37934985
CDC37P1	390688	NM_001080829.1	X	160	501	423	1996,333333	546	462	501	2336	0,416744171	0,43669073
MLL	4297	NM_005933.2	212078_s_at	0	0	799	674,3333333	0	0	2829	1526	0,417002142	0,83490468
C8orf44	56260	NM_019607.1	220038_at	1083	1909	1044	1796	2020	2020	1876	2383,3	0,417625222	0,37968872
PIGV	55650	NM_017837.2	219238_at	1322	2094	2820	1174,666667	3218	2857	2999	1925,3	0,417667704	0,38862139
RNFT1	51136	NM_016125.3	221194_s_at	855	998	1696	227	2510	1912	1071	2341	0,417991507	0,42796007
OBFC2B	79035	NM_024068.2	218903_s_at	1064	1559	1175	1235,666667	1955	3541	997	3223,7	0,418330096	0,45260912
NBR1	4077	NM_005899.3	201383_s_at	1764	1682	3624	2655	3490	3178	3429	3873	0,418387569	0,39780184
CDC123	8872	NM_006023.1	201725_at	1597	2594	1276	1307	2656	2656	2656	1388	0,41849968	0,38301891
GRPEL1	80273	NM_025196.2	212432_at	0	151	0	2413	0	0	569	1676,7	0,419304398	0,75958555
UBR4	23352	NM_020765.2	211950_at	1889	2165	2595	622	3605	2896	3605	1390	0,419604227	0,35631657
RPL35A	6165	NM_000996.2	213687_s_at	782	2646	1276	673	2696	1293	2705	1347	0,4197434	0,47154481
REPIN1	29803	NM_014374.3	219041_s_at	625	1778	1320	941,6666667	1424	1594	2321	1372,7	0,420488992	0,43273544
STAM	8027	NM_003473.2	203544_s_at	1365	2516	2091	3351	2985	2885	2975	3351	0,421036006	0,3713717
ITFG1	81533	NM_030790.3	221449_s_at	2878	1793	1944	1113,666667	3473	2046	5026	1837,7	0,421058285	0,41438873
PIM1	5292	NM_002648.2	209193_at	0	3377	1307	555,6666667	4957	0	3178	916,33	0,421405876	0,85259527
TMX3	54495	NM_019022.3	X	1226	1573	1645	3448,666667	2898	2116	1851	1134	0,421453821	0,36511349
ITGB1BP1	9270	NM_004763.3	203337_x_at	1915	944	1734	918,3333333	2375	2248	2107	2232	0,421881259	0,38417301

RPL27	6155	NM_000988.3	200025_s_at	625	1563	1274	2591,666667	1993	1274	1769	4000	0,422042039	0,41603555
NFKBIB	4793	NM_002503.3	214062_x_at	799	1097	1098	0	2043	1203	1411	433	0,422131258	0,37244781
IQCC	55721	NM_018134.1	206650_at	0	1508	764	430,3333333	2818	0	1471	1095	0,422162109	0,83243456
RP6-213H19.1	51765	NM_001042452.1	218499_at	0	179	1216	2730,333333	0	1088	754	1947,7	0,422479901	0,8065878
SERINC4	619189	NM_001033517.1	X	1047	1522	1270	1802,666667	2539	1663	1728	3422	0,423375342	0,36636798
TIMM10	26519	NM_012456.2	218408_at	972	1395	1681	961,6666667	2348	1544	2277	805	0,424874795	0,3763577
DDRKG1	65992	NM_023935.1	218159_at	760	3932	2899	0	4962	3311	1912	2548,7	0,424990605	0,5279335
CCPG1	9236	NM_004748.3	214151_s_at	0	833	625	661,6666667	1473	0	1292	1618,3	0,425443039	0,81567958
DDX11	1663	NM_030653.3	208149_x_at	2071	2552	3102	982,6666667	3641	3811	4269	2722,3	0,426073139	0,35140139
GRINL1A	81488	NM_001018102.1	212241_at	720	1944	563	2257,666667	2513	918	1253	2507	0,426383768	0,48643208
CENPO	79172	NM_024322.1	219472_at	1014	2519	1885	4310,666667	2661	2474	2661	4000,3	0,426762294	0,3961656
TOMM34	10953	NM_006809.4	201870_at	1023	2975	2586	1174,666667	3339	2349	3651	1630,7	0,427048251	0,43396208
USP3	9960	NM_006537.2	221654_s_at	0	1041	724	1237	0	1767	1563	2132	0,427287908	0,82207461
MAT2A	4144	NM_005911.4	200769_s_at	1725	3851	3472	2911,333333	3474	4517	5333	4022	0,427451301	0,40062332
RPL35	11224	NM_007209.3	200002_at	3347	3406	2414	1212,666667	5452	3950	4642	2284	0,428219583	0,3539765
NUDCD3	23386	NM_015332.3	215648_at	1233	1451	1403	1015	2012	2208	2068	2809,7	0,428632121	0,33706572
C19orf54	284325	NM_198476.2	222052_at	1010	2884	3024	498	3194	3230	3124	1081,3	0,428797338	0,43085496
SNRPA	6626	NM_004596.3	201770_at	1010	2884	3024	943	3194	3230	3124	1978,3	0,428797338	0,43085496
ARSB	411	NM_198709.1	206129_s_at	625	0	1053	317,3333333	0	881	2748	1444	0,429000514	0,82118186
PCF11	51585	NM_015885.3	203378_at	2281	1385	3571	1313,333333	3378	3571	3417	1879,3	0,429072317	0,39588945
CCDC88C	440193	NM_001080414.2	215343_at	1166	2484	1707	1029,333333	2223	2571	3168	1398,7	0,429260148	0,38304733
SF3A3	10946	NM_006802.2	203818_s_at	992	1206	1012	965,3333333	1965	1311	1729	2272,3	0,429385774	0,34985014
EIF4A3	9775	NM_014740.2	201303_at	956	917	1247	2115	1910	1104	1910	2747,3	0,429813625	0,37005597
INO80E	283899	NM_173618.1	X	1295	572	2455	1165,666667	1922	1395	2517	2251,7	0,430741588	0,47041805
MRPL22	29093	NM_014180.2	218339_at	982	1957	3320	2022,333333	2482	2762	3430	2751	0,430956233	0,43187382
PAF1	54623	NM_019088.2	202093_s_at	782	1862	1765	322	2478	1653	2318	137,33	0,43095986	0,40682966
ZNHIT6	54680	NM_017953.2	218932_at	0	0	319	2624,666667	1205	0	0	3148,3	0,431821715	0,79403576
ZDHHC17	23390	NM_015336.2	212982_at	721	1192	1186	608,3333333	1521	1266	1968	2150	0,432222061	0,36861739
POLR3GL	84265	NM_032305.1	X	3682	2380	2458	546,3333333	2651	6188	4828	2069,7	0,432269911	0,39856181
ZNHIT2	741	NM_014205.2	219050_s_at	897	3199	1621	1036,333333	2433	2840	2495	3041,7	0,432323581	0,43265091
NOB1	28987	NM_014062.1	X	0	1070	1512	1036,333333	2447	0	2447	3041,7	0,432354347	0,83331365
ZNF655	79027	NM_001085368.1	X	1425	2793	2407	1507	4072	2912	2982	2047	0,432563919	0,37598459
GSTT2B	653689	NM_001080843.2	205439_at	1507	1630	1172	1017	2200	2339	2074	2286	0,432953045	0,3398981

JMJD8	339123	NM_001005920.2	X	954	507	0	1268	1382	1316	0	2610,7	0,433945326	0,81145211
LIAS	11019	NM_006859.2	214045_at	959	2493	2920	494,6666667	3464	2736	2742	1055,7	0,43433447	0,4245617
PPP1R15A	23645	NM_014330.3	37028_at	1260	1206	1610	1099	3478	1880	1392	1186,7	0,434438464	0,39437237
NFKBIL1	4795	NM_005007.2	209973_at	1198	2110	1185	2045,333333	3050	1378	2653	2713,7	0,434548801	0,40485032
METTL2A	339175	NM_181725.2	221079_s_at	1232	1791	2132	508,3333333	2177	2615	3074	2488	0,434572996	0,36000411
HDGFRP3	50810	NM_016073.2	209525_at	0	290	0	1321,333333	0	0	1109	1472,3	0,434779085	0,78842164
TAPBPL	55080	NM_018009.4	218747_s_at	2210	2260	3111	1321,333333	2640	4335	5039	1472,3	0,435103103	0,37124377
ATP5J2	9551	NM_001039178.1	202961_s_at	803	2457	2805	769	2865	2667	2710	1688,7	0,435316675	0,44114175
TRA2A	29896	NM_013293.3	204658_at	1112	2147	2395	2021	3375	1914	3301	2387,3	0,435457064	0,40093086
ACTN4	81	NM_004924.3	200601_at	1938	1426	1389	2582	2300	2609	2393	3166	0,436292271	0,33808557
ARPC1A	10552	NM_006409.2	200950_at	808	2555	2110	1090,666667	2555	2555	2509	3141,3	0,43692604	0,42155388
SSH2	85464	NM_033389.2	X	1684	2265	1677	1691,666667	2153	3365	3306	3117,7	0,437273396	0,35328505
ANKH	56172	NM_054027.3	210371_s_at	625	852	0	1842,666667	1421	1421	0	3117,7	0,437575449	0,81139873
RRN3	54700	NM_018427.3	222204_s_at	1139	2284	1468	1099,666667	2545	2149	2626	2127,3	0,437782592	0,36410289
GANC	2595	NM_198141.2	X	1214	2694	2830	1275,333333	2857	2656	4589	2129,7	0,438681205	0,40635438
POLQ	10721	NM_199420.3	219510_at	1683	2831	1624	1740	3293	2850	3106	2481,3	0,439204568	0,35365267
BEST3	144453	NM_032735.2	X	0	661	0	1334,333333	0	0	2513	3587,3	0,43966356	0,82088866
C19orf29	58509	NM_001080543.1	215954_s_at	0	1057	291	111,6666667	1093	1093	0	206,67	0,439919097	0,8022283
ACPL2	92370	NM_152282.3	X	0	421	0	811	0	0	1618	645,33	0,440177283	0,80319631
SDHA	6389	NM_004168.2	201093_x_at	745	2138	974	3121,666667	2820	1879	1114	1566	0,440233597	0,44418432
CCT3	7203	NM_001008800.1	200910_at	924	2235	1929	1496,666667	2461	2367	2596	1791,3	0,440526664	0,38400951
ALKBH2	121642	NM_001001655.1	X	0	879	761	1238,666667	0	2432	1049	2368,3	0,440850146	0,81565376
HP1BP3	50809	NM_016287.3	220633_s_at	1229	3016	2141	978,3333333	3067	3326	2949	1698,3	0,440969787	0,37972612
SEC61B	10952	NM_006808.2	203133_at	938	2122	1520	1232,333333	2604	2050	2156	1479	0,4411059	0,37323515
HN1	51155	NM_001002033.1	217755_at	625	1213	900	1373,333333	3253	767	1042	2149,7	0,441147944	0,47156956
CPNE1	8904	NM_152927.1	212170_at	625	1528	1319	375	1615	1582	1887	323,33	0,44132981	0,38573718
SCNM1	79005	NM_024041.2	218672_at	1594	2563	2359	666	2669	3029	4519	1954,3	0,441627381	0,36161136
NAB2	4665	NM_005967.3	216017_s_at	0	923	1138	752,6666667	2135	1884	0	651,67	0,442811121	0,82217893
KDM5A	5927	NM_001042603.1	215698_at	1797	1171	1282	2247,666667	2368	2179	1998	2782	0,442880431	0,3372812
TUBA1B	10376	NM_006082.2	212639_x_at	1344	2939	2890	1855,666667	4201	2863	3615	2250,3	0,442957453	0,38460912
CLEC2B	9976	NM_005127.2	209732_at	0	107	0	77,66666667	0	0	446	381	0,443125666	0,72700533
C4orf41	60684	NM_021942.4	218179_s_at	947	1408	1048	728	1408	2147	1773	2950,3	0,443259042	0,34518313
DLST	1743	NM_001933.3	215210_s_at	0	1280	601	232,6666667	2910	1016	0	1613	0,443273769	0,81886896

TCEA1	6917	NM_006756.2	216241_s_at	1157	1472	1120	678,6666667	2535	2279	1265	1491,3	0,443715149	0,36518082
SLC38A6	145389	NM_153811.1	214830_at	0	1198	300	1188,6666667	2514	557	0	2010,7	0,443764563	0,80865906
MLLT11	10962	NM_006818.3	211071_s_at	1621	2855	2748	3223,6666667	3226	3464	4344	4683	0,443995393	0,35496814
C1orf144	26099	NM_015609.2	212002_at	0	336	957	2031,6666667	1123	0	1123	1567,3	0,444637734	0,80009034
RBM12	10137	NM_006047.4	212170_at	625	1528	1319	1131	1625	1582	1897	2648	0,445116502	0,38203415
PFDN2	5202	NM_012394.3	218336_at	744	2973	3493	2846	3215	2724	3412	4527,7	0,445954477	0,47409145
C1orf212	113444	NM_138428.3	X	883	955	2136	633,6666667	2116	1832	1800	1411,3	0,44611703	0,3833655
RFWD2	64326	NM_022457.5	X	1060	3602	2142	479,3333333	2358	3626	3690	1566,7	0,446470874	0,42461144
hCG_29977	126075	NM_001080503.1	X	899	1025	1908	391,3333333	1995	1921	1779	1508	0,446674667	0,36269655
GDE1	51573	NM_016641.3	202593_s_at	886	1192	1868	61	3566	1155	1852	1244,7	0,446741511	0,42802107
DAD1	1603	NM_001344.1	200046_at	2630	790	1825	455,3333333	2722	1866	2892	1425,3	0,446754656	0,42295227
TRMT2A	27037	NM_022727.4	218475_at	783	1042	0	1609,6666667	0	1585	2002	1391	0,447275621	0,81604577
MKI67	4288	NM_002417.3	212022_s_at	221	2114	2103	2172	2659	774	1915	3405,7	0,447301788	0,59974855
MFSD5	84975	NM_032889.3	212861_at	0	1890	427	908	1587	1998	0	1651	0,447614128	0,8191012
EPC1	80314	NM_025209.2	X	1352	2633	2319	606,6666667	3437	2882	3232	1379,7	0,448784752	0,35253949
NUDCD2	134492	NM_145266.4	X	2481	1067	2917	2138,3333333	3789	2784	2846	2341,7	0,449100385	0,3974267
RNF41	10193	NM_194359.1	201962_s_at	1168	2160	1357	1225,6666667	2440	3579	1527	2280,3	0,449707015	0,38890869
CCNL2	81669	NM_001039577.1	221427_s_at	2279	4139	2458	2589	4337	4069	5118	2762	0,451200654	0,34668541
RANBP1	5902	NM_002882.2	202483_s_at	783	1042	0	390,6666667	0	1729	1858	1285,3	0,451311575	0,81447116
DPH3	285381	NM_206831.1	X	683	2368	1356	613,3333333	2213	2493	1567	583,67	0,451638464	0,41979418
NFAT5	10725	NM_006599.2	208003_s_at	0	0	652	182,6666667	0	0	2571	324,33	0,451692504	0,81637418
ZNF517	340385	NM_213605.2	X	1557	2961	1227	1861,3333333	2199	3226	3129	1887,3	0,452175613	0,37921725
OXNAD1	92106	NM_138381.2	X	774	2368	1265	1606,6666667	2213	2493	1658	1750	0,452325683	0,4017873
USP37	57695	NM_020935.1	X	2385	3094	2392	1855,3333333	4160	3985	4165	2267,3	0,45252298	0,31730165
SHF	90525	NM_138356.2	X	1347	1088	1962	1028,3333333	1974	2065	2779	693,33	0,452968554	0,34576598
DHX34	9704	NM_014681.4	204815_s_at	760	1476	1187	256	1886	1672	1672	1908,7	0,453247349	0,34398721
NDUFA12	55967	NM_018838.3	X	662	1681	1547	1800,6666667	2188	1587	1966	1925	0,453506367	0,38611758
ADAT1	23536	NM_012091.2	X	1286	1810	1220	0	2518	2132	2096	1267	0,454951167	0,32482169
MLLT1	4298	NM_005934.3	214477_at	797	0	496	0	1337	1189	0	2546,7	0,455624984	0,79840733
C17orf39	79018	NM_024052.4	220058_at	0	588	1348	1789,6666667	2384	1330	0	4903,3	0,455865309	0,81376885
RBM22	55696	NM_018047.1	218134_s_at	0	0	479	2246	1925	0	0	3367,3	0,455969245	0,80298699
ARID2	196528	NM_152641.2	X	1130	2517	2239	1342,6666667	2123	2379	5008	2478	0,456581076	0,40776278
AGGF1	55109	NM_018046.3	208042_at	0	851	288	1712	844	1189	0	1327,7	0,457185278	0,78936661

PAFAH1B1	5048	NM_000430.2	200816_s_at	691	1605	0	2203,333333	1631	2724	0	3141,7	0,457218295	0,81929471
TRPT1	83707	NM_031472.2	X	388	1532	2515	0	1317	2607	1766	765,33	0,457358601	0,50358433
TTC33	23548	NM_012382.2	219421_at	625	1884	1456	268,6666667	1912	2467	1466	1333,3	0,45892128	0,40371862
EFNA4	1945	NM_005227.2	205107_s_at	0	0	362	586,6666667	0	1481	0	1933,3	0,45943499	0,78964852
ARF1	375	NM_001024228.1	208750_s_at	1883	1149	3543	1538,6666667	3099	2680	3702	2248,3	0,459453843	0,39260313
C11orf83	790955	NM_001085372.1	X	1647	3346	4187	385	4387	4050	5200	1054	0,460063656	0,37185913
PEX6	5190	NM_000287.2	204545_at	698	3582	3000	2173,333333	3965	2965	2577	3155,3	0,460069587	0,4774946
CDC25A	993	NM_001789.2	204695_at	1184	681	1953	0	1857	1919	1789	350,33	0,460168047	0,37667543
MOV10	4343	NM_020963.2	X	0	0	252	915,6666667	0	0	1048	1628,7	0,460533907	0,77157628
NEDD9	4739	NM_182966.2	202149_at	0	159	0	773	678	0	0	3643,7	0,460658233	0,74543582
USP15	9958	NM_006313.1	209475_at	1683	2399	1541	0	3324	2788	2700	1173,7	0,460766317	0,32258472
NBEAL2	23218	NM_015175.1	212443_at	1127	3047	2111	735,6666667	2941	3661	2712	1694,7	0,460924208	0,37618881
E2F4	1874	NM_001950.3	38707_r_at	667	1005	2499	1561,333333	2908	718	3243	1572,7	0,461387434	0,51365706
C11orf46	120534	NM_152316.1	X	1136	1417	1038	0	1957	1289	2680	866	0,461512164	0,34724003
DSE	29940	NM_001080976.1	218854_at	0	434	0	1617,6666667	0	1778	0	2386,7	0,461540862	0,79691319
ELF1	1997	NM_172373.2	212418_at	662	0	695	1513,333333	2620	714	0	1970,3	0,461791983	0,80197337
NOL11	25926	NM_015462.3	221970_s_at	1520	2128	2234	1954	3260	2805	3187	2207,7	0,461869199	0,3165767
DMC1	11144	NM_007068.2	208382_s_at	546	2505	1614	1637,333333	1400	2567	2513	1891,3	0,462977147	0,45706977
C1orf55	163859	NM_152608.3	X	2703	1175	1512	3862,6666667	2225	2498	3509	3639,3	0,463465061	0,36486218
ZDHC6	64429	NM_022494.1	218249_at	917	1894	1800	1350,6666667	2560	2278	2183	2618,7	0,463671949	0,34758889
TMEM11	8834	NM_003876.1	203437_at	1068	2430	1303	1160,6666667	3173	2291	1894	2402,3	0,463864067	0,36757221
DENND2D	79961	NM_024901.3	221081_s_at	0	0	257	240	0	1080	0	545	0,464235859	0,77119825
FAM69A	388650	NM_001006605.2	216044_x_at	951	992	757	1140,6666667	1417	1342	1544	1125,3	0,464926533	0,30624369
ALG8	79053	NM_001007027.2	203545_at	967	1266	489	2026,6666667	2699	541	1683	2758,3	0,465529874	0,4804256
EIF1	10209	NM_005801.3	211956_s_at	720	2783	2069	2815,6666667	3507	1899	2561	3645,3	0,466384297	0,43333766
RPL36	25873	NM_033643.2	219762_s_at	1297	1342	1694	3283,6666667	1975	2476	2476	3074	0,466921879	0,3080994
PRKDC	5591	NM_006904.6	210543_s_at	1952	3307	2608	2166	4635	3344	4443	3148	0,467271838	0,32609655
REM2	161253	NM_173527.2	X	0	0	0	1049	46	0	0	800,67	0,467607888	0,44374673
LRRIQ3	127255	NM_001105659.1	X	0	0	421	841,6666667	1761	0	0	1368,7	0,468158893	0,79328573
CSNK2B	1460	NM_001320.5	201390_s_at	1622	5204	3779	685,3333333	5484	4747	5028	1549,3	0,468214389	0,38945372
CLN6	54982	NM_017882.1	218161_s_at	740	2200	2502	0	2975	1732	3270	957,67	0,46841916	0,42575593
MTP18	51537	NM_001003704.1	X	657	1482	1509	1349,333333	1487	2647	1549	2366,7	0,468605764	0,37975472
C17orf42	79736	NM_024683.3	219146_at	2183	1471	930	641,6666667	2568	1872	2568	1178,7	0,468608615	0,35418557

C19orf39	126074	NM_175871.2	X	2077	1177	2661	683,3333333	3352	3008	2661	2788,3	0,46883958	0,34736335
GORAB	92344	NM_152281.1	X	1804	2308	741	1472,6666667	2367	2135	2534	1461,3	0,469225663	0,38676875
PIH1D2	120379	NM_001082619.1	X	0	1806	125	2121	0	1140	888	2327,3	0,469598225	0,79543466
PSPC1	55269	NM_001042414.1	215083_at	708	1057	1469	2538	1348	1967	1727	2878,7	0,469635772	0,34165955
TRMT61B	55006	NM_017910.2	221229_s_at	0	1184	949	455,3333333	2237	0	2086	1278,3	0,469802747	0,81365889
CP110	9738	NM_014711.3	204662_at	886	1008	1613	1787,6666667	3621	971	1704	1756	0,470895415	0,41852615
ATPAF2	91647	NM_145691.3	213057_at	0	497	1079	2407	2125	1061	0	2431,3	0,471215414	0,8004688
ARF4	378	NM_001660.2	201096_s_at	861	1545	567	1479,3333333	3006	1485	707	2236,3	0,471437023	0,45594085
CSRP2BP	57325	NM_020536.2	X	810	1708	813	1072,6666667	1580	1781	1676	2413	0,471600945	0,34434684
RQCD1	9125	NM_005444.1	213098_at	2259	3032	2392	997,6666667	4160	3985	4104	1892,3	0,47231336	0,29911545
BFAR	51283	NM_016561.1	218056_at	691	3074	1324	1030	3231	2998	1218	1014	0,472726505	0,4663165
POLG2	11232	NM_007215.2	205811_at	1950	3399	3450	2293,6666667	4734	4464	4500	2476,3	0,472883187	0,32233594
MDH1	4190	NM_005917.2	200978_at	862	2196	1757	1438,3333333	3895	2294	1558	1689	0,473010354	0,40081661
CCNA2	890	NM_001237.2	213226_at	1577	1214	1258	1070	1928	2366	2211	1668,3	0,473130584	0,30016318
GNPDA2	132789	NM_138335.1	X	0	946	478	918,3333333	1166	0	1644	1696,7	0,473201174	0,79517507
PLEKHA4	57664	NM_020904.1	219011_at	1006	921	1392	231,3333333	3237	1560	1072	1671	0,473614852	0,38285117
GGCT	79017	NM_024051.2	215380_s_at	625	1282	2664	2317,3333333	2259	1825	2187	4895	0,473820537	0,41575645
C1orf131	128061	NM_152379.2	X	1144	1524	2841	0	2682	2601	2978	829,33	0,473983414	0,35069822
MED29	55588	NM_017592.1	X	782	1746	1765	3676,3333333	2478	1769	2318	2772,3	0,474635079	0,35642108
B4GALT5	9334	NM_004776.2	221485_at	0	1318	118	1726,6666667	1884	373	0	2125,3	0,474850534	0,78821775
TOPBP1	11073	NM_007027.2	202633_at	1018	1313	1798	1289,6666667	2551	1941	2053	1274,7	0,476235874	0,31766707
TMED5	50999	NM_016040.3	202194_at	992	992	1370	1574	1349	1313	3221	3398,7	0,476260748	0,36582588
HNRPDL	9987	NM_031372.2	209067_s_at	737	1926	1776	907,3333333	1129	3445	2744	2371,3	0,476569768	0,42935765
HSPA4	3308	NM_002154.3	208814_at	2026	1012	2105	507,3333333	1873	3191	3053	2622,7	0,476690034	0,35664097
ARHGAP11A	9824	NM_014783.2	204492_at	2737	2834	2415	799,6666667	4460	4095	4314	661,33	0,476692905	0,29021866
LRMP	4033	NM_006152.2	204674_at	2678	1347	2496	490,3333333	3552	3528	3038	939	0,477510781	0,32970735
ZNF146	7705	NM_001099639.1	200050_at	1483	2666	2011	2042,3333333	3266	3120	3301	1823	0,477717505	0,31224242
RPL17	6139	NM_001035006.1	200038_s_at	1205	1960	1178	1823,6666667	2484	2258	2108	3272	0,477976993	0,31262822
HIST1H1D	3007	NM_005320.2	214537_at	0	1669	1487	640,3333333	2533	0	4152	1248,3	0,47817854	0,82469183
ACD	65057	NM_001082486.1	204617_s_at	0	1190	252	1494,3333333	0	1083	1217	1815,3	0,478718754	0,78788951
APEH	327	NM_001640.3	201284_s_at	670	2710	1252	1388,3333333	3067	1802	1764	1404	0,479344349	0,41954301
ASB8	140461	NM_024095.3	218841_at	1100	814	0	1850	1829	2098	0	2932	0,479575528	0,80593718
ZNF507	22847	NM_014910.3	X	1805	341	1045	371,3333333	1867	1445	1039	1240	0,479694355	0,45111598

ZNF562	54811	NM_017656.2	219163_at	1410	767	732	1258,666667	1135	1902	1579	1112,3	0,480062935	0,33987477
REST	5978	NM_005612.3	212920_at	1270	387	1943	1743,333333	1014	2515	1629	2382	0,480853328	0,46416623
U2AF2	11338	NM_007279.2	218381_s_at	2409	2778	2087	508	5140	3175	3647	2550,7	0,480857618	0,30811672
DQX1	165545	NM_133637.1	X	1856	3008	1479	1750,666667	3264	3071	3535	1007,7	0,482394002	0,32151464
PPHLN1	51535	NM_016488.5	X	923	2415	2285	2821,333333	2731	2490	3227	3800	0,482609805	0,36269049
EDEM2	55741	NM_018217.1	218282_at	845	1188	1201	496,666667	1910	1443	1899	2059	0,483874855	0,30039366
BIN2	51411	NM_016293.2	219191_s_at	0	0	188	855,666667	0	852	0	2722,3	0,483944333	0,74634517
CSTF2T	23283	NM_015235.2	212905_at	685	2409	1502	548	2351	1903	2409	1297,7	0,484141329	0,38416944
MCM4	4173	NM_182746.1	222037_at	1601	3887	2287	2530,333333	4635	3114	4251	2800	0,484345264	0,34658879
GOLPH3	64083	NM_022130.3	217803_at	746	1623	1640	881,666667	1815	1743	2730	2475,7	0,484706256	0,35080022
C3orf58	205428	NM_173552.2	X	779	669	1401	1130	2066	1058	1464	906,67	0,485768793	0,3493882
CLPTM1	1209	NM_001294.1	201640_x_at	1018	2025	2230	1003,333333	2761	2841	2548	2432	0,485829672	0,33090183
FPGT	8790	NM_003838.2	205140_at	0	0	421	1475,666667	1862	0	0	3214,3	0,486595931	0,78690519
HNRNPUL2	221092	NM_001079559.1	222264_at	882	2928	2866	1836,333333	3033	3033	3511	2051,3	0,48675595	0,39346027
RPS9	6203	NM_001013.3	214317_x_at	1502	2436	2184	1748,333333	4635	2289	3280	2007,3	0,487562205	0,33042648
NUTF2	10204	NM_005796.1	202397_at	791	2250	3450	193	3401	3039	2605	837,33	0,487826982	0,41269791
RAB33A	9363	NM_004794.2	206039_at	1177	1604	2910	1034	4992	2752	1747	1667,3	0,488104813	0,39476039
PLAG1	5324	NM_002655.1	205372_at	661	823	0	1311,666667	1908	1259	0	1175	0,488115802	0,79276625
PLEKHJ1	55111	NM_018049.1	218290_at	1159	1283	2614	868,333333	2871	2181	2719	1685,3	0,488143279	0,33674688
TROAP	10024	NM_005480.3	204649_at	703	1589	455	2450,333333	1807	1999	623	3180	0,488149461	0,44637521
DNASE2	1777	NM_001375.2	209831_x_at	0	374	1228	1358,333333	995	2056	0	1755,7	0,488210012	0,79245704
TERF2IP	54386	NM_018975.2	201174_s_at	704	3585	2606	1165	2973	2489	3912	1960	0,488591216	0,44383526
MKI67IP	84365	NM_032390.3	X	844	1537	1422	1099,333333	2055	1828	2162	1194	0,488925132	0,30911268
PBLD	64081	NM_022129.3	219543_at	1089	2855	1574	861,666667	3372	1703	3745	2528,3	0,489722497	0,37976921
LMOD1	25802	NM_012134.2	211562_s_at	0	1567	171	393,666667	872	0	1431	1273	0,490736521	0,78658289
RALGDS	5900	NM_001042368.1	209050_s_at	0	182	0	2852,666667	0	844	0	3739,7	0,490855064	0,74176022
HARS	3035	NM_002109.3	202042_at	938	0	289	2101,333333	1014	0	1216	2443	0,491760752	0,77815086
LETM2	137994	NM_144652.1	X	2293	775	1856	647	5735	2487	1026	1085	0,493113331	0,47640711
TIMM8B	26521	NM_012459.1	218357_s_at	1259	2727	1570	2357,666667	2901	2913	2832	3367,3	0,493121558	0,31758108
FOXH1	8928	NM_003923.1	207644_at	0	177	0	0	0	0	828	941,67	0,493157195	0,73919375
BBX	56987	NM_020235.3	213016_at	0	114	748	3126	607	0	681	4368	0,493739772	0,75357398
FAU	2197	NM_001997.3	200019_s_at	1094	2739	2222	1990,666667	3034	3154	3096	2948,3	0,493841725	0,33493265
ZCCHC9	84240	NM_032280.1	X	906	0	1242	1696,333333	2642	0	1905	2482,3	0,494363389	0,80520454

MRRF	92399	NM_138777.2	X	1634	1852	2042	1053,666667	3693	2082	3578	2088	0,494745796	0,30508197
PCIF1	63935	NM_022104.3	221762_s_at	765	2263	2183	2574,333333	3048	2242	2484	3166	0,495645872	0,37065115
PRPF38A	84950	NM_032864.3	X	1511	2450	2347	907,6666667	3357	3335	3465	2426	0,495716074	0,29185157
NSUN5B	155400	NM_001039576.1	213842_x_at	940	1368	835	838,6666667	1096	2510	1756	1497	0,495784583	0,33479613
GANAB	23193	NM_198334.1	211934_x_at	908	3090	2830	1074,666667	3300	3131	3446	1751,7	0,495898751	0,38344847
HIST1H4A	8359	NM_003538.3	214516_at	2109	1618	1617	736,6666667	2506	3094	3187	1334	0,496402073	0,28224378
RNF121	55298	NM_194452.1	219021_at	1158	1770	3166	1712	3101	2858	3287	2320	0,496752219	0,33908953
GEN1	348654	NM_182625.2	X	1717	1180	808	1372,666667	2169	2812	1210	2390	0,496897021	0,35400853
BCL2L12	83596	NM_138639.1	X	1588	988	2312	2049	1841	3112	2849	3640,7	0,497088232	0,3388037
NDOR1	27158	NM_014434.1	219899_x_at	700	2390	2856	571	2882	2325	3221	1785,7	0,49714236	0,40774586
CHCHD7	79145	NM_001011671.1	218642_s_at	661	833	0	564,3333333	1985	1259	0	1622,7	0,497248528	0,78967835
LSG1	55341	NM_018385.1	221536_s_at	854	1732	1588	1310	2075	2393	2135	1301,7	0,497354562	0,31236077
E2F6	1876	NM_198256.2	203957_at	625	1400	0	0	1992	0	1992	951	0,497479904	0,79994197
RPL9	6133	NM_000661.4	200032_s_at	756	2493	2699	2964,666667	3452	2736	2439	3383	0,498377072	0,39397912
MON1A	84315	NM_032355.2	X	0	0	0	0	52	0	0	2001,3	0,498880806	0,42990645
ZDHHC12	84885	NM_032799.4	X	1174	1501	849	313	2422	1747	1607	2106,3	0,499290621	0,30404609
SF3A2	8175	NM_007165.4	37462_i_at	1247	1212	2614	1884,666667	2871	2269	2747	2863,3	0,499293777	0,32384132
METTL7A	25840	NM_014033.3	207761_s_at	1398	447	1623	969,6666667	1879	1731	1434	2786,7	0,499963805	0,38701393
PNPLA2	57104	NM_020376.2	212705_x_at	587	1892	690	291,6666667	1894	1022	1818	1550	0,500129809	0,38862397
RPS23	6228	NM_001025.4	200926_at	612	1607	1531	273	1717	2431	1651	210,67	0,500544741	0,35287024
POLR1A	25885	NM_015425.3	X	1788	2099	2535	404	3380	3242	3932	1299,7	0,500646298	0,27864927
NANS	54187	NM_018946.2	218189_s_at	0	0	235	1840,333333	0	1110	0	3020,7	0,501359132	0,75260964
RP5-1022P6.2	56261	NM_019593.3	X	1060	307	1425	1448	2482	803	1084	2629,3	0,501612568	0,45811494
DCDC2B	149069	NM_001099434.1	X	0	1185	764	2219,333333	2818	0	1471	1832,3	0,501615614	0,79905788
ATP10D	57205	NM_020453.2	213238_at	0	364	0	827	0	1692	0	1804	0,501652173	0,77503056
PHACTR4	65979	NM_001048183.1	219235_s_at	0	1579	216	1357	1343	1213	0	2297,7	0,503496949	0,7844342
WDR24	84219	NM_032259.2	X	1041	739	0	319	1897	1873	0	974,67	0,503847536	0,79410501
PARN	5073	NM_002582.1	203905_at	691	2925	1640	1232,666667	3020	3152	1608	1629,7	0,504400644	0,4106851
KIAA0406	9675	NM_014657.1	212898_at	660	2568	2156	1332	2568	2568	2568	1649,3	0,505252575	0,38879532
USP36	57602	NM_025090.3	220370_s_at	2463	2641	254	753	3248	1237	1961	1491,3	0,505744925	0,5484335
SEC31A	22872	NM_014933.2	215009_s_at	911	2336	2724	1958,666667	2061	2726	4784	2151	0,50720691	0,38601803
ENOPH1	58478	NM_021204.2	217956_s_at	737	1941	1791	3355,333333	1129	3430	3074	2850	0,507435047	0,40723349
DCTN3	11258	NM_007234.3	204246_s_at	0	1380	418	1184,333333	2175	1249	0	2394	0,507435325	0,78974129

RTN4	57142	NM_207521.1	214629_x_at	625	1790	3011	236,6666667	3174	2246	2218	576	0,50911515	0,40848886
SSR3	6747	NM_007107.2	217790_s_at	774	2304	2089	635,3333333	2139	2664	3058	802	0,509145686	0,35729995
GCN1L1	10985	NM_006836.1	216232_s_at	886	4606	3242	2598,6666667	4595	3026	4445	2980	0,509465132	0,42794245
C10orf140	387640	NM_207371.3	X	1365	697	697	759,6666667	1265	1149	2154	1423	0,510086632	0,32799302
LCMT1	51451	NM_001032391.1	221515_s_at	0	946	1301	745	3648	1582	0	1632,7	0,51053113	0,80216639
DPY19L2	283417	NM_173812.4	X	0	0	313	1323	0	0	1504	2334	0,510931298	0,76440232
EIF2S2	8894	NM_003908.3	208726_s_at	843	2520	1982	1900,3333333	3561	1843	3015	3187	0,511206535	0,3660522
RAB7L1	8934	NM_003929.1	218700_s_at	0	1851	522	1257,6666667	2266	0	2022	3573,7	0,511350721	0,79857126
C6orf47	57827	NM_021184.3	204968_at	1285	5166	3696	1851,6666667	5272	4535	4816	2546,7	0,512255987	0,38154379
GTF2H3	2967	NM_001516.3	222104_x_at	661	1598	0	1503,3333333	2219	2255	0	585	0,512346645	0,79859243
PPP4C	5531	NM_002720.1	208932_at	246	1160	2065	175,3333333	1614	822	2164	863	0,512833336	0,49698405
UNK	85451	NM_001080419.1	X	1587	4088	966	894,6666667	4795	1922	3210	1188,7	0,512993992	0,41620167
CAMTA2	23125	NM_015099.2	212948_at	0	983	1252	1417,3333333	2028	2870	0	2375,7	0,513098106	0,80032772
ZMAT2	153527	NM_144723.1	X	1682	0	266	1885,3333333	1288	0	1692	2837,7	0,513315122	0,78557398
AGAP2	116986	NM_014770.2	206152_at	568	2407	1227	0	2717	3111	943	1039	0,513377379	0,44319392
DYNC1H1	1778	NM_001376.3	211928_at	0	233	0	3205,3333333	0	0	1143	3212	0,513673637	0,74766157
C7orf38	221786	NM_145111.2	X	986	2580	1806	5129,3333333	3957	2311	2381	6115	0,514416221	0,33876193
MRPL19	9801	NM_014763.3	203465_at	0	507	0	1569,3333333	2429	0	0	2681	0,514574577	0,78568789
REEP3	221035	NM_001001330.1	X	0	524	0	506	0	0	2512	2641,3	0,515024179	0,78695011
REEP5	7905	NM_005669.4	208873_s_at	0	1094	843	1811	1270	3459	0	2038,3	0,515252619	0,79532941
ETF1	2107	NM_004730.1	201573_s_at	869	3109	3076	967	3437	2926	3930	511	0,515280569	0,38295487
SDHD	6392	NM_003002.1	202026_at	1022	2727	1807	1905,3333333	2901	2913	2832	2128,7	0,515281303	0,31883954
TMEM123	114908	NM_052932.2	211967_at	1669	2056	1755	832,3333333	3470	2150	3826	2237,7	0,51547937	0,28472177
VEGFB	7423	NM_003377.3	203683_s_at	307	983	2371	958	1145	2459	1242	1293,7	0,51619054	0,47216685
NUP214	8021	NM_005085.2	202155_s_at	1288	661	2171	340,6666667	2343	1399	2707	1142	0,516807596	0,36601319
WEE1	7465	NM_003390.2	215711_s_at	1978	855	891	367,6666667	3449	975	2150	2560	0,517710338	0,39313031
WWP2	11060	NM_007014.3	204022_at	0	868	1212	1455,6666667	2248	0	2248	2037,7	0,517746882	0,79551838
ZDHHC7	55625	NM_017740.1	218606_at	625	1788	2056	378	2736	1423	2849	2036,3	0,518746855	0,38229828
RPL41	6171	NM_001035267.1	201492_s_at	774	1927	3008	859,3333333	2466	3562	2466	1674	0,519622914	0,37281479
YBX1	4904	NM_004559.3	208628_s_at	1428	1632	2621	927,3333333	3352	2583	3396	2728,7	0,520275738	0,28561603
MUS81	80198	NM_025128.4	218463_s_at	1028	2402	3607	796,3333333	3984	2624	4107	944	0,520376078	0,36313801
RPL37A	6168	NM_000998.4	201429_s_at	1097	3577	1829	6493	3522	3277	3001	6450,7	0,520633057	0,33994262
MYC	4609	NM_002467.3	202431_s_at	1665	4243	1056	0	4330	3949	2111	983,33	0,521445168	0,3946508

YWHAB	7529	NM_139323.2	217717_s_at	625	469	2013	883,6666667	1560	1232	1515	1725,7	0,521723688	0,3853234
TIMM22	29928	NM_013337.2	219184_x_at	0	364	0	1600,3333333	1800	0	0	1719,7	0,522101514	0,76805919
TSNAXIP1	55815	NM_018430.2	222220_s_at	1097	447	886	1331	1148	1284	1453	3195	0,522259585	0,30939649
RPAIN	84268	NM_001033002.2	X	625	2414	1668	793,3333333	3361	1555	2354	2237,7	0,522821553	0,3892775
PTCD3	55037	NM_017952.4	217895_at	1768	1985	2535	1385,3333333	3380	3242	3932	3119,7	0,522842735	0,26109985
NOL8	55035	NM_017948.4	218244_at	655	2523	625	0	2262	884	2543	2567,7	0,523666849	0,4364765
CEP135	9662	NM_025009.3	206003_at	0	0	526	0	0	0	2589	860,67	0,523794908	0,78428573
C9orf46	55848	NM_018465.2	218992_at	1012	0	927	2761	2030	0	2265	2940,7	0,524227102	0,79075043
RPL8	6132	NM_033301.1	200936_at	1930	3458	1227	1712	2800	3827	3730	2320	0,52479107	0,32399651
IRF3	3661	NM_001571.3	202621_at	1110	1589	2163	255,6666667	2206	3112	2717	1339,3	0,524791665	0,28589131
RPL21	6144	NM_000982.3	200012_x_at	1810	1458	1361	801	3044	1894	3044	1912	0,524897937	0,27419885
PIP5K1A	8394	NM_003557.1	207391_s_at	1783	1139	4752	1267,6666667	5162	2031	4523	1896,3	0,526990837	0,41083626
VAPB	9217	NM_004738.3	202549_at	681	444	0	1612,6666667	594	116	277	1849,3	0,527106441	0,66966533
LIX1L	128077	NM_153713.1	X	3081	1779	1857	900	2050	5587	4356	1434,3	0,527226541	0,33646525
HERC2	8924	NM_004667.4	217902_s_at	764	797	1663	431,3333333	1288	1808	2159	2641,3	0,527372715	0,31225327
ISG20	3669	NM_002201.4	204698_at	650	861	0	689,3333333	0	850	3268	669,67	0,528029764	0,7817785
C2orf86	51057	NM_015910.4	X	733	2325	1886	1495	3895	2423	1687	2920,7	0,528113581	0,37108395
C14orf100	51528	NM_016475.3	X	647	2427	1664	1280	2836	2983	1537	1977,7	0,528877867	0,37808215
GEMIN5	25929	NM_015465.2	X	660	1356	2905	364	1881	2437	2829	615	0,529260168	0,37645512
SNURF	8926	NM_005678.3	206042_x_at	0	829	860	1165,3333333	1723	0	2066	1105,3	0,529572584	0,78303162
PABPC1	26986	NM_002568.3	215157_x_at	625	3659	1796	1214,6666667	4085	2270	2219	2680	0,530757879	0,4239062
NUDT6	11162	NM_198041.1	220183_s_at	0	480	0	1055	0	0	2425	1610	0,531731852	0,7777405
SPATA5	166378	NM_145207.2	X	0	480	0	338	0	0	2425	1157,7	0,531731852	0,7777405
ZNF581	51545	NM_016535.3	X	1705	2801	2657	3644,3333333	4386	3373	4275	2137	0,532629771	0,2674821
BAT1	7919	NM_004640.5	214762_at	1198	2708	1185	4740,3333333	3546	1737	3145	5419,7	0,534739675	0,33084735
FAM40A	85369	NM_033088.2	X	0	0	178	929,3333333	0	945	0	2716	0,534747699	0,72403596
F11R	50848	NM_016946.3	222354_at	0	0	202	1481,3333333	0	0	1066	2288,3	0,535248155	0,73161005
ZNF174	7727	NM_003450.1	205252_at	0	2986	650	1863,6666667	3120	0	3160	2485,7	0,535653159	0,8042761
OSBPL11	114885	NM_022776.3	218304_s_at	696	2748	1703	1238	2860	2077	2787	671	0,536037216	0,35762333
CXorf39	139231	NM_207318.1	X	398	114	0	5034,6666667	0	577	435	5164	0,536498073	0,70804612
LDLR	3949	NM_000527.2	202068_s_at	1035	988	915	5027,6666667	1416	3101	1084	5164	0,536703108	0,31449867
ARL6IP1	23204	NM_015161.1	211935_at	625	1382	935	1005,6666667	1698	1450	1679	1446,3	0,536815792	0,28154364
IFT80	57560	NM_020800.1	X	3267	3869	1402	1489,6666667	4234	3861	5488	2501	0,537640083	0,31980855

NDUFS5	4725	NM_004552.1	201757_at	0	346	1643	1226,333333	1719	0	1719	3090	0,53804234	0,77965579
ZNF434	54925	NM_017810.2	218937_at	0	2986	645	1313,333333	3120	0	3160	635,33	0,538168895	0,80335
AURKAIP1	54998	NM_017900.1	218580_x_at	0	0	245	758,6666667	0	0	1294	2862	0,538779045	0,74159789
CREBZF	58487	NM_001039618.1	213584_s_at	769	2098	1436	416	2792	1532	2777	698,33	0,5393922	0,32758714
MATR3	9782	NM_018834.4	200624_s_at	1059	1211	1770	2169	3238	1876	1920	1939,7	0,540741838	0,27932402
SFRS12	140890	NM_001077199.1	212721_at	625	2692	2744	1606,333333	2978	2694	2978	2065,3	0,541569939	0,38753609
APBB3	10307	NM_006051.3	204650_s_at	511	1235	2947	912	2685	1592	2268	2416,3	0,542185675	0,40398888
MBTPS1	8720	NM_003791.2	201620_at	687	2586	2462	1723,666667	2768	2675	3060	2429,7	0,542417772	0,36159039
NEK8	284086	NM_178170.2	X	1025	5140	3549	1104,333333	4566	4706	4482	400,33	0,542425708	0,38642074
TRAPPC6B	122553	NM_001079537.1	X	2065	2698	1440	994,3333333	4719	3273	2671	1768,3	0,542558086	0,28207667
TGIF2	60436	NM_021809.5	218724_s_at	658	1222	2008	2345,666667	1739	3356	1436	3571,7	0,542700201	0,35100359
CTNNBIP1	56998	NM_020248.2	203081_at	625	1468	0	1918,666667	1581	0	3019	1710,3	0,543200806	0,78559195
STIL	6491	NM_003035.2	205339_at	873	820	1406	1820	1787	1729	1699	1926,3	0,543884849	0,25619881
PSMB3	5691	NM_002795.2	201400_at	1354	1257	3457	1096	2347	3712	3500	1177	0,544250019	0,32511031
ZNF12	7559	NM_006956.2	219571_s_at	625	1284	1005	1128	2392	1374	1284	2097,7	0,544483233	0,29597457
PANK1	53354	NM_148977.1	X	2265	1027	1134	108	2177	2044	3084	2305,7	0,544634964	0,29267706
FAF1	11124	NM_007051.2	218080_x_at	2726	2702	2994	0	4227	4641	5808	1010	0,545182738	0,23958496
CASD1	64921	NM_022900.3	219342_at	766	0	1092	1566,666667	1726	2537	0	2111	0,545621167	0,78123489
TUBGCP6	85378	NM_020461.3	X	1258	1080	1686	0	2444	1931	2534	963,33	0,545961625	0,25084609
SIRT2	22933	NM_012237.2	220605_s_at	740	1243	952	1404	2189	1349	1557	1759,3	0,546038433	0,26544324
HNRNPH3	3189	NM_012207.1	207127_s_at	1190	2950	1029	1444,666667	3372	1497	3745	2460,3	0,547126907	0,35999852
PRPF4	9128	NM_004697.3	209161_at	1062	2955	1533	1846,333333	2890	2856	3050	1655,7	0,547145412	0,29882141
ALAD	210	NM_001003945.1	218487_at	1056	1618	892	1565,333333	2133	1766	2133	2884	0,548283527	0,25777705
ZNF764	92595	NM_033410.2	57516_at	869	1094	1430	0	2329	1618	1904	1339,3	0,54860403	0,25475419
PCNA	5111	NM_182649.1	201202_at	767	3281	1203	613,6666667	3586	1561	2855	3105	0,548798121	0,38471946
ITPA	3704	NM_033453.2	209171_at	760	4205	2937	1373	5038	3912	2513	1625,3	0,549286864	0,41299239
KIAA1737	85457	NM_033426.2	X	693	1482	2491	2429,333333	2718	1604	3114	2552	0,550360757	0,34952582
FDXACB1	91893	NM_138378.1	X	945	2716	1575	1296,666667	2834	2749	2749	2482,7	0,550915334	0,29771931
VPS26A	9559	NM_004896.3	201807_at	354	0	0	925,6666667	1913	0	0	962	0,551147277	0,75701567
DNAJB4	11080	NM_007034.3	203811_s_at	0	0	210	219,6666667	0	0	1166	1768	0,552672138	0,72779041
CDCA3	83461	NM_031299.3	221436_s_at	1356	2159	3497	233	2945	4453	4141	506,33	0,552796119	0,29529545
KATNB1	10300	NM_005886.2	203163_at	953	1313	698	0	1445	1335	2428	1283	0,552963607	0,27889847
MTHFD1	4522	NM_005956.2	202309_at	1156	1661	2688	1750	3194	2562	3365	2039	0,55394355	0,2772399

CXorf21	80231	NM_025159.1	220252_x_at	684	1626	1128	2761	2161	1360	2294	2940,7	0,55396631	0,29309899
PDE6D	5147	NM_002601.2	204091_at	625	784	1693	670,3333333	1374	1656	1972	1694	0,554663539	0,30002349
PCGF2	7703	NM_007144.2	214239_x_at	992	983	3205	2593	1746	3717	2588	3815,3	0,555045256	0,35823838
SOS1	6654	NM_005633.2	212780_at	734	4894	3251	5618,3333333	2795	4348	5165	4758	0,555176493	0,42868974
FAM108A1	81926	NM_031213.2	221267_s_at	1421	275	1593	720,3333333	1551	1593	1399	1188	0,556986683	0,40706672
SNX1	6642	NM_148955.2	214531_s_at	1155	1930	1155	0	2751	1783	2836	1661,7	0,557492502	0,26350547
TMED4	222068	NM_182547.2	X	1220	1234	2825	1941,6666667	2992	3028	2546	3713,7	0,558988776	0,28301489
RWDD4A	201965	NM_152682.2	X	662	1123	871	1495,3333333	1123	2121	1488	2759,3	0,559173455	0,26585918
PSMD12	5718	NM_002816.3	202352_s_at	1174	1541	529	2016	1865	1577	1786	2246,3	0,559393306	0,2981871
DNAJC7	7266	NM_003315.1	202416_at	1418	3693	1789	1733,6666667	3977	3130	4076	2620,3	0,559542156	0,2894667
PRKAG1	5571	NM_002733.3	201805_at	1071	2333	1615	1308	2632	2774	3008	2692,7	0,560238203	0,26158853
RAB30	27314	NM_014488.3	206530_at	1882	2629	1794	935,3333333	3724	3391	3816	1659	0,560713942	0,23286245
UBE2C	11065	NM_181801.1	202954_at	247	695	1827	620,3333333	2195	363	2195	2053,3	0,561391031	0,51194484
EIF2B1	1967	NM_001414.2	201632_at	661	1375	0	881	2219	2255	0	1893	0,561943996	0,77781901
RTN3	10313	NM_201429.1	219549_s_at	1396	1220	837	489	3038	1395	1851	1486,7	0,56277021	0,27633152
KIAA1949	170954	NM_133471.1	X	1954	2276	2415	1568	3135	3982	4705	1767,7	0,563449957	0,23268062
CENPM	79019	NM_024053.3	218741_at	688	1456	1351	2152	2034	1856	1990	3009	0,564679387	0,26183712
RRP7A	27341	NM_015703.3	214828_s_at	1311	1790	1648	126,6666667	2959	2928	2464	732	0,565280629	0,22658036
CEP350	9857	NM_014810.3	213165_at	1229	3259	474	1021,3333333	2217	1865	2584	2480	0,566781631	0,40048364
C14orf181	400223	NM_207442.2	X	1518	255	839	0	2689	1259	548	363,33	0,567449623	0,45513929
RBM14	10432	NM_006328.2	204178_s_at	1574	1117	2286	626,3333333	4034	2564	2160	2931,3	0,56748855	0,27456708
CREB1	1385	NM_004379.2	204313_s_at	0	621	1579	797,3333333	2274	0	2440	1869	0,570850646	0,77699604
ZNF207	7756	NM_003457.3	200829_x_at	1399	1399	2595	577,3333333	2242	3552	3600	2484	0,572885968	0,26296211
THAP2	83591	NM_031435.2	X	1709	2660	1919	3906,3333333	3440	3256	4387	3886,7	0,57293008	0,23235582
TMEM129	92305	NM_138385.2	X	0	1094	1478	0	0	2430	3767	1667,7	0,573350622	0,78547943
CAPRIN1	4076	NM_005898.4	200722_s_at	0	1022	812	366	0	2040	2316	2327,3	0,573397288	0,77096743
PARK7	11315	NM_007262.3	200006_at	0	919	1331	2688,6666667	2479	0	2801	4407,3	0,573448965	0,7795327
LMBRD2	92255	NM_001007527.1	X	1636	955	2067	5508,6666667	2654	2468	2799	4164,7	0,573842469	0,25249431
MRPL39	54148	NM_080794.3	218558_s_at	817	1675	192	1112	1295	851	1420	1797	0,573850804	0,43044954
CDCA2	157313	NM_152562.2	X	0	0	380	0	0	2196	0	1152	0,574104805	0,75314579
FAM164C	79696	NM_024643.2	220107_s_at	1145	1068	2252	2685,6666667	3749	1383	3017	5116,7	0,57437833	0,31408827
NKIRAS2	28511	NM_017595.4	218240_at	1186	3260	1492	2026,6666667	3552	2529	3651	2858	0,574990123	0,28899547
TMEM19	55266	NM_018279.3	X	0	331	941	1738	918	1976	0	787,33	0,575200272	0,75016356

SHMT2	6472	NM_005412.4	214096_s_at	548	2567	3239	0	2589	2952	3430	314,33	0,575850107	0,39320231
NIPBL	25836	NM_133433.2	212469_at	936	2037	1908	1092	3019	2512	2745	722,33	0,576561737	0,25859849
CXXC1	30827	NM_001101654.1	218058_at	1051	1235	788	2080,333333	2672	1304	1688	2732,7	0,576678098	0,25606374
PEG10	23089	NM_001040152.1	212092_at	776	0	2315	1479,333333	3678	0	2809	2592,3	0,5777275	0,78762778
SUPT16H	11198	NM_007192.2	217815_at	1487	1233	1641	1390,666667	2889	1791	3350	1058,7	0,579295545	0,24077443
MLLT10	8028	NM_004641.2	205408_at	1365	922	922	974,666667	1847	1695	2154	2394	0,580157092	0,22393797
SRPK1	6732	NM_003137.3	202200_s_at	865	1021	1501	1199	2204	1684	2086	2085,7	0,58196695	0,23150803
TXNL1	9352	NM_004786.1	201588_at	1166	1910	1809	0	2819	2361	3521	337	0,582594764	0,2346039
PDSS2	57107	NM_020381.2	216669_at	939	1400	1709	287,666667	2245	2643	2212	1921,3	0,582969689	0,23148387
FAM96A	84191	NM_001014812.1	X	1195	2531	1195	1002	3352	2093	3004	2225	0,582974401	0,26666844
UFSP1	402682	NM_001015072.3	X	0	1113	269	356,666667	1531	0	1180	1257	0,584050674	0,74691249
COQ5	84274	NM_032314.3	X	1827	2948	0	1335	1779	230	1065	3141,7	0,585854203	0,72344842
AUP1	550	NM_181575.3	220525_s_at	1867	3609	1479	1225,666667	3865	3672	4122	1403	0,586416215	0,25725166
FAM33A	348235	NM_001100595.1	X	1399	1079	1366	1542,666667	2226	1644	3323	2656,3	0,586479295	0,23990086
ARPM1	84517	NM_032487.3	X	1578	1801	2092	0	3150	3261	3405	728,67	0,586965442	0,20743587
KPNA4	3840	NM_002268.3	213567_at	625	2785	1472	1572,666667	1526	2866	3484	2839,7	0,587651081	0,3554764
ELOVL5	60481	NM_021814.3	215082_at	917	1742	1642	516,666667	3732	3791	1095	1463,7	0,587900074	0,33747668
ALDOA	226	NM_184043.1	200966_x_at	625	3573	3132	1118	3605	3207	3614	2619,3	0,589225326	0,38271082
CDC6	990	NM_001254.3	203967_at	1760	1253	407	386,333333	1868	1615	1799	2207,3	0,589496434	0,32722811
PSMD7	5713	NM_002811.3	201705_at	960	2685	1287	1674	2306	2439	3514	1887,7	0,58963217	0,28009842
ZC3H10	84872	NM_032786.1	X	774	2462	3594	1802,666667	3177	4001	3214	2260,7	0,589872212	0,3395619
TRIM26	7726	NM_003449.3	202702_at	288	1852	1962	577	2594	1572	1572	2514,7	0,590255651	0,41894779
DHDDS	79947	NM_024887.2	218547_at	1575	325	1688	1034,666667	1897	1468	1894	2160,3	0,590493555	0,37130945
CDS2	8760	NM_003818.2	212864_at	767	2900	1203	647,666667	3141	1561	3268	2320,7	0,590591194	0,33478324
STK11	6794	NM_000455.4	41657_at	726	187	1045	1550,666667	993	1823	489	2753,7	0,590813503	0,41387348
AKT2	208	NM_001626.3	211453_s_at	947	529	1166	593,333333	1368	1726	1498	1495	0,591331491	0,24426951
THAP9	79725	NM_024672.3	220360_at	1017	2456	2858	290	3342	2673	4774	1923,3	0,591562796	0,29178253
PRMT1	3276	NM_001536.3	206445_s_at	0	780	1294	0	2265	0	2680	379,67	0,591907775	0,76939088
DPH5	51611	NM_015958.2	219590_x_at	937	1833	2566	410	3675	2495	2882	2061,3	0,59216476	0,27143828
PEX19	5824	NM_002857.2	201707_at	274	2294	1573	1173,666667	2402	1141	2229	967	0,592597186	0,43599364
RBM18	92400	NM_033117.2	X	1291	1742	2042	740,333333	3693	2082	3578	1670,3	0,592720819	0,23868707
PIK3CD	5293	NM_005026.3	203879_at	0	0	0	740,333333	0	0	74	1670,3	0,593528723	0,3968121
DNAJC4	3338	NM_005528.2	206782_s_at	307	983	1212	2481,333333	1145	1590	1242	3048,3	0,593635087	0,32007988

GTF2E2	2961	NM_002095.4	202680_at	0	528	658	756,3333333	1293	1645	0	1981	0,593990921	0,74219136
METTL3	56339	NM_019852.3	209265_s_at	1453	659	2264	1188,3333333	2481	2235	2372	2255,7	0,594181501	0,28842561
ZFYVE20	64145	NM_022340.2	X	1499	596	1256	1030,3333333	1534	2652	1683	2242,7	0,595371356	0,27360007
TOB2	10766	NM_016272.3	221496_s_at	803	4172	4579	1362,3333333	4569	4366	4665	2096	0,59576815	0,38024212
RAB1B	81876	NM_030981.2	220964_s_at	0	647	1665	166,6666667	645	175	780	1267,7	0,595913731	0,6745717
NUDT18	79873	NM_024815.3	219665_at	0	0	246	189	0	1547	0	2321,7	0,596400641	0,72243478
PDIA3	2923	NM_005313.4	208612_at	697	831	1914	1319,3333333	2167	1889	1665	2238,7	0,597634723	0,2686431
FLJ22167	79583	NM_001077418.1	64900_at	595	0	1743	456,6666667	866	41	1951	1905,7	0,598908127	0,71915181
MRPS23	51649	NM_016070.2	X	625	816	0	790,6666667	0	1357	2326	2291	0,599420102	0,75081789
CNPY2	10330	NM_014255.4	202857_at	758	2274	1289	1348	2456	2617	2133	1649,7	0,600276281	0,26778547
C1orf109	54955	NM_017850.1	218712_at	798	1128	1434	2647,3333333	2280	1496	2339	3345	0,600704886	0,23088163
MBD1	4152	NM_015846.3	208595_s_at	1051	2943	1874	1796,6666667	3984	2646	3396	2744	0,602425849	0,26588779
KIF1C	10749	NM_006612.4	209244_s_at	0	633	372	1239,3333333	706	2109	0	3152,7	0,60312671	0,731625
SH3GL1	6455	NM_003025.2	201851_at	2706	914	2081	997	2871	3093	3597	3731	0,603576281	0,27006803
GARS	2617	NM_002047.2	208693_s_at	1279	2173	3067	2523,3333333	3717	3857	3679	2513,3	0,603706839	0,23973413
MRPS31	10240	NM_005830.2	212604_at	858	1569	1837	1295,3333333	2614	2326	2542	2778,3	0,605205575	0,23144324
COPS6	10980	NM_006833.4	213504_at	697	2077	2226	2647,3333333	3503	1719	3348	3352	0,605263861	0,31564097
RPS6KB2	6199	NM_003952.2	203777_s_at	660	2042	880	1290	1809	2285	1809	2770,3	0,605899481	0,27391789
SLC35B1	10237	NM_005827.1	202433_at	1587	963	1028	1524	2347	1762	2383	3123,7	0,605987303	0,21591356
SNRPA1	6627	NM_003090.2	216977_x_at	1439	1709	1439	2772	3049	1898	3816	4581,3	0,606078626	0,22456389
QTRT1	81890	NM_031209.1	221270_s_at	1493	179	1988	164	2132	1988	825	1994,3	0,606276994	0,47272102
ACAT2	39	NM_005891.2	209608_s_at	1401	962	0	576,3333333	3016	2809	0	2241,3	0,607493183	0,77025315
PDCD4	27250	NM_145341.2	202731_at	2353	1532	1686	308,3333333	5050	2777	2716	961,33	0,608066854	0,23229402
BIRC6	57448	NM_016252.3	X	779	3318	2597	0	3561	3275	3632	932	0,60857338	0,31703535
BACH1	571	NM_206866.1	204194_at	1592	1703	356	2400,6666667	1703	1910	1910	2544,7	0,609012022	0,34320213
PEA15	8682	NM_003768.2	200787_s_at	625	625	0	1742	0	1776	1407	3304	0,609137553	0,73968883
SIAH2	6478	NM_005067.5	209339_at	764	3152	1568	1124	1825	3837	3413	3040,3	0,60932425	0,32618127
MAGT1	84061	NM_032121.4	221553_at	2184	1415	839	1351,3333333	3333	2126	2318	1708,7	0,609646028	0,25580159
C2orf42	54980	NM_017880.1	219128_at	0	774	879	949,6666667	2621	1653	0	2417,7	0,609975461	0,75394917
CCT6B	10693	NM_006584.2	206587_at	1654	1589	846	2574,3333333	2562	2139	2577	2762	0,610439303	0,22497476
TMEM60	85025	NM_032936.2	X	1858	566	2411	0	3605	3993	1122	1110,7	0,610792964	0,38579088
AHSA1	10598	NM_012111.1	201491_at	700	3459	2758	697	4041	2511	4210	1568,3	0,612696618	0,34930871
VCPIP1	80124	NM_025054.4	219810_at	1300	2510	2050	1107	4073	4000	2611	1769	0,61278234	0,22953456

ANAPC10	10393	NM_014885.3	207845_s_at	880	2873	2172	1513,666667	3247	3025	3570	2171,7	0,612931031	0,27467376
KIAA0323	23351	NM_015299.2	212356_at	0	254	1216	2002,333333	1318	0	1551	2794	0,613724564	0,73785094
CBLN3	643866	NM_001039771.2	X	0	254	1206	1291,333333	1308	0	1551	2470,3	0,613933396	0,73749967
TP53	7157	NM_000546.3	201746_at	1145	1576	1874	1718,333333	2877	2382	3158	2622	0,614004476	0,2059362
RAB21	23011	NM_014999.2	203885_at	919	194	764	2473,666667	830	794	1389	1731,3	0,614131464	0,34053143
GPR180	160897	NM_180989.4	X	1250	1836	1721	591,666667	2823	3038	2961	1779	0,615807546	0,19479852
TIMM50	92609	NM_001001563.1	X	0	563	335	1552,666667	700	1781	0	2640,3	0,616030923	0,71937912
AKAP8L	26993	NM_014371.2	218064_s_at	915	1087	2116	1469	2526	2372	2272	2091	0,616229532	0,23201235
C9orf43	257169	NM_152786.1	X	1056	2232	1364	1566,666667	2876	2509	2876	1921	0,616500829	0,22080008
TJAP1	93643	NM_080604.1	47608_at	693	1610	1512	1129	2779	2215	1783	1991,3	0,617549709	0,24651164
CCDC43	124808	NM_001099225.1	X	625	694	1563	1696	1744	1429	1785	2474,7	0,617992601	0,24535524
JMJD5	79831	NM_024773.1	220070_at	1088	1588	1352	0	2541	2395	2498	1393	0,619006124	0,19104907
PIGW	284098	NM_178517.3	X	1015	0	799	893	3519	0	1508	716,67	0,619782853	0,75586865
HSPA5	3309	NM_005347.2	211936_at	2179	2210	831	380,333333	2684	2677	3637	2010,3	0,62006445	0,26086028
SLC25A10	1468	NM_012140.3	218275_at	1054	1194	2247	868	2319	2315	3444	2865	0,620554917	0,2334593
ORC1L	4998	NM_004153.2	205085_at	1127	2138	2370	297,333333	3357	3205	3465	2359,7	0,621025747	0,22089013
ATPIF1	93974	NM_016311.3	218671_s_at	746	1980	3609	1789	4766	2928	2508	3215,7	0,621475784	0,33062448
RAPGEF6	51735	NM_016340.4	219112_at	2588	840	3476	1310,666667	3778	3266	4021	2739,3	0,622120192	0,30214457
C22orf24	25775	NM_015372.1	207701_at	0	1986	1772	1819,333333	988	216	1483	2448,3	0,622436204	0,69507599
FAM53C	51307	NM_016605.1	218023_s_at	1942	761	3779	535,333333	4282	3882	2220	1997,3	0,623711519	0,33341406
KPNA3	3839	NM_002267.2	221503_s_at	1082	329	1488	959,666667	1153	1763	1760	2085	0,623884591	0,31776928
SULT1A3	6818	NM_001017387.1	203615_x_at	1163	3085	2879	1349,333333	4833	4027	3497	2766,7	0,624543906	0,25358116
RPL36A	6173	NM_021029.4	X	3797	1347	1590	1364,333333	5366	2543	3929	3068	0,624687807	0,27899438
TXNDC11	51061	NM_015914.5	X	0	3762	2442	659,333333	823	944	1115	716	0,625150064	0,70405337
LMLN	89782	NM_033029.2	X	782	1180	1180	1254	1396	1250	4146	1494	0,625244818	0,28660886
TAP2	6891	NM_018833.2	204770_at	625	1846	2727	1503,333333	2496	2225	3775	1499,7	0,62533617	0,31388106
USP32	84669	NM_032582.3	211702_s_at	625	1341	1705	2739,333333	2337	2326	1755	2993	0,625415796	0,24774831
RPL11	6135	NM_000975.2	200010_at	625	1691	741	3460	1829	1534	1873	3482	0,625638104	0,24634723
MLX	6945	NM_170607.2	210752_s_at	636	2943	2125	1330,666667	2967	2996	2985	2753,7	0,625801733	0,31208886
GABPA	2551	NM_002040.2	210188_at	741	2689	1792	1848	2003	3305	3589	1637,3	0,625809926	0,29258666
LCMT2	9836	NM_014793.3	204012_s_at	915	0	547	1825,666667	3054	0	1099	2706	0,626044346	0,74305748
PDAP1	11333	NM_014891.5	217624_at	660	2703	2581	1664,666667	3636	2479	3412	2866,3	0,626582889	0,3168754
BUD31	8896	NM_003910.2	205690_s_at	660	2703	2581	1816,666667	3636	2479	3412	1290,7	0,626582889	0,3168754

PRKRIP1	79706	NM_024653.3	218378_s_at	1290	831	1440	765,3333333	2409	2382	1803	1163	0,627800332	0,20409722
HDDC3	374659	NM_198527.2	X	273	1018	131	402,3333333	1790	496	295	1529	0,628156062	0,450535
C5orf39	389289	NM_001014279.1	X	804	1192	3421	879,6666667	4381	1050	4768	1498,3	0,62865435	0,39607746
PRR11	55771	NM_018304.2	X	1506	1147	1399	2125,3333333	2782	1751	3323	1817	0,628901034	0,20792846
MFSD9	84804	NM_032718.2	213403_at	848	938	0	416,6666667	2315	0	2315	1061	0,629072499	0,75076024
WAPAL	23063	NM_015045.2	212264_s_at	663	2397	1059	3224	3207	1163	3043	4039,3	0,629447731	0,32533854
HMG20A	10363	NM_018200.2	218152_at	1252	1745	1444	1946	2529	2259	3714	3486,3	0,630567054	0,19884759
SLC16A1	6566	NM_003051.3	202234_s_at	1398	863	1074	3356,6666667	1255	2150	3245	3871,3	0,630766065	0,24152835
METTL9	51108	NM_016025.3	217868_s_at	1205	1705	862	705,6666667	2666	1732	2592	1408,7	0,630787721	0,21705406
ELOVL6	79071	NM_024090.1	204256_at	656	0	2958	2277,6666667	0	3565	3684	2533,7	0,630946637	0,77369138
TGDS	23483	NM_014305.2	208249_s_at	1304	2139	2199	370,6666667	3389	3451	3527	1192	0,631214218	0,19619722
POGK	57645	NM_017542.3	218229_s_at	0	2654	365	690,6666667	0	2416	2760	2289	0,631611199	0,76191091
SMC6	79677	NM_024624.4	218781_at	1435	1238	656	795	1893	2812	1493	1677	0,632645944	0,23773852
PJA2	9867	NM_014819.4	201133_s_at	2547	294	2288	544,3333333	2450	1483	3285	2281,7	0,633219446	0,42599492
FERMT3	83706	NM_178443.1	X	0	2651	2689	1100,3333333	601	1101	1038	2531,3	0,633759827	0,69448932
KLHL7	55975	NM_018846.2	220238_s_at	1418	1118	2904	659,3333333	3096	2920	3460	1566,3	0,633788642	0,23305577
MORG1	84292	NM_032332.3	X	3198	1111	2296	497	4652	3912	3053	791,33	0,635287062	0,24942142
GPR113	165082	NM_153835.3	X	855	1193	1191	1295,3333333	2286	1158	3144	2905	0,635383591	0,24096104
NCAN	1463	NM_004386.2	205143_at	625	727	1226	1716	1899	1370	1481	2327,7	0,635488648	0,20908469
RBM7	10179	NM_016090.2	218379_at	902	1795	1858	1147,6666667	2914	3018	2340	2047	0,635511187	0,21645107
BAD	572	NM_032989.1	209364_at	0	0	0	4000,3333333	0	86	0	5054,3	0,635690105	0,38540311
KCNK4	50801	NM_033310.2	X	0	0	0	2291,6666667	0	86	0	3091	0,635690105	0,38540311
C5orf37	134359	NM_001099271.1	X	0	730	631	1641,3333333	2342	0	1363	3082,7	0,636449877	0,73499011
ODC1	4953	NM_002539.1	200790_at	662	1099	1236	2546	1016	3042	2009	2664	0,637074211	0,26333973
ZBTB8OS	339487	NM_178547.2	X	1698	1902	1808	1226,6666667	3517	3232	3517	1694,7	0,63732296	0,17226463
C14orf133	63894	NM_022067.2	218431_at	625	3459	2856	351	4041	2511	4210	1337,7	0,638057862	0,34942822
CDADC1	81602	NM_030911.1	221015_s_at	671	1721	1970	2175,6666667	2430	2269	2863	2551,3	0,638914715	0,25050665
DVL2	1856	NM_004422.2	57532_at	730	5298	1751	2087,3333333	5271	3876	2299	2474,7	0,639400983	0,37470288
ZNF596	169270	NM_173539.2	X	778	1129	968	3305,3333333	780	2852	2650	4601	0,639534801	0,28851241
PRKAR1A	5573	NM_212471.1	200605_s_at	368	1126	1384	0	1409	1271	2266	355	0,640559302	0,29230441
MICB	4277	NM_005931.2	205905_s_at	698	827	2727	1484	3626	1590	1911	3380	0,640796327	0,31600678
MCM3	4172	NM_002388.3	201555_at	0	1173	979	2552,3333333	3266	0	2455	3330,7	0,642037752	0,75530434
NEDD8	4738	NM_006156.2	201840_at	1136	1711	3212	514	3626	3074	3900	2039,7	0,642310159	0,23497268

HIST1H4F	8361	NM_003540.3	214516_at	0	1068	1078	1244,333333	2020	0	3983	1789,3	0,642542959	0,75582284
UBE2N	7334	NM_003348.3	212751_at	825	1389	2504	0	1773	3577	3169	1335	0,64303706	0,26580037
RNF145	153830	NM_144726.1	X	1054	1052	2379	549	2816	1464	4482	1276,7	0,643622162	0,28158953
RANBP3	8498	NM_003624.1	202640_s_at	1011	944	1572	1266,333333	2739	1654	2337	1470,3	0,644965364	0,20119315
ACYP1	97	NM_001107.3	205260_s_at	827	1344	2389	3831	3609	1659	3138	4310	0,646413618	0,26439683
TOP2B	7155	NM_001068.2	211987_at	852	1976	1393	826	2665	3910	1592	1760	0,646487084	0,25082399
GMPR2	51292	NM_001002002.1	217990_at	1009	1838	2463	1875,333333	3626	3074	2896	2941,3	0,646876064	0,21734679
AIMP1	9255	NM_004757.2	202541_at	1463	1538	2228	2638	2951	3592	3342	2710	0,647481914	0,18078815
MARS2	92935	NM_138395.2	X	226	2367	2332	2310,666667	3053	1414	2133	2398,3	0,648139306	0,44328134
LAT	27040	NM_001014989.1	209881_s_at	0	0	0	1893,666667	90	0	0	3110,3	0,648636716	0,38222943
SMC4	10051	NM_001002800.1	201663_s_at	3218	2876	1164	2549	4025	3861	4915	3472	0,648902597	0,23864568
RPAP3	79657	NM_024604.1	218842_at	713	1854	1369	1204	1593	2836	2864	1551	0,649058946	0,2427959
STIM1	6786	NM_003156.2	202764_at	625	1290	1617	1024	3868	2571	937	645	0,649269297	0,31609543
SKP2	6502	NM_032637.2	211042_x_at	1636	820	1888	1151	2654	2435	2799	2633,7	0,649303218	0,21196582
BTG1	694	NM_001731.1	200921_s_at	2755	1932	960	1193,666667	2523	4093	3527	1382,7	0,649728321	0,24232255
SEC63	11231	NM_007214.3	201916_s_at	896	1235	1434	0	2046	2218	2503	1199,7	0,649732459	0,18065457
RAB34	83871	NM_031934.3	X	1025	3643	2339	3188,333333	4566	3041	4482	4640,7	0,650060474	0,26465367
BRWD2	55717	NM_018117.10	218090_s_at	0	1184	419	3824	2348	1536	0	4959,3	0,650684917	0,7342429
KRR1	11103	NM_007043.6	203203_s_at	1581	918	574	1813	2055	1483	1981	2071	0,651334448	0,22839715
TAF9	6880	NM_016283.4	203893_at	902	453	2087	220,333333	2093	1056	2810	1799,7	0,651962101	0,32195502
RPLP2	6181	NM_001004.3	200909_s_at	930	2781	1136	1318,333333	2785	2911	2633	1904,7	0,654936585	0,23770118
SNX5	27131	NM_014426.2	217792_at	751	4117	3349	2013,666667	4060	3467	5346	3594,3	0,65543631	0,33100976
MRPL51	51258	NM_016497.2	X	1524	1052	3036	2018,333333	3762	3303	2845	3094,7	0,655886876	0,2304517
MAPK8IP3	23162	NM_001040439.1	213178_s_at	625	2713	2157	866,333333	3126	3393	2520	2240	0,655976809	0,29082733
FAM111A	63901	NM_198847.1	218248_at	697	0	0	3057,666667	5085	0	0	3442,3	0,656305969	0,75709319
LRRC45	201255	NM_144999.2	X	0	735	1190	1349,333333	372	579	409	2056,3	0,657559738	0,6198661
ATG16L2	89849	NM_033388.1	X	661	2274	2357	460,333333	3906	2065	3231	2831	0,658617256	0,28668429
VPS18	57617	NM_020857.2	X	0	1732	845	594	638	535	440	2763	0,660384975	0,63726412
PARD6B	84612	NM_032521.2	211907_s_at	0	1865	1138	461,333333	614	1195	295	1368,3	0,660626472	0,65617154
WDR4	10785	NM_033661.3	221632_s_at	630	2046	1001	306,666667	2651	1217	2973	1961,7	0,661087555	0,27804017
LRDD	55367	NM_145887.2	219019_at	877	2182	980	1140	2184	3024	2108	1760,7	0,661523434	0,22229292
PSMC5	5705	NM_002805.4	209503_s_at	640	2672	3216	1163	3396	3468	3495	2669,3	0,66413952	0,30617501
NFATC2	4773	NM_012340.3	X	0	1289	299	1814	0	1894	1560	2659	0,664586882	0,72496919

EFHD2	79180	NM_024329.4	217992_s_at	0	193	0	1056,666667	0	1518	0	2452,3	0,6658146	0,68550731
UGP2	7360	NM_006759.3	205480_s_at	1326	1944	1404	737	3212	2151	3922	756	0,666350644	0,18740345
NME6	10201	NM_005793.3	205851_at	1336	1155	616	427,3333333	2043	1876	1885	1485	0,667764974	0,19372426
PI4KB	5298	NM_002651.1	206139_at	0	3156	1644	1413,333333	969	253	2205	2456,7	0,668017529	0,68788497
EIF3K	27335	NM_013234.2	212716_s_at	2114	841	3031	1044,333333	3152	3999	3232	881	0,668769258	0,25005609
C17orf75	64149	NM_022344.2	203830_at	1109	1109	2259	637,6666667	2304	2951	3109	1898,7	0,670712212	0,19758196
PPIL5	122769	NM_203467.1	X	1644	1572	2609	1807,666667	3929	3510	3702	2518,3	0,670744147	0,17249284
FTSJ3	117246	NM_017647.2	218103_at	625	2672	3216	407	3396	3468	3495	1719,7	0,671861873	0,30462898
CISD1	55847	NM_018464.2	218597_s_at	855	1684	2076	4348,666667	3564	1846	3493	4993	0,674274429	0,22819104
CD48	962	NM_001778.2	204118_at	1354	1492	3589	3126,333333	3860	3860	3729	3375,7	0,67433336	0,21540211
FAF2	23197	NM_014613.2	212108_at	1328	1333	1969	613	3252	2629	3131	315	0,674551307	0,16629403
PLD2	5338	NM_002663.3	209643_s_at	0	0	0	1761	99	0	0	2103,7	0,676049416	0,37596379
NSMAF	8439	NM_003580.2	203269_at	1857	625	3508	1227,333333	3198	2737	3615	2657	0,676244158	0,29832606
CHAF1A	10036	NM_005483.2	214426_x_at	2876	914	2251	2950,333333	3173	3553	4057	2635,7	0,67652039	0,23148953
ZBTB37	84614	NM_032522.2	X	625	2715	2131	5238	4378	1656	3873	4044,3	0,676569783	0,3153808
RAC3	5881	NM_005052.2	206103_at	0	735	1121	0	372	579	409	994,67	0,677215154	0,60715361
STAG3L4	64940	NM_022906.2	218994_s_at	1614	468	1327	899,6666667	2551	1810	1711	667,67	0,678448701	0,24907761
RIOK2	55781	NM_018343.1	218535_s_at	1812	1417	636	414,6666667	2114	2564	2361	1967,7	0,678656935	0,21599713
MRPL12	6182	NM_002949.2	203931_s_at	1054	1194	2848	1831,666667	2956	2916	3240	3013	0,678682435	0,21419783
PNO1	56902	NM_020143.2	203622_s_at	1614	1458	1574	0	3153	2630	3474	1540,7	0,679004782	0,15431226
NUDT5	11164	NM_014142.2	X	1026	2532	922	865,6666667	2656	2656	2656	1924,7	0,679110938	0,21608184
TLK1	9874	NM_012290.3	202606_s_at	1516	763	768	1417,666667	2628	769	3443	2524,7	0,679662995	0,29820263
FAM162A	26355	NM_014367.3	220942_x_at	625	2175	992	596	3075	2421	1429	2118,3	0,680451809	0,25946487
CDC25C	995	NM_001790.3	205167_s_at	1471	761	3413	2233,333333	3959	3365	2256	2154	0,681135643	0,27561993
SEC22A	26984	NM_012430.3	218703_at	690	1216	272	1775	1200	1209	1282	3012	0,682308619	0,25874796
C6orf62	81688	NM_030939.3	208809_s_at	947	2755	818	266	3537	2369	2018	1562,7	0,682806085	0,25358675
TIA1	7072	NM_022037.1	201446_s_at	1131	1577	1871	3045,666667	3113	2715	3113	3179,7	0,683120788	0,16356292
MYCBP	26292	NM_012333.3	203360_s_at	763	1401	1223	2534,666667	1604	2197	2960	2733,7	0,685215128	0,18955258
MYO19	80179	NM_001033580.1	219320_at	2290	329	1932	288,6666667	4462	1026	2574	575	0,685383296	0,3981771
TGOLN2	10618	NM_006464.2	212040_at	1080	1849	650	529	2652	1739	2253	1555,3	0,685413561	0,21409868
CDC42EP2	10435	NM_006779.2	209850_s_at	0	139	0	453,6666667	0	1189	0	1235	0,685484008	0,65710422
DNAJC8	22826	NM_014280.2	212490_at	762	1588	3190	650	4586	2825	2375	2306,3	0,685699018	0,26946714
GLYCTK	132158	NM_145262.2	X	283	564	283	932,3333333	792	604	792	2794,3	0,686421053	0,18438876

CDC20	991	NM_001255.2	202870_s_at	0	658	804	1927,666667	1499	0	2860	1528,3	0,688829658	0,72105399
ITFG3	83986	NM_032039.1	X	625	1340	1328	672	2740	1340	2449	1765	0,688861558	0,21618225
GIYD1	548593	NM_001014999.1	218317_x_at	1356	3085	2879	0	4853	4515	4423	682,67	0,691342266	0,18956999
NAP1L4	4676	NM_005969.3	201414_s_at	1796	1815	1529	1975	4299	2643	3549	3280,7	0,692583807	0,15836397
ORC6L	23594	NM_014321.2	219105_x_at	817	2204	2206	1392,666667	3551	2802	3250	1133,7	0,69309514	0,21459173
TCF3	6929	NM_003200.1	213811_x_at	1052	793	5189	320,6666667	2806	3134	4027	741,33	0,693276894	0,32635393
STT3B	201595	NM_178862.1	X	1126	1882	970	1733	3032	2406	2301	2202	0,693704871	0,17382968
EML3	256364	NM_153265.2	212969_x_at	940	1700	1473	1122,333333	2949	2263	2880	1200,7	0,694006868	0,16803534
C22orf26	55267	NM_018280.2	220681_at	277	0	0	2470,666667	0	2341	0	2326,3	0,695988914	0,69892225
VPS35	55737	NM_018206.4	217727_x_at	817	2204	2192	1247	3551	2816	3250	2471	0,696855452	0,21192996
SFRS3	6428	NM_003017.3	208673_s_at	1213	1971	1212	1211	2905	2830	2905	3343,7	0,69754958	0,15790853
C14orf159	80017	NM_024952.6	218298_s_at	978	1371	1147	1098,666667	2349	2242	2421	2383,7	0,698403001	0,14645016
ANP32E	81611	NM_030920.2	221505_at	825	1688	1535	826,6666667	2524	1737	4039	753,67	0,698646466	0,20925421
LBR	3930	NM_002296.2	201795_at	2397	424	3560	1730,666667	4081	1740	4312	3028	0,702062872	0,37256842
SLC25A5	292	NM_001152.2	200657_at	773	287	2052	908,3333333	1706	1486	1558	1701,7	0,703836288	0,30472256
NEK1	4750	NM_012224.1	211086_x_at	731	3912	3423	1249,666667	5377	4115	3730	2026,3	0,704626465	0,29842533
MEIG1	644890	NM_001080836.2	X	1286	1095	361	541,3333333	1079	1588	2549	1698,3	0,704653012	0,26128168
SERBP1	26135	NM_001018069.1	209669_s_at	2015	1430	3103	335	4354	3581	4814	938,33	0,705219596	0,17457286
TTC3	7267	NM_003316.3	208661_s_at	0	828	185	1436,333333	0	853	1601	1863	0,706205543	0,68448668
TTC30B	150737	NM_152517.2	X	0	0	240	1160	2107	0	0	1589	0,706283591	0,68730445
RALBP1	10928	NM_006788.3	202844_s_at	1169	243	0	523,6666667	0	1983	1260	1014,7	0,706996672	0,70311182
PRELID1	27166	NM_013237.2	X	1697	296	2883	908,6666667	2125	3257	1825	1866,7	0,707417355	0,36425192
TMEM111	55831	NM_018447.1	217882_at	653	1839	1971	848,6666667	2808	2496	2883	2265,3	0,707500382	0,21461236
NUP153	9972	NM_005124.2	202097_at	661	570	1172	1418	2716	570	2450	1969,3	0,708997579	0,29498126
WRAP53	55135	NM_018081.1	44563_at	1077	1147	1406	2101,333333	2655	1904	2939	3183,7	0,709176163	0,15057606
IDI1	3422	NM_004508.2	208881_x_at	662	3151	2217	800,3333333	3443	3206	3596	2420	0,709694667	0,26130962
C7orf36	57002	NM_020192.2	X	1048	776	1679	807,3333333	2426	2375	2041	703,33	0,710244374	0,16886776
GLB1L	79411	NM_024506.3	206540_at	658	1108	3696	217	3717	3065	2040	2399,3	0,710284873	0,29117656
DCPS	28960	NM_014026.3	218774_at	1083	907	770	2497,333333	1628	2426	1656	3333,3	0,710715051	0,15172106
HHLA3	11147	NM_007071.2	220387_s_at	1308	1500	1705	208,6666667	3061	2848	3288	793,33	0,710896536	0,13904548
PRKCA	5578	NM_002737.2	213093_at	0	148	0	1326,666667	0	1361	0	2662,7	0,711061939	0,65391871
ZNF592	9640	NM_014630.2	204473_s_at	659	1791	1881	1313	3090	2560	2426	3608,7	0,711645117	0,2082583
HIF1A	3091	NM_181054.1	200989_at	0	756	880	2173,666667	2552	2268	0	2111,3	0,713075579	0,71826067

HSD17B11	51170	NM_016245.3	217989_at	0	202	1157	1620,666667	1356	0	1562	2678,3	0,713403648	0,69630591
DDX6	1656	NM_004397.3	215837_x_at	848	1879	3420	511,6666667	3754	3058	4110	505	0,713720895	0,23344666
RBM15	64783	NM_022768.4	219286_s_at	950	1537	2331	1537,3333333	3642	2502	3236	1914	0,714014834	0,18308667
ATP5J	522	NM_001685.4	202325_s_at	813	2287	1191	1592	1682	3276	3493	3061,3	0,714251416	0,22017724
MAP4K1	11184	NM_007181.4	214339_s_at	1798	841	2984	2108,666667	3137	3794	3290	2735	0,714354468	0,2162476
PFAS	5198	NM_012393.1	213302_at	1450	2726	1050	1211	3420	3277	3215	2875,7	0,714947162	0,18224156
PLAA	9373	NM_001031689.1	209532_at	1223	1417	1417	0	3597	1496	3959	209,67	0,715055051	0,19384382
CLCN3	1182	NM_001829.2	201735_s_at	752	4001	3563	896,6666667	5377	4262	4105	932,33	0,718066492	0,28857231
ACIN1	22985	NM_014977.2	201715_s_at	1474	1154	2391	961	3461	3178	3245	1563	0,718783754	0,16057062
CUL9	23113	NM_015089.2	213204_at	535	1712	2179	831,3333333	4553	1549	2506	1462	0,718900867	0,28238999
CYB5R3	1727	NM_000398.4	201885_s_at	0	0	0	267,3333333	0	115	0	1920	0,719828083	0,36709578
WDR37	22884	NM_014023.3	211383_s_at	662	3709	2728	2460,3333333	3885	3759	4075	3466,7	0,721296802	0,27992883
USP5	8078	NM_003481.2	206031_s_at	694	2496	3529	3620,3333333	2945	4453	4141	3682	0,721548621	0,27084082
SOCS4	122809	NM_080867.2	X	1908	1397	1094	2426,666667	2989	2445	3549	3169	0,722879093	0,15300044
HERPUD2	64224	NM_022373.3	220905_at	661	1765	2451	1315,3333333	3220	2508	3185	2265	0,72499328	0,22190662
TBRG1	84897	NM_032811.1	X	0	292	803	2835	3003	723	0	5404,7	0,727527793	0,69126936
ARFGEF2	10564	NM_006420.2	218098_at	0	0	1181	0	346	0	427	855,67	0,728466568	0,66645125
RAB24	53917	NM_130781.2	X	1992	436	3935	1146,666667	2863	3257	3363	1352,3	0,728570712	0,3281995
TPD52L2	7165	NM_003288.2	201379_s_at	0	2582	1199	593,3333333	1163	280	1199	1256,7	0,729462103	0,64027958
TTC13	79573	NM_024525.2	219481_at	941	1643	1566	672	3062	2386	3015	3431,3	0,729910261	0,15012509
PIGB	9488	NM_004855.4	205452_at	159	1799	1799	1394,3333333	1799	1544	1799	1966,7	0,730914857	0,38686609
E2F3	1871	NM_001949.2	203692_s_at	790	0	1564	612,3333333	1365	104	1027	1562,7	0,731473334	0,63454447
TUSC4	10641	NM_006545.4	203246_s_at	126	1079	2697	1469	2959	1021	1208	2121,3	0,732683388	0,44443254
PDE12	201626	NM_177966.4	214826_at	1245	1159	1240	2373,3333333	3367	1572	3101	3152,7	0,732732935	0,16156852
DNAJC9	23234	NM_015190.3	213088_s_at	1571	3244	2137	1447,666667	5930	5929	2826	2283,3	0,733351925	0,18839243
TMEM115	11070	NM_007024.4	216267_s_at	126	1079	0	0	1126	0	1208	669,33	0,734122204	0,67727279
MARCKSL1	65108	NM_023009.4	200644_at	0	286	0	2102	63	510	0	3322	0,734982208	0,58906229
STRA13	201254	NM_144998.2	209478_at	0	834	1190	1187	434	579	508	2198	0,735713146	0,58323988
SLC35D1	23169	NM_015139.1	209712_at	1346	1088	1047	727,6666667	2793	2618	1952	1538,7	0,736899506	0,13454602
PRPF3	9129	NM_004698.1	202251_at	750	456	1519	3174,3333333	1694	1625	1786	2031,3	0,737281546	0,19419645
RAD17	5884	NM_133339.1	210826_x_at	875	426	2327	2241,666667	2404	1056	3226	3114,7	0,737355967	0,29784036
NT5C3	51251	NM_001002010.1	X	666	919	652	1907,666667	2631	954	1502	4258,3	0,738576715	0,18129649
ZNF343	79175	NM_024325.4	207296_at	874	508	1410	1661	1479	1453	2761	2807	0,739343035	0,19833909

CARM1	10498	NM_199141.1	212512_s_at	0	200	1147	946	0	1699	1333	1975	0,741475475	0,68622028
IGF2BP3	10643	NM_006547.2	203819_s_at	3834	2429	4868	1004,666667	7704	6603	8320	1245	0,742244116	0,14970151
ZFC3H1	196441	NM_144982.4	213065_at	834	2601	2216	0	3236	3197	4387	793	0,742505055	0,200203
FAM120A	23196	NM_014612.3	200767_s_at	861	2283	2776	487	3518	4648	3162	899,33	0,743897932	0,20328933
LUC7L	55692	NM_018032.3	220143_x_at	625	1475	1328	2669,666667	3070	1475	2584	2222,3	0,744353199	0,19106512
ATP5A1	498	NM_004046.4	213738_s_at	1456	3004	1727	1803,333333	4807	4267	3503	3280,7	0,746533215	0,15366339
UTP6	55813	NM_018428.2	218715_at	625	969	1529	0	2405	1921	1935	870	0,746753645	0,1621358
CHTF8	54921	NM_001040144.1	X	625	2652	976	1294,333333	2153	2404	3017	3287,3	0,746918462	0,22518613
RCC1	1104	NM_001048194.1	206499_s_at	781	1823	604	1413,333333	1437	2291	2530	2084,7	0,747238355	0,19981578
MRPL47	57129	NM_177988.1	X	1503	1351	699	1200	2394	2394	2394	1719,3	0,748409016	0,15284042
ABCF2	10061	NM_005692.3	209247_s_at	667	1043	1900	2300,666667	1887	1838	3689	2947,7	0,748584298	0,2005445
WDR46	9277	NM_005452.4	209196_at	656	1381	3039	2067,666667	4278	1597	3891	3554,3	0,748632732	0,26936047
HIST1H3A	8350	NM_003529.2	214509_at	1508	1098	1132	719	1905	3072	3091	1666,7	0,749323224	0,14015292
DBNL	28988	NM_001014436.1	X	1729	1973	4803	2128,333333	5505	5602	5107	1982,7	0,750683741	0,17889649
MYCBP2	23077	NM_015057.3	201959_s_at	1199	2407	3718	2468	4721	5046	4360	3170	0,752312324	0,18147276
DCLRE1C	64421	NM_022487.2	222233_s_at	1286	940	722	1443,666667	1600	1748	3070	2692	0,753660548	0,1578113
GLS	2744	NM_014905.3	203157_s_at	625	0	1608	375	805	2300	64	329	0,754789071	0,64206521
COX7B	1349	NM_001866.2	202110_at	1891	1194	839	1475,333333	3356	2225	2497	3311,3	0,755262753	0,15752993
ITPKC	80271	NM_025194.2	213076_at	915	1246	1725	498,666667	3712	1949	2674	1625	0,755512243	0,15629172
MED21	9412	NM_004264.3	209362_at	234	0	395	2855	0	858	1114	3548,7	0,755804355	0,64018684
ADCK4	79934	NM_024876.2	220434_at	915	1238	1717	1537	3704	1941	2666	1966,3	0,756099818	0,15587193
GMEB1	10691	NM_024482.1	220938_s_at	1151	762	1485	402,333333	3026	1402	3041	224	0,757035324	0,17541842
ZNF565	147929	NM_001042474.1	X	882	2666	1413	1745,666667	3266	3045	3301	2270,3	0,7571857	0,17499304
NUDT22	84304	NM_032344.1	X	307	1272	1212	0	1577	2022	1506	2238,3	0,757384959	0,23204797
IFT74	80173	NM_001099222.1	61732_r_at	915	1645	1645	819,666667	3597	1724	3959	1917,7	0,758760168	0,17651438
HAUS1	115106	NM_138443.2	X	1319	2665	2064	55,66666667	4807	4085	3652	750,33	0,759221297	0,14344335
YPEL4	219539	NM_145008.1	X	0	139	106	1611,666667	948	174	0	2906,7	0,75968576	0,57355485
CLP1	10978	NM_006831.1	204370_at	0	139	106	1456,333333	948	174	0	1765	0,75968576	0,57355485
CUL3	8452	NM_003590.2	201371_s_at	1079	1209	1013	1024,333333	3473	1393	2728	1282,7	0,76032364	0,15947414
POLE3	54107	NM_017443.3	208828_at	1056	1902	1034	661	2876	2509	2876	1614,3	0,760619429	0,13879945
E2F7	144455	NM_203394.2	X	148	0	0	963,333333	1588	0	0	2758	0,761960651	0,63945961
ADSS	159	NM_001126.2	221761_at	1116	0	2318	1713,333333	946	171	2172	3497	0,763396385	0,63631205
C11orf71	54494	NM_019021.1	218789_s_at	653	1795	1657	1197	2914	3018	2239	2115	0,764346486	0,17690743

BTK	695	NM_000061.1	205504_at	2793	1172	1513	872	5366	2534	3671	3612	0,765085308	0,17695149
RBBP4	5928	NM_005610.1	210371_s_at	1459	1694	1569	0	3517	3162	3517	1115,7	0,76527481	0,1137342
PYCR1	5831	NM_153824.1	202148_s_at	0	368	1526	3126,333333	3801	0	1526	3375,7	0,766307681	0,70301733
WIBG	84305	NM_032345.1	X	1222	2481	4706	930,333333	4834	6813	4375	2747	0,766578115	0,20485794
PSMD8	5714	NM_002812.4	200820_at	625	688	1180	0	1974	1540	1720	1418	0,766884754	0,1372152
RPL14	9045	NM_003973.3	213588_x_at	1676	744	1356	2774,333333	1975	3108	2818	3548,7	0,767719323	0,15614694
TRIM8	81603	NM_030912.2	221012_s_at	0	2991	2299	2268	579	2315	745	3224,7	0,770224207	0,64057755
C2orf30	27248	NM_015701.2	X	361	1776	2844	697	2950	2597	2500	1827,3	0,771395382	0,29098296
PPME1	51400	NM_016147.1	49077_at	1141	1204	2484	1466,333333	3837	2407	3830	1883,7	0,773690823	0,15870538
ZNF14	7561	NM_021030.2	219854_at	0	0	0	2105	0	138	0	1772,3	0,77412924	0,35773482
KARS	3735	NM_005548.1	200840_at	265	3798	2606	316,333333	2973	2332	4086	446	0,7766555	0,3795142
PLEKHA8	84725	NM_032639.2	X	625	3264	3311	1818,333333	3925	4678	3875	3220,3	0,777546714	0,25899441
DENND4A	10260	NM_005848.2	214787_at	839	2449	1960	2042,666667	4317	3283	2989	2900,7	0,778253309	0,17308144
KBTBD6	89890	NM_152903.4	X	0	1074	231	1406	973	0	2804	1500,3	0,780491177	0,67649723
LOC143678	143678	NM_001080446.2	X	15	0	297	2116	297	297	0	1714,7	0,780601935	0,55048064
C2CD3	26005	NM_015531.4	X	1045	1193	2569	518,666667	3837	2311	3830	2197,3	0,780980852	0,16609932
RASSF6	166824	NM_201431.1	X	0	0	326	899,333333	0	0	3536	1382,7	0,781034019	0,68516061
NUF2	83540	NM_145697.2	X	702	1042	1196	1641,666667	1496	2367	2652	2200	0,782488222	0,13768371
C20orf72	92667	NM_052865.2	X	751	3909	3141	235	4481	3259	6731	1994	0,782768831	0,25743251
C2orf47	79568	NM_024520.1	219176_at	0	2578	1978	1241,333333	2532	145	1978	2191,3	0,783074768	0,65483052
WDR20	91833	NM_181291.1	X	0	815	836	1957,666667	3430	0	2135	2324,7	0,783354825	0,69682158
IFNGR1	3459	NM_000416.1	202727_s_at	0	0	887	1640,333333	0	362	362	2816,3	0,783941885	0,62811048
HS2ST1	9653	NM_012262.2	203285_s_at	3003	804	2581	967	3496	4194	4596	490,67	0,787558592	0,19858773
SLC38A1	81539	NM_030674.3	218237_s_at	350	4374	2200	1250	2446	3720	4091	1933	0,788089673	0,34319182
TTC4	7268	NM_004623.3	218442_at	0	0	1273	107	0	259	740	2385,7	0,790316583	0,65161174
APIP	51074	NM_015957.1	218698_at	844	584	1737	936,333333	3292	889	3214	397,67	0,790336684	0,24416306
RELT	84957	NM_032871.3	X	664	249	1022	2114,333333	815	1417	1687	1696	0,795718306	0,21040204
FKBP14	55033	NM_017946.2	219390_at	625	3153	3348	295,333333	3925	4715	3994	270,67	0,798000318	0,24642995
WWP1	11059	NM_007013.3	212638_s_at	0	2184	0	0	1188	0	286	554	0,798625263	0,67964101
PPIA	5478	NM_021130.3	212661_x_at	752	794	3574	256	3183	2380	3183	194,33	0,799261896	0,23219807
METAP2	10988	NM_006838.3	209861_s_at	702	2272	2458	1181,333333	3825	3468	3328	1353	0,8000805	0,18584072
LYRM5	144363	NM_001001660.2	X	1220	64	0	1815	0	1226	853	2127,3	0,800530133	0,65071684
Sep 15	9403	NM_203341.1	200902_at	3003	772	2575	1478,666667	3496	4194	4596	2092	0,801615178	0,1968593

ARV1	64801	NM_022786.1	X	780	1482	1405	1034,666667	2901	2225	2854	1744,3	0,801981801	0,12638261
PUM1	9698	NM_001020658.1	201164_s_at	878	677	979	1752,333333	2105	2198	1440	2807	0,802709048	0,11546166
FKBP3	2287	NM_002013.2	218003_s_at	816	0	813	605	4609	1639	0	2378,3	0,802774779	0,69196462
TRIM52	84851	NM_032765.2	221897_at	625	164	1689	1139,666667	2471	338	2471	2376	0,804580304	0,39901496
UBAP2	55833	NM_018449.2	221839_s_at	770	1289	1523	578	3677	1650	2852	1232,3	0,805137285	0,15073528
PDHX	8050	NM_003477.1	203067_at	844	563	1880	1157	3279	978	3214	1647,3	0,806066479	0,23442947
C2orf60	129450	NM_001039693.1	X	0	2578	1745	1528	2532	145	1890	1767,7	0,809464168	0,64104603
WT1	7490	NM_000378.3	216953_s_at	0	0	0	1740	0	156	0	2999,3	0,811204452	0,35221181
TRIM23	373	NM_033228.2	204732_s_at	1636	644	734	0	3010	979	3085	471,67	0,812320669	0,20796134
RNF8	9025	NM_003958.3	203160_s_at	0	390	444	663,666667	2416	860	0	2254,3	0,812448195	0,64637931
C5orf44	80006	NM_001093755.1	218674_at	1607	672	734	1167,333333	3010	1008	3085	1437,7	0,813943339	0,20061378
ETV6	2120	NM_001987.4	205585_at	0	274	0	1846,666667	0	0	3308	3262	0,814065527	0,66635143
STIM2	57620	NM_020860.2	X	881	1392	1280	482,666667	3252	1938	2954	479,33	0,817102791	0,11849973
TXNDC9	10190	NM_005783.3	211758_x_at	695	2558	488	837	3430	1036	2947	2084,3	0,819037866	0,26777688
CEP97	79598	NM_024548.2	219886_at	1165	1041	726	1433,666667	2873	1280	2873	2872,7	0,819797056	0,14218254
CSSLCA-T	54480	NM_019015.1	221799_at	667	929	1701	1586	1286	2325	4236	1787	0,820265704	0,18946187
STK40	83931	NM_032017.1	X	1731	1740	1474	418,333333	4191	3534	3577	3170,3	0,821328678	0,09615346
NARF	26502	NM_001083608.1	219862_s_at	0	2725	4327	2170,666667	994	2856	710	2304,7	0,821816201	0,6342724
EXOSC2	23404	NM_014285.4	214507_s_at	1513	716	600	496,666667	1978	1920	2083	1886,7	0,822082672	0,13474236
C9orf156	51531	NM_016481.3	47530_at	1174	1244	1028	601	2265	3535	2265	2893,7	0,823255647	0,10591352
GPATCH1	55094	NM_018025.2	219818_s_at	625	950	481	2687,333333	1954	1460	1234	3827,3	0,823873551	0,12196793
NFATC2IP	84901	NM_032815.3	217526_at	0	1954	1504	1879,333333	1087	459	1003	2209	0,824181909	0,58522656
NR2C2AP	126382	NM_176880.4	X	625	766	1265	0	2478	1655	1810	2469,7	0,824832524	0,12264429
DNA2	1763	NM_001080449.1	213647_at	661	368	1154	980,666667	1909	1305	1402	1609	0,825237953	0,15301287
SLC16A6	9120	NM_004694.3	207038_at	2538	959	2282	1216,666667	4694	3189	4499	609	0,826176731	0,14809506
FBXL20	84961	NM_032875.1	X	0	0	0	1219,333333	0	164	0	1670,7	0,826445202	0,35011872
ACTB	60	NM_001101.2	AFFX-HSAC07/X	1721	919	2313	11	4239	4760	2226	84,333	0,82995386	0,15627346
G6PC3	92579	NM_138387.2	221759_at	822	202	1536	509,333333	1536	1536	1405	495,33	0,831781963	0,24423638
CTCF	10664	NM_006565.2	202521_at	667	1324	2466	0	1995	3606	3764	15,333	0,832161742	0,17991949
CENPT	80152	NM_025082.3	218148_at	1392	603	2602	2010	3453	2803	2819	3415	0,833024345	0,17901071
KIF2A	3796	NM_004520.3	X	2621	0	856	2424,333333	1135	406	855	2181	0,834644398	0,57905644
GTF2F2	2963	NM_004128.1	209595_at	803	2248	829	353,666667	2487	2413	3147	3066	0,836389128	0,14919752
SPATA5L1	79029	NM_024063.1	222163_s_at	625	1934	1726	1045	2302	3172	3609	1274,3	0,837147563	0,16047389

HIST1H4C	8364	NM_003542.3	214516_at	0	1152	1309	1749,333333	1309	1241	157	3529,7	0,837646663	0,58177254
C17orf68	80169	NM_025099.4	219435_at	984	2681	907	248,6666667	3281	3031	3059	2957	0,839986625	0,14829149
GPR137	56834	NM_020155.2	219430_at	0	0	0	1790	0	172	0	1743,3	0,841019472	0,34820574
PDLIM7	9260	NM_005451.3	203370_s_at	0	0	0	610,6666667	0	0	173	2454,7	0,842797254	0,34797809
TSFM	10102	NM_005726.3	214331_at	0	173	615	610,6666667	0	1093	1335	2454,7	0,845336652	0,6198161
DDX18	8886	NM_006773.3	208897_s_at	531	1002	485	1045,6666667	1567	1295	1688	1877,3	0,847511592	0,11407308
DTX2	113878	NM_001102595.1	215732_s_at	0	0	1406	0	348	741	0	505	0,851759294	0,63422808
CLDN12	9069	NM_012129.2	X	0	1407	0	418,6666667	880	292	0	2936,3	0,851933885	0,63629944
ZC3H4	23211	NM_015168.1	213390_at	831	937	831	844,6666667	2966	1094	2660	1914,3	0,854442995	0,13309781
PRMT5	10419	NM_001039619.1	217786_at	1032	1204	2190	1439,333333	3550	3043	3341	1194	0,854995886	0,11035623
TBCKL	93627	NM_033115.2	X	838	1428	2228	0	2951	3592	3342	1645	0,85519852	0,12399756
FGF6	2251	NM_020996.1	208417_at	0	0	0	3507,333333	0	181	0	5172,3	0,856688153	0,34624027
RAB5B	5869	NM_002868.2	201276_at	1669	2340	1438	592,3333333	4584	3971	4107	2235,7	0,857874188	0,09367985
FAM128A	653784	NM_001085365.1	213166_x_at	1928	444	2549	356,6666667	3912	2045	3693	1593,7	0,857992589	0,22738308
PTPRA	5786	NM_080840.2	213799_s_at	0	1920	1204	1195,333333	348	1008	1238	895	0,85883154	0,56756047
CLK4	57396	NM_020666.2	210346_s_at	1627	371	1964	1892	2564	2255	2815	2188	0,860289834	0,20518685
CCNC	892	NM_001013399.1	201955_at	936	1289	223	434	2060	1118	1647	1968,7	0,861047063	0,21754077
ANKRD13C	81573	NM_030816.3	X	996	1527	1393	2530,6666667	3061	2848	3288	2816,3	0,86138025	0,090576
ZNF622	90441	NM_033414.2	X	0	879	403	1275,6666667	2913	1678	0	1270,7	0,861715017	0,65428612
RNF219	79596	NM_024546.3	219303_at	1004	1474	1472	0	3652	2903	2812	1652,7	0,865267081	0,09170404
MDH1B	130752	NM_001039845.1	X	886	1444	402	2128,6666667	1896	1896	2006	3114	0,866671193	0,14432412
SCAMP1	9522	NM_004866.4	212416_at	0	1497	1442	1157	1089	403	959	3487,3	0,870071466	0,55518921
ZPBP2	124626	NM_198844.2	X	663	1821	1210	1127,333333	3648	2073	2706	2032,3	0,871188823	0,13193222
RBX1	9978	NM_014248.2	218117_at	0	2337	1473	1455,333333	791	1208	719	2498,7	0,87446506	0,56641171
ASB3	51130	NM_016115.3	220481_at	285	1514	2844	396	2950	2597	2322	2868,3	0,874916088	0,26276692
XPOT	11260	NM_007235.3	212160_at	0	1611	1820	0	500	1754	666	1657,7	0,876390216	0,56649353
MFN1	55669	NM_033540.2	207098_s_at	877	0	467	1595	0	2168	2724	608,33	0,877464426	0,65282394
RSU1	6251	NM_012425.3	201980_s_at	1417	362	297	1518,333333	1507	1489	1010	2757,3	0,878012071	0,18791618
ALG5	29880	NM_013338.3	218203_at	809	1173	2172	2761,333333	2762	3085	3476	3419,3	0,880581445	0,1172534
FASTKD3	79072	NM_024091.2	219200_at	0	1201	348	1021,333333	2313	0	2654	1559	0,881499687	0,65535077
RPS17	6218	NM_001021.3	201665_x_at	784	2562	1095	1197,6666667	3589	3178	2781	3420	0,881534488	0,13592844
RNF123	63891	NM_022064.2	221063_x_at	192	1991	2532	0	2096	2478	2824	802,67	0,882692684	0,31214898
MST1	4485	NM_020998.2	205614_x_at	192	1598	2349	1385,6666667	1703	2437	2641	3797,7	0,883823887	0,29676428

TIAL1	7073	NM_001033925.1	202406_s_at	725	1063	1285	1248,666667	3181	1346	3367	2757	0,884073453	0,12924939
AKAP9	10142	NM_147171.1	210962_s_at	1292	314	744	1479	2245	764	2618	2105,7	0,884487019	0,20824422
SAP18	10284	NM_005870.3	208742_s_at	1205	1271	908	1420,666667	2726	2726	2726	2475	0,884902337	0,08043501
ANKRD36	375248	NM_198555.3	X	59	1146	2727	2162	1461	1460	1525	2491,3	0,885165678	0,41709073
PUS7	54517	NM_019042.3	218984_at	118	362	704	2399,666667	574	538	1567	2614,7	0,88659122	0,22499807
HMGCS1	3157	NM_002130.6	205822_s_at	0	508	508	2115,666667	2439	0	1581	5797	0,887189158	0,63340879
C6orf203	51250	NM_016487.2	X	0	0	0	2115,666667	0	0	200	5797	0,887529276	0,34262724
TCHP	84260	NM_032300.3	X	0	1147	0	1423	507	469	0	2250,3	0,891268119	0,60648872
ASH2L	9070	NM_004674.3	209517_s_at	646	2619	942	1239	2884	2884	2884	3030,3	0,894182424	0,15030238
TM7SF3	51768	NM_016551.1	217974_at	234	0	395	2600,666667	0	1043	1400	3318	0,895136789	0,5923493
LSM12	124801	NM_152344.2	212532_s_at	822	202	1755	1852	1755	1755	1493	2882	0,895850983	0,22841795
PRKY	5616	NM_002760.3	X	0	0	0	256,666667	0	206	0	1310,7	0,896704167	0,34161346
ENO3	2027	NM_001976.3	204483_at	0	5575	3117	0	2739	2589	525	927,33	0,896990333	0,62047012
UBTF	7343	NM_001076684.1	202692_s_at	794	1746	746	592,3333333	2926	2623	2054	2200	0,898344189	0,11074708
LNPEP	4012	NM_005575.2	207904_s_at	1194	941	2280	1589,666667	5012	2653	2924	2300,3	0,899564284	0,12091912
IPMK	253430	NM_152230.3	X	436	1312	2329	529,3333333	3495	1651	3552	1151,3	0,899758267	0,19758212
ZNFX1	57169	NM_021035.2	X	1089	3211	1423	1048	4048	3916	4811	552,33	0,903799081	0,11986288
CCDC106	29903	NM_013301.2	207006_s_at	969	1436	1697	976,3333333	4242	3396	2528	2200,3	0,905042936	0,09307195
ECT2	1894	NM_018098.4	219787_s_at	625	350	1319	881,666667	1991	1317	1755	3188,3	0,906588963	0,13933123
NCAPD2	9918	NM_014865.2	201774_s_at	1081	636	2775	1688,666667	3762	3303	2402	2124,3	0,907452063	0,15686765
C12orf11	55726	NM_018164.2	221652_s_at	1183	1213	1333	1702,333333	3175	3139	2987	2590	0,907769599	0,0706671
DDB2	1643	NM_000107.1	203409_at	633	711	1989	5877,333333	2618	2035	2652	2453,3	0,908614194	0,1304239
SILV	6490	NM_006928.3	209848_s_at	1615	1900	1311	513	4542	3370	4114	3989,3	0,911196379	0,07771614
SSBP1	6742	NM_003143.1	202591_s_at	625	1717	354	1271,666667	1970	1602	1946	2259	0,91120499	0,15957285
RNASEH2B	79621	NM_024570.1	219056_at	693	1086	1299	202	2944	2408	2185	18,333	0,911443861	0,08780553
NUBP1	4682	NM_002484.2	203978_at	0	1984	0	246,666667	1725	0	251	2133,7	0,912228055	0,64253328
SRA1	10011	NM_001035235.2	204650_s_at	511	1019	3924	257,3333333	4799	1788	3796	1353,7	0,912321437	0,23952212
A4GALT	53947	NM_017436.4	219488_at	0	0	0	0	0	217	0	2520,3	0,912895724	0,3398881
TMEM126B	55863	NM_018480.2	221622_s_at	860	1820	660	1743	2860	2267	2556	2334,7	0,914976451	0,1102435
RND1	27289	NM_014470.2	210056_at	0	0	1982	672,666667	0	605	737	1516,7	0,915001422	0,63129684
ARGLU1	55082	NM_018011.3	218067_s_at	1207	693	1072	208,3333333	2653	2731	1983	444	0,915007277	0,0852517
DDIT3	1649	NM_004083.4	209383_at	1088	2302	1007	578	3429	3426	3417	1448,7	0,915156806	0,0987221
PRDM15	63977	NM_001040424.1	X	0	0	0	225	0	219	0	667	0,915756971	0,33959138

RBBP8	5932	NM_002894.2	203344_s_at	729	1681	1301	1251,666667	3166	2810	2870	1881	0,916024584	0,09517432
MBD6	114785	NM_052897.3	X	1073	1983	847	1624,333333	3101	3134	2977	1801,7	0,917196437	0,09588161
SGOL1	151648	NM_001012412.2	X	625	826	2659	0	3295	2704	2491	359,67	0,917258485	0,15322094
PRPF4B	8899	NM_003913.4	202126_at	761	1438	3309	1400,666667	5626	3989	2589	1441,7	0,917735813	0,16426074
GTF3C2	2976	NM_001521.2	204366_s_at	625	2289	385	1132,333333	2636	1633	2113	1595,7	0,919204341	0,18800114
C6orf120	387263	NM_001029863.1	221786_at	138	0	0	1150,333333	0	2404	0	1384,7	0,920223863	0,5950056
C19orf56	51398	NM_016145.2	217780_at	2531	192	1675	2472,666667	3155	2225	1971	3123,3	0,920704825	0,2878738
HNRNPH1	3187	NM_005520.1	213470_s_at	333	1581	1365	1960,666667	3411	2215	1581	3084	0,922288095	0,18376669
SGK3	23678	NM_013257.3	220038_at	0	0	1296	1783	332	0	888	2631,7	0,922817216	0,60704601
ZNF580	51157	NM_207115.1	220748_s_at	736	1691	1662	2632	3547	2534	3773	3837	0,92435106	0,10490438
DHRS7	51635	NM_016029.1	210788_s_at	1820	0	0	1419,666667	719	588	0	2062	0,925858755	0,62305189
THOC3	84321	NM_032361.2	X	0	730	730	2807,333333	181	659	1007	4892	0,928680968	0,48780387
DYSFIP1	116729	NM_001007533.3	X	0	1062	0	886,666667	692	0	357	2695,7	0,929979881	0,59022762
IPO11	51194	NM_016338.3	X	1049	1067	979	812,666667	3192	1996	2878	2029,7	0,930477853	0,07389649
DGKA	1606	NM_001345.4	211272_s_at	908	1880	4138	472,666667	4406	6482	4113	2613,7	0,930858572	0,15202117
UCP2	7351	NM_003355.2	208997_s_at	856	1412	1051	536	2675	2582	3093	1631	0,932167732	0,07473502
MTRF1L	54516	NM_019041.4	215560_x_at	806	1324	962	632,333333	2379	2860	2557	800	0,934093273	0,07419127
NUDT21	11051	NM_007006.2	213461_at	662	2276	1863	474	3417	3589	3872	2286,7	0,934571132	0,12501381
PSMD2	5708	NM_002808.3	200830_at	0	2489	2590	1258,666667	1131	712	1929	2633,7	0,935526491	0,56470037
FYCO1	79443	NM_024513.2	218204_s_at	816	0	0	1487,666667	896	212	0	2068,7	0,936270973	0,57728306
NDUFB5	4711	NM_002492.2	203621_at	1244	1092	588	837	2394	2394	2394	3103,3	0,937167281	0,08553877
EXOSC8	11340	NM_181503.1	215136_s_at	756	1173	2433	0	2965	3384	3679	1379	0,938212924	0,11301889
CDCA4	55038	NM_145701.1	218399_s_at	956	2139	887	621,333333	4278	2479	2933	1955,3	0,939081201	0,10693583
NAT10	55226	NM_024662.1	217884_at	0	215	1709	1629,333333	0	2184	3014	2600,7	0,940421347	0,64162533
ATP2A2	488	NM_001681.2	212361_s_at	625	2151	762	868	1648	3033	3575	1777,7	0,942326974	0,14380385
DUSP10	11221	NM_007207.3	215501_s_at	912	177	0	1783,666667	1234	0	2403	1857,3	0,943781868	0,60930223
SLC35A4	113829	NM_080670.2	X	511	1188	4162	377,666667	4997	2084	4250	1847	0,943926868	0,22451936
GGNBP2	79893	NM_024835.2	218079_s_at	2519	556	1795	343	4719	2340	3980	436,33	0,944531653	0,16182282
EXOSC5	56915	NM_020158.3	218481_at	717	335	1460	698	1724	2626	1391	3749,7	0,946118521	0,1459005
WDR12	55759	NM_018256.2	218512_at	982	1341	938	1779,666667	3426	1793	3528	1399,3	0,94652097	0,08693759
TAX1BP1	8887	NM_001079864.1	213786_at	1009	742	1407	2386	2819	2228	2955	1399,3	0,946892172	0,07855758
GSTP1	2950	NM_000852.2	200824_at	0	0	0	1115	0	242	0	1142	0,947008628	0,33650101
NRN1	51299	NM_016588.2	218625_at	0	0	0	0	243	0	0	359,67	0,948303128	0,33637871

UCHL3	7347	NM_006002.3	204616_at	728	1278	322	538,6666667	1122	2066	2343	270,67	0,948940682	0,14346801
ATP5S	27109	NM_001003803.1	213995_at	729	0	488	583,6666667	3088	2073	0	1004,3	0,950485136	0,62584907
APPL2	55198	NM_018171.3	218218_at	0	0	0	1543	0	245	0	2660,7	0,950877143	0,3361368
FANCI	55215	NM_018193.2	213008_at	0	725	973	1611	655	425	630	2199	0,950973224	0,46803761
RC3H2	54542	NM_001100588.1	220201_at	1201	805	812	2611	2088	2615	2577	2910,7	0,951871087	0,06968544
ICAM4	3386	NM_022377.2	207194_s_at	0	0	910	1370	0	947	236	2830	0,952207817	0,57864351
FNBP4	23360	NM_015308.1	212232_at	769	733	977	2412,333333	2002	2234	2234	3455,3	0,954771112	0,06365849
BCKDHA	593	NM_000709.2	202331_at	669	335	1508	2350	1772	2626	1343	3216,3	0,95554877	0,14681201
FAM120C	54954	NM_017848.4	220685_at	0	2694	1968	2724,333333	1092	1015	1236	3855,3	0,957890118	0,544768
RNF115	27246	NM_014455.1	212742_at	417	2002	690	857,3333333	2145	1786	2786	2065,7	0,958567564	0,14766896
DSTYK	25778	NM_015375.1	214663_at	0	0	0	1222,333333	0	252	0	1513,3	0,959732819	0,33531749
HIST1H1B	3009	NM_005322.2	214534_at	1713	1017	3132	1341,333333	4303	3761	6160	2303	0,962351169	0,10901881
OGFOD1	55239	NM_018233.3	221090_s_at	662	2376	1626	1060,666667	3417	3589	3872	1891,7	0,965297226	0,11437229
TMEM161B	153396	NM_153354.3	X	1749	0	2480	404,6666667	1597	1197	598	2295,3	0,966063193	0,53956662
UQCR	10975	NM_006830.2	202090_s_at	0	758	120	1695,333333	0	1573	1193	1330,7	0,970466064	0,5811528
POLR2I	5438	NM_006233.4	212955_s_at	0	1085	2464	187,6666667	1195	378	1570	783,67	0,971266248	0,53009082
MLEC	9761	NM_014730.2	200616_s_at	625	1570	454	1270,333333	2610	1565	2109	2149,3	0,972887351	0,11747233
MVD	4597	NM_002461.1	203027_s_at	0	987	0	1097,666667	461	571	0	1578,3	0,97364472	0,56953237
WDR92	116143	NM_138458.2	204507_s_at	661	1458	1564	2231,333333	3153	2630	3474	3489,3	0,974285344	0,08808202
WDHD1	11169	NM_001008396.1	204727_at	1908	1034	731	2048,666667	2989	2605	3549	2766,7	0,975102815	0,08947469
FAM21A	387680	NM_001005751.1	211068_x_at	0	2273	0	2111,666667	427	0	1437	3400,7	0,976174508	0,6239297
NME7	29922	NM_013330.3	219553_at	0	1973	1465	1517	849	494	1875	2032	0,978540313	0,52403561
FLOT2	2319	NM_004475.2	211299_s_at	0	1187	1293	0	817	812	632	46	0,979312194	0,48785773
TRIM61	391712	NM_001012414.1	X	0	0	0	681,6666667	269	0	0	1959,7	0,980308012	0,3334885
MTMR1	8776	NM_003828.2	213511_s_at	0	0	183	525,6666667	0	0	3734	2064,3	0,980325795	0,60158244
SETX	23064	NM_015046.5	201965_s_at	0	0	0	811,6666667	270	0	0	1142,7	0,98147966	0,33338738
NFE2L2	4780	NM_006164.2	201146_at	1795	304	1281	1583	3058	1669	2759	2783,7	0,984690418	0,17123181
IKZF3	22806	NM_183230.1	221092_at	431	2142	1313	1375	3275	2576	2864	4427,7	0,985139462	0,1383384
LAS1L	81887	NM_031206.3	208117_s_at	0	1573	0	319	987	0	442	1984,7	0,985385277	0,59777882
UBE2Q2	92912	NM_173469.1	X	0	1739	0	1992,666667	631	0	769	2700	0,985834717	0,60164643
ZMYM5	9205	NM_001039650.1	215948_x_at	793	807	581	1118,666667	1569	2610	1825	2526	0,987174159	0,0667459
AGL	178	NM_000645.2	203566_s_at	0	0	0	1465,666667	0	0	276	2272,7	0,988424355	0,33279448
TM9SF1	10548	NM_006405.5	209150_s_at	0	2096	1959	1343,333333	1385	328	2512	2996,3	0,988653867	0,54474559

FCRLB	127943	NM_001002901.2	X	0	0	0	2120	0	277	0	2234	0,989567867	0,33269791
CCDC76	54482	NM_019083.1	219130_at	1739	0	2124	2525,666667	638	566	2874	1113,3	0,989731834	0,53584831
GRK4	2868	NM_001004056.1	210600_s_at	657	1239	840	930,666667	2171	2238	2840	1934	0,990406734	0,0686798
AGAP11	119385	NM_133447.1	221971_x_at	0	0	0	1222	0	0	278	2862,7	0,990707469	0,33260196
POLR3C	10623	NM_006468.6	209382_at	426	1906	564	2093,666667	2145	1583	2761	3053	0,990729811	0,1392892
IL21R	50615	NM_181078.1	221658_s_at	1340	0	1567	2366,333333	1875	1713	178	3906,3	0,991896721	0,53468496
PSMD4	5710	NM_002810.2	210460_s_at	0	1449	0	778,666667	0	237	1697	2315,3	0,992622916	0,60110068
DHX29	54505	NM_019030.2	212648_at	625	1435	492	208,333333	2703	1605	2090	1763,7	0,993535251	0,09977895
DEGS1	8560	NM_144780.1	209250_at	0	0	794	1339,666667	419	0	536	1111	0,993643408	0,54790036
LMO4	8543	NM_006769.2	209205_s_at	230	1255	881	344,666667	3000	1618	1101	24,667	0,993688181	0,17352233
TSSK4	283629	NM_174944.2	X	0	1142	1276	1720	1120	328	1120	3382,7	0,993899329	0,49240808
ARPC4	10093	NM_005718.3	217818_s_at	0	2070	1301	1368,333333	2381	414	775	2723,7	0,994039792	0,52337593
FTH1	2495	NM_002032.2	200748_s_at	75	2989	952	1762,333333	1380	1310	2777	5674,3	0,994207573	0,35603283
STX18	53407	NM_016930.2	218763_at	0	1220	0	1571	1102	0	314	2311,3	0,995861033	0,58215895
CLDN23	137075	NM_194284.2	X	0	947	0	0	2158	118	0	473,67	0,999049486	0,58940688
CSK	1445	NM_004383.1	202329_at	708	1364	1329	0	3132	3097	2728	203,33	0,999368217	0,06924499
MC1R	4157	NM_002386.2	202154_x_at	0	0	0	1698,666667	0	286	0	3037,3	0,999686688	0,33185603
C18orf32	497661	NM_001035005.2	X	1172	1807	1178	1543	4769	3764	2860	1923,3	1,000984686	0,06716225
CHCHD5	84269	NM_032309.2	X	0	1089	0	489,666667	295	1066	0	26	1,002489562	0,57315623
ITGB3BP	23421	NM_014288.3	205176_s_at	914	890	1086	1647,333333	3081	1720	3473	3028	1,002564964	0,07000412
SYCP1	6847	NM_003176.2	216917_s_at	0	0	0	1676,666667	0	289	0	3028	1,0029925	0,33158585
TNPO2	30000	NM_013433.3	221506_s_at	727	1158	2014	0	4345	3608	2258	2199	1,004057806	0,09638454
IK	3550	NM_006083.3	200066_at	1071	577	3463	596,333333	3618	3198	3903	1494,7	1,006045053	0,14915074
PPRC1	23082	NM_015062.3	203737_s_at	687	1101	1306	235	3578	2610	2231	2119,3	1,006300415	0,07091073
PBX2	5089	NM_002586.4	211097_s_at	757	1356	1677	2244,666667	4182	2931	2969	3946	1,008467351	0,07548514
KCTD20	222658	NM_173562.3	214849_at	625	1129	2165	954,333333	3382	3039	3184	4128,3	1,011538163	0,09598573
TMEM20	159371	NM_153226.1	X	0	0	0	1428,666667	0	0	298	2982	1,012717663	0,33080457
BLZF1	8548	NM_003666.2	203840_at	0	1668	1125	1368,666667	821	466	1483	2695	1,01373837	0,49098265
MNAT1	4331	NM_002431.2	203565_s_at	625	227	0	224,666667	1986	1619	0	886,67	1,016594236	0,57516416
LSM14B	149986	NM_144703.2	219653_at	0	1103	0	2162,333333	1183	283	0	2493	1,019385137	0,57020628
SPAG9	9043	NM_003971.3	212470_at	1066	0	2279	1771	305	1541	1580	2339,7	1,0203598	0,51326686
FOXK1	221937	NM_001037165.1	X	0	0	0	488	0	0	306	3137,7	1,021130307	0,33014462
NUPL1	9818	NM_001008564.1	X	0	731	946	2224	1147	387	481	2416,7	1,023391914	0,44448885

HLA-DMB	3109	NM_002118.3	203932_at	888	0	915	1591,666667	5121	3560	0	1024,7	1,028281054	0,63059772
ELF2	1998	NM_006874.2	212680_x_at	291	986	1535	142,6666667	986	3130	3293	1417,3	1,029357638	0,17701878
EFCAB7	84455	NM_032437.1	X	881	857	1053	2530	3081	1687	3473	2678,7	1,030745491	0,06548346
FKBP11	51303	NM_016594.1	219117_s_at	875	0	1982	431,6666667	642	642	1346	2678,7	1,030890014	0,48038374
SREBF2	6721	NM_004599.2	201247_at	0	1892	1124	1024,333333	709	915	1054	2631,3	1,031737373	0,48188777
RAB2A	5862	NM_002865.1	208733_at	0	1546	0	1840,666667	431	1146	0	882,33	1,032074604	0,58354442
NUFIP2	57532	NM_020772.1	X	0	2279	2550	626,6666667	1066	746	2361	3143,3	1,0325442	0,52490618
MBLAC1	255374	NM_203397.1	X	913	769	3659	0	3934	4369	3407	28,667	1,032812642	0,13109344
MRPS15	64960	NM_031280.2	221437_s_at	0	1106	1099	0	634	906	680	28,667	1,033021851	0,4557159
SLC12A4	6560	NM_005072.3	211112_at	0	0	1557	1382	408	1222	0	2913	1,033220792	0,58444948
STX4	6810	NM_004604.3	203530_s_at	0	2315	1276	1256,666667	1526	1422	443	2644	1,037507589	0,50338865
ZNF830	91603	NM_052857.3	X	1405	723	595	1053,666667	2562	2139	2577	1363,7	1,037944398	0,06962222
RTN2	6253	NM_206900.1	204217_s_at	0	0	978	1065,666667	909	0	350	2964,7	1,039942853	0,5515705
DIMT1L	27292	NM_014473.2	217106_x_at	970	907	935	1785,666667	3766	1904	2695	2654	1,042119455	0,05833363
MRPS6	64968	NM_032476.2	X	850	0	0	1852	0	219	1255	2882	1,043771196	0,54959387
SLC5A3	6526	NM_006933.4	213167_s_at	850	0	0	400,3333333	0	219	1255	1830	1,043771196	0,54959387
SH3GLB1	51100	NM_016009.3	210101_x_at	723	0	262	575	0	1794	2576	1932,7	1,044122445	0,57879143
ZNF638	27332	NM_014497.3	211257_x_at	654	1138	389	503,6666667	2607	2567	1041	1372,7	1,044311414	0,1070057
ZBTB44	29068	NM_014155.3	220243_at	0	1125	0	516	0	700	538	1346	1,046935601	0,55553775
ANKMY1	51281	NM_017844.2	220280_s_at	0	3903	3167	1628,333333	1497	1021	2750	2900,3	1,047484962	0,54293371
FKBP1A	2280	NM_000801.2	200709_at	0	1092	0	501,3333333	0	931	392	91	1,04786554	0,55591795
COPG2	26958	NM_012133.3	X	0	0	1592	0	1308	0	410	551,33	1,049857255	0,58130607
TBC1D14	57533	NM_020773.1	X	0	0	0	1725,666667	0	335	0	1452	1,049960984	0,32798914
MYPOP	339344	NM_001012643.2	X	0	269	269	2020,333333	1704	1081	0	2883,3	1,050323999	0,53332106
ACY1	95	NM_000666.1	202740_at	0	0	3370	845	790	1459	0	3145	1,050472655	0,6200927
FOXJ2	55810	NM_018416.2	203734_at	0	2797	2458	2840	1514	983	1587	4555,7	1,051413963	0,51795935
CAPN1	823	NM_005186.2	200752_s_at	0	0	0	1498,333333	0	337	0	2692,7	1,051860325	0,32785267
PYROXD1	79912	NM_024854.2	219802_at	736	0	0	727,3333333	536	466	0	2350,3	1,052715409	0,52352807
SEC23IP	11196	NM_007190.2	209176_at	1321	0	2459	2101,666667	2023	807	682	3643,7	1,053057637	0,49792992
DR1	1810	NM_001938.2	209188_x_at	625	1044	902	140	3287	1169	3748	1635,7	1,054751079	0,09563786
TM9SF3	56889	NM_020123.2	217758_s_at	813	415	2625	1596,666667	3095	2087	3398	2116,3	1,055678982	0,14293089
TARS	6897	NM_152295.3	201263_at	0	3063	3233	0	1358	1018	2495	883,33	1,055711123	0,53162671
NHLRC2	374354	NM_198514.2	219353_at	1271	1280	644	1083	2917	2350	3744	2965,7	1,055866731	0,06579341

FOXN2	3344	NM_002158.3	206708_at	0	2550	0	1882,333333	0	965	922	3381	1,057490632	0,6022241
USP46	64854	NM_022832.2	203869_at	0	0	0	1971,666667	0	0	343	3007	1,057494262	0,32745171
ABHD3	171586	NM_138340.3	213017_at	0	1913	219	880	3998	0	2673	5391,7	1,058095827	0,61394772
RPL34	6164	NM_000995.3	X	0	1764	1262	537,666667	1494	614	857	2014	1,063332465	0,4741886
VPS13D	55187	NM_015378.2	212326_at	0	0	0	691,666667	0	350	0	1330	1,063949051	0,32699931
PABPN1	8106	NM_004643.1	201545_s_at	0	26	984	704	984	0	984	2151	1,064394237	0,54517962
IFITM3	10410	NM_021034.2	212203_x_at	0	0	0	1027	0	0	352	2223	1,065770549	0,32687298
TGFB3	7043	NM_003239.1	209747_at	0	0	0	2050,666667	352	0	0	2660	1,065770549	0,32687298
C14orf179	112752	NM_001102564.1	X	0	0	0	1663,333333	352	0	0	3282	1,065770549	0,32687298
PIAS3	10401	NM_006099.3	203035_s_at	0	1883	1998	819	1092	1092	1132	940,67	1,066578459	0,48804253
RNF185	91445	NM_152267.2	X	0	899	0	0	1675	184	0	33	1,066635953	0,55339087
ANKRD12	23253	NM_001083625.1	212289_at	0	2196	2940	2178,333333	1245	1351	1387	2725,7	1,067886599	0,50840097
SAMD12	401474	NM_001101676.1	X	0	2789	0	1271,666667	1037	0	970	2412,3	1,068079195	0,60414419
ANKRD58	347454	NM_001105576.1	X	0	0	0	789,666667	0	355	0	1574,7	1,068484268	0,32668584
NIPAL2	79815	NM_024759.1	220128_s_at	0	800	0	1763,333333	590	0	485	1213	1,069532747	0,52462349
MED20	9477	NM_004275.3	212872_s_at	625	817	1239	2095	3246	1180	4238	3104,7	1,070558732	0,10212735
C17orf62	79415	NM_001033046.2	218130_at	0	2330	3989	228	1305	2743	949	2266,3	1,071866449	0,52645492
NLK	51701	NM_016231.4	218318_s_at	0	0	0	958,333333	0	359	0	2094	1,072068532	0,32644062
AUTS2	26053	NM_015570.1	212599_at	0	0	0	399,333333	0	0	360	829,67	1,072958608	0,32638006
HCG9	10255	NM_005844.2	X	0	0	0	1066,333333	362	0	0	2200,3	1,074731662	0,32625984
TMEM107	84314	NM_183065.2	X	984	1376	468	1754,666667	2357	3380	2082	2645	1,075087069	0,07861025
BTF3	689	NM_001037637.1	208517_x_at	625	2161	910	1441,333333	3249	2992	3288	3834	1,075162601	0,08307544
MBNL1	4154	NM_207293.1	201151_s_at	0	0	0	1811	0	0	363	2352,3	1,075614665	0,32620016
PTPLB	201562	NM_198402.2	212640_at	0	2005	964	2096	1935	182	1935	3694,3	1,076312799	0,50371031
PRKAB2	5565	NM_005399.3	214474_at	0	2577	1005	1436,666667	1527	408	1527	1475,7	1,077750041	0,48819776
SENP6	26054	NM_015571.2	202318_s_at	894	0	1907	1727,333333	1111	702	810	2569,7	1,078456384	0,45655284
RFXAP	5994	NM_000538.2	208492_at	226	215	1734	295,666667	1385	1044	1669	241,33	1,082853113	0,18032089
EIF4G1	1981	NM_198241.1	208625_s_at	0	1259	1488	302	712	1235	799	1984,3	1,082866749	0,45572856
RP2	6102	NM_006915.1	205191_at	0	1567	1147	700,333333	1379	455	1071	3805,7	1,0835095	0,46096469
SH2B3	10019	NM_005475.1	203320_at	0	1498	0	1641,666667	0	583	979	1886,3	1,088476015	0,56259745
SFXN5	94097	NM_144579.2	X	0	153	1621	2205	2027	0	3511	3515	1,088543622	0,59158603
C14orf119	55017	NM_017924.2	X	483	1154	2194	1407	3461	3125	3082	2722,3	1,089668501	0,09739949
ZFP91-CNTF	386607	NM_170768.2	X	992	3107	2248	860,666667	7193	5444	4754	1131,3	1,09081766	0,07842383

ZFP91	80829	NM_053023.3	208597_at	992	3107	2248	796	7193	5444	4754	3207,3	1,09081766	0,07842383
SKIV2L2	23517	NM_015360.3	212896_at	625	1130	662	0	2820	1910	2395	321,33	1,092520375	0,05271929
SLC23A3	151295	NM_144712.2	X	0	2872	1308	589,3333333	730	1275	1571	750	1,093690524	0,48480868
ABHD14B	84836	NM_032750.1	X	0	0	3735	1026	1367	1069	0	2512,3	1,094046289	0,61252452
CHMP4B	128866	NM_176812.3	X	0	2874	1669	859	2097	926	963	537,67	1,094066786	0,49320727
TADA3L	10474	NM_006354.2	215273_s_at	0	2099	1053	1826	2665	414	775	3857	1,096377184	0,48027298
AHR	196	NM_001621.3	202820_at	0	39	0	1053,333333	1440	0	0	3130	1,097925711	0,46629983
C11orf31	280636	NM_170746.2	X	0	862	1200	1996,666667	826	575	853	3183,3	1,097949787	0,42344446
ADRBK1	156	NM_001619.3	38447_at	709	178	852	3126,666667	1334	1152	2066	4166,7	1,099131252	0,1155417
CUGBP1	10658	NM_006560.2	204113_at	57	1506	1566	2205	1776	1640	1566	2614,7	1,099432093	0,29869154
NPW	283869	NM_001099456.2	X	0	1109	912	928,6666667	501	609	1306	1391,3	1,101249547	0,4270136
LPCAT4	254531	NM_153613.2	215409_at	0	2123	1162	940,6666667	1319	464	1595	1391,3	1,101742294	0,47077314
RHOT2	89941	NM_138769.1	221789_x_at	0	0	0	1885,333333	0	396	0	1218,7	1,103514338	0,32438059
RHBDL1	9028	NM_003961.1	207383_s_at	0	0	0	1202,333333	0	396	0	1980	1,103514338	0,32438059
ENTPD5	957	NM_001249.1	205757_at	850	721	240	3060,666667	1941	1425	1567	3582	1,104092407	0,0840158
ABCA12	26154	NM_015657.3	215465_at	0	0	0	0	0	397	0	38,333	1,104324383	0,32432961
ZNF474	133923	NM_207317.1	X	0	0	0	1408,333333	0	397	0	395	1,104324383	0,32432961
FOXN3	1112	NM_001085471.1	205021_s_at	0	0	0	302	399	0	0	2086,3	1,105938591	0,32422832
DEPDC1B	55789	NM_018369.1	X	2976	0	2156	2329,666667	2981	498	1740	3100	1,107058965	0,51036925
GADD45GIP1	90480	NM_052850.2	212891_s_at	1136	0	1835	2819,666667	596	1269	1115	4018,3	1,107809276	0,45390641
SYNCRIP	10492	NM_006372.3	209025_s_at	2159	442	1106	432,6666667	3800	2220	3651	1138,3	1,111521666	0,10620061
FOXJ3	22887	NM_014947.3	206015_s_at	850	794	1949	96,66666667	2934	3020	4306	279,33	1,112387778	0,06451034
SHKBP1	92799	NM_138392.2	X	0	0	0	1045,333333	0	408	0	2094	1,113107326	0,3237833
NUMA1	4926	NM_006185.2	200747_s_at	0	0	0	2153	413	0	0	851,33	1,117024331	0,3235434
DUS4L	11062	NM_181581.1	205761_s_at	0	901	2495	2287,666667	1526	656	937	1313,3	1,117138803	0,4591304
LSM3	27258	NM_014463.1	202209_at	420	1283	1245	0	2520	2673	2974	544,67	1,118134284	0,07405837
SNX6	58533	NM_021249.3	217789_at	0	0	1320	536,3333333	872	633	0	1113	1,118999636	0,54504849
MRPS26	64949	NM_030811.3	X	0	748	0	3163,333333	0	559	559	3803	1,11998352	0,50445012
CCDC11	220136	NM_145020.3	X	0	0	0	1234,333333	419	0	0	1433,3	1,121664778	0,32326214
FUK	197258	NM_145059.2	X	0	0	509	2197,666667	260	0	817	3109	1,123687218	0,48047171
FAM8A1	51439	NM_016255.1	203420_at	0	0	0	341	422	0	0	1830	1,123960998	0,32312412
RHOH	399	NM_004310.3	204951_at	1929	2189	1625	1047,666667	4089	6514	7638	1787,3	1,12453193	0,04670004
TK2	7084	NM_004614.3	204276_at	0	240	212	1308,333333	1659	995	0	789,67	1,124821099	0,49654753

TCF12	6938	NM_003205.3	208986_at	0	2654	1271	1440,333333	1018	1195	1194	494	1,126448568	0,46430413
BCR	613	NM_021574.2	202315_s_at	0	0	840	1172,666667	0	647	554	2020,7	1,126664773	0,51118916
PPIL6	285755	NM_173672.2	X	0	0	0	954	0	426	0	4134	1,126998225	0,32294274
SMPD2	6610	NM_003080.2	205622_at	0	0	0	0	0	426	0	46	1,126998225	0,32294274
EPS8L2	64787	NM_022772.2	218180_s_at	0	483	309	0	483	272	483	773,67	1,127096192	0,31993699
DNAJC3	5611	NM_006260.2	208499_s_at	685	948	1919	812,333333	3621	3047	3431	958,33	1,127317675	0,06083308
SEC24B	10427	NM_001042734.1	202798_at	0	0	1241	872,666667	0	875	608	914	1,127343478	0,53868933
TRAPPC10	7109	NM_003274.3	209412_at	0	0	0	423,333333	0	0	427	1642,3	1,127753227	0,32289786
RAB12	201475	NM_001025300.2	X	0	0	0	2239	0	428	0	3997,7	1,128506523	0,32285316
ZFY	7544	NM_003411.2	207246_at	0	0	0	0	0	430	0	52	1,130008027	0,32276431
CIT	11113	NM_007174.1	212801_at	0	0	734	1471,666667	1389	223	0	3529,7	1,130854025	0,51496709
AGXT2L2	85007	NM_153373.1	X	0	908	1732	0	1671	445	916	2185	1,132088387	0,44165115
STMN1	3925	NM_203399.1	200783_s_at	0	0	1065	1283,333333	627	0	741	1410	1,13328772	0,52617839
MTO1	25821	NM_133645.1	218716_x_at	0	2282	1999	1973,333333	1841	1841	593	3776	1,135748411	0,47888062
HIAT1	64645	NM_033055.2	X	0	1285	1333	1647,333333	975	952	815	632,33	1,136260701	0,4288726
SF3B14	51639	NM_016047.3	X	0	3014	1111	1314	1134	1359	974	1988	1,139452754	0,4623903
SLC35F2	54733	NM_017515.3	218826_at	0	0	1446	930	0	1018	634	3858	1,140242858	0,54540601
TMED3	23423	NM_007364.2	208837_at	0	1755	1864	3710,333333	1946	797	947	7542,3	1,14148153	0,45935414
ZNF780B	163131	NM_001005851.1	214899_at	0	0	0	0	0	0	449	57,333	1,143944784	0,32195467
E1F1AY	9086	NM_004681.2	204410_at	0	0	0	0	0	449	0	57,667	1,143944784	0,32195467
ESF1	51575	NM_016649.3	218859_s_at	0	1694	1220	0	1827	190	2596	883,67	1,146188544	0,48085421
DHCR7	1717	NM_001360.2	201791_s_at	0	2204	3451	3091	3009	1145	1010	3718,7	1,146446773	0,49301141
HELZ	9931	NM_014877.3	203674_at	0	0	0	1602,333333	0	453	0	3326	1,146806032	0,32179176
ZNF784	147808	NM_203374.1	X	0	0	0	3442,333333	69	0	69	4393,7	1,148511065	0,12398462
SERGEF	26297	NM_012139.2	220482_s_at	0	0	0	1776,333333	457	0	0	1224,3	1,149642928	0,32163132
MAPK13	5603	NM_002754.3	210059_s_at	0	0	0	850,333333	459	0	0	1670	1,151052374	0,32155202
RNPEPL1	57140	NM_018226.3	218301_at	0	4635	4165	1454	1497	2199	2750	3342,7	1,152600453	0,51680603
GEMIN4	50628	NM_015721.2	205527_s_at	0	2266	945	2,33333333	1038	981	981	281,33	1,153180106	0,4371013
EARS2	124454	NM_001083614.1	X	0	1286	1244	1000	1444	380	1342	5354,7	1,153470753	0,43461991
STRADA	92335	NM_153335.4	221554_at	723	835	994	227,333333	3034	2153	3034	740,67	1,153601021	0,03733245
C2orf24	27013	NM_015680.3	207511_s_at	0	3346	1568	0	730	1644	2047	60,333	1,154555028	0,47738427
CACNB3	784	NM_000725.2	34726_at	0	0	1002	1384,666667	1004	468	0	3107,7	1,15797703	0,5172171
USF2	7392	NM_003367.2	202152_x_at	0	0	0	383,666667	469	0	0	979,67	1,158011569	0,32116429

DDOST	1650	NM_005216.4	208674_x_at	0	1947	1455	435,6666667	1989	391	1707	61	1,159235929	0,46132095
C20orf7	79133	NM_024120.3	219524_s_at	0	1559	1219	553	1753	190	2596	1823,3	1,160220319	0,47215759
FBXO34	55030	NM_017943.2	218539_at	0	0	0	2321,3333333	474	0	0	3463,3	1,161437429	0,32097575
CKLF	51192	NM_001040138.1	219161_s_at	0	480	212	324,3333333	2260	1596	0	1345,3	1,161612645	0,52008574
CPLX3	594855	NM_001030005.2	219775_s_at	0	0	0	243	0	476	0	63	1,162797976	0,32090129
SUSD3	203328	NM_145006.2	X	0	0	0	680,6666667	0	478	0	1876,3	1,164152991	0,32082738
NFXL1	152518	NM_152995.4	X	0	1189	931	43,66666667	1436	317	1154	395,67	1,165116596	0,41827885
CNKSR1	10256	NM_006314.1	204740_at	0	0	802	1031,3333333	0	322	1186	2806,3	1,165767819	0,50412137
STK17B	9262	NM_004226.2	205214_at	2214	692	1219	1153,3333333	7059	3942	2282	3396,3	1,16614227	0,08847749
LRTOMT	220074	NM_145309.1	X	0	0	0	1475,3333333	481	0	0	2869,3	1,166175242	0,3207175
C11orf2	738	NM_013265.2	217969_at	0	2006	0	92,33333333	1632	0	596	424,33	1,167469924	0,56076968
EIF3F	8665	NM_003754.2	200023_s_at	1820	0	0	1659	632	0	1398	2919,3	1,167655572	0,5536439
TSNAX	7257	NM_005999.2	203983_at	994	0	1319	740,6666667	618	1378	749	2001,7	1,169183579	0,41014005
CENPC1	1060	NM_001812.2	204739_at	0	1151	460	725,6666667	936	125	2069	1218	1,169500505	0,43091535
C20orf29	55317	NM_018347.1	219706_at	0	0	0	1609,6666667	0	486	0	3358	1,169518633	0,32053697
NIPAL3	57185	NM_020448.3	X	0	927	0	1122	852	531	0	1055,7	1,170534159	0,50670691
ZNF408	79797	NM_024741.1	219224_x_at	0	2096	1287	396,3333333	931	811	1775	635,33	1,174728057	0,43958743
C14orf50	145376	NM_172365.1	X	0	0	0	0	498	0	0	310	1,177408548	0,32011651
RLN2	6019	NM_134441.1	214519_s_at	0	0	0	237,3333333	500	0	0	2210,7	1,178705567	0,32004813
MICAL1	64780	NM_022765.2	218376_s_at	909	0	0	744,3333333	0	469	969	1056,3	1,178982844	0,50425896
TAF6	6878	NM_139315.1	203572_s_at	661	769	4008	934	4283	4718	3592	3230,7	1,179488673	0,11690899
AGER	177	NM_172197.1	217046_s_at	727	443	1076	1320,6666667	2774	2028	2234	2344,3	1,180928507	0,04707532
ATP7B	540	NM_001005918.1	204624_at	0	0	0	0	0	0	505	68,667	1,181926203	0,31987922
ALG11	440138	NM_001004127.1	X	0	0	0	399,3333333	0	0	505	937,67	1,181926203	0,31987922
ZNF593	51042	NM_015871.4	204175_at	0	0	951	1284,3333333	0	322	1482	2860	1,183362426	0,51366256
ARHGDI1	396	NM_004309.3	201168_x_at	0	2012	0	1024	0	1762	581	806,33	1,183520049	0,55728779
DDIT4	54541	NM_019058.2	202887_s_at	0	3780	4114	499,3333333	2859	3672	758	520,67	1,183675699	0,50962449
TEAD4	7004	NM_201441.1	41037_at	0	0	0	625	508	0	0	71,333	1,183843754	0,31977924
C12orf65	91574	NM_152269.2	X	661	743	2056	0	3067	2715	4407	555,33	1,185691647	0,0663542
SRPRB	58477	NM_021203.2	218140_x_at	0	2170	920	802	956	938	1148	672,33	1,186243896	0,42199794
CRISP2	7180	NM_003296.1	210262_at	0	0	0	0	0	513	0	277	1,187015361	0,31961486
CCDC126	90693	NM_138771.3	X	0	0	0	525	0	516	0	2927	1,18890394	0,31951755
ZNF295	49854	NM_020727.4	X	0	377	0	0	0	404	485	376,67	1,191055659	0,42947368

PIK3R2	5296	NM_005027.2	207105_s_at	0	0	0	1954	526	0	0	4741,3	1,195123026	0,31920008
CMIP	80790	NM_198390.1	X	1091	0	0	1722,333333	0	760	758	2620,3	1,195528898	0,51035518
TGFBRAP1	9392	NM_004257.3	205210_at	904	516	1504	0	2441	3372	3209	366	1,196170533	0,05287023
SF1	7536	NM_004630.2	208313_s_at	0	1131	1238	2441,333333	703	703	1507	4709	1,198446874	0,40216904
SMARCAL1	50485	NM_014140.2	X	625	1429	0	280	598	700	1139	400,33	1,198982076	0,3848453
NPHS1	4868	NM_004646.1	207673_at	0	0	0	0	536	0	0	73	1,201228203	0,31889282
KIRREL2	84063	NM_032123.5	X	0	0	0	350,6666667	536	0	0	888	1,201228203	0,31889282
MAP3K7	6885	NM_003188.2	206853_s_at	0	0	0	1810,666667	538	0	0	3540,3	1,202435933	0,31883254
C16orf59	80178	NM_025108.2	219556_at	0	0	0	284	0	0	539	73,667	1,203038162	0,31880255
ALS2CR8	79800	NM_024744.14	219834_at	693	1018	654	1162	3426	1470	3528	1038	1,203655313	0,05126386
AAK1	22848	NM_014911.3	205434_s_at	1909	0	2880	2016	1084	1593	1737	4181,3	1,204154484	0,45397618
SPIB	6689	NM_003121.2	205861_at	0	0	0	1589,666667	0	542	0	282,33	1,204838346	0,31871313
EAPP	55837	NM_018453.3	202623_at	0	0	625	0	1564	211	0	236	1,205187879	0,48578517
PIGA	5277	NM_002641.2	215969_at	0	0	0	2063	543	0	0	2505,7	1,205436254	0,31868352
ZNF598	90850	NM_178167.2	X	0	2171	2061	735	501	1704	2857	740	1,207430529	0,4602835
MBD4	8930	NM_003925.1	209580_s_at	0	1035	0	231,3333333	0	753	753	77,667	1,207661274	0,50337127
TFAM	7019	NM_003201.1	203176_s_at	0	1948	0	0	1517	0	715	447,33	1,21236483	0,5455883
DHRS7B	25979	NM_015510.3	220690_s_at	0	0	1553	1935,666667	1907	450	0	2340,3	1,212517531	0,53660896
RFESD	317671	NM_173362.2	X	0	0	0	333,6666667	555	0	0	952	1,21252872	0,31833526
NR1H3	10062	NM_005693.1	203920_at	0	488	488	0	488	479	566	351	1,212881968	0,30533701
CYP51A1	1595	NM_000786.2	202314_at	0	2245	1697	115,6666667	4205	1405	354	510,33	1,213403784	0,46830027
GINS4	84296	NM_032336.1	211767_at	0	0	954	1732	1037	512	0	1184,3	1,213778043	0,4980478
LPXN	9404	NM_004811.1	216250_s_at	992	2506	1789	641,6666667	7152	5299	4572	453,33	1,213806845	0,04725082
LAT2	7462	NM_014146.3	221581_s_at	0	0	0	413,3333333	0	560	0	1165	1,215439947	0,31819393
ESCO2	157570	NM_001017420.2	X	0	1365	0	1762,333333	0	876	876	729,33	1,215599959	0,52016723
MRPL2	51069	NM_015950.3	218887_at	0	1923	1503	312,3333333	1835	419	2093	785,67	1,215623137	0,4414063
TRIP6	7205	NM_003302.2	209129_at	0	0	0	0	561	0	0	466	1,216019153	0,31816593
LPL	4023	NM_000237.2	203548_s_at	0	0	0	0	0	566	0	80,667	1,218900185	0,31802716
LRRC46	90506	NM_033413.2	X	0	726	2367	3184,666667	2430	205	1892	4533,3	1,218989326	0,45247165
CAPN7	23473	NM_014296.2	203356_at	0	863	0	996,3333333	568	863	0	1232,3	1,220045662	0,48776493
LLPH	84298	NM_032338.2	X	625	1638	311	0	2385	2320	2385	81,667	1,221167516	0,07932384
BRD7	29117	NM_013263.2	221776_s_at	731	0	0	618,6666667	376	0	1104	453,33	1,222040822	0,4795382
SGOL2	151246	NM_152524.3	X	0	1235	1863	303,3333333	648	1367	1501	394,33	1,224993623	0,41531315

CRAT	1384	NM_004003.2	205843_x_at	0	0	1461	1814	0	875	969	2636	1,225902051	0,52195221
CWF19L1	55280	NM_018294.4	218787_x_at	1053	1798	0	1880,666667	1312	638	1312	3455,7	1,226199256	0,40648346
XPC	7508	NM_004628.3	209375_at	416	1081	1070	1602,333333	2520	2673	2974	2940,7	1,227443319	0,04767811
GPLD1	2822	NM_001503.2	217405_x_at	0	0	0	318	584	0	0	84,333	1,229070466	0,31754446
RBM15B	29890	NM_013286.3	202689_at	0	2936	3258	1270	2702	1258	1658	906	1,229125686	0,4669421
NAB1	4664	NM_005966.3	211139_s_at	0	0	1130	911	0	878	754	392,67	1,229489144	0,5037391
RASA2	5922	NM_006506.2	206636_at	0	0	0	0	0	585	0	538	1,229626485	0,31751839
VPS37C	55048	NM_017966.4	219053_s_at	0	1587	0	344,666667	380	2423	0	86,333	1,230253582	0,53767187
PAQR4	124222	NM_152341.3	212858_at	0	0	0	735,666667	0	588	0	2014,7	1,231288999	0,31744062
ELOVL1	64834	NM_022821.2	57163_at	0	0	444	1008,666667	215	0	1193	2239,7	1,232566759	0,44806652
HK2	3099	NM_000189.4	202934_at	0	1087	946	363,666667	1356	396	1125	506	1,233255279	0,38333918
UBQLN2	29978	NM_013444.2	215884_s_at	0	1688	1184	298,333333	1112	849	1257	88	1,23326433	0,40147114
MRPL11	65003	NM_170739.1	219162_s_at	0	1770	0	0	931	0	1133	89,667	1,234265084	0,53218019
ZDHHC5	25921	NM_015457.2	X	0	2740	2623	0	2474	1862	932	90	1,234455392	0,45666037
CUL7	9820	NM_014780.3	203558_at	0	2958	2623	420	2841	1001	1634	2197	1,235192306	0,45973136
HOXB3	3213	NM_002146.4	208414_s_at	0	0	0	0	0	0	597	92,333	1,23622736	0,31721133
HOXB4	3214	NM_024015.4	X	0	0	0	0	0	0	597	92,667	1,23622736	0,31721133
TMEM179B	374395	NM_199337.2	X	0	2118	1192	630	1068	1192	1192	1068,3	1,23668285	0,4106425
PEBP1	5037	NM_002567.2	205353_s_at	0	1549	0	0	0	928	1004	464,33	1,237530398	0,52268898
DDX3X	1654	NM_001356.3	201210_at	0	2097	1553	1682	998	1028	1915	2523	1,238268731	0,4224257
GKAP1	80318	NM_025211.2	X	0	290	0	581	419	0	419	1489	1,239242363	0,39375851
TMEM132A	54972	NM_017870.3	218834_s_at	0	385	290	232,666667	420	420	385	94,333	1,240776695	0,25653551
TMEM41A	90407	NM_080652.2	X	0	1682	1906	0	1682	689	1682	247	1,241581419	0,42335216
CHD3	1107	NM_001005273.1	208807_s_at	0	1137	0	0	790	878	0	95,333	1,242707939	0,50062171
ZNF333	84449	NM_032433.2	X	0	0	0	530,666667	610	0	0	572,67	1,243233816	0,31689033
UBE2E2	7325	NM_152653.2	X	0	0	1427	1031	0	928	943	1509	1,244025847	0,51559716
NOD1	10392	NM_006092.1	221073_s_at	0	0	0	395,666667	0	612	0	2739	1,24429878	0,31684198
GAPDH	2597	NM_002046.3	AFFX-HUMGAP	1015	120	4578	621,333333	1530	3822	4495	2881,7	1,244800056	0,26261653
GEMIN6	79833	NM_024775.9	219539_at	0	564	2031	1807,333333	2136	478	687	1080,7	1,245045361	0,4006361
POLR3B	55703	NM_018082.4	219459_at	0	1365	1651	631,333333	1115	739	1688	98,667	1,246480719	0,40483666
ZNF766	90321	NM_001010851.2	X	0	1144	0	317,333333	1622	0	432	650,33	1,246605376	0,50678834
ZNF519	162655	NM_145287.2	X	625	0	0	223,333333	0	400	960	1744	1,247065871	0,45927034
TPI1	7167	NM_000365.4	200822_x_at	1061	0	2909	312,666667	1044	2211	835	523	1,249504821	0,42524208

C2orf77	129881	NM_001085447.1	X	0	0	0	1173,666667	0	0	622	3432	1,249573151	0,31660417
PHOSPHO2	493911	NM_001008489.2	X	0	0	0	2071	0	0	622	1853,7	1,249573151	0,31660417
KLHL23	151230	NM_144711.4	213610_s_at	0	0	0	0	0	0	622	952	1,249573151	0,31660417
APITD1	378708	NM_199295.1	210182_at	0	529	625	0	529	894	434	102	1,249949868	0,31442259
PPP2R4	5524	NM_021131.3	208874_x_at	0	0	1654	746	0	1068	969	3855,7	1,250362006	0,52358421
ARHGAP1	392	NM_004308.2	216689_x_at	0	2227	1439	572,6666667	1083	963	1927	633,33	1,250993826	0,41800881
PTK2B	2185	NM_173176.1	203110_at	0	2163	1127	583,3333333	584	2307	1131	638,67	1,251576588	0,41666863
UPF3A	65110	NM_080687.1	206959_s_at	1891	0	2178	3026,333333	1343	1215	1590	3528,3	1,251859586	0,42385819
TNFRSF10D	8793	NM_003840.3	210654_at	0	0	0	1001	0	627	0	701,33	1,252179368	0,31648769
DGCR8	54487	NM_022720.5	91617_at	0	2638	0	674,6666667	1259	0	1327	507	1,253445533	0,55126425
CADPS	8618	NM_183393.1	X	0	0	0	299,3333333	0	632	0	5009,3	1,254765364	0,31637277
ARHGAP15	55843	NM_018460.2	218870_at	0	0	0	799,6666667	0	0	634	1572,3	1,255794172	0,31632723
SHOX2	6474	NM_006884.2	210135_s_at	1543	0	2291	1264,666667	495	2818	1603	855,67	1,256656732	0,43505227
ATP6VOA1	535	NM_005177.3	205095_s_at	0	0	0	2281,666667	636	0	0	1769	1,256819814	0,31628194
UNC45A	55898	NM_001039675.1	221708_s_at	1524	724	154	1959	3041	1747	1546	1736,7	1,259354703	0,12892733
FBXL3	26224	NM_012158.1	X	0	0	0	874	644	0	0	2532,3	1,260891111	0,31610315
SCPEP1	59342	NM_021626.2	218217_at	0	0	0	1056,666667	0	0	644	641,33	1,260891111	0,31610315
PAK2	5062	NM_002577.3	208876_s_at	0	2350	1501	0	527	1784	2410	111,67	1,261141657	0,43050117
INTS2	57508	NM_020748.1	X	0	1958	1699	794	2235	533	1797	1669,3	1,261733821	0,42577171
PSMD1	5707	NM_002807.2	201198_s_at	0	618	0	774,6666667	618	0	646	1464,7	1,261901213	0,45069294
CDKN2A	1029	NM_058195.2	207039_at	943	2034	318	0	4345	2219	2946	112,33	1,262320409	0,09401272
TRIP10	9322	NM_004240.2	202734_at	0	0	2700	2164,666667	1449	1218	0	4107,7	1,263845255	0,55005731
KLRAQ1	129285	NM_152994.2	X	0	1156	0	490,3333333	0	690	1092	709,33	1,264647724	0,49682919
PSMF1	9491	NM_006814.3	201052_s_at	0	742	1570	1542	793	676	1422	598,67	1,265753876	0,37297106
HMBS	3145	NM_000190.3	203040_s_at	0	0	586	2400	586	0	654	4159,3	1,265911286	0,44554556
C9orf103	414328	NM_001001551.1	X	0	0	0	686,3333333	0	0	654	677	1,265911286	0,31588488
TMED2	10959	NM_006815.3	200087_s_at	0	1828	936	361	1178	347	2703	1259	1,266269336	0,412602
SIK1	150094	NM_173354.3	208078_s_at	0	938	0	529,3333333	0	764	805	840	1,266550094	0,4807691
CMPK1	51727	NM_016308.1	217870_s_at	2057	0	1621	536,3333333	1219	1138	1583	847	1,26677251	0,4105679
KLHL25	64410	NM_022480.3	210307_s_at	0	0	0	375	0	656	0	412,67	1,266906312	0,3158419
ALDH9A1	223	NM_000696.3	201612_at	0	1392	1392	266,6666667	1392	658	1392	116	1,267898376	0,39110339
ENOSF1	55556	NM_017512.2	204142_at	0	0	1488	1898,333333	0	626	1568	2032	1,268945975	0,51489638
LCOR	84458	NM_032440.2	X	0	0	0	403,6666667	0	662	0	1451,7	1,269873691	0,31571429

NAGA	4668	NM_000262.1	202943_s_at	0	2412	1274	843,3333333	1087	958	1962	1406	1,270172828	0,41124602
TNFSF13B	10673	NM_006573.3	X	0	0	0	0	0	663	0	116,67	1,270365696	0,31569321
MFSD1	64747	NM_022736.1	218109_s_at	0	1832	0	562,6666667	1130	1080	0	1456	1,270767126	0,5248029
COL4A3BP	10087	NM_005713.1	219625_s_at	0	0	2519	309	1235	0	1364	461	1,271469382	0,54402731
C10orf76	79591	NM_024541.2	55662_at	0	0	0	524,3333333	668	0	0	476,33	1,272814886	0,31558862
SFRS15	57466	NM_020706.1	222311_s_at	1305	965	1350	266,6666667	4557	4074	4286	118,33	1,272838428	0,02453712
CNNM4	26504	NM_020184.3	218900_at	0	0	1534	0	0	1134	906	118,33	1,272897424	0,51305458
EPHA2	1969	NM_004431.2	203499_at	0	0	0	2015,3333333	0	671	0	1880	1,274275809	0,31552649
DYM	54808	NM_017653.3	220774_at	0	0	0	769,6666667	671	0	0	3110,7	1,274275809	0,31552649
ATAD1	84896	NM_032810.2	X	72	2447	1021	0	4069	1457	1676	119,67	1,27484166	0,24482901
MPHOSPH9	10198	NM_022782.2	206205_at	0	0	262	281,6666667	372	0	478	120	1,275622053	0,37615053
DGKZ	8525	NM_201533.2	207556_s_at	0	290	511	0	550	358	511	120	1,276680724	0,26441545
C2orf49	79074	NM_024093.1	219662_at	1154	516	1504	0	2961	3892	3729	120,67	1,277432281	0,04367245
AAMP	14	NM_001087.3	201511_at	0	138	1063	330,3333333	0	2772	2718	832	1,27752518	0,51883525
GABARAPL1	23710	NM_031412.2	211458_s_at	0	0	0	771	0	0	678	915	1,277659933	0,31538334
PSMC3	5702	NM_002804.4	201267_s_at	0	1660	1202	838,6666667	1100	1168	1057	1028,3	1,27797905	0,38447199
TCP11L1	55346	NM_018393.2	205796_at	0	0	0	409,6666667	0	0	679	927	1,278140586	0,31536309
MPV17L	255027	NM_173803.2	X	0	0	0	448,6666667	0	680	0	965	1,278620548	0,3153429
PARP8	79668	NM_024615.2	219033_at	321	2792	1695	239,3333333	4420	3907	4307	554,67	1,280627351	0,112337
WIF1	11197	NM_007191.3	204712_at	0	0	0	828,6666667	0	688	0	2866	1,282435564	0,31518311
DCLRE1A	9937	NM_014881.2	209804_at	858	936	592	243,6666667	2917	2130	3744	493,33	1,282754909	0,03023603
WBP4	11193	NM_007187.3	203597_s_at	1242	738	721	0	4691	1996	3439	1088,7	1,282830221	0,03992121
SNAPC3	6619	NM_001039697.1	210465_s_at	0	2114	1393	0	879	1461	1586	427	1,283265697	0,40234145
ABCC11	85320	NM_032583.3	X	0	0	0	100,3333333	0	690	0	127,33	1,283382534	0,31514365
NEU1	4758	NM_000434.2	208926_at	0	347	0	1077	1359	0	172	684	1,285631892	0,42266706
GRIN2D	2906	NM_000836.2	207036_x_at	0	882	1164	414,3333333	1354	683	771	127,67	1,285827919	0,35589694
ACBD3	64746	NM_022735.3	202323_s_at	0	0	1655	2375,3333333	1075	0	1075	4211,3	1,286412281	0,51435788
TRMU	55687	NM_018006.4	213634_s_at	0	0	0	904,6666667	697	0	0	968,33	1,286675903	0,31500705
CORO2B	10391	NM_006091.3	209789_at	0	0	0	266,6666667	0	698	0	129	1,28714374	0,31498773
LRRFIP2	9209	NM_017724.1	218364_at	0	445	2012	1912,3333333	1190	1187	445	2129	1,287871538	0,37197981
MRPS11	64963	NM_022839.2	211595_s_at	0	3177	2187	111,3333333	2176	642	3476	391,33	1,288055463	0,44842283
TMEM192	201931	NM_001100389.1	X	0	0	0	0	700	0	0	424,67	1,288077447	0,31494922
ZNF688	146542	NM_145271.3	213527_s_at	0	1422	1510	447,6666667	2126	1511	466	1312,7	1,289062665	0,39992768

SMARCE1	6605	NM_003079.4	211988_at	1036	864	0	1129	2385	272	947	2253,7	1,289129404	0,37961659
DOT1L	84444	NM_032482.1	214865_at	0	0	0	671,6666667	705	0	0	131	1,290400337	0,31485374
FBXO36	130888	NM_174899.4	X	0	1677	0	0	0	895	1325	132	1,290717584	0,51464767
IFNAR2	3455	NM_207585.1	204785_x_at	0	0	1028	0	0	521	1389	132	1,291102697	0,4849368
RPL26	6154	NM_000987.3	X	661	1358	142	0	2133	1727	1859	132,33	1,29123993	0,10975195
C9orf80	58493	NM_021218.1	X	871	0	2129	0	1076	1317	930	132,33	1,291758697	0,38232844
GAMT	2593	NM_000156.4	205354_at	660	0	0	1128	858	544	0	2726	1,291774046	0,4491274
DAZAP1	26528	NM_170711.1	218443_s_at	660	0	0	246,6666667	858	544	0	726,67	1,291774046	0,4491274
FAM43B	163933	NM_207334.1	X	0	0	0	598,6666667	0	711	0	1248,3	1,293166605	0,31474067
C15orf40	123207	NM_144597.1	X	0	2800	2346	43,33333333	2843	661	2490	134,67	1,294168723	0,44155143
FAM156B	727866	NM_001099684.1	X	0	339	1047	43,33333333	606	1008	416	134,67	1,294225874	0,31678138
TRIM46	80128	NM_025058.3	220909_at	0	1920	2797	1081	1454	999	2661	599,67	1,296169907	0,42521339
TKT	7086	NM_001064.1	208699_x_at	0	0	0	1183	0	718	0	1047,7	1,296365167	0,31461075
RAB8A	4218	NM_005370.4	208819_at	1487	0	1587	468,6666667	1703	1037	961	363	1,296405307	0,38726774
COG5	10466	NM_006348.2	222299_x_at	0	1308	2495	279	1908	920	1344	1316,3	1,297649097	0,40401336
WDR85	92715	NM_138778.2	X	0	0	0	825	0	0	721	542	1,297726639	0,31455573
MARCH5	54708	NM_017824.4	218582_at	0	2594	2707	0	2253	1430	1581	139,67	1,297959791	0,42997418
CST6	1474	NM_001323.2	206595_at	0	1742	646	924,3333333	819	618	1608	521,33	1,298522754	0,36601304
MTRR	4552	NM_024010.1	203199_s_at	0	388	348	208,3333333	2478	0	2874	591,67	1,298856129	0,49470721
ID1	3397	NM_002165.2	208937_s_at	0	0	0	165	725	0	0	1964	1,299533328	0,31448295
TMED9	54732	NM_017510.4	205812_s_at	0	1415	2928	0	1961	756	2031	936,33	1,299831842	0,41778407
LSM10	84967	NM_032881.1	X	0	0	0	99	0	0	726	1093,3	1,299983475	0,31446487
HECA	51696	NM_016217.2	218603_at	909	0	0	0	509	0	1293	142,67	1,300327981	0,47358177
SYDE2	84144	NM_032184.1	X	0	0	0	0	0	0	727	143,33	1,300433014	0,31444682
DDX26B	203522	NM_182540.3	X	0	1035	2063	496	1007	1376	1124	400	1,30048137	0,38294295
MFAP1	4236	NM_005926.2	203406_at	989	1006	739	1306	3904	2703	3585	989,67	1,301418344	0,02433194
PHF15	23338	NM_015288.4	208202_s_at	1732	0	753	406,6666667	728	1186	1104	472	1,301433777	0,36410733
EID2	163126	NM_153232.3	X	0	0	744	1228	538	0	1009	1373	1,302259276	0,45641522
MRE11A	4361	NM_005590.3	205395_s_at	0	1531	1497	807	2524	590	1122	844,33	1,302745849	0,39533575
NADSYN1	55191	NM_018161.4	218840_s_at	0	2434	3026	1257	3137	1456	1186	642	1,302991016	0,43483268
TIMM17B	10245	NM_005834.1	203342_at	0	1939	1136	1527,6666667	3114	190	2607	2076,3	1,303033648	0,43842972
CACNA2D4	93589	NM_172364.4	X	0	0	0	1051	0	735	0	1536,3	1,304007668	0,31430394
PCCB	5096	NM_000532.3	212694_s_at	0	0	0	217	0	0	738	148	1,305338342	0,31425102

CXorf58	254158	NM_152761.1	X	0	0	0	454,3333333	0	0	738	1036	1,305338342	0,31425102
GLE1	2733	NM_001003722.1	206920_s_at	1110	0	1186	0	1928	1110	451	149,67	1,30573802	0,37149744
USP28	57646	NM_020886.2	X	0	2713	336	0	1369	390	1273	151	1,305768555	0,38622816
FOXD4L1	200350	NM_012184.4	217032_at	0	0	0	768	0	742	0	1665,3	1,307104351	0,31418104
MKL1	57591	NM_020831.3	212748_at	0	1571	0	1251,3333333	2553	454	0	989,67	1,308154943	0,51567957
FICD	11153	NM_007076.2	219910_at	0	0	0	0	745	0	0	674,33	1,308422744	0,31412896
ABCA8	10351	NM_007168.2	204719_at	625	0	0	705,3333333	89	662	89	1274	1,309628164	0,33979466
HNRNPM	4670	NM_031203.2	200072_s_at	0	948	0	472,6666667	0	1576	450	1569	1,312017274	0,47651929
FAM134A	79137	NM_024293.3	221983_at	0	3473	1909	1208,6666667	1232	1876	2172	1129,3	1,312115806	0,42569333
ZNF37A	7587	NM_003421.1	214878_at	0	1886	0	590,3333333	1550	922	0	619	1,313379614	0,51680362
LMAN2L	81562	NM_030805.2	221274_s_at	0	0	1158	206	0	596	1473	421,33	1,314971708	0,48653214
DNAJC21	134218	NM_194283.3	X	0	874	0	482,3333333	548	0	1209	1172,7	1,315003885	0,46604415
SNUPN	10073	NM_001042581.1	207438_s_at	0	1396	0	0	0	788	1348	156,33	1,315231331	0,49702665
SEC24D	9871	NM_014822.1	202375_at	0	0	3159	449,3333333	0	1240	1948	156,67	1,315440648	0,54674118
PELO	53918	NM_015946.4	218472_s_at	0	0	0	0	0	762	0	158	1,315796716	0,31384035
ITGA1	3672	NM_181501.1	214660_at	0	0	0	96	0	762	0	423	1,315796716	0,31384035
MFSD2	84879	NM_032793.2	X	0	0	0	0	0	763	0	158,67	1,316225441	0,31382371
DDX51	317781	NM_175066.3	214968_at	0	0	0	0	0	763	0	159,33	1,316225441	0,31382371
NOC4L	79050	NM_024078.1	218860_at	0	0	0	1309,3333333	0	763	0	1990	1,316225441	0,31382371
ATL2	64225	NM_022374.1	217580_x_at	661	844	0	475,6666667	1089	646	606	1006,3	1,317255983	0,31569419
IQCK	124152	NM_153208.1	213392_at	0	538	1261	425	642	642	1261	161	1,317319945	0,3323232
TRIP12	9320	NM_004238.1	201546_at	0	1547	0	1070,3333333	0	895	1325	1000	1,317365654	0,50276918
ZFP106	64397	NM_022473.1	217781_s_at	0	0	0	220	0	0	767	783	1,317934846	0,31375751
OTUD6B	51633	NM_016023.3	X	0	2317	1265	444,6666667	1120	1052	1914	1337,3	1,318201363	0,39173774
MRPL42	28977	NM_014050.2	217919_s_at	0	0	0	578,3333333	0	0	768	526	1,318360832	0,31374105
BAIAP2L1	55971	NM_018842.3	200099_s_at	0	0	0	1075,6666667	0	768	0	599	1,318360832	0,31374105
PPP1R13B	23368	NM_015316.2	216347_s_at	0	0	0	1075,6666667	0	0	770	599	1,319211172	0,31370824
MRSB3	253827	NM_198080.2	X	0	0	0	468,6666667	0	772	0	161,67	1,320059349	0,31367557
RRP1	8568	NM_003683.5	218758_s_at	0	0	0	1771	0	773	0	1519,3	1,32048263	0,31365929
CENPA	1058	NM_001809.3	210821_x_at	0	661	0	1883,6666667	425	0	1197	3606,7	1,320852872	0,44612255
CSRNP2	81566	NM_030809.1	221260_s_at	0	0	0	59	0	775	0	162,33	1,321327581	0,31362683
TMEM183A	92703	NM_138391.4	212164_at	0	2160	2052	613,6666667	2426	530	2656	810,67	1,321489791	0,42145652
ACTL6A	86	NM_177989.2	202666_s_at	0	0	0	819,6666667	0	0	776	1718,3	1,321749256	0,31361065

REV3L	5980	NM_002912.3	208070_s_at	316	690	701	987	1537	2058	2729	1498,3	1,322409152	0,03588525
CSNK1G2	1455	NM_001319.6	202573_at	0	0	1742	831,6666667	0	1161	1175	1723,7	1,324056475	0,50824761
SASS6	163786	NM_194292.1	X	866	0	2124	663,6666667	743	671	2874	984,67	1,324341726	0,38797466
PREB	10113	NM_013388.4	217861_s_at	0	968	1591	834	1618	1124	662	1034,3	1,324530038	0,36409432
AZI2	64343	NM_022461.2	218043_s_at	0	0	0	837,6666667	783	0	0	1083,7	1,324686132	0,31349838
MAP3K5	4217	NM_005923.3	203837_at	0	0	0	0	0	0	787	166	1,326352802	0,31343497
ZNF468	90333	NM_001008801.1	214751_at	0	1379	961	261,6666667	1379	637	1186	166,67	1,326480532	0,35497881
FGFR1OP2	26127	NM_015633.1	X	253	1551	1298	501,6666667	3175	3139	2918	780,33	1,326882434	0,08205528
RFWD3	55159	NM_018124.3	218564_at	0	2498	0	586,3333333	1248	0	1584	1005	1,327032032	0,52991647
ICAM5	7087	NM_003259.2	206906_at	0	0	1240	0	0	1351	724	168,33	1,327332969	0,4864548
BEST4	266675	NM_153274.2	X	0	0	0	0	0	790	0	168,33	1,327597359	0,31338777
CBX6	23466	NM_014292.3	202047_s_at	0	1129	0	516,3333333	0	1218	732	644	1,327644772	0,47944945
CHCHD10	400916	NM_213720.1	X	0	0	1399	382,3333333	0	956	1159	325,33	1,32809014	0,4930618
GTPBP4	23560	NM_012341.2	218239_s_at	0	1605	1142	0	2599	979	568	169,33	1,328914644	0,37991066
TBCB	1155	NM_001281.2	201804_x_at	0	1597	2318	414,3333333	1796	756	2162	1799	1,328944832	0,4012918
GTF2IRD2	84163	NM_173537.2	215569_at	0	0	913	1288,3333333	913	794	0	687,67	1,329249572	0,4630297
MFI2	4241	NM_005929.4	220043_s_at	0	0	0	0	0	796	0	171	1,330072618	0,31329426
E2F1	1869	NM_005225.1	2028_s_at	0	0	0	1065	0	798	0	3003,7	1,330893636	0,31326335
IRS2	8660	NM_003749.2	209185_s_at	0	0	0	864,6666667	0	799	0	632	1,331303388	0,31324794
ELOVL2	54898	NM_017770.3	220029_at	0	0	0	0	799	0	0	607,67	1,331303388	0,31324794
ELAVL3	1995	NM_001420.3	206338_at	0	0	0	0	0	805	0	172	1,33375138	0,31315617
FMR1	2332	NM_002024.3	203689_s_at	0	0	1826	0	1253	0	1177	504	1,334156533	0,5087797
RLN1	6013	NM_006911.2	211753_s_at	0	0	0	1342,6666667	807	0	0	298,67	1,334563398	0,31312584
C9orf24	84688	NM_147168.1	X	0	0	0	0	0	807	0	846,67	1,334563398	0,31312584
EPHA1	2041	NM_005232.3	205977_s_at	0	0	0	1052,6666667	0	808	0	850,67	1,334968667	0,31311072
TTF2	8458	NM_003594.3	204407_at	1240	0	1839	86,33333333	880	1090	1922	1211,7	1,335092732	0,37564756
PIP4K2A	5305	NM_005028.4	205570_at	866	1476	0	1129,3333333	1068	2120	453	762,33	1,335290109	0,36411029
DCUN1D5	84259	NM_032299.2	X	0	2556	0	756,6666667	0	1262	1644	1497	1,335379579	0,52929078
OPALIN	93377	NM_001040102.1	X	0	0	0	431,3333333	0	810	0	1166,7	1,335777728	0,31308057
CDK2AP1	8099	NM_004642.2	201938_at	0	0	0	0	0	0	810	537,67	1,335777728	0,31308057
PDCL	5082	NM_005388.3	204448_s_at	0	1123	868	0	1205	544	1205	178,67	1,336986244	0,33858576
PNKD	25953	NM_015488.4	X	0	138	885	0	0	2772	2718	178,67	1,337681176	0,49486452
OR4A15	81328	NM_001005275.1	X	0	0	0	0	0	815	0	179,67	1,337791833	0,31300574

ZNF165	7718	NM_003447.2	206683_at	0	0	0	1224,333333	815	0	0	1048,3	1,337791833	0,31300574
HPS3	84343	NM_032383.3	X	954	1128	0	380	2589	406	825	561,33	1,338370751	0,36196812
SGIP1	84251	NM_032291.2	X	0	0	0	208,3333333	0	817	0	180	1,33859408	0,31297602
PYCRL	65263	NM_023078.1	218944_at	2093	0	2597	1449	1490	995	3005	1473,7	1,339283099	0,41239057
SMG7	9887	NM_173156.1	201794_s_at	0	4192	2192	281	898	2077	4040	624,33	1,33945766	0,43913237
ASMTL	8623	NM_004192.2	36553_at	0	0	0	1284,666667	0	820	0	633,33	1,339793841	0,31293166
INSIG1	3638	NM_198336.1	201625_s_at	0	3104	2082	0	817	2094	3098	180,67	1,339854281	0,42280666
TXLNB	167838	NM_153235.2	X	1326	0	0	755	1190	0	915	545,33	1,340066116	0,48664497
TBKBP1	9755	NM_014726.1	205424_at	0	0	0	1167	0	825	0	637,67	1,341783897	0,31285834
PDXP	57026	NM_020315.4	X	881	193	0	0	487	1432	201	710,67	1,34253252	0,30539046
HK1	3098	NM_000188.1	200697_at	0	0	0	1194	0	827	0	1154	1,342576604	0,31282922
HSPBP1	23640	NM_012267.3	202415_s_at	0	0	0	0	0	827	0	185	1,342576604	0,31282922
BRSK1	84446	NM_032430.1	X	0	0	0	908,666667	0	827	0	1629,3	1,342576604	0,31282922
EHD4	30844	NM_139265.2	209536_s_at	0	0	0	0	0	831	0	186,67	1,344156386	0,31277132
RHBDD2	57414	NM_001040457.1	X	0	837	1443	1789,333333	899	713	1565	1782	1,344284702	0,34613909
HOMEZ	57594	NM_020834.1	X	305	961	1338	574,666667	2880	2759	2956	187,33	1,344525552	0,05325018
MX1	4599	NM_002462.2	202086_at	0	0	0	1149	0	0	834	764,67	1,345336328	0,31272821
KCNC3	3748	NM_004977.2	207600_at	0	0	0	108,666667	0	835	0	1262,3	1,345728716	0,31271389
MEFV	4210	NM_000243.1	208262_x_at	0	0	0	582	0	836	0	2830,3	1,346120642	0,3126996
ERICH1	157697	NM_207332.1	217611_at	0	0	0	0	0	0	836	188,67	1,346120642	0,3126996
RABAC1	10567	NM_006423.1	203136_at	0	0	252	3013,333333	562	379	0	2323	1,346298105	0,35674828
KRBA1	84626	NM_032534.2	X	0	0	0	508	0	0	837	189,33	1,346512109	0,31268534
BTN3A3	10384	NM_006994.3	38241_at	0	0	0	50,33333333	0	0	841	189,67	1,348073392	0,31262859
CASC1	55259	NM_018272.3	220168_at	1463	0	0	0	0	1320	933	1217,3	1,348181923	0,49141752
C5orf41	153222	NM_153607.1	X	625	0	1877	617,3333333	793	864	1446	190,33	1,348438414	0,34876063
ZNF45	7596	NM_003425.2	207304_at	0	659	0	1560,666667	745	0	745	2025	1,348452185	0,43396612
KPTN	11133	NM_007059.2	220160_s_at	0	0	0	561,3333333	842	0	0	1936	1,348462572	0,31261447
C16orf70	80262	NM_025187.3	X	0	0	0	327,666667	0	843	0	883,33	1,348851299	0,31260038
DNMT3B	1789	NM_006892.3	220668_s_at	0	0	0	582,3333333	0	843	0	192	1,348851299	0,31260038
ESD	2098	NM_001984.1	215095_at	0	0	1359	0	731	0	1566	805,67	1,349002255	0,48800765
ZNF529	57711	NM_020951.2	X	0	1972	0	1424,333333	695	0	2388	1328,7	1,349102254	0,51483495
ZNF44	51710	NM_016264.3	215359_x_at	0	0	0	995,666667	0	844	0	678	1,349239574	0,31258632
DUSP14	11072	NM_007026.2	203367_at	0	698	1818	663	916	1033	1136	671,67	1,349347894	0,34684882

GLT25D1	79709	NM_024656.2	218473_s_at	0	0	0	0	846	0	0	194,67	1,350014768	0,31255828
MED15	51586	NM_015889.3	222175_s_at	1277	0	0	0	0	413	2592	195	1,351027241	0,49350864
USP8	9101	NM_005154.2	202745_at	0	1756	1314	1278,333333	796	1466	1680	818,67	1,351548997	0,37008225
FBXO11	80204	NM_025133.3	219208_at	0	2076	1708	914	774	1975	1975	1738,7	1,35242534	0,39068676
FAM55A	120400	NM_152315.1	X	0	0	0	410,3333333	0	853	0	195,67	1,352713838	0,312461
MMP11	4320	NM_005940.3	203878_s_at	0	0	1296	0	0	956	1159	865	1,353300928	0,48175483
IPO4	79711	NM_024658.3	218305_at	0	1495	2656	817	2530	328	4003	771,67	1,353344193	0,42881498
ANKRD13D	338692	NM_207354.1	X	0	0	0	1022,666667	0	857	0	1132	1,354246408	0,312406
WDR75	84128	NM_032168.1	X	1300	188	1240	598,6666667	2676	2676	2676	1566	1,354438559	0,09017988
RPP40	10799	NM_006638.2	213427_at	0	0	0	1441,333333	859	0	0	2006,7	1,355010058	0,31237866
LONP2	83752	NM_031490.2	221834_at	0	0	0	0	0	860	0	934,33	1,355391228	0,31236503
PDS5A	23244	NM_001100399.1	212140_at	0	1050	1256	0	1060	900	1191	692,33	1,355908278	0,33982296
PCDHGB4	8641	NM_003736.2	X	0	0	0	751,3333333	0	863	0	301	1,356532131	0,31232429
PCDHGA8	9708	NM_032088.1	205717_x_at	0	0	0	481,6666667	0	863	0	1649	1,356532131	0,31232429
OMD	4958	NM_005014.1	205908_s_at	0	0	0	702,6666667	0	865	0	1220,7	1,357290569	0,31229727
KRTCAP2	200185	NM_173852.3	X	0	2076	2797	469	1610	1117	2804	390,67	1,35801423	0,40687762
GSTA4	2941	NM_001512.2	202967_at	0	0	0	1175,333333	868	0	0	619,33	1,358425	0,31225692
HSD11B1L	374875	NM_198705.1	X	625	0	859	0	1363	835	407	749	1,358677121	0,30991854
NEIL1	79661	NM_024608.1	219396_s_at	0	158	0	0	158	869	0	749	1,358802287	0,33457842
ARHGEF7	8874	NM_003899.2	202547_s_at	661	0	895	876	1192	544	791	472	1,358812853	0,30688878
WDR91	29062	NM_014149.2	218971_s_at	0	871	871	992,333333	871	871	871	1355	1,359555583	0,31221681
FAM102B	284611	NM_001010883.1	X	0	0	0	795,6666667	0	871	0	205,67	1,359555583	0,31221681
METTL8	79828	NM_024770.2	220007_at	0	0	0	393,6666667	0	871	0	257,67	1,359555583	0,31221681
ELAC1	55520	NM_018696.2	219325_s_at	0	859	0	0	799	0	937	207,33	1,359798275	0,45117377
MRPL46	26589	NM_022163.2	219244_s_at	0	3177	2187	0	2176	801	3476	207,33	1,360298908	0,4207408
MKRN2	23609	NM_014160.3	218071_s_at	0	1740	1357	0	669	1810	1700	207,33	1,360720799	0,37195363
ATAD3B	83858	NM_031921.4	X	807	2261	0	935,6666667	728	2561	855	208,33	1,361072317	0,37225719
IQUB	154865	NM_178827.3	X	0	0	0	1440,666667	0	0	876	1050	1,361431409	0,31215046
NAPA	8775	NM_003827.2	208751_at	0	1251	0	0	877	0	1250	209	1,36154191	0,47769897
CGRRF1	10668	NM_006568.2	204605_at	0	0	0	0	877	0	0	210,67	1,36180531	0,31213727
DCLK1	9201	NM_004734.2	215303_at	0	0	0	0	0	878	0	575,33	1,362178793	0,3121241
TSPAN31	6302	NM_005981.3	203226_s_at	0	1420	0	815,6666667	908	1375	0	536	1,362572644	0,48614866
SNCB	6620	NM_001001502.1	207853_s_at	0	0	0	0	0	880	0	457	1,362924506	0,31209783

ATP6VOE2	155066	NM_145230.2	213587_s_at	0	0	0	313,3333333	0	880	0	1245	1,362924506	0,31209783
C17orf53	78995	NM_024032.2	219879_s_at	0	0	0	70,66666667	0	881	0	2927,7	1,363296737	0,31208474
PDXDC1	23042	NM_015027.1	212053_at	0	2153	3321	1029,3333333	2739	858	2688	1555,3	1,364241485	0,41825947
DMRTC1B	728656	NM_001080851.1	X	0	0	0	768,6666667	884	0	0	1050,3	1,364410944	0,3120456
C18orf10	25941	NM_015476.2	213617_s_at	1645	0	868	1293,6666667	1145	1120	986	1105,3	1,36445657	0,34310201
RGS16	6004	NM_002928.3	209325_s_at	0	1994	2939	0	2053	1097	2309	214,67	1,364979933	0,40409379
RIPK1	8737	NM_003804.3	209941_at	0	0	0	3004,6666667	886	0	0	1250,7	1,365151686	0,31201963
PGM2	55276	NM_018290.2	X	0	0	0	0	0	0	888	1635,7	1,365890784	0,31199376
CNOT3	4849	NM_014516.2	211141_s_at	0	942	1087	279	1127	639	1261	779	1,366131208	0,32846462
NSDHL	50814	NM_015922.1	215093_at	0	0	2101	0	1654	1131	0	1559	1,366226609	0,51026242
HAX1	10456	NM_001018837.1	201145_at	0	2094	1034	473	1400	1202	1148	216	1,366725022	0,36129037
ZFYVE16	9765	NM_014733.3	203651_at	0	0	0	0	891	0	0	1335,7	1,366996368	0,31195513
C19orf55	148137	NM_001039887.1	X	0	899	1541	347	2271	1406	382	217,67	1,367285592	0,36382814
ING3	54556	NM_019071.2	205070_at	664	0	1772	811,3333333	2001	440	1185	1518,7	1,36742668	0,35483336
CSF2RB	1439	NM_000395.1	205159_at	0	0	0	1374	0	895	0	792	1,368464799	0,31190395
TUBB6	84617	NM_032525.1	209191_at	0	0	0	1374	0	899	0	792	1,36992679	0,31185316
C19orf35	374872	NM_198532.1	X	0	0	0	0	0	901	0	218,67	1,370655388	0,3118279
C9orf7	11094	NM_017586.1	61874_at	0	0	0	218,3333333	0	901	0	220,67	1,370655388	0,3118279
KLF10	7071	NM_005655.1	202393_s_at	0	4085	3320	667	3403	2305	1566	221,33	1,370975251	0,4329572
LRIG2	9860	NM_014813.1	205953_at	0	0	0	414,6666667	0	0	904	221,67	1,371745307	0,31179019
FAM178A	55719	NM_018121.3	203482_at	1020	0	870	0	418	1577	1210	222,67	1,372795222	0,33116143
C1orf190	541468	NM_001013615.1	X	0	0	0	0	0	0	907	575,33	1,372831674	0,31175268
KLRC3	3823	NM_002261.2	207723_s_at	0	0	0	0	0	0	907	223,67	1,372831674	0,31175268
PODXL2	50512	NM_015720.2	219152_at	0	0	0	0	0	907	0	223,67	1,372831674	0,31175268
PNPLA4	8228	NM_004650.1	209740_s_at	0	0	0	318,6666667	0	909	0	1181,3	1,373553957	0,31172779
GCH1	2643	NM_001024071.1	204224_s_at	995	0	0	672,6666667	640	1410	0	224,67	1,373602172	0,4609407
OR56B1	387748	NM_001005180.1	X	0	0	0	532,6666667	0	910	0	225	1,373914512	0,31171538
MIER2	54531	NM_017550.1	44822_s_at	0	0	0	0	0	0	911	622,67	1,374274678	0,31170299
NEDD4	4734	NM_006154.2	213012_at	0	0	0	0	912	0	0	226,33	1,374634455	0,31169062
ZNF594	84622	NM_032530.1	X	0	1529	0	221,3333333	1463	0	955	610	1,375186414	0,48804284
DPY19L3	147991	NM_207325.1	X	0	0	0	0	0	0	915	226,67	1,375711462	0,31165366
ZDHHC14	79683	NM_153746.1	219247_s_at	0	0	0	317,3333333	0	0	915	969,33	1,375711462	0,31165366
GRIK5	2901	NM_002088.3	214966_at	0	0	773	180,6666667	0	800	885	972,33	1,376011529	0,43945518

POLR2F	5435	NM_021974.2	209511_at	0	1406	2045	392,6666667	1472	1276	1406	228	1,376392291	0,36762974
IL22RA1	58985	NM_021258.2	220056_at	0	0	0	0	917	0	0	1838,7	1,376427538	0,31162913
ZNF521	25925	NM_015461.1	X	0	0	0	0	917	0	0	229,33	1,376427538	0,31162913
JDP2	122953	NM_130469.2	X	718	0	0	1780	1016	0	648	229,33	1,37662119	0,43469258
DEF8	54849	NM_017702.2	219646_at	0	0	0	3059	0	920	0	1593,7	1,377498776	0,31159249
NDUFB2	4708	NM_004546.2	218201_at	0	1266	1266	0	1118	1852	711	230	1,377806538	0,34732896
C1orf135	79000	NM_024037.1	220011_at	0	0	0	490,3333333	0	921	0	231	1,377855092	0,31158033
ADAD2	161931	NM_139174.2	X	0	0	0	1300,333333	922	0	0	1555,3	1,378211027	0,31156818
TBPL1	9519	NM_004865.2	208398_s_at	0	0	0	773,6666667	0	923	0	231,67	1,378566583	0,31155606
ZNF839	55778	NM_018335.3	221709_s_at	625	0	0	795	1232	0	467	867,33	1,378973894	0,42723707
TNKS	8658	NM_003747.2	202561_at	0	0	0	432,3333333	0	925	0	232	1,379276558	0,31153187
FAM83D	81610	NM_030919.2	X	0	1882	1009	813,3333333	1432	1051	1171	1353	1,379902311	0,35099439
MANF	7873	NM_006010.2	202655_at	0	3537	3859	0	3290	1811	2135	232,33	1,380312928	0,42898014
ANKRD49	54851	NM_017704.2	219069_at	0	1675	1626	105	2524	877	1142	232,33	1,380994114	0,37075149
C16orf38	390667	NM_001013658.1	X	0	0	0	0	0	0	930	232,67	1,381044909	0,31147179
HTT	3064	NM_002111.6	202389_s_at	0	0	0	1026,333333	930	0	0	1297,3	1,381044909	0,31147179
BCL2L2	599	NM_004050.3	209311_at	1532	0	0	0	1278	0	1116	233,33	1,381151601	0,48617232
CCDC109B	55013	NM_017918.3	218802_at	0	0	0	2940,666667	0	931	0	618	1,381397456	0,31145984
GPR82	27197	NM_080817.3	X	0	0	0	0	0	931	0	237	1,381397456	0,31145984
FUT11	170384	NM_173540.2	X	0	0	291	859,3333333	730	374	0	452,67	1,381776086	0,36294119
PSMG2	56984	NM_020232.3	218467_at	0	109	1189	987	0	2964	3150	663,33	1,381855032	0,49530432
POLR2C	5432	NM_032940.2	216282_x_at	0	0	0	1357,333333	0	933	0	1351,3	1,382101434	0,311436
AICDA	57379	NM_020661.1	219841_at	0	0	0	0	0	934	0	802	1,382452866	0,31142411
UBFD1	56061	NM_019116.2	205687_at	0	1052	1035	1845,333333	1678	380	1576	2009,3	1,382686427	0,34279856
RNF32	140545	NM_030936.2	220991_s_at	0	1604	0	1283,666667	1234	0	1216	1573,7	1,382688827	0,48875027
IGLL1	3543	NM_020070.2	206660_at	0	0	0	0	0	0	936	1221	1,38315462	0,3114004
C16orf68	79091	NM_024109.2	218945_at	1088	2000	0	0	2032	458	2176	240,33	1,384375206	0,37491444
NDUFA8	4702	NM_014222.2	218160_at	700	2002	0	266,3333333	1624	678	1198	1024,7	1,384674735	0,34649124
ZNF782	158431	NM_001001662.1	X	0	0	0	0	0	0	941	1320,3	1,384902571	0,31134148
CLN5	1203	NM_006493.1	214252_s_at	0	823	927	298,6666667	736	944	1033	1574	1,384954005	0,30553381
TDG	6996	NM_003211.3	203743_s_at	0	5222	3618	1280,666667	3470	1243	4140	1124,3	1,38540038	0,44559933
TUBB2B	347733	NM_178012.3	202154_x_at	0	0	0	1229,666667	943	0	0	1173,3	1,385599192	0,31131805
SLC35B3	51000	NM_015948.2	X	0	2401	1228	0	2281	780	1562	241,67	1,385781202	0,3751767

LIG1	3978	NM_000234.1	202726_at	699	0	0	0	1796	363	0	242	1,385865163	0,44127948
SLC2A8	29988	NM_014580.3	218985_at	0	0	0	0	0	945	0	242,33	1,386294361	0,31129471
MAPKSP1	8649	NM_021970.2	217971_at	0	1167	0	768,6666667	0	1125	983	242,33	1,387174473	0,46639342
DHTKD1	55526	NM_018706.5	209916_at	0	0	0	1142	948	0	0	979	1,387334404	0,31125985
NFATC1	4772	NM_172389.1	211105_s_at	0	0	0	208,3333333	0	0	949	244	1,387680365	0,31124827
ILDR1	286676	NM_175924.2	X	0	0	0	881	0	949	0	1615,7	1,387680365	0,31124827
CDC45L	8318	NM_003504.3	204126_s_at	0	3223	2387	0	608	3094	3866	245	1,388544241	0,42443138
JAM2	58494	NM_021219.2	219213_at	0	0	0	849,3333333	0	952	0	1195,7	1,388716098	0,31121365
FAM90A1	55138	NM_018088.3	220535_at	0	0	0	465,6666667	0	953	0	1397,7	1,389060629	0,31120215
TAP1	6890	NM_000593.5	202307_s_at	0	3628	2703	976	2011	1379	3380	1645,7	1,389181908	0,41657548
ENTPD1	953	NM_001776.4	209473_at	0	0	0	290,3333333	0	0	957	246	1,390435201	0,31115635
FAM62A	23344	NM_015292.1	208858_s_at	0	2087	3061	0	1085	2435	2319	246	1,390722497	0,40021711
PTOV1	53635	NM_017432.3	212032_s_at	0	0	0	785,3333333	0	958	0	1440,7	1,39077796	0,31114495
TSC1	7248	NM_000368.3	209390_at	0	0	0	236,3333333	0	0	960	246,67	1,391462423	0,3111222
NBN	4683	NM_002485.4	217299_s_at	0	1438	1110	0	1212	810	1565	247,33	1,392638926	0,33945196
MAP7D3	79649	NM_024597.2	219626_at	0	0	0	413,3333333	967	0	0	691,67	1,393847036	0,31104321
PTPN9	5780	NM_002833.2	202958_at	0	1808	1426	219,6666667	1274	1400	1400	496,67	1,39400335	0,35671592
KCNK12	56660	NM_022055.1	220448_at	0	0	0	1203,333333	0	971	0	1087,3	1,395202051	0,31099849
KDELR1	10945	NM_006801.2	200922_at	0	1352	1435	228,6666667	1749	954	1130	1079,7	1,39567363	0,34618602
MCPH1	79648	NM_024596.2	219592_at	0	1637	0	553,3333333	0	1740	915	250,67	1,395872189	0,48839169
SFRS16	11129	NM_007056.2	204978_at	0	0	0	85,33333333	974	0	0	798,33	1,39621471	0,31096515
OGFR	11054	NM_007346.2	202841_x_at	0	0	0	317,3333333	0	976	0	1042,7	1,396888111	0,31094302
SYNJ1	8867	NM_003895.2	212990_at	0	0	0	857	0	0	977	1556,3	1,397224302	0,31093198
BHMT	635	NM_001713.2	206119_at	0	0	0	692	0	979	0	705,33	1,397895669	0,31090996
ZNF563	147837	NM_145276.1	X	0	0	0	340,6666667	0	984	0	892	1,399568193	0,31085523
HCLS1	3059	NM_005335.3	202957_at	1239	0	2255	1404	1524	1608	1124	1870,7	1,399715544	0,3612786
ZNF341	84905	NM_032819.3	X	0	1098	0	378,3333333	0	1098	985	1717,3	1,399901693	0,45913702
TTC7A	57217	NM_020458.2	X	0	3222	2194	0	1433	1283	3793	254	1,400210069	0,40442141
PAQR7	164091	NM_178422.4	X	0	0	0	0	0	989	0	254	1,401232366	0,31080096
JAKMIP2	9832	NM_014790.3	205888_s_at	0	0	0	0	989	0	0	254,33	1,401232366	0,31080096
KPNA5	3841	NM_002269.2	206241_at	0	0	0	0	0	0	990	254,33	1,401564206	0,31079016
MACC1	346389	NM_182762.3	X	0	0	0	557,3333333	0	990	0	1964,3	1,401564206	0,31079016
NDUFAF1	51103	NM_016013.2	204125_at	0	0	0	283,3333333	0	0	992	255	1,402226897	0,31076861

TMOD2	29767	NM_014548.2	219701_at	0	0	0	360,6666667	0	993	0	255,33	1,402557749	0,31075786
LRCH4	4034	NM_002319.3	221956_at	0	1203	1443	315,3333333	1717	1368	733	255,33	1,402869612	0,34202306
SLMO2	51012	NM_016045.2	217851_s_at	0	1111	1171	727	4062	352	888	2001,3	1,403794172	0,36562981
ISL2	64843	NM_145805.1	X	0	0	0	0	997	0	0	255,67	1,403877883	0,31071505
MAGED1	9500	NM_006986.3	209014_at	0	2509	0	0	1622	0	1549	256	1,404657358	0,51157825
ENDOD1	23052	NM_015036.1	212573_at	0	0	0	0	0	0	1002	256	1,405520732	0,31066193
UBA1	7317	NM_153280.1	200964_at	1189	0	0	269,3333333	1492	0	799	256	1,406127246	0,46467318
FLT3LG	2323	NM_001459.2	206980_s_at	0	0	0	579,3333333	0	1004	0	256,33	1,406175611	0,31064081
FDX1	2230	NM_004109.3	203647_s_at	0	893	0	993,3333333	789	0	1140	1667,7	1,407386771	0,44322397
BRMS1L	84312	NM_032352.3	X	0	0	0	0	1008	0	0	257,33	1,407481522	0,31059876
MAPK1	5594	NM_002745.4	212271_at	0	0	1654	234,6666667	0	1292	1292	257,67	1,407649767	0,48488259
DHRS13	147015	NM_144683.3	X	0	946	243	0	817	457	632	257,67	1,408057842	0,2615853
HIST3H2BB	128312	NM_175055.2	X	2298	2309	0	570,6666667	2460	769	2825	257,67	1,408189348	0,39354414
ECSIT	51295	NM_016581.2	218225_at	0	0	0	982,6666667	1011	0	0	2139,3	1,408457608	0,31056741
CNN1	1264	NM_001299.4	203951_at	0	0	0	1538,3333333	1011	0	0	2967,7	1,408457608	0,31056741
VAV3	10451	NM_006113.4	218806_s_at	0	0	0	0	1012	0	0	258,33	1,408782336	0,31055699
MRS2	57380	NM_020662.2	218536_at	0	0	0	376	0	0	1012	258,33	1,408782336	0,31055699
CALHM2	51063	NM_015916.3	221565_s_at	0	0	0	256,3333333	0	1013	0	258,67	1,409106748	0,31054659
CALHM1	255022	NM_001001412.1	X	0	0	0	208,3333333	0	1013	0	258,67	1,409106748	0,31054659
MNS1	55329	NM_018365.1	219703_at	0	0	0	287,6666667	0	0	1013	259,33	1,409106748	0,31054659
NAPEPLD	222236	NM_198990.3	X	0	2674	1852	299,6666667	1157	1377	3150	1018	1,409269715	0,38626078
GGT5	2687	NM_004121.2	205582_s_at	0	0	0	433,3333333	0	1014	0	726	1,409430845	0,31053621
N6AMT2	221143	NM_174928.1	X	1202	0	2419	309,6666667	2006	1560	943	1421	1,409573493	0,36355623
ZFAND5	7763	NM_006007.2	217741_s_at	710	1102	439	231,6666667	3030	2851	2877	918,33	1,409653907	0,02476253
ZNF630	57232	NM_001037735.1	X	0	0	0	0	1015	0	0	966	1,409754627	0,31052584
SCN3A	6328	NM_001081677.1	210432_s_at	0	0	0	0	0	0	1016	263,33	1,410078094	0,31051549
DYNC1L12	1783	NM_006141.2	203590_at	0	867	796	505	796	1111	796	1225,7	1,411484202	0,29273037
BRD9	65980	NM_001009877.1	220155_s_at	0	2980	1754	0	1923	1680	1655	681,33	1,411503104	0,38200943
PLEKHM1	9842	NM_014798.1	216200_at	0	1857	1304	382,3333333	1123	1471	1497	265	1,411539129	0,34958816
USP33	23032	NM_015017.3	212513_s_at	625	0	857	289,6666667	1148	666	715	265,67	1,41168573	0,28339201
SIK2	23235	NM_015191.1	213221_s_at	0	0	0	0	0	1021	0	266	1,411690741	0,31046399
ANKS1A	23294	NM_015245.2	212747_at	0	1686	2452	0	2714	778	1994	266,33	1,411708732	0,3816109
SH3YL1	26751	NM_015677.1	204019_s_at	1406	1147	0	0	1574	1060	987	266,33	1,411875041	0,3322776

GDAP1	54332	NM_001040875.1	221279_at	0	0	0	0	1022	0	0	1066	1,412012336	0,31045374
POLK	51426	NM_016218.1	X	0	0	2367	963,6666667	1494	0	1623	1218	1,412229257	0,50632856
ADAMTS6	11174	NM_197941.2	220866_at	0	0	0	2128,3333333	0	0	1023	2353,3	1,412333621	0,3104435
ATP6V1G1	9550	NM_004888.3	208737_at	0	1883	1743	0	1360	2733	902	1090,7	1,412468959	0,36871313
RAC1	5879	NM_006908.4	208641_s_at	0	0	0	0	1026	0	0	1090,7	1,413295623	0,3104129
AOC2	314	NM_009590.2	207064_s_at	0	33	0	0	110	33	110	713,33	1,413509024	0,05640742
VCL	7414	NM_003373.3	200930_s_at	0	0	0	0	0	1027	0	268,33	1,413615674	0,31040273
CHST10	9486	NM_004854.3	204065_at	1090	0	0	1141,6666667	1412	0	793	747	1,414080287	0,45660885
VPS53	55275	NM_018289.2	221707_s_at	0	0	0	755,3333333	0	1030	0	675,67	1,414573988	0,31037232
SSFA2	6744	NM_006751.4	202506_at	0	0	990	0	720	1417	0	269	1,415301608	0,45010342
ITM2B	9445	NM_021999.3	217732_s_at	0	0	1839	0	1882	1009	0	269	1,415449943	0,49116932
IQCD	115811	NM_138451.1	X	0	0	0	0	0	0	1034	269,33	1,415847469	0,310332
TPCN1	53373	NM_017901.3	217914_at	0	0	0	0	0	0	1034	270	1,415847469	0,310332
PTPN18	26469	NM_014369.2	203555_at	0	0	0	0	0	1034	0	270	1,415847469	0,310332
TRABD	80305	NM_025204.2	221807_s_at	0	0	0	318,3333333	0	1036	0	1274,7	1,41648239	0,31031193
ZNF213	7760	NM_004220.1	X	0	2237	1808	477,3333333	1861	1143	1972	271	1,416621688	0,37058225
KLC4	89953	NM_201521.1	X	0	3144	2904	246,6666667	3160	1344	2235	271,33	1,417065149	0,40438415
CKAP4	10970	NM_006825.2	200999_s_at	0	0	0	0	0	1038	0	271,67	1,417116104	0,31029193
ATG16L1	55054	NM_017974.3	X	0	0	0	0	0	0	1039	1814,7	1,417432509	0,31028196
LSM11	134353	NM_173491.2	X	1588	0	1354	485,3333333	1132	1552	1272	272	1,417458129	0,34190208
DCTD	1635	NM_001921.2	210137_s_at	1906	2614	0	0	1436	1561	2318	272,33	1,418184536	0,3782968
ACP2	53	NM_001610.1	202767_at	0	2308	1161	0	1857	601	2488	1278,3	1,418238617	0,36785216
OAS1	4938	NM_016816.2	205552_s_at	0	0	0	0	0	1043	0	273,33	1,418695137	0,3102422
SLC25A44	9673	NM_014655.1	212683_at	0	1822	532	1067,6666667	854	1399	854	762,33	1,420158669	0,31918916
MXD3	83463	NM_031300.2	221250_s_at	0	0	1348	765,6666667	907	0	1556	1400	1,420173076	0,46953129
PCYOX1L	78991	NM_024028.2	218953_s_at	0	1312	1386	0	633	2058	1457	275	1,420450775	0,34310546
EPSTI1	94240	NM_033255.2	X	0	0	0	238,3333333	0	1049	0	600,67	1,420580156	0,31018304
GSK3A	2931	NM_019884.2	202210_x_at	0	859	2167	0	3518	174	3027	1390,3	1,420930797	0,40663416
NR1D2	9975	NM_005126.3	209750_at	0	0	0	406	0	0	1051	276,67	1,421206135	0,31016345
FBXW2	26190	NM_012164.3	218941_at	1585	0	0	0	1142	0	1460	277	1,421396629	0,479132
ERBB3	2065	NM_001982.2	202454_s_at	0	0	0	2399,3333333	1052	0	0	1782	1,421518683	0,31015367
SLC25A19	60386	NM_021734.3	X	0	0	0	355	0	0	1053	277,67	1,421830939	0,31014391
ZBTB6	10773	NM_006626.4	206098_at	0	0	0	0	0	1053	0	278	1,421830939	0,31014391

UBXN2B	137886	NM_001077619.1	212934_at	0	0	290	0	827	372	0	278,67	1,421947577	0,35511031
PRRT1	80863	NM_030651.3	X	0	1069	0	0	1854	0	605	1136	1,422138301	0,45704788
UQCC	55245	NM_018244.3	217935_s_at	0	0	0	1824,666667	0	1054	0	2095	1,422142903	0,31013417
TNIP2	79155	NM_024309.2	218335_x_at	0	0	0	1081,666667	0	1054	0	548	1,422142903	0,31013417
TAF1B	9014	NM_005680.1	214690_at	0	0	0	2273,333333	1055	0	0	281	1,422454575	0,31012444
PILRA	29992	NM_178273.1	222218_s_at	0	0	0	0	0	1055	0	281	1,422454575	0,31012444
CCDC116	164592	NM_152612.2	X	0	1132	0	0	0	1057	1132	281,33	1,423077047	0,45585395
SPPL2B	56928	NM_152988.2	215833_s_at	0	0	0	0	0	0	1061	282	1,424318513	0,31006637
HMGB1L1	10357	NM_001008735.1	200679_x_at	0	0	0	468,333333	0	1063	0	1041,7	1,424937517	0,31004713
CALML6	163688	NM_138705.2	X	0	0	0	221,333333	0	0	1064	283	1,425246588	0,31003754
RNF216	54476	NM_207111.2	218425_at	0	0	0	952,666667	0	1064	0	1515,7	1,425246588	0,31003754
ZNF786	136051	NM_152411.2	X	0	2210	2331	264	629	2943	2943	412,67	1,425402196	0,39330414
C6orf57	135154	NM_145267.2	X	0	0	0	1418,666667	0	1065	0	857,33	1,425555373	0,31002796
CCDC142	84865	NM_032779.2	X	0	2662	2670	400,666667	1779	2352	1815	1148,7	1,425904882	0,38847117
OSTM1	28962	NM_014028.3	218196_at	0	0	0	62,666667	1068	0	0	284	1,426480015	0,3099993
CPT1B	1375	NM_152245.1	210070_s_at	0	0	0	0	1069	0	0	284,33	1,42678766	0,30998978
COMMD10	51397	NM_016144.2	218439_s_at	0	0	1237	423,333333	1363	971	0	929	1,427165684	0,46144941
KLRC2	3822	NM_002260.3	206785_s_at	0	0	0	318	0	0	1071	516,33	1,4274021	0,30997078
XRCC3	7517	NM_005432.3	216299_s_at	0	0	0	686,666667	1071	0	0	1337	1,4274021	0,30997078
ZFYVE21	79038	NM_024071.2	219929_s_at	0	0	0	0	1071	0	0	286,67	1,4274021	0,30997078
CASC3	22794	NM_007359.4	207842_s_at	0	2673	2152	1813,333333	2943	926	2258	2084	1,427455234	0,38771171
GMNN	51053	NM_015895.3	218350_s_at	1123	0	0	0	2993	0	396	287,67	1,427515361	0,46974082
BAX	581	NM_138763.2	208478_s_at	0	0	0	0	1072	0	0	287,67	1,427708895	0,3099613
PPM1A	5494	NM_021003.2	203966_s_at	780	0	2775	779,333333	2493	766	1218	1283,7	1,428277455	0,35835967
CCDC82	79780	NM_024725.2	X	0	2348	3091	0	2917	1489	1807	288,33	1,430061721	0,39056305
FUCA1	2517	NM_000147.3	202838_at	0	0	0	219	1080	0	0	2180,7	1,430153147	0,30988599
DHRS4L1	728635	NM_001082488.1	X	0	0	0	0	0	1081	0	780,33	1,430457422	0,30987664
ZCCHC3	85364	NM_033089.6	X	0	1309	1503	0	3230	369	1757	289,33	1,431255139	0,36577481
VNN2	8875	NM_004665.2	205922_at	0	0	0	220	0	1085	0	289,33	1,431671753	0,30983938
PINK1	65018	NM_032409.2	209019_s_at	0	0	0	1305	0	1090	0	1571,3	1,433183471	0,30979312
SCCPDH	51097	NM_016002.2	201825_s_at	0	0	0	52,666667	0	0	1090	342,33	1,433183471	0,30979312
REC8	9985	NM_005132.2	218599_at	88	0	57	208,333333	188	0	2679	290	1,433531076	0,35670978
MAP3K7IP2	23118	NM_015093.2	212184_s_at	0	0	0	293,333333	0	0	1092	291	1,433786244	0,30977471

ABLIM1	3983	NM_006720.3	200965_s_at	0	0	0	444,6666667	0	1093	0	291,33	1,434087222	0,30976553
METT5D1	196074	NM_152636.1	X	0	1616	1221	677,3333333	1810	631	1880	682	1,434158149	0,34324411
TRPM4	54795	NM_017636.2	219360_s_at	0	0	0	307,3333333	0	0	1094	962,33	1,434387929	0,30975636
C18orf8	29919	NM_013326.3	221190_s_at	0	0	715	0	1070	732	0	292,67	1,434768572	0,42067557
ATP2A3	489	NM_005173.2	207522_s_at	0	975	0	371,3333333	1196	893	0	292,67	1,434896993	0,44298332
SPAST	6683	NM_014946.3	209748_at	0	1658	2318	305,3333333	2120	1526	1303	293	1,434981767	0,36251201
ZNF324B	388569	NM_207395.1	222318_at	0	0	0	0	1096	0	0	293,33	1,43498853	0,30973806
LIN9	286826	NM_173083.2	X	943	0	992	305,3333333	1271	1567	513	293,67	1,435734822	0,30925261
DCDC1	341019	NM_181807.2	X	0	1434	0	0	1752	0	899	293,67	1,43606633	0,47055358
C7orf50	84310	NM_032350.4	X	0	0	0	579,6666667	0	0	1103	466,67	1,437082151	0,30967445
COMMD5	28991	NM_001081004.1	X	0	0	0	0	0	1103	0	1396,7	1,437082151	0,30967445
UBE4B	10277	NM_001105562.1	210685_s_at	0	1631	1382	306	2190	777	1459	294,67	1,437514437	0,34446307
ZNF100	163227	NM_173531.2	X	0	0	0	0	0	0	1106	295,33	1,437975407	0,30964738
UBE2Z	65264	NM_023079.3	217750_s_at	0	0	0	363,3333333	0	1107	0	1275,7	1,438272628	0,30963839
ZBTB26	57684	NM_020924.2	X	0	659	370	1432	659	685	603	1622	1,438758419	0,23713301
PHLPP2	23035	NM_015020.2	213407_at	0	0	0	557,3333333	0	0	1109	296,33	1,438866276	0,30962044
SEH1L	81929	NM_001013437.1	221931_s_at	0	0	0	208,3333333	0	1111	0	296,33	1,439458869	0,30960255
C6orf35	729515	NM_018452.3	218453_s_at	981	0	0	1373,3333333	1205	0	906	1538,3	1,440089572	0,44222317
ZNF527	84503	NM_032453.1	X	0	1370	0	257	1587	964	0	674,33	1,441344717	0,46560273
TMEM126A	84233	NM_032273.2	X	0	0	0	381,6666667	1118	0	0	1531,7	1,441524687	0,30954032
ELL	8178	NM_006532.2	204096_s_at	1362	0	1223	0	1596	1582	737	689,33	1,442087901	0,32796013
ELOF1	84337	NM_032377.3	X	0	0	0	0	0	1121	0	601,67	1,442406133	0,30951385
NUP37	79023	NM_024057.2	218622_at	0	1807	1517	232	1722	1516	1178	1260,7	1,442582652	0,34489151
PPP1CC	5501	NM_002710.1	200726_at	0	1242	1522	0	1397	1522	997	1162	1,442637619	0,32932435
AMACR	23600	NM_014324.4	209424_s_at	0	771	0	826	1410	0	613	299,67	1,443153422	0,42684616
MZF1	7593	NM_003422.2	204138_s_at	0	674	0	0	0	1023	742	299,67	1,443707615	0,41405406
CD1D	912	NM_001766.3	205789_at	0	0	0	0	0	0	1126	300,33	1,44387005	0,30946998
AMT	275	NM_000481.2	204294_at	0	0	0	0	1127	0	0	300,33	1,444162063	0,30946125
EXOC1	55763	NM_001024924.1	222127_s_at	0	0	0	220,6666667	0	0	1131	300,67	1,445327565	0,30942644
AQR	9716	NM_014691.2	212583_at	0	2526	0	208,3333333	2143	0	1335	301,33	1,445477944	0,5032999
CDK5RAP1	51654	NM_016408.2	218315_s_at	0	0	0	859,6666667	0	1132	0	665,67	1,445618305	0,30941776
BRD3	8019	NM_007371.2	203825_at	0	0	0	283,3333333	0	0	1133	302	1,445908792	0,3094091
XRCC1	7515	NM_006297.1	203655_at	0	3511	1511	0	1478	2639	1546	302,33	1,446357719	0,37662038

RASGRP1	10125	NM_005739.2	205590_at	0	0	0	0	0	1135	0	302,33	1,446489007	0,30939182
CLN8	2055	NM_018941.3	219340_s_at	0	0	0	0	0	1135	0	302,33	1,446489007	0,30939182
EPM2A	7957	NM_001018041.1	205231_s_at	0	0	0	1245,666667	0	0	1139	959	1,447646415	0,30935741
RPS6KC1	26750	NM_012424.2	218909_at	0	0	0	0	0	0	1140	303	1,447935141	0,30934883
C6orf106	64771	NM_024294.2	217924_at	84	545	1250	292,6666667	3518	1343	1111	922	1,448071243	0,12925455
CEMP1	752014	NM_001048212.1	222009_at	0	0	0	0	0	0	1141	303,33	1,448223616	0,30934027
ZNF607	84775	NM_032689.3	X	0	0	0	0	1141	0	0	303,67	1,448223616	0,30934027
STX16	8675	NM_003763.3	221499_s_at	0	1791	1509	139,3333333	1087	1304	2174	973,33	1,448232523	0,34499737
C1orf125	126859	NM_144696.3	X	0	1929	0	304,3333333	1815	1216	0	569	1,449033395	0,48575183
C6orf125	84300	NM_032340.2	X	0	0	0	0	1145	0	0	305,67	1,449375028	0,30930615
C20orf134	170487	NM_001024675.1	X	0	2810	1549	0	2141	1092	2141	305,67	1,450704344	0,36641987
HM13	81502	NM_178581.1	X	0	2761	936	598	1539	1049	1849	306	1,451509204	0,34853278
FBXO25	26260	NM_012173.3	X	0	0	1022	1304,333333	0	2124	552	1771,7	1,452105201	0,44934678
CCDC109A	90550	NM_138357.1	X	0	0	0	0	0	1155	0	306,67	1,452236276	0,30922169
DNAJB5	25822	NM_012266.3	207453_s_at	0	0	0	376,3333333	1156	0	0	1142,7	1,452521054	0,30921331
FOXO1	2308	NM_002015.3	202723_s_at	2144	0	2773	256,3333333	2005	3718	920	307	1,452612132	0,38410967
C6orf129	154467	NM_138493.2	X	0	0	0	256,3333333	1157	0	0	307	1,45280559	0,30920494
SDHC	6391	NM_001035512.1	202004_x_at	0	2883	2114	1075	2302	1189	2579	1983	1,453051842	0,37805166
PDPK1	5170	NM_002613.3	32029_at	0	0	0	355,3333333	0	0	1158	307,67	1,453089883	0,30919658
CETN2	1069	NM_004344.1	209194_at	0	0	2101	357	1844	1321	0	308	1,453298783	0,48996847
ERI3	79033	NM_024066.1	208973_at	0	0	0	180	0	0	1159	660,33	1,453373933	0,30918823
UBE2R2	54926	NM_017811.3	X	0	413	87	392,3333333	2402	1401	0	803,67	1,453925882	0,41432392
DAND5	199699	NM_152654.2	X	0	0	652	0	596	1269	0	310	1,453997399	0,41149925
N6AMT1	29104	NM_013240.3	220311_at	0	0	0	0	0	0	1162	310	1,454224635	0,30916327
IGF1R	3480	NM_000875.3	203627_at	0	0	0	0	0	0	1163	310,33	1,454507721	0,30915497
B4GALT7	11285	NM_007255.1	53076_at	0	1167	2339	0	1440	756	2908	310,33	1,454643544	0,35478361
ACSL1	2180	NM_001995.2	201963_at	0	0	0	0	0	1164	0	311	1,454790566	0,30914668
VARS	7407	NM_006295.2	201796_s_at	0	424	981	0	1803	1077	245	388,33	1,455214397	0,29666998
GPR137B	7107	NM_003272.2	204137_at	0	0	0	480	0	0	1166	2061,7	1,455355538	0,30913014
BRD4	23476	NM_058243.2	202103_at	0	0	0	1106,666667	0	1166	0	311,33	1,455355538	0,30913014
C12orf72	254013	NM_173802.2	X	0	0	962	0	1452	772	0	312	1,455555391	0,43866992
ALDH5A1	7915	NM_170740.1	203608_at	0	0	0	516,3333333	1168	0	0	312,67	1,455919554	0,30911365
NANOS1	340719	NM_199461.2	X	0	0	0	1196,333333	0	0	1170	1472	1,456482617	0,3090972

FKBP8	23770	NM_012181.3	208255_s_at	0	0	0	791	0	1170	0	1860,7	1,456482617	0,3090972
TOPORS	10210	NM_005802.2	204071_s_at	276	588	1214	0	3251	1445	3560	313,67	1,456678957	0,05158061
C21orf58	54058	NM_058180.3	X	0	1580	1270	0	1551	935	1620	913,67	1,456982244	0,32880474
PDLIM1	9124	NM_020992.2	208690_s_at	0	0	0	0	1172	0	0	412	1,457044731	0,3090808
PLDN	26258	NM_012388.2	X	0	2372	1782	243,3333333	2506	1047	1887	314,67	1,457088219	0,36276212
EXOSC6	118460	NM_058219.2	X	0	996	996	264	1136	1030	996	314,67	1,457804384	0,29430383
KANK2	25959	NM_015493.4	218418_s_at	0	0	0	264	0	1175	0	314,67	1,457886128	0,30905628
RPS15	6209	NM_001018.3	200819_s_at	0	281	281	0	281	1179	281	315	1,459004698	0,20487935
SSBP4	170463	NM_032627.2	X	0	0	0	208,3333333	0	1179	0	315,33	1,459004698	0,30902375
RBM43	375287	NM_198557.1	X	0	0	0	831	0	0	1179	836	1,459004698	0,30902375
C16orf88	400506	NM_001012991.2	213235_at	0	703	1491	0	911	911	1491	316,33	1,459076233	0,30332608
NFIA	4774	NM_005595.1	X	1561	0	1079	784,6666667	1186	1416	1184	1393,3	1,459330101	0,31877118
TGM1	7051	NM_000359.2	206008_at	0	0	0	1239,333333	1181	0	0	1054	1,459562578	0,30900755
ZNF395	55893	NM_018660.2	221123_x_at	0	0	0	2068	0	1181	0	960,67	1,459562578	0,30900755
RGS3	5998	NM_021106.3	203823_at	0	0	0	321,6666667	0	1181	0	317,67	1,459562578	0,30900755
POMGNT1	55624	NM_017739.2	217944_at	0	0	0	0	0	0	1185	726,67	1,460675545	0,30897528
DMD	1756	NM_000109.2	203881_s_at	0	0	0	481	0	1186	0	318,33	1,460953207	0,30896724
SNX4	8723	NM_003794.2	212652_s_at	0	0	0	332,6666667	0	0	1188	789,33	1,461507838	0,3089512
KLHL8	57563	NM_020803.3	X	0	0	0	1693	0	0	1189	1180,7	1,461784808	0,30894319
HIST3H2A	92815	NM_033445.2	X	2146	3211	0	446,3333333	2460	700	4731	1630,3	1,461986946	0,39682964
DCTPP1	79077	NM_024096.1	218069_at	0	1088	1579	0	2151	935	1015	319,33	1,462190805	0,32453703
MYEF2	50804	NM_016132.3	222153_at	0	0	0	545,6666667	0	1191	0	885	1,462338059	0,30892721
KMO	8564	NM_003679.2	205307_s_at	0	0	0	489,6666667	1192	0	0	319,67	1,46261434	0,30891924
ZNF10	7556	NM_015394.4	216350_s_at	0	1586	0	500	1398	0	1353	1372,3	1,462713856	0,46956951
PCNT	5116	NM_006031.4	203660_s_at	0	1580	1270	208,3333333	1551	935	1649	453,33	1,462842756	0,32713342
NOTUM	147111	NM_178493.4	X	0	0	0	356	1193	0	0	320,33	1,462890392	0,30891128
STK33	65975	NM_030906.2	X	0	0	0	1271,333333	1194	0	0	322	1,463166217	0,30890333
A1BG	1	NM_130786.2	X	0	0	0	297,6666667	0	0	1194	322	1,463166217	0,30890333
DSTN	11034	NM_001011546.1	201022_s_at	0	0	0	0	0	0	1195	322,33	1,463441812	0,30889539
PPP1R16B	26051	NM_015568.2	212750_at	0	0	1172	330,3333333	837	1671	0	983,67	1,46348869	0,45092434
KRAS	3845	NM_004985.3	204009_s_at	625	1059	0	286,3333333	1158	1280	533	578,67	1,463732486	0,283837
APLP2	334	NM_001642.1	208704_x_at	0	0	0	0	1197	0	0	323,67	1,463992322	0,30887954
TMBIM1	64114	NM_022152.4	217730_at	0	0	0	486	0	1197	0	324,33	1,463992322	0,30887954

PRMT10	90826	NM_138364.2	X	0	2568	0	483,3333333	1785	0	1728	630,67	1,464715998	0,49931051
TAF1C	9013	NM_139353.1	203938_s_at	0	0	0	0	1200	0	0	324,67	1,464816385	0,30885585
NAIF1	203245	NM_197956.2	X	1992	0	2603	0	2330	1528	1751	325,33	1,465128139	0,36484809
TCEB3	6924	NM_003198.1	202819_s_at	0	0	0	2663,666667	0	0	1202	1467,3	1,465364631	0,3088401
PPP1R9B	84687	NM_032595.3	X	0	0	1181	0	0	1096	1297	326,33	1,465845208	0,44918586
ETS2	2114	NM_005239.4	201328_at	0	0	0	0	0	0	1204	655,67	1,465911976	0,3088244
TUBAL3	79861	NM_024803.1	220310_at	0	0	0	217,6666667	0	0	1205	941,67	1,466185312	0,30881657
NET1	10276	NM_001047160.1	201829_at	0	0	0	2716,333333	0	0	1205	327,33	1,466185312	0,30881657
PIGC	5279	NM_153747.1	202846_s_at	0	1177	0	248	0	1019	1392	327,67	1,466322354	0,44911332
TNFRSF10B	8795	NM_147187.1	210405_x_at	0	0	0	302,3333333	0	1207	0	328	1,466731313	0,30880093
ZNF484	83744	NM_001007101.1	X	0	1357	0	0	0	1207	1357	328	1,466731313	0,45837748
SULT1A2	6799	NM_001054.2	215299_x_at	0	0	0	120,3333333	0	1208	0	657,33	1,467003978	0,30879313
MED31	51003	NM_016060.2	219318_x_at	0	1147	0	726,6666667	1140	1217	0	1427	1,467433876	0,44672326
CTH	1491	NM_001902.4	217127_at	0	664	0	0	733	0	1097	329,67	1,467549041	0,40794762
MAK10	60560	NM_024635.3	220925_at	0	0	1104	374,3333333	1135	0	1179	1399,3	1,468113535	0,44391012
ANKRD52	283373	NM_173595.3	X	0	0	2146	0	1720	1515	0	330	1,468469716	0,48758131
CABC1	56997	NM_020247.4	211373_s_at	0	0	0	0	0	0	1214	330	1,468635303	0,30874654
LASP1	3927	NM_006148.1	200618_at	749	86	1501	513,3333333	1538	3808	1600	1639	1,46876864	0,1343856
MKS1	54903	NM_017777.2	218630_at	0	0	0	0	0	1215	0	330,67	1,468906416	0,30873881
ALS2CR4	65062	NM_001044385.1	X	1116	0	1337	0	1299	1163	1201	761,67	1,469159564	0,30948236
TMEM100	55273	NM_018286.2	219230_at	0	0	0	0	0	1216	0	331	1,469177308	0,30873109
FAM174A	345757	NM_198507.1	X	0	0	0	295,6666667	0	0	1216	331,33	1,469177308	0,30873109
GUF1	60558	NM_021927.2	218884_s_at	0	2454	0	332,3333333	2940	0	1014	332,33	1,469325992	0,49890597
TUFM	7284	NM_003321.3	201113_at	0	1767	2105	358,6666667	1253	2138	1690	1069,3	1,469473615	0,35036437
DHX9	1660	NM_001357.3	202420_s_at	0	2376	2337	364	2287	1293	2287	1231,7	1,469594411	0,36727153
APOLD1	81575	NM_030817.1	221031_s_at	0	0	0	486	0	0	1218	907,33	1,469718434	0,30871568
GPR108	56927	NM_020171.1	X	0	0	2707	875	2048	1613	0	980	1,469950558	0,50145127
STAC3	246329	NM_145064.1	X	0	0	0	528,6666667	0	1220	0	333,67	1,470258683	0,30870031
KIAA1715	80856	NM_030650.1	X	0	0	1026	0	0	1026	1220	334	1,470258683	0,43842023
SH3TC1	54436	NM_018986.3	X	0	0	0	301	0	1221	0	1090,7	1,470528479	0,30869265
GNB4	59345	NM_021629.3	X	0	0	0	379,3333333	0	0	1224	334,33	1,47133656	0,3086697
PTGER4	5734	NM_000958.2	204897_at	0	0	0	70	0	1224	0	881	1,47133656	0,3086697
TATDN2	9797	NM_014760.2	203648_at	0	1639	1425	0	735	1892	2050	1111	1,471614949	0,33690361

CBR4	84869	NM_032783.3	213626_at	0	2482	1207	318	1459	1421	1774	335,67	1,471874758	0,34239235
RCOR1	23186	NM_015156.2	212612_at	0	0	0	728	0	0	1227	1829,3	1,472142687	0,30864685
UNC119B	84747	NM_001080533.1	202365_at	0	0	0	1071	0	0	1229	1820,7	1,472679024	0,30863167
HMGA1	3159	NM_145901.1	206074_s_at	0	908	813	0	740	944	1299	1858	1,472915811	0,27890351
KDM5C	8242	NM_004187.2	202383_at	0	732	0	288,6666667	0	1561	576	1020,7	1,473448634	0,41768304
LSM7	51690	NM_016199.1	204559_s_at	0	0	0	0	0	0	1233	337,33	1,473749116	0,30860142
PITPNM1	9600	NM_004910.1	203826_s_at	0	0	977	0	1227	982	0	337,33	1,473818575	0,43425638
CDK2AP2	10263	NM_005851.3	203252_at	0	0	977	0	1227	982	0	1486	1,473818575	0,43425638
C18orf45	85019	NM_032933.4	X	0	757	0	0	989	0	945	337,67	1,473881945	0,41557464
OAZ2	4947	NM_002537.1	201365_at	0	802	0	0	1148	865	0	337,67	1,474996921	0,4199212
GMPS	8833	NM_003875.2	214431_at	0	0	2134	0	0	865	3045	337,67	1,475094668	0,49061328
KCNN4	3783	NM_002250.2	204401_at	0	0	0	0	1239	0	0	338	1,47534784	0,30855634
RASL11A	387496	NM_206827.1	X	0	0	0	0	0	1241	0	338,33	1,475879049	0,3085414
CHAF1B	8208	NM_005441.2	204775_at	0	0	0	0	0	0	1241	338,67	1,475879049	0,3085414
TGFBR1	7046	NM_004612.2	206943_at	0	0	0	302	0	0	1241	338,67	1,475879049	0,3085414
CNOT10	25904	NM_015442.1	X	0	0	1242	0	1242	0	1242	340,33	1,476144336	0,45023718
ERO1LB	56605	NM_019891.2	220012_at	0	0	0	602	0	0	1242	340,67	1,476144336	0,30853394
ARHGAP30	257106	NM_001025598.1	X	625	0	2098	395,3333333	1260	723	1792	1199,7	1,476228726	0,31840224
OGFOD2	79676	NM_024623.1	219246_s_at	0	2512	0	779,6666667	979	0	3183	1386,3	1,476393264	0,49946433
C1orf200	644997	NM_001045478.1	X	0	0	0	1278	0	0	1243	1638,7	1,476409412	0,30852649
ARRDC2	27106	NM_001025604.1	X	0	0	0	0	1244	0	0	342,33	1,476674278	0,30851905
CCRN4L	25819	NM_012118.2	220671_at	0	0	0	372	1244	0	0	822,33	1,476674278	0,30851905
KIF22	3835	NM_007317.1	202183_s_at	0	2044	2551	372	2503	1614	1614	822,33	1,478177993	0,36142977
CYB5R1	51706	NM_016243.2	202263_at	0	1184	0	343,3333333	1218	1218	0	883,33	1,479039217	0,44632202
CYB5R4	51167	NM_016230.3	219079_at	0	0	0	654,6666667	1253	0	0	1942,7	1,479048645	0,30845253
AKTIP	64400	NM_022476.2	218373_at	0	0	0	411	1254	0	0	344	1,479311422	0,30844518
NEDD4L	23327	NM_015277.3	212445_s_at	0	0	0	584,6666667	0	0	1256	344	1,479836357	0,30843052
LRRC27	80313	NM_030626.1	X	0	1429	1279	0	1363	1011	1667	701	1,480278107	0,31667435
TSPAN33	340348	NM_178562.2	X	0	0	0	244	0	1259	0	344,33	1,480622212	0,30840861
DOCK11	139818	NM_144658.3	X	0	0	0	787,3333333	0	0	1259	1235,7	1,480622212	0,30840861
ARHGEF6	9459	NM_004840.2	209539_at	625	0	0	215	0	888	888	344,67	1,480642243	0,39976337
RNPS1	10921	NM_006711.2	207939_x_at	0	2644	1381	0	1749	1809	1455	344,67	1,48067407	0,34727628
C21orf2	755	NM_004928.1	203996_s_at	0	0	1334	0	0	1334	1262	344,67	1,481406218	0,45392858

USP42	84132	NM_032172.2	X	0	0	0	0	0	0	1262	344,67	1,481406218	0,30838677
M6PRBP1	10226	NM_005817.3	202122_s_at	0	0	0	555	0	1263	0	800	1,481667145	0,30837951
MYO7B	4648	NM_001080527.1	X	0	927	710	1189,666667	1532	765	710	2001	1,482437098	0,27477669
C2orf68	388969	NM_001013649.2	65472_at	0	0	0	949	1266	0	0	1570,7	1,4824487	0,30835779
C3orf25	90288	NM_207307.1	X	0	0	0	0	0	1267	0	345,33	1,482708812	0,30835057
NFKBIL2	4796	NM_013432.3	X	0	0	0	0	0	0	1267	346,33	1,482708812	0,30835057
COQ10A	93058	NM_144576.3	X	0	0	1545	402,6666667	1470	1333	0	1403,7	1,48301868	0,4633636
IPO13	9670	NM_014652.2	203546_at	0	0	1267	1383,666667	1020	1575	0	2287	1,483139721	0,45075893
PIAS4	51588	NM_015897.2	212881_at	0	0	0	626,3333333	0	1270	0	1990,7	1,483487932	0,30832896
ZNF828	283489	NM_032436.1	X	0	0	0	506,3333333	1273	0	0	1345,7	1,484265235	0,30830743
MGAT4A	11320	NM_012214.2	219797_at	0	0	0	535	0	0	1274	1083,7	1,484523934	0,30830027
HDAC1	3065	NM_004964.2	201209_at	0	1559	1734	795,3333333	975	1805	1955	2930,3	1,484620147	0,33430799
SIPA1L3	23094	NM_015073.1	213600_at	0	0	0	297,6666667	1275	0	0	643	1,484782432	0,30829312
TLR7	51284	NM_016562.3	220146_at	0	0	0	355	0	0	1275	1613	1,484782432	0,30829312
JAK2	3717	NM_004972.2	205842_s_at	0	0	0	390	1279	0	0	350,33	1,485814425	0,30826462
TAGLN2	8407	NM_003564.1	200916_at	0	2362	1877	0	1940	985	2963	350,67	1,485957849	0,35843899
ZNF367	195828	NM_153695.2	X	0	685	1417	0	1555	1451	549	351,67	1,486073383	0,29949563
CCNB1IP1	57820	NM_182849.1	217988_at	1454	0	1390	574,3333333	1483	1123	1553	352,33	1,486096674	0,31831299
WDR21A	26094	NM_181341.1	X	0	0	0	1350	1282	0	0	1900,7	1,486586328	0,30824334
JRK	8629	NM_003724.2	37872_at	698	1243	0	176,6666667	778	916	1561	659,33	1,486639237	0,28656944
POLB	5423	NM_002690.1	203616_at	1167	0	0	245,3333333	1065	1405	0	1526,7	1,486705024	0,44393668
TMEM165	55858	NM_018475.2	218095_s_at	183	1781	0	486	680	570	1121	1266,7	1,487052604	0,28373677
LGALS9	3965	NM_002308.3	203236_s_at	0	0	0	240,6666667	0	1285	0	921	1,487356447	0,30822213
C12orf48	55010	NM_017915.2	220060_s_at	0	2408	2614	0	2323	2027	1720	353,67	1,487442695	0,36496239
TREX1	11277	NM_033629.2	205875_s_at	0	0	1029	952,3333333	0	1108	1194	1316,3	1,487480945	0,43473407
FTSJD1	55783	NM_018348.5	X	0	1126	0	0	1045	0	1385	354,33	1,487513717	0,44130263
NRGN	4900	NM_006176.1	204081_at	0	0	0	0	0	1286	0	1025,7	1,487612759	0,30821508
GPX7	2882	NM_015696.3	213170_at	0	0	0	0	0	1287	0	354,67	1,487868874	0,30820804
ATP9B	374868	NM_198531.3	X	0	0	0	307	0	0	1287	354,67	1,487868874	0,30820804
NACC1	112939	NM_052876.2	X	1063	0	1246	471,3333333	1174	1202	1209	1540,7	1,488106055	0,29843457
POP7	10248	NM_005837.2	209482_at	0	0	0	0	0	0	1288	1244,7	1,488124792	0,30820101
WDR26	80232	NM_025160.4	218107_at	1480	0	3108	67,33333333	2892	741	2758	355,33	1,488707426	0,36860404
SLC25A17	10478	NM_006358.2	214210_at	74	1447	1375	537,6666667	3291	2914	1611	663,33	1,488844293	0,15422556

PDE4DIP	9659	NM_014644.4	212390_at	0	0	0	0	0	0	1292	356	1,489146504	0,30817297
PER2	8864	NM_022817.2	205251_at	0	0	0	0	1292	0	0	689	1,489146504	0,30817297
CLDN17	26285	NM_012131.1	221328_at	0	0	0	896,6666667	0	1292	0	1168,7	1,489146504	0,30817297
CLTCL1	8218	NM_007098.2	205944_s_at	0	0	0	0	0	0	1294	357	1,489656188	0,308159
NECAP1	25977	NM_015509.2	209300_s_at	0	0	0	0	1295	0	0	357	1,489910738	0,30815203
RNF149	284996	NM_173647.2	X	0	0	0	0	0	0	1296	357	1,490165094	0,30814506
ACP1	52	NM_004300.2	201629_s_at	1406	1433	0	423	1912	1383	987	357	1,490388657	0,3190989
MANSC1	54682	NM_018050.2	220945_x_at	1289	0	2044	420,6666667	1320	1290	2007	1510,7	1,490423213	0,33066983
ST5	6764	NM_005418.3	202440_s_at	0	0	0	486	1299	0	0	1365	1,490926999	0,30812423
C14orf166	51637	NM_016039.1	217768_at	0	2368	667	272,6666667	1149	1225	1465	357,67	1,491028773	0,31736003
SNX14	57231	NM_153816.3	X	706	0	0	304,6666667	1102	0	834	357,67	1,491257216	0,4069901
DEXI	28955	NM_014015.3	203733_at	0	1932	1526	0	974	2405	1639	1201,7	1,492295662	0,33751961
MORN5	254956	NM_198469.1	X	1008	2077	0	85,66666667	1888	962	1506	360	1,492792006	0,3239086
ICAM1	3383	NM_000201.1	202637_s_at	0	0	2606	0	1298	2623	0	722	1,492828268	0,49541634
FAM32A	26017	NM_014077.2	201863_at	0	1387	778	771,6666667	1714	1918	425	2239	1,4931244	0,31103874
C17orf58	284018	NM_181656.3	X	1009	0	1363	0	1363	1957	672	361,67	1,493205274	0,30781356
TMEM189-UBE	387522	NM_199203.1	201002_s_at	0	1116	0	0	0	984	1483	1334,7	1,493244422	0,43978094
TMEM189	387521	NM_199129.1	X	0	1116	0	266	0	984	1483	362	1,493244422	0,43978094
POLA1	5422	NM_016937.2	204835_at	0	0	0	669,3333333	0	0	1309	1232	1,493454178	0,30805533
PSMC4	5704	NM_153001.1	201252_at	0	909	2256	940,6666667	2744	709	1377	1436	1,493724664	0,33389328
C7orf70	84792	NM_001037163.1	X	0	0	0	405	1311	0	0	363	1,493957323	0,30804166
TRAPPC5	126003	NM_001042461.1	X	0	0	0	0	0	1313	0	363,33	1,49445971	0,30802801
RCOR3	55758	NM_018254.2	218344_s_at	1860	0	2773	0	1453	1234	3774	1666,3	1,494706073	0,36374584
SLC25A36	55186	NM_018155.2	201918_at	0	1546	0	0	0	1182	1719	946	1,494875914	0,46125552
TERF2	7014	NM_005652.2	203611_at	1236	1343	0	1555	1233	1479	1197	2160	1,495006687	0,30664059
EGFL8	80864	NM_030652.2	208469_s_at	0	307	0	620,3333333	1082	0	376	617,33	1,495480091	0,34739031
CD99	4267	NM_002414.3	201029_s_at	0	0	0	1557	0	1319	0	2002,7	1,495962342	0,30798728
TMEM79	84283	NM_032323.1	X	0	2843	2515	327	2845	1069	3097	703,67	1,496036277	0,37472823
NPDC1	56654	NM_015392.2	218086_at	0	0	0	268,3333333	0	0	1320	365	1,496212123	0,30798052
TRAF2	7186	NM_021138.3	204413_at	0	0	906	2886	1185	0	1012	365,67	1,496987936	0,42371393
FAM117A	81558	NM_030802.2	221249_s_at	0	1562	0	543,6666667	0	1708	1210	366,33	1,497062857	0,46137527
CENPH	64946	NM_022909.3	X	0	2281	1759	241,6666667	1869	1511	1882	366,33	1,497206839	0,34402924
RHPN1	114822	NM_052924.2	X	0	0	0	1087,6666667	0	1326	0	701,33	1,497706894	0,30794014

CAPRIN2	65981	NM_001002259.1	218456_at	0	0	0	526,3333333	0	1327	0	1497,7	1,497955372	0,30793344
SUV420H2	84787	NM_032701.2	X	0	0	0	0	0	0	1329	368,67	1,498451773	0,30792006
TUBB2A	7280	NM_001069.2	202154_x_at	0	0	0	356,6666667	1330	0	0	369	1,498699697	0,30791338
RSRC1	51319	NM_016625.2	219507_at	1543	0	2291	429,6666667	696	3419	1965	1238,7	1,498842489	0,3544846
RIF1	55183	NM_018151.3	214700_x_at	0	923	0	0	1193	0	1030	954,67	1,498897798	0,42461623
TTC27	55622	NM_017735.3	218710_at	0	0	0	645	1334	0	0	1117	1,499689552	0,30788675
APOB48R	55911	NM_018690.2	220023_at	0	1666	1281	0	1515	1188	1585	369,67	1,500374476	0,31674429
SCRIB	23513	NM_182706.3	212556_at	0	0	0	653,3333333	0	0	1338	1487,3	1,500676476	0,30786025
TUBA4A	7277	NM_006000.1	212242_at	0	1370	2043	78,33333333	2145	756	2302	370	1,500861621	0,33818109
PSD3	23362	NM_015310.3	203355_s_at	0	0	0	0	0	0	1340	902	1,501168844	0,30784705
ZNF497	162968	NM_198458.1	X	0	0	0	0	0	0	1342	370,33	1,501660486	0,30783388
GOLGA3	2802	NM_005895.3	202106_at	0	0	0	410	1343	0	0	370,33	1,501906036	0,30782731
SPIN4	139886	NM_001012968.2	X	0	0	0	502,6666667	0	0	1345	370,67	1,502396593	0,30781418
PPID	5481	NM_005038.2	204186_s_at	0	2109	2022	0	1842	1341	2322	1521	1,502431788	0,3460653
DNALI1	7802	NM_003462.3	X	0	1172	1069	731	1276	1105	1196	690,33	1,50260344	0,29175851
FANCB	2187	NM_001018113.1	X	1427	0	182	802	496	1586	459	372,67	1,503640126	0,27398134
FOXD2	2306	NM_004474.3	207653_at	0	1236	1236	0	1273	1273	1273	372,67	1,503696833	0,30001717
FBXO4	26272	NM_012176.2	X	0	0	0	0	0	1351	0	373,67	1,503863946	0,307775
ZNF584	201514	NM_173548.1	X	0	1386	1545	922,3333333	1899	840	1810	881,33	1,50398482	0,32051552
SDCCAG3	10807	NM_006643.3	218427_at	0	1129	1233	208,3333333	1200	1309	1198	1859,7	1,50404336	0,29594073
MOSPD2	158747	NM_152581.2	221895_at	1406	0	182	0	496	1565	459	748	1,504128993	0,27241998
JRKL	8690	NM_003772.2	206734_at	0	1270	3129	171,3333333	2917	1208	1526	375	1,504291227	0,35090109
AP1B1	162	NM_001127.2	205423_at	684	0	0	362	1124	825	0	893,33	1,504535637	0,40188553
LASS5	91012	NM_147190.2	X	0	1245	0	0	1366	1234	0	375,33	1,504581487	0,44420649
NBPF15	284565	NM_173638.2	213612_x_at	0	1612	1912	332,3333333	1307	1911	1674	375,33	1,505243518	0,33100491
SHBG	6462	NM_001040.2	215689_s_at	0	0	0	0	0	1357	0	983,67	1,505324869	0,3077361
ADAM15	8751	NM_003815.3	217007_s_at	0	0	0	995,6666667	0	0	1362	1478	1,506537433	0,30770389
LIMK2	3985	NM_005569.3	210582_s_at	0	0	0	646	0	1362	0	376,33	1,506537433	0,30770389
PELI3	246330	NM_145065.2	X	0	0	0	1777,3333333	0	1364	0	1917,7	1,507021226	0,30769106
CDC42	998	NM_001791.3	210232_at	0	0	0	0	1368	0	0	1627,7	1,50798671	0,30766549
ACAP3	116983	NM_030649.1	X	0	0	0	0	0	0	1369	377,33	1,508227645	0,30765912
PUSL1	126789	NM_153339.1	X	0	0	0	274	0	0	1369	377,67	1,508227645	0,30765912
UFD1L	7353	NM_005659.5	209103_s_at	0	3102	2252	1291	763	3341	3731	1263,7	1,508262114	0,37998001

LMBR1L	55716	NM_018113.2	220036_s_at	0	1419	0	425,6666667	1565	1242	0	378	1,508463371	0,45232607
THRAP3	9967	NM_005119.2	217847_s_at	1360	1364	0	162	2137	511	2305	378	1,508467837	0,32675444
UBE2L6	9246	NM_004223.3	201649_at	0	0	0	855,3333333	0	0	1370	1323	1,508468406	0,30765275
PCK2	5106	NM_004563.2	202847_at	0	1460	1966	946	1696	993	2332	378,33	1,508543134	0,3313318
IGSF8	93185	NM_052868.2	X	0	998	0	291	0	999	1369	379	1,508556538	0,4283926
GALNT12	79695	NM_024642.3	218885_s_at	0	0	0	307	0	0	1372	1032	1,508949406	0,30764004
APH1B	83464	NM_031301.2	221036_s_at	0	0	0	845	0	0	1373	970,33	1,509189647	0,3076337
C20orf96	140680	NM_153269.1	X	0	1309	1527	0	3727	369	1958	380,33	1,509343358	0,34704977
GOLGA5	9950	NM_005113.2	218241_at	0	0	0	806,3333333	1375	0	0	1438,3	1,509669608	0,30762103
RAB10	10890	NM_016131.3	X	0	3297	3994	372,3333333	3466	1496	3496	381,33	1,509867732	0,39129351
TTC19	54902	NM_017775.2	217964_at	0	0	0	1035	1377	0	0	382	1,51014888	0,3076084
RNASET2	8635	NM_003730.4	217984_at	0	0	0	0	0	1379	0	1557	1,510627463	0,30759579
YDJC	150223	NM_001017964.1	X	0	1455	0	1338	0	1380	1455	1148	1,510866498	0,45328702
SFT2D3	84826	NM_032740.3	X	0	0	0	253	0	0	1381	383	1,511105361	0,30758322
STAT1	6772	NM_007315.2	200887_s_at	0	1577	2416	0	2938	1297	1381	385,67	1,511465531	0,34319258
ELP3	55140	NM_018091.4	221094_s_at	0	0	1426	314,3333333	1085	1816	0	1488,7	1,511513402	0,45275436
IWS1	55677	NM_017969.1	X	0	1510	1488	0	2872	1114	968	386,33	1,511550528	0,32405575
FLVCR1	28982	NM_014053.1	X	0	0	1359	700,6666667	1434	0	1311	1185	1,511673146	0,44858048
NCOA6	23054	NM_014071.2	208979_at	0	1145	1145	453,6666667	1206	1177	1278	1747,7	1,511710977	0,29098586
CTAGE5	4253	NM_203355.2	204055_s_at	0	0	1527	541	2943	715	0	1927,3	1,512142474	0,46309855
FAM126A	84668	NM_032581.2	X	0	1744	1299	0	1254	1540	1630	387,67	1,513109604	0,31557474
TRPC4AP	26133	NM_015638.2	212059_s_at	0	1007	1140	157,6666667	1274	983	1274	1368,7	1,513191562	0,28539957
RAB5C	5878	NM_004583.2	201156_s_at	0	1405	1438	0	1662	1595	1059	388	1,513349493	0,31117862
TMTC3	160418	NM_181783.2	X	0	1708	1177	741,3333333	2532	513	2133	1381,7	1,513599976	0,33062611
MTOR	2475	NM_004958.2	202288_at	0	0	0	547,3333333	0	0	1392	388,33	1,513721619	0,30751456
ADPGK	83440	NM_031284.3	220980_s_at	0	1604	1604	70	1604	1395	1604	388,67	1,514431594	0,31967884
ELAC2	60528	NM_018127.5	201767_s_at	0	1085	1323	0	1620	1439	859	388,67	1,514835072	0,29771123
CD81	975	NM_004356.3	200675_at	0	0	0	0	1397	0	0	388,67	1,514904072	0,30748365
MED28	80306	NM_025205.3	218438_s_at	0	1317	1611	700,3333333	2285	644	2008	1485,7	1,515786477	0,32423536
SNX22	79856	NM_024798.2	X	0	0	0	1072,666667	0	1402	0	2062	1,516082346	0,30745291
RECK	8434	NM_021111.1	205407_at	0	984	1124	0	1428	712	1522	389,33	1,516094279	0,28768201
MIF4GD	57409	NM_020679.2	X	0	0	0	773	0	1403	0	794,33	1,516317502	0,30744678
TRIP13	9319	NM_004237.2	204033_at	0	3233	2040	0	2094	2003	2210	390	1,516489182	0,35896684

GCC2	9648	NM_181453.2	202832_at	625	0	1868	364,6666667	616	2869	926	390	1,517014198	0,31174888
CRIP3	401262	NM_206922.2	X	0	0	0	0	0	1407	0	390,67	1,51725647	0,30742234
GLG1	2734	NM_012201.4	214730_s_at	0	1786	1204	507,6666667	1454	759	2732	391	1,517413353	0,32314768
TPRKB	51002	NM_016058.1	219030_at	0	1200	1366	288,3333333	1266	1302	1401	1792	1,517662189	0,29928575
PDZD8	118987	NM_173791.3	213549_at	0	1564	1258	0	1707	1046	1555	391,67	1,518436969	0,30905507
INO80B	83444	NM_031288.2	222093_s_at	0	1941	1972	0	1785	1472	2058	789,33	1,518573903	0,33570398
NOP10	55505	NM_018648.3	217962_at	0	0	0	564	0	1413	0	1289,3	1,518659981	0,30738589
TIGD1	200765	NM_145702.1	X	0	0	0	1096,333333	1415	0	0	1514,3	1,519126507	0,3073738
PUF60	22827	NM_014281.3	209899_s_at	0	1496	0	558,6666667	1418	0	1496	392,67	1,519825076	0,45319104
RER1	11079	NM_007033.3	202296_s_at	0	0	0	316,3333333	0	0	1420	1210,3	1,520289976	0,30734368
ZMYM1	79830	NM_024772.3	220206_at	0	0	0	208,3333333	1420	0	0	393,67	1,520289976	0,30734368
NUP50	10762	NM_007172.3	213682_at	0	0	0	0	1420	0	0	393,67	1,520289976	0,30734368
VSNL1	7447	NM_003385.4	203798_s_at	0	0	0	0	0	0	1421	393,67	1,520522183	0,30733768
ARHGAP24	83478	NM_001025616.2	221030_s_at	0	0	0	1076,333333	0	0	1421	1962,7	1,520522183	0,30733768
CLEC16A	23274	NM_015226.1	212786_at	0	1806	1482	0	822	3103	1487	395	1,520971429	0,33112624
PKD2L2	27039	NM_014386.2	221118_at	0	0	0	208,3333333	0	1423	0	1707,3	1,520986112	0,3073257
PRR13	54458	NM_018457.3	217794_at	0	1153	1705	325,3333333	2364	1189	994	511	1,521125741	0,31292854
MSI2	124540	NM_170721.1	X	0	1092	1594	0	804	1589	1937	865	1,521374119	0,30770981
HLA-E	3133	NM_005516.4	200904_at	0	1645	565	708,6666667	1875	1719	408	1187	1,521413086	0,30340759
ZNF566	84924	NM_032838.3	X	0	2540	2419	428,6666667	2687	1283	2540	396	1,52166198	0,35725731
CRK	1398	NM_005206.3	202224_at	0	0	0	1252,666667	1427	0	0	396,33	1,521912039	0,30730181
COX5B	1329	NM_001862.2	213735_s_at	0	0	0	484,6666667	1427	0	0	396,33	1,521912039	0,30730181
TAF11	6882	NM_005643.2	209358_at	0	1885	2721	859,3333333	2852	1029	2492	1583,3	1,522255562	0,35391595
TAOK3	51347	NM_016281.3	220761_s_at	0	0	0	460,6666667	1430	0	0	903,67	1,5226048	0,30728396
BNIP3	664	NM_004052.2	201849_at	0	0	0	313	0	0	1431	397	1,522835401	0,30727803
RDM1	201299	NM_145654.3	X	0	0	0	0	1432	0	0	1447,3	1,523065842	0,3072721
PARP12	64761	NM_022750.2	218543_s_at	0	0	0	362	0	0	1432	397,33	1,523065842	0,3072721
DPM3	54344	NM_018973.3	219373_at	0	1398	1119	0	1398	1543	1039	397,33	1,523316423	0,2970194
ANKRD42	338699	NM_182603.2	X	0	1596	3033	989	2271	1710	1789	794,67	1,523467124	0,34627916
TSPAN13	27075	NM_014399.3	217979_at	0	0	0	0	0	1438	0	397,67	1,524445154	0,30723666
MGAT3	4248	NM_002409.4	209764_at	695	0	0	0	2393	414	0	398,33	1,524897851	0,41204071
PRKACA	5566	NM_002730.3	202801_at	0	0	0	0	0	1443	0	741	1,525590237	0,30720732
PCDHGA7	56108	NM_018920.2	X	0	0	0	0	0	1444	0	399	1,525818782	0,30720147

BXDC5	80135	NM_025065.6	218462_at	1779	0	1338	0	1371	1406	1784	399	1,525982223	0,31398042
CCDC104	112942	NM_080667.5	X	0	1557	0	1506,666667	0	1531	1471	1654,7	1,52637176	0,45440762
CDC16	8881	NM_003903.3	209659_s_at	1056	0	1436	208,3333333	1809	886	1367	867,67	1,526390969	0,29764785
ITGA7	3679	NM_002206.1	209663_s_at	0	706	0	523,6666667	1869	545	0	1155,7	1,526799967	0,40595693
RDH5	5959	NM_002905.2	210106_at	0	706	0	0	1869	545	0	401,67	1,526799967	0,40595693
SLC17A9	63910	NM_022082.3	219559_at	0	0	0	0	0	0	1453	401,67	1,527868669	0,30714911
AUH	549	NM_001698.1	205052_at	0	0	1348	663,3333333	0	1182	1657	401,67	1,527951955	0,44492609
VPS4B	9525	NM_004869.3	218171_at	0	2120	1444	302,6666667	3094	822	1744	852,33	1,52820085	0,33508678
MRPS17	51373	NM_015969.2	218982_s_at	0	0	0	2276	0	1456	0	2686,3	1,528549173	0,30713177
IP6K1	9807	NM_001006115.2	219920_s_at	0	1389	0	0	1474	0	1376	402,67	1,52950248	0,44619876
PIK3R3	8503	NM_003629.2	202743_at	0	886	2101	662	2215	1058	1161	402,67	1,529668828	0,31101276
C20orf117	140710	NM_199181.2	207711_at	0	0	0	529,6666667	1462	0	0	1453,3	1,529906027	0,30709727
CYorf15A	246126	NM_001005852.2	X	0	0	0	529	0	1463	0	403	1,530131633	0,30709154
GPN1	11321	NM_007266.2	209313_at	0	2406	1097	726	2451	1535	1028	1230,3	1,530772572	0,32497688
C2orf64	493753	NM_001008215.1	X	0	906	1047	0	1080	1150	1121	1472,3	1,530945056	0,27121626
PCBP2	5094	NM_001098620.1	213263_s_at	0	1551	728	1653	1331	943	1323	2170	1,531215135	0,28438456
MTX3	345778	NM_001010891.3	X	0	0	0	2124	0	0	1468	2454,3	1,53125738	0,30706299
INCA1	388324	NM_213726.1	X	0	0	0	867,6666667	0	1470	0	1059,7	1,531706617	0,30705161
C9orf140	89958	NM_178448.2	X	0	0	0	278	0	0	1477	405,33	1,533274193	0,30701199
UAP1L1	91373	NM_207309.1	214755_at	0	0	0	0	0	0	1477	405,33	1,533274193	0,30701199
CDC2L2	728642	NM_033529.2	211289_x_at	0	1063	1063	0	1187	1187	1187	405,33	1,53381688	0,27804589
HEATR6	63897	NM_022070.4	218991_at	0	0	0	979	1481	0	0	405,67	1,534166652	0,30698949
C22orf23	84645	NM_032561.2	X	0	1673	1798	0	1706	1563	1673	922,67	1,534595295	0,32038572
GGCX	2677	NM_000821.3	214005_at	0	1384	1213	2135,333333	1730	1007	1428	2178	1,534600293	0,29758643
RABGGTA	5875	NM_004581.3	203573_s_at	0	0	0	510	1483	0	0	406,67	1,534611988	0,30697827
TTC31	64427	NM_022492.3	218838_s_at	0	2662	3145	0	2061	2827	2133	406,67	1,534641486	0,3626123
CYP2B6	1555	NM_000767.4	206755_at	0	0	0	710,6666667	0	0	1484	406,67	1,534834432	0,30697267
CCDC115	84317	NM_032357.2	X	0	1950	1835	850,6666667	2951	2541	705	2132,7	1,535393636	0,3425455
PTK2	5747	NM_153831.2	207821_s_at	0	0	0	1076,333333	0	1488	0	1677,7	1,53572273	0,30695033
ELK1	2002	NM_005229.2	203617_x_at	0	0	0	0	1488	0	0	408	1,53572273	0,30695033
SEL1L	6400	NM_005065.3	202064_s_at	0	1305	0	936	1842	0	1054	1632	1,535919752	0,441783
ERAP2	64167	NM_022350.2	219759_at	0	0	0	1056,333333	0	1491	0	1578	1,536387402	0,30693364
CYBRD1	79901	NM_024843.2	217889_s_at	0	0	0	0	0	0	1494	855,33	1,537050753	0,30691701

CCDC93	54520	NM_019044.3	219774_at	0	0	2215	620,3333333	1950	1699	0	1997,3	1,537341853	0,47452651
C11orf17	56672	NM_020642.3	219953_s_at	0	0	0	301	1496	0	0	1199	1,537492254	0,30690595
GLTP	51228	NM_016433.3	219267_at	0	0	0	214,6666667	1497	0	0	823	1,537712785	0,30690043
GALNT6	11226	NM_007210.3	219956_at	0	0	0	208,3333333	0	1501	0	1070	1,538593455	0,3068784
ANKRD54	129138	NM_138797.1	X	0	1482	420	1036,6666667	1524	436	1408	410,33	1,538754485	0,27845568
KPNA6	23633	NM_012316.4	212103_at	0	1783	747	329,3333333	2375	838	1005	893,33	1,538979709	0,29858255
RPP25	54913	NM_017793.2	219143_s_at	0	0	0	636,6666667	0	0	1505	629,67	1,539471804	0,30685647
CHKB	1120	NM_005198.3	204193_at	0	0	0	858,3333333	1506	0	0	2277,7	1,53969103	0,306851
ERGIC1	57222	NM_001031711.1	X	0	0	0	381,6666667	0	1506	0	411	1,53969103	0,306851
MRP63	78988	NM_024026.4	204386_s_at	0	1030	1404	0	681	1182	2693	411	1,539786319	0,30179521
FKBP1B	2281	NM_004116.2	209931_s_at	0	0	0	0	1508	0	0	1088,7	1,540129051	0,30684008
DPP8	54878	NM_017743.4	220939_s_at	0	1093	1140	477,3333333	1259	1222	1222	411,67	1,540195963	0,28062682
PNPO	55163	NM_018129.2	218511_s_at	0	0	0	559,3333333	1510	0	0	1086,7	1,540566496	0,30682918
TADA1L	117143	NM_053053.2	X	0	0	0	0	0	0	1512	1141,7	1,541003368	0,30681831
C2orf28	51374	NM_080592.2	219329_s_at	0	2915	1283	1302,3333333	2834	1839	1085	1669	1,541167246	0,33745118
ABCD4	5826	NM_005050.2	203982_s_at	0	0	0	396	1514	0	0	1506,7	1,541439668	0,30680746
EIF4E2	9470	NM_004846.2	213571_s_at	0	0	0	1156,3333333	1515	0	0	1648,7	1,541657604	0,30680204
TMEM147	10430	NM_032635.2	202475_at	0	1008	0	0	1401	0	1091	413,67	1,541850496	0,42187266
AGTPBP1	23287	NM_015239.1	204500_s_at	1412	0	2462	0	2837	1442	1290	413,67	1,542561886	0,33065019
SPN	6693	NM_001030288.1	216981_x_at	0	1678	0	990,3333333	0	1305	1955	993,33	1,542956085	0,45629106
PHF11	51131	NM_001040444.1	221816_s_at	0	0	0	1528,6666667	0	1522	0	1137,3	1,543179181	0,30676428
TMEM134	80194	NM_025124.2	218531_at	0	0	0	0	0	1524	0	414,67	1,543612644	0,30675354
ACO1	48	NM_002197.1	207071_s_at	0	0	0	0	1524	0	0	414,67	1,543612644	0,30675354
HJURP	55355	NM_018410.3	218726_at	0	948	0	1346,6666667	1948	0	740	1754	1,543614444	0,42075931
SNX32	254122	NM_152760.2	X	0	1391	0	514	1530	0	1391	830,67	1,544909663	0,4430392
ROR1	4919	NM_005012.2	205805_s_at	0	0	0	765,3333333	0	0	1530	1451,7	1,544909663	0,30672146
MORF4L2	9643	NM_012286.1	201994_at	0	0	0	337,3333333	1530	0	0	862,67	1,544909663	0,30672146
TELO2	9894	NM_016111.2	34260_at	0	0	0	394,6666667	0	0	1531	1728,3	1,545125343	0,30671614
TINP1	10412	NM_014886.3	201922_at	0	1277	1366	1238,3333333	2534	1695	618	1617,7	1,545205146	0,30866957
CLPB	81570	NM_030813.3	221845_s_at	0	0	0	864,3333333	1532	0	0	418,67	1,545340883	0,30671082
LCLAT1	253558	NM_001002257.1	X	0	0	0	0	0	0	1532	418,67	1,545340883	0,30671082
TCF25	22980	NM_014972.1	221495_s_at	0	1423	1585	375	1530	1386	1630	419	1,54546625	0,30523894
WDR25	79446	NM_024515.3	219609_at	0	0	0	0	0	0	1535	419,67	1,54598667	0,30669489

G3BP1	10146	NM_005754.2	201514_s_at	0	2149	3718	0	2290	2211	2427	420,67	1,546212941	0,3583713	
KIF4A	24137	NM_012310.3	218355_at	0	0	0	397,6666667	0	0	1538	420,67	1,546631207	0,30667901	
BCL2L1	598	NM_138578.1	212312_at	0	1660	2707	0	3046	1225	1851	421	1,54672505	0,33995898	
CCDC64	92558	NM_207311.2	215015_at	0	0	0	0	0	1540	0	422	1,547060208	0,30666845	
EGR1	1958	NM_001964.2	201694_s_at	0	0	0	465	1540	0	0	1344,3	1,547060208	0,30666845	
HSD17B14	51171	NM_016246.2	219113_x_at	0	0	0	0	1545	0	0	422,33	1,5481303	0,30664214	
SOD1	6647	NM_000454.4	200642_at	699	0	0	260,6666667	1157	937	0	422,67	1,548699614	0,39405286	
C17orf60	284021	NM_001085423.1	X	0	0	0	268,3333333	0	1548	0	422,67	1,54877071	0,30662643	
TRIM21	6737	NM_003141.3	204804_at	0	0	0	370	1549	0	0	1006,7	1,548983907	0,3066212	
NUDT16L1	84309	NM_032349.2	X	0	0	0	0	0	1549	0	423,33	1,548983907	0,3066212	
FIG4	9896	NM_014845.4	203656_at	0	0	0	844	0	1550	0	1227	1,549196967	0,30661598	
C2CD2L	9854	NM_014807.3	204757_s_at	0	3508	2628	1256,666667	2091	2519	2716	858	1,54924496	0,3621885	
CEP290	80184	NM_025114.3	205250_s_at	0	1614	1469	216,6666667	2532	677	2133	1818,7	1,549427218	0,31962582	
NDUFC2	4718	NM_004549.3	206936_x_at	0	1336	1438	0	1336	1336	1672	424,33	1,549957185	0,29732224	
ZNF653	115950	NM_138783.2	X	0	0	0	140	0	1557	0	1342	1,550684591	0,30657957	
YJEFN3	374887	NM_198537.2	X	0	0	0	0	0	1557	0	424,67	1,550684591	0,30657957	
FBXO10	26267	NM_012166.2	X	0	0	0	0	0	1558	0	425	1,550896567	0,30657439	
TMSL3	7117	NM_183049.2	216438_s_at	0	0	0	0	0	0	0	1561	425	1,55153169	0,30655888
C22orf15	150248	NM_182520.1	X	695	0	0	0	0	1043	1043	1331	1,551652018	0,39282244	
U2AF1	7307	NM_001025204.1	202858_at	0	992	1124	388,6666667	916	992	1914	1377,7	1,551686709	0,27762018	
DUSP28	285193	NM_001033575.1	X	0	1626	2829	634,6666667	2098	1021	3351	1312,3	1,552129577	0,34327118	
TMEM97	27346	NM_014573.2	214283_at	0	1233	1292	982	1140	1364	1602	1800,7	1,552153299	0,28892315	
VPS28	51160	NM_016208.2	218679_s_at	0	2242	2242	0	2318	1729	1962	428,67	1,552182982	0,33698898	
SHCBP1	79801	NM_024745.3	219493_at	0	1338	1289	301,6666667	1589	1068	1589	428,67	1,552226751	0,29301715	
SLC24A6	80024	NM_024959.2	218749_s_at	0	0	0	0	0	0	0	1565	429	1,552376642	0,30653828
TTL	150465	NM_153712.4	X	0	1741	2278	0	1839	1839	1839	429	1,552947327	0,32702429	
HCST	10870	NM_001007469.1	X	0	0	0	1106,333333	1570	0	0	1809,3	1,553429828	0,30651264	
KIAA1841	84542	NM_032506.1	X	0	0	0	763,3333333	0	0	1570	1220,3	1,553429828	0,30651264	
AMDHD1	144193	NM_152435.1	X	0	740	0	828	1246	934	0	1410	1,553433728	0,39744066	
KPNB1	3837	NM_002265.4	213507_s_at	0	214	1084	490,3333333	1430	133	1852	1834	1,55374562	0,29012887	
SLAIN2	57606	NM_020846.1	X	0	843	1232	1777,333333	562	1513	1915	1982	1,554560757	0,28243793	
IMP4	92856	NM_033416.1	212411_at	0	1950	1779	0	2951	2541	725	430,67	1,554772585	0,33522214	
PITX3	5309	NM_005029.3	208277_at	0	1257	1797	0	1494	1144	2083	430,67	1,554890886	0,30572755	

ASCC2	84164	NM_032204.3	215684_s_at	0	0	840	0	1501	883	0	430,67	1,554949655	0,40715585
NICN1	84276	NM_032316.3	X	0	0	0	1005,333333	1578	0	0	1180,7	1,555108036	0,30647189
TBC1D22B	55633	NM_017772.2	216549_s_at	0	0	0	569	1578	0	0	675	1,555108036	0,30647189
UQCRC1	7384	NM_003365.2	201903_at	0	1387	1593	288,6666667	1823	1311	1459	433	1,555212943	0,30225835
AMICA1	120425	NM_001098526.1	X	0	0	0	617,6666667	0	0	1581	1314	1,555735192	0,30645669
EME2	197342	NM_001010865.1	X	0	1301	0	2455,333333	0	1248	1648	433,67	1,55574043	0,43653409
ISOC1	51015	NM_016048.2	218170_at	0	0	1555	235	2026	1213	0	433,67	1,555818724	0,44898465
DOPEY1	23033	NM_015018.2	213271_s_at	0	0	0	528,6666667	1582	0	0	917	1,555943982	0,30645164
LPGAT1	9926	NM_014873.1	202651_at	0	0	0	0	1583	0	0	436,33	1,556152642	0,30644659
PPAP2A	8611	NM_176895.1	210946_at	0	0	0	300,6666667	0	1583	0	436,67	1,556152642	0,30644659
TSNARE1	203062	NM_145003.1	X	0	0	0	866,6666667	0	0	1583	1350,3	1,556152642	0,30644659
SCLY	51540	NM_016510.4	221575_at	0	1208	0	0	0	1270	1506	437,67	1,556174984	0,43124472
FAM65A	79567	NM_024519.2	45749_at	0	0	0	239,6666667	0	0	1586	1288,3	1,556777837	0,30643147
EYA2	2139	NM_005244.3	209692_at	0	0	0	386,6666667	0	1588	0	1040	1,557193984	0,30642141
GBF1	8729	NM_004193.1	201439_at	0	1602	2029	0	1494	1376	2513	440	1,557707465	0,32007287
MUC20	200958	NM_152673.2	X	0	0	0	330,6666667	1591	0	0	1089,7	1,557817231	0,30640637
MORN1	79906	NM_024848.1	219852_s_at	0	0	0	386,3333333	0	0	1599	1377,7	1,559473549	0,30636647
RARS	5917	NM_002887.3	X	0	0	0	0	1600	0	0	1427	1,559680012	0,30636151
TSPAN14	81619	NM_030927.1	221002_s_at	0	0	1158	1043,333333	0	1494	1241	2022,3	1,559839919	0,42761541
MED18	54797	NM_017638.1	221650_s_at	0	0	0	1569,6666667	0	0	1602	1952	1,560092553	0,30635159
ZCCHC10	54819	NM_017665.1	221193_s_at	0	0	922	1399,333333	1999	738	0	1920,7	1,560403273	0,4155602
ZFAND6	54469	NM_019006.2	221613_s_at	0	0	0	460	0	1604	0	1672	1,560504584	0,3063417
C16orf74	404550	NM_206967.2	X	0	0	0	0	0	0	1605	443	1,560710409	0,30633676
ODF3B	440836	NM_001014440.2	X	0	0	1707	2493,6666667	0	1865	1469	2364	1,560743864	0,45328491
ORAOV1	220064	NM_153451.2	X	0	1176	0	610,3333333	1574	1200	0	443,67	1,560920251	0,42859584
PIGZ	80235	NM_025163.2	220041_at	0	0	0	2215	0	1611	0	1966,3	1,561942696	0,30630722
LY9	4063	NM_002348.2	215967_s_at	0	0	0	1620	0	1614	0	1785	1,562557136	0,30629252
ZDHC21	340481	NM_178566.2	X	0	0	0	1215,333333	0	1614	0	1168	1,562557136	0,30629252
HEATR2	54919	NM_017802.3	218460_at	0	0	0	0	0	0	1617	444,67	1,563170445	0,30627786
GRB7	2886	NM_005310.2	210761_s_at	0	1093	1071	1379,333333	1378	1173	1173	1828,7	1,563549802	0,27165259
MRPL35	51318	NM_016622.2	218890_x_at	0	661	984	0	857	2127	576	446,67	1,563700879	0,26099246
PGS1	9489	NM_024419.3	219394_at	729	0	0	607,6666667	0	869	1361	859,33	1,563767282	0,39477249
SNIP1	79753	NM_024700.2	219409_at	0	1396	1293	0	1604	1329	1373	869,33	1,564076644	0,29050342

C17orf65	339201	NM_178542.3	X	0	670	1234	1068,333333	490	1224	2223	1410	1,56412955	0,27661424
SSNA1	8636	NM_003731.1	210378_s_at	0	1353	1548	711,6666667	1568	1635	1325	1082	1,56417163	0,29702059
CCBL2	56267	NM_001008662.1	209472_at	0	0	0	1093,666667	0	1622	0	448,33	1,564190125	0,30625352
TRIM9	114088	NM_015163.4	209859_at	0	0	0	1576,666667	0	1624	0	1959	1,564597126	0,30624382
FTSJD2	23070	NM_015050.1	212380_at	0	1383	1317	726,6666667	3006	657	1489	449	1,56473335	0,30632081
C14orf93	60686	NM_021944.1	219009_at	0	0	0	1631,333333	0	0	1625	2071,7	1,56480044	0,30623898
BHLHE23	128408	NM_080606.2	X	0	0	0	72,66666667	0	0	1626	1737,7	1,56500363	0,30623414
PARVG	64098	NM_022141.4	X	0	0	0	678,6666667	0	1627	0	452,33	1,565206696	0,3062293
COG8	84342	NM_032382.3	219575_s_at	0	2386	1799	208,3333333	1641	2082	2046	452,33	1,565463173	0,32720318
H2AFY	9555	NM_004893.2	207168_s_at	1044	0	0	2946,666667	1305	0	1305	2951	1,565881161	0,41907609
ACOT7	11332	NM_181864.2	208002_s_at	0	0	0	870,3333333	0	0	1631	2154,7	1,566017727	0,30621001
EXOSC4	54512	NM_019037.2	58696_at	0	0	975	0	1206	0	1320	1715,3	1,566118967	0,41427951
GPAA1	8733	NM_003801.3	201618_x_at	0	0	975	0	1206	0	1320	454	1,566118967	0,41427951
FBF1	85302	NM_001080542.1	X	0	0	0	0	1634	0	0	454	1,566624707	0,3061956
RBL1	5933	NM_002895.2	205296_at	0	0	0	375,3333333	0	0	1634	454	1,566624707	0,3061956
GMCL1	64395	NM_178439.3	218458_at	0	2372	2580	964,6666667	1537	2543	2559	1555,3	1,566770816	0,3422632
CRYL1	51084	NM_015974.2	220753_s_at	0	0	0	0	0	0	1635	454,67	1,566826789	0,3061908
RANBP2	5903	NM_006267.4	201712_s_at	0	0	0	1103,333333	1638	0	0	1150,7	1,567432299	0,30617644
GPKOW	27238	NM_015698.3	203776_at	0	0	0	651,6666667	1638	0	0	1319,3	1,567432299	0,30617644
ITGB2	3689	NM_000211.2	202803_s_at	876	0	0	1704	0	1610	892	1496,3	1,567670305	0,40781524
MED13	9969	NM_005121.2	201987_at	0	3195	838	1473,666667	2390	838	2193	1839,3	1,567690391	0,32626417
TRPM7	54822	NM_017672.3	X	0	1519	1738	0	946	2814	1622	1053,7	1,567835163	0,31331795
ZNF700	90592	NM_144566.1	X	0	0	0	217,3333333	0	1640	0	621,67	1,567835362	0,30616689
C1orf89	79363	NM_030907.2	220963_s_at	0	0	0	0	0	1641	0	456,33	1,568036711	0,30616212
UBR1	197131	NM_174916.2	X	0	2333	1595	0	2000	1468	2081	456,33	1,568208007	0,32146472
PAXIP1	22976	NM_007349.3	212825_at	0	1096	1228	728	739	1228	2427	456,67	1,568299677	0,28673763
COIL	8161	NM_004645.2	203654_s_at	0	0	0	571,3333333	1643	0	0	787	1,568439045	0,3061526
KLHL2	11275	NM_007246.2	219157_at	1012	0	0	0	1397	0	1191	457,33	1,568459795	0,4164775
EIF2S3	1968	NM_001415.3	205321_at	2021	1531	0	0	2386	828	2564	2030	1,568515251	0,32252643
SLC2A3	6515	NM_006931.1	216236_s_at	0	0	0	306,3333333	1644	0	0	457,67	1,56864003	0,30614784
KLF5	688	NM_001730.3	209211_at	0	0	0	0	1644	0	0	457,67	1,56864003	0,30614784
BTG3	10950	NM_006806.3	213134_x_at	0	1665	819	0	2177	876	1177	458,33	1,569156416	0,28661107
ZNF239	8187	NM_001099282.1	206261_at	0	0	0	374,3333333	0	0	1648	458,67	1,569442759	0,30612887

CCDC62	84660	NM_032573.3	X	0	0	0	448	1648	0	0	459,33	1,569442759	0,30612887
ERP29	10961	NM_006817.3	201216_at	0	2532	2462	493	3454	1413	2104	1626	1,569608748	0,34478291
SLC19A1	6573	NM_194255.1	209777_s_at	0	0	0	0	0	0	1649	459,67	1,56964314	0,30612414
MOGS	7841	NM_006302.2	210627_s_at	0	2549	2816	1826,666667	3029	1977	1977	3148,7	1,56965243	0,34718531
SLC35A3	23443	NM_012243.1	206770_s_at	0	0	1897	0	0	1827	1714	1485	1,569983469	0,45791384
SLC25A30	253512	NM_001010875.1	216712_at	0	0	0	0	0	0	1651	1300,7	1,570043541	0,30611469
RNFT2	84900	NM_032814.3	221908_at	0	0	0	0	1653	0	0	1283,7	1,570443461	0,30610525
FOXN4	121643	NM_213596.1	X	0	0	0	412	0	0	1654	2116,7	1,570643241	0,30610055
WDR35	57539	NM_020779.3	X	0	0	0	0	0	0	1657	788	1,571241864	0,30608645
LOH12CR1	118426	NM_058169.2	X	1289	0	2044	307	1444	1290	2343	966,67	1,5712721	0,30843872
COPB1	1315	NM_016451.3	201359_at	649	0	0	869,6666667	999	0	1081	953,67	1,571582767	0,3837633
TNNC1	7134	NM_003280.1	209904_at	0	0	494	885,3333333	1042	791	0	1981	1,571591837	0,36356804
LTBP1	4052	NM_206943.1	202729_s_at	0	0	0	902,6666667	1660	0	0	1347	1,571839414	0,30607239
ANG	283	NM_001097577.1	205141_at	1211	0	4335	0	1884	2004	2317	1274	1,572142812	0,34244311
RNASE4	6038	NM_194431.1	205158_at	1211	0	4335	0	1884	2004	2317	465,67	1,572142812	0,34244311
AKD1	221264	NM_145025.3	X	0	0	0	530,3333333	0	1666	0	467,33	1,573031311	0,30604439
STRBP	55342	NM_018387.2	X	0	0	0	0	1668	0	0	467,33	1,573427664	0,30603509
SEPHS2	22928	NM_012248.2	200961_at	0	0	0	603	0	0	1670	559,33	1,573823547	0,30602581
C8orf38	137682	NM_152416.2	X	1330	0	0	0	2327	954	0	469	1,574275221	0,43676486
ARL6IP4	51329	NM_016638.2	218216_x_at	0	3660	1447	987,6666667	765	2640	4365	2375	1,574459535	0,35531079
TRMT11	60487	NM_001031712.2	218877_s_at	1253	1351	0	256,6666667	2628	2226	479	470	1,574664843	0,30843129
PEX14	5195	NM_004565.2	33760_at	0	954	729	348	1100	1012	1049	470	1,574813905	0,24581285
ZNF432	9668	NM_014650.2	X	0	1936	0	683	0	1676	1936	1599,3	1,575008383	0,45820739
CCDC59	29080	NM_014167.3	218936_s_at	0	1734	0	683	0	1135	2562	1643,7	1,575682919	0,45319239
ZNF211	10520	NM_006385.2	205437_at	0	0	0	0	1680	0	0	1028	1,57579594	0,30597968
LEMD2	221496	NM_181336.2	X	0	0	1043	691	1510	1161	0	471,67	1,575812668	0,417245
PARP2	10038	NM_005484.3	214086_s_at	0	0	0	792,6666667	128	0	163	1434,7	1,576175926	0,09497176
ZNF182	7569	NM_001007088.1	X	0	0	0	681,6666667	1682	0	0	472,67	1,576189021	0,3059705
DNAJC25	548645	NM_001015882.2	X	0	1024	1011	1423	1547	1547	727	1320,7	1,576435562	0,26827786
GALNTL4	374378	NM_198516.1	212075_s_at	0	0	0	0	0	0	1684	473,33	1,57658164	0,30596134
GLTPD1	80772	NM_001029885.1	220734_s_at	0	0	1172	0	0	1217	1622	473,67	1,576593375	0,42515967
DNAJC25-GNG	552891	NM_004125.2	201921_at	0	990	1045	907,6666667	1547	1547	727	476	1,576658898	0,26820893
ARID3C	138715	NM_001017363.1	X	0	1433	1200	0	1614	1284	1399	477	1,576920447	0,28514795

PIGM	93183	NM_145167.2	X	0	2787	1902	0	1894	1444	3267	1460	1,577131324	0,33651014
GNB3	2784	NM_002075.2	206047_at	0	0	0	208,3333333	0	1689	0	477,67	1,577561169	0,30593853
PSMA7	5688	NM_002792.2	201114_x_at	0	931	1175	1208	1760	1294	812	1372,7	1,578125936	0,26947918
RUVBL1	8607	NM_003707.1	201614_s_at	0	1546	792	1964,3333333	1429	1094	1328	2583,7	1,578197238	0,2733662
GFM2	84340	NM_170691.1	X	0	1544	1027	417,6666667	2534	1356	779	1018,7	1,578362751	0,29171442
PHF1	5252	NM_002636.3	202928_s_at	0	569	0	0	1694	0	569	479,33	1,578537827	0,37824832
RFX3	5991	NM_134428.1	217671_at	0	2337	3815	295	3439	2503	1756	922,67	1,578705506	0,35544748
ATF1	466	NM_005171.3	222103_at	0	2341	1229	727,3333333	1336	2672	1367	1577,7	1,579069977	0,31264612
BRIP1	83990	NM_032043.1	221703_at	0	2647	1816	243,6666667	2698	1525	1983	480,33	1,579249741	0,32984217
CCRL1	51554	NM_016557.2	220351_at	0	0	0	0	0	0	1698	481	1,579317099	0,30589772
ZSCAN21	7589	NM_145914.2	X	0	0	0	0	0	1705	0	481,33	1,580676456	0,30586623
PAFAH2	5051	NM_000437.3	205232_s_at	0	938	793	233,3333333	1113	1033	1106	482	1,580863186	0,24685689
CAGE1	285782	NM_205864.2	X	0	1591	2341	489,6666667	3075	2114	975	1458,7	1,580922113	0,32551342
TAS1R3	83756	NM_152228.1	X	0	0	1156	0	0	1217	1622	1631	1,581117052	0,42329441
RPUSD4	84881	NM_032795.1	X	0	2014	1187	714,3333333	1537	1006	2638	2837,7	1,581397739	0,30554577
LRRC47	57470	NM_020710.1	212904_at	0	0	0	85,33333333	0	0	1712	746	1,582030292	0,30583493
TEX261	113419	NM_144582.2	212083_at	0	898	1428	1209	1176	1884	991	1855,3	1,58203433	0,2752933
CCDC121	79635	NM_024584.2	220321_s_at	0	2246	1473	1378,6666667	2291	1761	1404	1556,3	1,582098471	0,31356363
PRKCI	5584	NM_002740.5	213518_at	0	1637	1592	0	1264	2029	1740	484,33	1,582268456	0,30238855
MFAP3	4238	NM_005927.3	213123_at	0	0	1895	389	2327	1396	0	823,33	1,582635258	0,45605303
CRCP	27297	NM_014478.4	203898_at	0	1112	1112	349	2056	1292	797	484,67	1,582699229	0,275285
ADPRH	141	NM_001125.2	207863_at	0	0	0	525,6666667	1716	0	0	1761,7	1,582801451	0,30581714
TLE2	7089	NM_003260.3	204431_at	0	0	779	0	890	1504	0	1046	1,582869595	0,39604719
UNC50	25972	NM_014044.4	203583_at	0	1173	1314	0	1347	1417	1388	485,33	1,583215385	0,27819219
VAMP4	8674	NM_003762.3	213480_at	0	1207	2420	0	1126	1531	2909	1593	1,583266008	0,31456092
AMBRA1	55626	NM_017749.2	219141_s_at	0	826	824	1024,6666667	912	1079	1192	1233,7	1,583530067	0,24249754
ERO1L	30001	NM_014584.1	218498_s_at	0	0	1176	1535,3333333	1669	1212	0	2124,3	1,583551956	0,42404191
ZFAND3	60685	NM_021943.1	218020_s_at	734	1866	0	0	1658	1120	1273	487,33	1,583753175	0,28042434
SPACA5	389852	NM_205856.2	X	0	0	0	0	1725	0	0	487,67	1,584530064	0,30577735
C15orf55	256646	NM_175741.1	X	0	1040	0	481,6666667	0	941	1906	488	1,584670943	0,41693315
BLMH	642	NM_000386.2	202179_at	0	0	1115	941,6666667	1166	0	1651	1620,3	1,584758175	0,42022748
VARS2	57176	NM_020442.3	X	0	1528	1905	1757,3333333	2430	1025	2020	2056,7	1,585804324	0,31017581
LYST	1130	NM_000081.2	210943_s_at	0	0	0	687,3333333	0	0	1734	1019,3	1,586249758	0,30573789

MAN1A2	10905	NM_006699.3	217922_at	0	1291	4068	880	2613	2905	1202	1262	1,586699855	0,34160187
PLAC8	51316	NM_016619.1	219014_at	0	0	0	0	0	0	1739	490	1,587201324	0,3057161
SMURF1	57154	NM_020429.1	212668_at	0	0	1062	706	1759	0	1050	1314,7	1,587245788	0,41694013
GALE	2582	NM_001008216.1	202528_at	0	0	0	312,6666667	1740	0	0	1050,7	1,587391312	0,30571176
TTC14	151613	NM_133462.2	X	0	1185	0	0	1594	0	1295	492,33	1,587674509	0,42349471
RRAGC	64121	NM_022157.2	218088_s_at	0	1679	2575	0	2123	1722	2063	492,33	1,588130266	0,32168001
BIRC3	330	NM_001165.3	210538_s_at	1461	0	3010	190,6666667	2944	1243	2104	1622	1,589592357	0,32826337
RBM34	23029	NM_015014.1	214942_at	0	1977	2312	254	1806	1772	2502	984	1,589659262	0,32313865
SMG5	23381	NM_015327.1	212147_at	0	2720	2648	228	3015	1350	3097	649,67	1,589700997	0,34524177
TMEM154	201799	NM_152680.1	X	0	0	0	120,6666667	1755	0	0	493,67	1,590228208	0,30564706
GPR132	29933	NM_013345.2	221140_s_at	0	0	0	236	0	0	1756	493,67	1,590416479	0,30564278
CCDC38	120935	NM_182496.1	X	0	983	0	0	1489	1161	0	494,67	1,590651385	0,41007615
TMEM217	221468	NM_145316.2	X	0	0	0	306,3333333	1758	0	0	2904,3	1,590792702	0,30563422
PANK3	79646	NM_024594.2	221751_at	0	1429	1241	932,3333333	1707	1070	1707	495,67	1,590969589	0,2842364
CSDA	8531	NM_003651.3	201161_s_at	0	0	0	971	0	0	1759	495,67	1,590980654	0,30562995
C16orf63	123811	NM_144600.2	X	0	1263	0	311,6666667	1759	1263	0	495,67	1,590980654	0,42738446
SNX8	29886	NM_013321.1	X	0	0	0	0	1759	0	0	496	1,590980654	0,30562995
TMEM116	89894	NM_138341.1	X	0	2532	2385	421	3454	1596	1927	1007,3	1,591253329	0,33661649
RASA3	22821	NM_007368.2	206221_at	0	0	0	2676,666667	0	1762	0	2178,3	1,591543876	0,30561716
WNK4	65266	NM_032387.3	X	0	1560	1229	878,3333333	1788	1125	1683	496,33	1,592349702	0,28718737
TBX6	6911	NM_004608.2	207684_at	0	2056	1570	0	2370	1354	1777	866,33	1,592567024	0,30944298
TTC35	9694	NM_014673.3	203584_at	2163	2179	0	0	3221	954	2702	498	1,592649118	0,33271546
ASB7	140460	NM_198243.1	219996_at	1052	1646	0	643	1370	980	2280	1010,3	1,592951572	0,28700335
MED27	9442	NM_004269.2	51176_at	0	2280	2280	282	2294	1815	2210	1014,7	1,593042268	0,3267225
ALCAM	214	NM_001627.2	201952_at	0	0	0	231,6666667	1771	0	0	500	1,593227853	0,305579
MTR	4548	NM_000254.1	203774_at	0	0	772	104,3333333	1371	0	1000	501,33	1,593514207	0,39250651
AP3S1	1176	NM_001284.2	202442_at	0	2464	1615	1677,666667	2251	1698	1847	1957	1,59372779	0,3169285
MGST2	4258	NM_002413.3	204168_at	0	0	0	792,6666667	0	1774	0	1432,7	1,593787294	0,30556635
TRMT1	55621	NM_017722.2	203701_s_at	1544	0	1847	527,6666667	1766	1583	1810	502	1,593839049	0,30178374
SCD	6319	NM_005063.4	211708_s_at	0	4735	1637	0	2286	3184	1893	502	1,593937143	0,34975453
IGHMBP2	3508	NM_002180.2	215980_s_at	0	0	0	789,6666667	0	0	1776	971	1,594159734	0,30555793
NUBPL	80224	NM_025152.2	220176_at	0	0	0	0	0	0	1776	504	1,594159734	0,30555793
ZSWIM7	125150	NM_001042698.1	X	0	0	0	899	1777	0	0	504	1,594345797	0,30555373

C8orf80	389643	NM_001010906.1	X	0	0	496	661	731	1215	0	964,67	1,595025086	0,36026957
NFKBID	84807	NM_139239.1	X	0	0	0	578,6666667	1781	0	0	505,67	1,595089016	0,30553696
LY96	23643	NM_015364.2	206584_at	0	0	0	837,3333333	1781	0	0	1022,7	1,595089016	0,30553696
CLN3	1201	NM_000086.2	210859_x_at	0	2267	1761	0	2116	1537	2186	507,33	1,595112253	0,31637718
KIF18A	81930	NM_031217.3	221258_s_at	0	1853	1381	1127,6666667	2411	791	2381	1339,7	1,595199563	0,30775955
CARD8	22900	NM_014959.1	204950_at	0	0	0	755	0	0	1782	1707,3	1,595274562	0,30553278
FAM76A	199870	NM_152660.1	216897_s_at	0	0	850	0	1298	1169	0	2152,7	1,595314661	0,39866823
PSMB8	5696	NM_004159.4	209040_s_at	0	4099	3787	0	2825	1779	5504	508	1,595410181	0,37442465
LYN	4067	NM_002350.1	202625_at	1164	1667	0	429,3333333	2891	1375	868	508	1,59556871	0,29565851
WDR76	79968	NM_024908.2	205519_at	731	854	481	710,6666667	3915	2602	3735	1932,7	1,595681691	0,01297096
TMEM14B	81853	NM_030969.2	221452_s_at	0	0	1426	1299,3333333	3163	801	0	1665,3	1,595759635	0,44070895
GPS2	2874	NM_004489.4	209350_s_at	0	0	0	427,6666667	1787	0	0	1409	1,596200746	0,30551191
TRIM28	10155	NM_005762.2	200990_at	0	1598	1256	872	1553	1454	1591	2346,3	1,596644907	0,28627758
PRKRIR	5612	NM_004705.2	209323_at	0	2441	3148	1720,6666667	2816	2031	2407	1347	1,596920147	0,34177064
MTMR12	54545	NM_001040446.1	220953_s_at	0	0	908	0	0	1305	1252	510	1,598038253	0,40277109
ZNF561	93134	NM_152289.1	X	1166	1448	0	392,3333333	1448	1448	1448	510	1,598107262	0,27833538
ZCCHC8	55596	NM_017612.2	218478_s_at	0	1369	1369	278	1056	1264	2521	1092	1,598336238	0,28830208
TSR1	55720	NM_018128.4	218155_x_at	0	1535	773	0	2030	1500	700	510,33	1,598349276	0,27500547
C12orf49	79794	NM_024738.1	218867_s_at	0	0	0	700,3333333	1800	0	0	1655,3	1,598596849	0,3054581
PMPCA	23203	NM_015160.1	212088_at	0	1343	1551	1752,3333333	1538	1647	1481	1992,7	1,59872419	0,28705431
RNASEH2C	84153	NM_032193.3	X	0	1435	919	79,33333333	1903	919	1358	1860,7	1,598807542	0,27249324
C22orf9	23313	NM_001009880.1	212421_at	0	0	0	589	0	1802	0	511,67	1,598963956	0,30544988
GALC	2581	NM_000153.2	204417_at	0	0	0	589	0	0	1803	511,67	1,599147358	0,30544577
NLRC3	197358	NM_178844.2	X	0	0	0	0	0	1803	0	512,67	1,599147358	0,30544577
CCDC94	55702	NM_018074.4	204335_at	0	0	0	1448,6666667	1803	0	0	513,33	1,599147358	0,30544577
C10orf78	119392	NM_145247.4	X	0	2774	2539	1905,3333333	2487	2425	2107	2384,7	1,599269568	0,33695921
LINS1	55180	NM_018148.4	220121_at	1083	1677	0	515	1401	1011	2311	515	1,59931909	0,28701114
MRPS9	64965	NM_182640.1	X	0	0	0	0	1804	0	0	515	1,599330659	0,30544166
SLC25A22	79751	NM_024698.4	218725_at	0	530	0	638,6666667	867	1111	0	1464,7	1,599927623	0,36334737
MSH4	4438	NM_002440.2	210533_at	1475	0	735	769,6666667	1182	826	2014	1195	1,6009363	0,2677354
PLD4	122618	NM_138790.2	X	0	0	0	304	0	1813	0	515,33	1,60097585	0,3054049
IFT122	55764	NM_052985.1	220744_s_at	0	1319	0	82	0	2304	1037	515,67	1,601117434	0,43014768
KCNJ14	3770	NM_013348.2	220776_at	0	1152	773	1018	1292	1051	1193	1573,7	1,601379925	0,25080571

RCL1	10171	NM_005772.3	218544_s_at	695	0	0	0	0	769	1645	516	1,60188891	0,38538501
UBLCP1	134510	NM_145049.2	X	0	1969	0	0	1788	0	2003	516,33	1,602049645	0,4536763
PRKCQ	5588	NM_006257.2	210038_at	0	0	0	0	0	0	1819	516,33	1,602068151	0,30538055
KIFC2	90990	NM_145754.2	X	0	0	679	239,6666667	0	1061	1168	516,33	1,602097481	0,38108221
POLR3E	55718	NM_018119.2	218016_s_at	0	735	2745	0	2133	1255	1379	1086	1,602629287	0,29847893
C17orf37	84299	NM_032339.3	X	0	1273	1229	0	1558	1353	1353	516,67	1,602655573	0,27369055
GDF11	10220	NM_005811.2	216860_s_at	0	0	0	0	0	1831	0	1378,7	1,604242071	0,30533222
KTN1	3895	NM_001079521.1	200915_x_at	0	0	943	1066,666667	1283	0	1348	1249,7	1,604375117	0,40417462
C12orf62	84987	NM_032901.2	X	0	1255	0	554	1440	1598	0	1364,7	1,604596626	0,42383041
VPREB3	29802	NM_013378.1	220068_at	1281	0	0	0	0	1533	1533	519	1,604783343	0,42513237
PICALM	8301	NM_001008660.1	212511_at	0	2650	2183	4470,666667	2220	2122	2255	2627,3	1,605125733	0,32754755
NISCH	11188	NM_007184.3	201591_s_at	0	0	494	0	1154	791	0	519,33	1,605163162	0,35745153
PDZD11	51248	NM_016484.4	X	0	0	0	973,3333333	0	0	1841	520	1,606042904	0,30529233
BCAR3	8412	NM_003567.2	204032_at	0	0	0	870,3333333	0	1845	0	2237,3	1,606760522	0,30527647
AADAHL1	57552	NM_020792.3	X	0	668	1128	845	1932	284	2482	2188	1,607125715	0,28363871
PRMT6	55170	NM_018137.1	X	0	0	1427	542,3333333	2075	0	1271	1191,3	1,607458244	0,43263699
AARS2	57505	NM_020745.2	X	0	1253	0	1235,333333	1403	0	1653	1075,7	1,607712318	0,42315521
C21orf59	56683	NM_021254.1	218123_at	0	0	2378	0	1853	0	2378	521,67	1,608191139	0,46424425
EIF1AD	84285	NM_032325.2	X	0	3116	2020	873,3333333	2193	1785	2982	522	1,608447466	0,33237511
BANF1	8815	NM_003860.2	210125_s_at	0	3116	2020	588	2193	1785	2982	522,33	1,608447466	0,33237511
USP39	10713	NM_006590.2	217829_s_at	0	0	0	0	1861	0	0	523,33	1,609615643	0,30521357
RNF181	51255	NM_016494.3	X	0	2013	1341	789	1899	1341	1974	525,67	1,609827428	0,29708209
LTA	4049	NM_000595.2	206975_at	0	0	0	805,6666667	1863	0	0	2375	1,60997082	0,30520577
MED6	10001	NM_005466.2	207078_at	0	1434	0	0	1730	1545	0	527	1,610090597	0,43162194
ITGA4	3676	NM_000885.4	205885_s_at	662	0	3236	267	1783	1034	2179	527,33	1,610355023	0,30563325
TMUB2	79089	NM_024107.2	218419_s_at	0	576	1106	0	486	1096	2223	527,33	1,610372379	0,25383062
SDCBP	6386	NM_001007068.1	200958_s_at	0	1295	552	1582	978	2024	675	727,33	1,610481704	0,25283681
FZD1	8321	NM_003505.1	204452_s_at	0	0	0	674,3333333	1866	0	0	527,67	1,610502876	0,30519409
BPGM	669	NM_001724.3	203502_at	0	2602	2655	0	3090	1454	2871	527,67	1,611021685	0,33662236
ZNF382	84911	NM_032825.3	X	0	0	0	1210,333333	1870	0	0	1794,3	1,611210966	0,30517856
UBIAD1	29914	NM_013319.1	219131_at	0	0	0	696	0	0	1876	1373,7	1,612270289	0,30515537
UBE2I	7329	NM_194261.1	208760_at	0	1356	983	0	1537	1012	1610	528,67	1,612620283	0,26660911
HCK	3055	NM_002110.2	208018_s_at	0	0	0	198	1882	0	0	529	1,613326256	0,30513229

DBP	1628	NM_001352.2	209782_s_at	0	560	3284	0	1440	1873	1298	529,33	1,614103162	0,29969345
GIN51	9837	NM_021067.3	206102_at	0	158	0	697,6666667	559	0	559	933,33	1,614638999	0,2662376
C12orf50	160419	NM_152589.1	X	0	880	1162	0	1340	1113	1298	530,33	1,614743338	0,25270643
EIF3L	51386	NM_016091.2	217719_at	0	1895	420	0	1979	436	1747	1068,7	1,615105114	0,27866606
DLL3	10683	NM_016941.2	219537_x_at	0	0	0	721,3333333	0	0	1895	1026	1,615602773	0,30508269
RPA2	6118	NM_002946.3	201756_at	0	0	1145	1061,333333	1549	0	1403	1423	1,615926381	0,415337
ZNF345	25850	NM_003419.3	207236_at	0	2107	0	288,3333333	1496	0	2672	1050	1,616181017	0,45604129
HDAC8	55869	NM_018486.1	X	1370	0	0	354	1637	0	1595	936,33	1,617408597	0,42708473
CBLB	868	NM_170662.3	209682_at	655	0	0	220,3333333	3276	0	377	533,33	1,618293558	0,39561533
CPNE3	8895	NM_003909.2	202119_s_at	0	1385	1149	0	1765	1149	1502	534	1,618860302	0,2715235
PRIM1	5557	NM_000946.2	205053_at	0	811	0	0	0	896	1734	535	1,618899133	0,39247508
CINP	51550	NM_032630.2	X	0	1229	657	1120	1793	1085	796	2038,3	1,618971413	0,24873744
LRRC59	55379	NM_018509.2	222231_s_at	0	1231	1231	0	1343	1231	1756	1038,7	1,619108015	0,26874323
C3orf19	51244	NM_016474.4	X	0	1627	0	0	2065	1509	0	1014	1,619165473	0,43833585
TRIM35	23087	NM_171982.3	X	0	2687	0	0	1650	3118	0	537	1,619176325	0,47035488
CPSF3L	54973	NM_017871.4	217994_x_at	0	0	1475	638	0	1492	1897	1168,7	1,619733231	0,4316967
PHIP	55023	NM_017934.4	212542_s_at	1253	2374	0	0	2105	1787	1519	538	1,619860435	0,29950108
TMEM88	92162	NM_203411.1	X	0	1295	1124	0	1714	1056	1545	538	1,620116359	0,26778465
PRKRA	8575	NM_003690.3	209139_s_at	0	0	952	779,3333333	0	1252	1464	1594,7	1,620426649	0,40175336
DFNB59	494513	NM_001042702.2	X	0	0	952	0	0	1252	1464	539	1,620426649	0,40175336
TIPRL	261726	NM_152902.3	214773_x_at	0	1077	473	140,3333333	856	644	1785	539,33	1,620591897	0,23443047
RRAS	6237	NM_006270.3	212647_at	826	0	1060	824,3333333	1408	1060	1132	539,67	1,620928618	0,24458994
C22orf28	51493	NM_014306.3	200042_at	0	0	1263	0	1439	0	1691	1639	1,620959517	0,42103514
PDCD5	9141	NM_004708.2	X	0	1621	1289	869,3333333	1562	1373	1877	1506,7	1,621012339	0,2820279
WDR16	146845	NM_145054.4	X	0	664	0	800	1420	905	0	970,33	1,621540823	0,37656703
PRPF38B	55119	NM_018061.1	218040_at	143	752	1692	0	2085	3295	3854	541,33	1,622524297	0,07312381
MUTED	63915	NM_201280.1	X	0	1110	0	0	1872	1148	0	1598	1,622637727	0,41276499
CCDC85B	11007	NM_006848.2	204610_s_at	0	2416	1054	0	1467	2260	1491	541,67	1,623169486	0,29493461
ENPP5	59084	NM_021572.4	X	0	0	0	299,3333333	1951	0	0	541,67	1,625235367	0,30487502
GSPT1	2935	NM_002094.2	217191_x_at	0	976	1540	0	1596	940	1955	542	1,625371662	0,27135967
WARS	7453	NM_004184.3	200628_s_at	0	0	0	0	0	0	1952	542,33	1,625404872	0,30487139
SAT2	112483	NM_133491.2	X	0	0	0	475,6666667	0	1953	0	623,67	1,625574292	0,30486777
UBE2L3	7332	NM_003347.2	200684_s_at	660	0	0	1600,333333	0	886	1463	2452,7	1,626395822	0,37541765

COG1	9382	NM_018714.2	X	0	1178	1630	936,3333333	2348	1418	1130	1782,3	1,626866778	0,2804592
DEM1	64789	NM_022774.1	219567_s_at	0	1170	0	0	2687	0	852	1977,3	1,627079414	0,41948289
BCAS2	10286	NM_005872.2	203053_at	915	0	1742	1229,666667	1672	1191	1578	1551,3	1,628182631	0,27147499
MVP	9961	NM_017458.2	202180_s_at	0	3306	1601	1734	2889	1601	2254	2205,3	1,628289146	0,32260532
VASP	7408	NM_003370.3	202205_at	0	1332	3106	0	3044	1008	2657	546,67	1,629108842	0,32029398
SLC25A6	293	NM_001636.2	212085_at	0	0	0	0	0	1984	0	547	1,630784044	0,30475698
MGLL	11343	NM_007283.5	211026_s_at	0	0	0	0	1985	0	0	547,67	1,630950753	0,30475345
ZNF585B	92285	NM_152279.2	X	816	0	0	1278	0	1275	1275	2026,7	1,631371666	0,38863571
LPAR5	57121	NM_020400.4	X	0	0	0	0	0	1989	0	548	1,631616754	0,30473936
GPR107	57720	NM_020960.3	211977_at	0	0	1519	181	1739	0	1739	548	1,631874721	0,43099561
BATF	10538	NM_006399.2	205965_at	0	0	0	929	1991	0	0	548,67	1,631949256	0,30473234
ACSF2	80221	NM_025149.4	218844_at	0	402	1351	1091,666667	730	1165	1285	1950,3	1,631998339	0,23472777
UPRT	139596	NM_145052.2	X	0	0	0	1359	1992	0	0	2899,3	1,632115383	0,30472883
KIAA1524	57650	NM_020890.1	X	0	1167	2227	0	2994	746	2308	549,33	1,632158055	0,30389376
MRPS34	65993	NM_023936.1	218112_at	0	1028	0	0	0	1432	1433	549,33	1,632426548	0,40464015
MRPL21	219927	NM_181514.1	X	0	0	0	306,3333333	0	0	1996	550	1,632779063	0,30471482
INSIG2	51141	NM_016133.2	209566_at	0	0	1342	0	1819	0	1474	550,33	1,633010942	0,42276289
ZNF684	127396	NM_152373.2	X	0	1357	1449	1285,666667	1087	2359	1531	1937,7	1,633212363	0,27936286
SGSM2	9905	NM_014853.2	212319_at	0	1535	773	0	2256	1500	700	552,33	1,633290101	0,26725933
ZNF616	90317	NM_178523.3	X	0	1736	1337	1379,666667	2067	1993	1128	552,67	1,634019201	0,28553385
TBC1D15	64786	NM_022771.3	218268_at	0	0	0	0	0	2004	0	553,33	1,634102472	0,30468693
P2RX5	5026	NM_002561.2	210448_s_at	0	0	0	598,3333333	0	2005	0	852	1,63426753	0,30468346
YWHAE	7531	NM_006761.3	210317_s_at	0	1688	1265	992	2121	2095	962	554,33	1,63426928	0,28450447
PARP3	10039	NM_005485.3	209940_at	0	0	0	571,3333333	2006	0	0	555	1,634432505	0,30467999
GPSM2	29899	NM_013296.3	205240_at	0	0	0	0	0	0	2008	555,33	1,634762212	0,30467305
PKNOX1	5316	NM_004571.3	221883_at	0	848	0	764,6666667	0	1185	1440	1501	1,634791041	0,39086785
C1orf91	56063	NM_019118.3	X	0	1732	1589	515,3333333	1843	1732	1732	967	1,634868413	0,28897375
PTPLAD1	51495	NM_016395.2	217777_s_at	0	1606	1653	0	1772	1735	1735	556	1,634935448	0,28737779
SEC11A	23478	NM_014300.2	201290_at	0	1300	2415	392	2737	1228	1878	2086,7	1,63533192	0,30079671
STXBP5	134957	NM_139244.2	X	0	1199	1291	0	1929	1083	1491	2143	1,635503511	0,26681433
BLOC1S1	2647	NM_001487.1	202592_at	0	865	0	392	2470	704	0	558	1,635972396	0,3983466
TMC6	11322	NM_007267.5	214958_s_at	0	1622	1364	2519,333333	1377	2228	1454	558,33	1,636206298	0,28147536
SUGT1	10910	NM_006704.2	X	702	1104	104	0	3306	1762	2180	1029	1,636750111	0,0685376

RABGEF1	27342	NM_014504.2	218310_at	0	2406	2396	841,6666667	2517	1841	2517	1833,3	1,637308481	0,31917099
KIAA1958	158405	NM_133465.2	X	0	1654	1664	210,6666667	1831	1831	1664	1958,7	1,637840902	0,28818548
TUBB3	10381	NM_006086.2	202154_x_at	0	0	0	2027,3333333	0	2027	0	2179,3	1,637878266	0,30460772
TATDN3	128387	NM_001042552.1	X	0	0	2209	0	2117	0	2117	97	1,638172905	0,45349839
CCDC50	152137	NM_178335.1	X	957	0	0	601	0	1022	1902	560,67	1,638399315	0,40005881
PPFIBP1	8496	NM_003622.2	203735_x_at	0	0	1737	0	2034	1737	0	1846,3	1,639018982	0,43832572
TMEM109	79073	NM_024092.1	201361_at	0	1774	2154	0	2138	1729	2103	561,33	1,639099278	0,30190626
PTAR1	375743	NM_001099666.1	X	0	1247	1109	0	1560	1062	1700	563	1,639320438	0,26048215
ZFR	51663	NM_016107.3	201856_s_at	936	0	1182	121,3333333	1256	1434	1254	564	1,639678237	0,24942265
NR2C2	7182	NM_003298.3	206038_s_at	1456	0	0	335,6666667	2456	0	1208	1234,3	1,639897473	0,42839134
C13orf3	221150	NM_145061.4	X	0	1467	803	0	681	1581	2229	566	1,640186787	0,26493718
ITSN2	50618	NM_006277.1	209898_x_at	0	131	0	545,3333333	0	329	858	1668,3	1,640306797	0,25469156
C2CD2	25966	NM_199050.2	212875_s_at	0	0	0	546,6666667	2042	0	0	978,33	1,640317896	0,30455682
ARAP2	116984	NM_015230.2	213618_at	0	0	0	631,6666667	0	0	2044	1241	1,640641835	0,30455008
DNAL1	83544	NM_031427.1	X	0	0	0	403,3333333	2045	0	0	953,67	1,640803687	0,30454671
RRP9	9136	NM_004704.3	204133_at	0	0	0	1142,6666667	2045	0	0	1575,7	1,640803687	0,30454671
WDR43	23160	NM_015131.1	214662_at	0	1021	0	604,3333333	1437	0	1456	569,33	1,641074097	0,4024825
TTC26	79989	NM_024926.1	219758_at	0	0	0	874	0	0	2048	2603,7	1,641288771	0,30453663
PLRG1	5356	NM_002669.2	X	0	1645	660	1014,3333333	1924	1114	1041	1474,7	1,641307637	0,25727502
STARD6	147323	NM_139171.1	X	625	0	1171	1061,3333333	2015	902	828	1469,7	1,642001848	0,24097662
C1orf85	112770	NM_144580.1	X	0	0	0	421	0	0	2054	2113,7	1,642256826	0,30451652
RNF135	84282	NM_197939.1	X	0	1740	956	1479	1498	1477	1549	2218,7	1,64270787	0,26817842
TTLL1	25809	NM_012263.3	205652_s_at	0	933	1460	589	1460	1353	1424	1270,3	1,643468034	0,25836738
CTBS	1486	NM_004388.1	218923_at	0	0	0	1117,6666667	0	0	2067	576	1,644344683	0,30447328
CYS1	192668	NM_001037160.1	X	0	0	0	405,3333333	0	2069	0	1391,7	1,644664734	0,30446666
PLAGL2	5326	NM_002657.3	202924_s_at	0	1085	2234	1967	1931	2426	1071	2125,3	1,644864741	0,28911943
MTMR6	9107	NM_004685.3	214429_at	918	0	1721	729	1717	1253	1525	578	1,645323874	0,26628138
C22orf32	91689	NM_033318.3	X	0	2100	1077	492,3333333	1845	1130	2251	947,33	1,645545558	0,28424691
MAF1	84232	NM_032272.4	X	827	0	1286	599,6666667	1249	1266	1399	578,67	1,645630676	0,24721883
C9orf5	23731	NM_001099734.1	215390_at	0	0	1225	0	0	1225	2077	579,67	1,645941875	0,41498834
FUBP3	8939	NM_003934.1	212824_at	0	2029	1795	216,6666667	2001	1830	2072	1701,3	1,646930605	0,29747467
LARP7	51574	NM_015454.1	212785_s_at	0	2783	1270	1134,6666667	1441	1909	2678	1010,7	1,6469322	0,3023302
MCM9	254394	NM_153255.3	X	0	0	0	1418	0	2086	0	1861	1,647372833	0,30441084

C2orf18	54978	NM_017877.3	219783_at	0	1537	1168	0	1671	1417	1583	585	1,647430282	0,26834725
FAM133B	257415	NM_152789.2	X	1855	1493	0	0	2031	1529	1862	773	1,647640085	0,28665056
ZNF35	7584	NM_003420.3	206096_at	0	0	0	1598	2088	0	0	1732	1,647689992	0,30440432
ZNF296	162979	NM_145288.1	X	0	1081	1469	0	1555	2516	846	586,33	1,647775357	0,27134456
USP48	84196	NM_032236.5	220078_at	2424	0	2144	0	3153	1283	2679	587,33	1,647807992	0,31692153
DONSON	29980	NM_017613.2	221677_s_at	0	0	1972	78,66666667	1387	0	2975	1176	1,648750763	0,44618671
EXOC7	23265	NM_015219.2	212026_s_at	0	1360	1200	883	1502	2020	1130	2094,7	1,649714142	0,26547221
C16orf87	388272	NM_001001436.2	X	0	1069	1147	589,33333333	1137	1311	1730	589,33	1,649775175	0,25209155
FAM114A2	10827	NM_018691.2	218588_s_at	0	0	1920	0	2327	1734	0	492	1,649882404	0,44272205
WDR61	80349	NM_025234.1	221532_s_at	1250	2137	0	879,66666667	2066	1526	1784	590	1,650248791	0,28611055
MAP3K14	9020	NM_003954.2	205192_at	2445	0	2245	245	1985	2176	2678	590	1,65077999	0,31344784
TRIP4	9325	NM_016213.3	203732_at	0	2991	702	2543	3622	652	1871	946	1,650808781	0,30613193
C4orf21	55345	NM_018392.3	X	0	2783	1426	2145,33333333	1597	1957	2678	591,33	1,650880866	0,3041827
C2orf44	80304	NM_025203.1	219120_at	0	0	0	0	2109	0	0	591,33	1,65100206	0,30433644
TSG101	7251	NM_006292.2	201758_at	1290	1999	0	0	2515	1185	1831	591,67	1,652313746	0,28660764
GTF2H2B	653238	NM_001098729.1	221540_x_at	0	1473	2786	482	2161	1864	2161	591,67	1,652670675	0,30332595
EME1	146956	NM_152463.1	X	0	1642	2065	0	1866	1866	2065	592	1,652767813	0,29322724
C14orf104	55172	NM_001083908.1	219166_at	0	1209	1312	770	2568	1209	1083	592,67	1,653075393	0,26718808
WDR55	54853	NM_017706.4	219809_at	0	0	0	499,33333333	2128	0	0	593	1,653970598	0,30427593
EPRS	2058	NM_004446.2	200843_s_at	0	385	1220	0	767	767	1717	593,67	1,654133524	0,22608211
PIKFYVE	200576	NM_015040.3	213111_at	0	1524	864	736,66666667	1090	1438	1794	1804	1,65459751	0,25673781
CKAP5	9793	NM_001008938.1	212832_s_at	0	978	1082	1539,66666667	1587	1005	1419	2497,7	1,655224577	0,24476557
TTRAP	51567	NM_016614.2	202266_at	0	2337	3036	0	3060	2047	2420	594	1,655299228	0,32312112
ST8SIA4	7903	NM_005668.3	206925_at	3716	0	4977	919,33333333	4560	1923	4509	2044	1,655617308	0,36321292
STRN	6801	NM_003162.2	215287_at	0	1155	0	342,66666667	1731	1431	0	594,67	1,656276637	0,40811031
SLCO3A1	28232	NM_013272.2	210542_s_at	0	0	0	0	0	0	2143	2050,3	1,656295648	0,30422875
IMMP1L	196294	NM_144981.1	X	0	1026	1745	304	2923	585	2231	2414,3	1,656754596	0,2868243
VGLL4	9686	NM_014667.1	212399_s_at	0	0	0	336	0	2147	0	830,67	1,656912932	0,30421626
THADA	63892	NM_001083953.1	54632_at	0	2751	1319	816	1735	1657	2714	1608,3	1,657230814	0,29965496
ARHGAP9	64333	NM_001080156.1	X	0	300	263	0	332	1719	300	1321	1,657279874	0,16877682
C4B	721	NM_001002029.2	214428_x_at	1289	1259	0	219,33333333	1547	1354	1668	597,67	1,657577523	0,26103888
FAM76B	143684	NM_144664.4	X	0	1863	1716	0	2771	1219	2035	1120	1,657835338	0,29345912
PSMB9	5698	NM_002800.4	204279_at	0	4449	3662	679,66666667	3063	2109	5441	980,67	1,658619903	0,35728409

SMNDC1	10285	NM_005871.2	200071_at	0	1527	0	656,3333333	1704	1938	0	2574,7	1,659244727	0,42600423
AP1G2	8906	NM_080545.1	201613_s_at	0	0	0	978,3333333	2165	0	0	599	1,659676652	0,30416048
LEO1	123169	NM_138792.2	X	0	2127	1086	248	2227	1008	2227	1903	1,659740795	0,28362325
SLC25A25	114789	NM_001006641.1	X	625	0	2803	1063,6666667	1327	1602	1798	1450,3	1,659893773	0,27953759
NXP4	11247	NM_007224.2	221967_at	0	0	0	711,6666667	0	2168	0	600,67	1,660135052	0,30415126
DOCK9	23348	NM_015296.1	215041_s_at	0	0	215	0	1332	358	0	600,67	1,660361362	0,29370323
ACOT13	55856	NM_018473.2	204565_at	0	2454	3036	0	3070	2047	2574	601	1,660640735	0,32348572
NRL	4901	NM_006177.3	206596_s_at	0	40	291	0	373	155	543	601	1,660731417	0,11724134
ZNF181	339318	NM_001029997.2	X	0	0	0	1133,3333333	2176	0	0	601	1,661354379	0,30412676
CDH29	389118	NM_001007540.1	X	0	0	0	0	0	2179	0	1361	1,66181048	0,3041176
DZIP3	9666	NM_014648.2	207231_at	0	1273	2227	398	2994	852	2414	602,67	1,661872424	0,29647444
CKAP2L	150468	NM_152515.2	X	0	0	964	292	1244	0	1694	834	1,662384958	0,39478534
ECH1	1891	NM_001398.2	X	0	1638	1969	652	1932	1887	1932	977,67	1,662494556	0,28842356
AMMECR1L	83607	NM_031445.2	X	0	2766	2441	0	2542	2888	2012	604,33	1,66316558	0,31862744
ARHGAP22	58504	NM_021226.2	206298_at	0	0	0	410	2193	0	0	1663,3	1,663930735	0,30407515
EIF4E	1977	NM_001968.2	201436_at	0	1148	1078	719,6666667	1569	592	2906	604,67	1,664142941	0,26581367
C20orf11	54994	NM_017896.2	218448_at	0	1364	1302	704,3333333	1962	1013	1962	604,67	1,664588771	0,26680614
MED8	112950	NM_052877.3	213127_s_at	0	1901	2006	131,3333333	2294	1382	2641	1796	1,664611934	0,29739031
ATP6VOB	533	NM_001039457.1	200078_s_at	0	1822	2811	827	3267	1455	2366	606,33	1,664648316	0,31142425
TNFRSF14	8764	NM_003820.2	209354_at	0	0	0	0	0	0	2199	606,33	1,664835304	0,30405709
NHEDC2	133308	NM_178833.3	X	0	0	0	519,3333333	0	2204	0	606,33	1,665587241	0,3040421
SLC30A9	10463	NM_006345.3	202614_at	0	1453	0	865,6666667	2312	1388	0	606,33	1,666332278	0,42223348
BBS10	79738	NM_024685.3	219487_at	0	0	0	0	0	2210	0	1042,3	1,666487331	0,30402417
TAGAP	117289	NM_152133.1	X	0	0	0	140,6666667	0	0	2211	1075,3	1,66663711	0,30402119
CBFA2T3	863	NM_175931.1	208056_s_at	0	0	0	236,3333333	2213	0	0	1326,3	1,666936467	0,30401524
ACAD9	28976	NM_014049.3	X	0	2517	2420	850,3333333	2661	1904	2661	610	1,66706644	0,31354933
RPS6KA5	9252	NM_004755.2	204633_s_at	0	966	0	464,3333333	1430	0	1499	1510	1,667250791	0,39363164
EIF3I	8668	NM_003757.2	208756_at	0	1695	1409	470,6666667	1843	1695	1695	1360,3	1,667409759	0,27477288
PSME4	23198	NM_014614.1	212222_at	0	3043	2058	2160,3333333	2988	2047	2271	2279,3	1,667679626	0,31537721
SLC7A6	9057	NM_001076785.1	203578_s_at	804	2626	0	0	1348	1608	2169	1188,3	1,66778038	0,28023288
RINL	126432	NM_198445.2	X	1089	0	0	284	1616	1497	0	1271,7	1,667797244	0,40178125
ST6GAL1	6480	NM_173216.1	201998_at	0	892	485	265,3333333	306	1931	1607	612,33	1,66786229	0,23665666
RAVER1	125950	NM_133452.2	X	0	2478	2045	275,3333333	2618	2816	1526	1813	1,668232578	0,30790986

DBT	1629	NM_001918.2	205370_x_at	0	0	1467	939,3333333	0	1619	2017	2133	1,668788026	0,42164561
KPNA2	3838	NM_002266.2	201088_at	902	0	964	0	744	1134	2292	613,67	1,668887666	0,24100533
ARID5B	84159	NM_032199.1	212614_at	2964	0	3745	0	3028	2742	2978	615	1,668987226	0,33582745
CLEC2D	29121	NM_013269.3	220132_s_at	0	0	0	693	0	0	2227	615	1,669024468	0,3039738
C11orf60	56912	NM_020153.2	218483_s_at	0	2717	1123	294,3333333	1455	2817	1661	1692,3	1,66935146	0,29224043
UBA2	10054	NM_005499.2	201177_s_at	818	1676	0	1062,666667	1670	1266	1450	1275,7	1,669456158	0,25484053
NVL	4931	NM_002533.2	207877_s_at	1275	0	2638	543,6666667	2207	2712	1253	631	1,669474145	0,29544051
C1orf84	149469	NM_001012961.1	X	0	2085	2226	1285	2294	1709	2641	616,67	1,669709491	0,30234113
DPH2	1802	NM_001039589.1	204514_at	0	925	0	693,3333333	1362	0	1522	619	1,670440055	0,39005609
PHB	5245	NM_002634.2	200658_s_at	0	1813	1062	1473,3333333	1903	1098	2063	1724	1,670683716	0,26980954
MYLPF	29895	NM_013292.3	205163_at	0	1174	2137	0	2472	2047	1111	620,33	1,671206633	0,28249823
SUCLG1	8802	NM_003849.2	217874_at	0	1661	1401	515	2887	1174	1538	622	1,671386799	0,27823247
XPNPEP3	63929	NM_022098.2	220020_at	0	1573	1373	622,3333333	3436	705	1988	1604	1,671390629	0,28630447
SLC12A6	9990	NM_001042496.1	220740_s_at	0	1104	0	402,6666667	0	941	2631	622,67	1,671773783	0,40592671
NME3	4832	NM_002513.2	204862_s_at	0	968	0	0	0	1072	2034	623,33	1,672541571	0,39439129
RBBP9	10741	NM_006606.2	221440_s_at	0	0	1357	0	2280	0	1342	745,33	1,673148258	0,41651083
EXD1	161829	NM_152596.2	X	0	317	1269	0	1398	738	895	627,33	1,673353185	0,21635755
ST13	6767	NM_003932.3	207040_s_at	0	1566	1366	577	3436	705	1981	1084	1,6733816	0,28540097
ZNF644	84146	NM_016620.2	X	1675	0	1885	220,3333333	1930	1623	2279	2272,3	1,674052548	0,28515531
LRP8	7804	NM_033300.2	205282_at	0	2211	830	0	2010	828	2493	631,67	1,674061493	0,277467
CNTROB	116840	NM_053051.1	X	0	2093	0	390,6666667	3601	1312	0	946,33	1,674084882	0,44622307
HAT1	8520	NM_003642.2	203138_at	0	0	399	385,3333333	1379	0	662	946,33	1,674562563	0,33081169
POFUT1	23509	NM_015352.1	212349_at	0	1335	2234	1130,3333333	2157	2676	1170	1719,7	1,674806287	0,28818541
KIAA1033	23325	NM_015275.1	215936_s_at	0	1804	549	635,6666667	1867	643	1877	1644	1,675179457	0,25674006
VPRBP	9730	NM_014703.1	204377_s_at	662	0	0	592,6666667	0	1241	1216	634,67	1,675182666	0,36536879
ZNF846	162993	NM_001077624.1	X	0	0	0	320,6666667	2269	0	0	635,33	1,675211123	0,30385189
CXXC5	51523	NM_016463.7	X	0	1357	0	1106	0	2431	1267	1775,3	1,675436981	0,41658025
DPAGT1	1798	NM_001382.2	209509_s_at	0	3508	3229	735,3333333	2692	2884	3317	1523	1,675788209	0,33472288
FBRS	64319	NM_001105079.1	218255_s_at	0	644	1063	1203,666667	907	1126	1532	1979,7	1,676213979	0,22323115
EEF1E1	9521	NM_004280.3	204905_s_at	0	0	921	825,6666667	1450	0	1450	1872,3	1,676518455	0,38855965
ZNF266	10781	NM_006631.2	214686_at	670	1288	0	692	1094	1801	1002	1964,7	1,676774775	0,23525337
MGRN1	23295	NM_015246.1	212576_at	625	0	0	1143,3333333	1154	1242	0	1708,3	1,676956264	0,36089673
TJP2	9414	NM_201629.1	202085_at	0	0	1305	0	0	1099	2708	1568	1,677254899	0,41504844

RAD1	5810	NM_133377.2	204460_s_at	0	468	1001	0	1112	553	1747	1351	1,677315085	0,21807172
CCNI	10983	NM_006835.2	208655_at	2142	1076	0	360	1978	773	3435	643	1,677883362	0,28812471
WDR41	55255	NM_018268.2	218055_s_at	0	948	831	853	1110	799	2037	2295,3	1,678481971	0,23165078
TCP1	6950	NM_030752.2	208778_s_at	735	1805	0	416,3333333	2121	1170	1229	646	1,678520113	0,25585636
MRPL18	29074	NM_014161.2	217907_at	735	1805	0	0	2061	1206	1229	1199,3	1,678998601	0,25526882
CDC14A	8556	NM_003672.3	205288_at	0	0	0	211,3333333	0	0	2296	648,67	1,67912847	0,30377536
ZNF587	84914	NM_032828.2	219981_x_at	1354	0	0	1160,6666667	1693	0	1840	648,67	1,679610774	0,41414892
TYMP	1890	NM_001953.2	217497_at	0	0	1878	562	0	2261	1915	2019,3	1,680493908	0,43515767
ZNF514	84874	NM_032788.1	X	0	1003	1744	1064,6666667	1959	1744	1183	1763,3	1,6808602	0,26208397
IER5	51278	NM_016545.4	218611_at	0	1162	1321	1064,6666667	2724	1173	1108	1763,3	1,680974654	0,25971902
B4GALT2	8704	NM_003780.3	209413_at	0	1822	3370	0	2666	972	5446	650,33	1,680984636	0,32803592
FIBP	9158	NM_004214.4	202041_s_at	0	2416	1054	666,6666667	1736	2374	1435	948	1,682434743	0,27953415
C14orf147	171546	NM_138288.3	213508_at	644	0	0	860	1083	0	1386	656,67	1,682471144	0,36231763
ANKRD26	22852	NM_014915.2	205706_s_at	0	2383	1433	701	2324	1433	2383	1769	1,683142855	0,28889726
DNAJC14	85406	NM_032364.5	X	0	576	1757	262,3333333	678	2033	1711	1475,7	1,683160169	0,25350055
FAM48A	55578	NM_017569.3	221774_x_at	800	0	1264	2124,3333333	1335	873	2019	2415,7	1,683173025	0,24095739
NELL2	4753	NM_006159.1	203413_at	0	0	0	0	0	2327	0	661,67	1,683570114	0,3036892
MRPL27	51264	NM_016504.2	X	0	1276	2065	225	1724	1724	2065	408,33	1,683636146	0,27623279
FDFT1	2222	NM_004462.3	210950_s_at	0	2977	0	1260	0	3551	1952	1469,7	1,683905692	0,4634068
CASP2	835	NM_032982.2	208050_s_at	0	2158	822	0	1225	1459	2319	663	1,684067431	0,26722567
KIAA0391	9692	NM_014672.2	202713_s_at	2111	0	0	0	3624	0	1356	664	1,684237372	0,44460893
ZNF250	58500	NM_001109689.1	213858_at	0	0	682	758,6666667	0	1163	1374	665	1,684359032	0,36596001
CCDC7	221016	NM_145023.4	X	0	2261	1075	549	1611	2100	1680	665	1,684656143	0,27503202
FAM118B	79607	NM_024556.2	X	0	1828	1509	0	1839	1328	2638	1552,7	1,684971467	0,27926145
HNRNPF	3185	NM_001098206.1	201376_s_at	0	1706	850	586	1666	1598	1277	1840,3	1,685167131	0,25308546
CHUK	1147	NM_001278.3	209666_s_at	0	1498	1465	222,6666667	2046	1584	1584	668	1,685172242	0,26701913
GCLC	2729	NM_001498.2	202922_at	0	1322	2504	0	2908	1132	2349	668,33	1,685176735	0,29206819
DCTN5	84516	NM_032486.2	209231_s_at	0	2554	2106	1126,3333333	2554	1929	2554	1431,3	1,685360609	0,30379404
C12orf29	91298	NM_001009894.2	213701_at	0	939	1180	794,3333333	1536	1195	1416	1122,3	1,685514748	0,23835142
PRPF19	27339	NM_014502.3	203103_s_at	0	1173	1553	633,3333333	1537	1849	1502	1470,3	1,685545591	0,25944793
NRBF2	29982	NM_030759.3	221803_s_at	0	0	574	1416,6666667	1735	0	778	1215,7	1,685572635	0,35610111
TXLNA	200081	NM_175852.3	212300_at	0	1633	972	731,6666667	1343	1033	2680	1815	1,685840902	0,26132473
IFT140	9742	NM_014714.2	204792_s_at	2098	1096	0	643,6666667	1668	1600	2022	676	1,685908946	0,27144202

CRAMP1L	57585	NM_020825.2	X	2098	1096	0	990,3333333	1668	1600	2022	2301,7	1,685908946	0,27144202
ING2	3622	NM_001564.2	205981_s_at	0	1362	893	721,3333333	1834	1048	1486	1416,3	1,686060121	0,24496412
DHX8	1659	NM_004941.1	203334_at	0	986	0	785,3333333	0	1829	1267	2473,3	1,686354687	0,39196813
SLC1A1	6505	NM_004170.4	213664_at	0	0	0	1245,6666667	0	2350	0	678	1,6868277	0,30362643
HSDL2	84263	NM_032303.3	209512_at	0	1423	1423	640	2599	1292	1418	1353,7	1,687194919	0,26646682
MED14	9282	NM_004229.3	202610_s_at	0	695	0	227,3333333	1883	872	0	679,33	1,687695263	0,36918242
NSL1	25936	NM_015471.3	209484_s_at	0	0	1901	0	2117	0	2117	681,67	1,687862137	0,43441331
ARL8B	55207	NM_018184.2	217852_s_at	0	343	1160	4383	2379	283	1385	3207,3	1,688145091	0,2425317
PDCD10	11235	NM_007217.3	210907_s_at	2432	2421	0	0	2361	2343	2513	1205,3	1,688381874	0,30579904
C20orf12	55184	NM_001099407.1	217195_at	0	1783	0	0	2107	0	2000	1371	1,688669459	0,43022078
PRKD2	25865	NM_001079882.1	38269_at	625	0	698	1019,3333333	1386	1386	538	1009,7	1,688747099	0,20657647
SARS2	54938	NM_017827.2	218702_at	0	1795	2634	851	2842	2034	1937	1207	1,689391501	0,29869181
CNP	1267	NM_033133.4	208912_s_at	0	894	1493	0	961	1816	1816	684,67	1,689920944	0,25009186
ARHGAP26	23092	NM_015071.3	205068_s_at	0	0	0	346,6666667	0	0	2379	949	1,690890228	0,30354863
FCRL5	83416	NM_031281.2	X	0	0	0	1836,6666667	2384	0	0	1537,3	1,691585687	0,30353536
FAM82B	51115	NM_016033.2	218549_s_at	0	1538	1217	590	2218	1217	1655	688	1,691895378	0,26093999
CEP57	9702	NM_014679.3	209862_s_at	0	2076	2004	479,6666667	2836	1507	2323	1462,3	1,692150417	0,29345435
ZFP161	7541	NM_003409.2	209724_s_at	0	1170	0	86,33333333	0	2315	1214	781,33	1,694010467	0,40319817
ZKSCAN2	342357	NM_001012981.3	X	0	1985	1007	362,6666667	1376	1789	1954	2679,3	1,69411718	0,2643441
GALNS	2588	NM_000512.3	206335_at	0	1510	131	0	815	1783	346	1255	1,694442454	0,23290294
BNIP2	663	NM_004330.1	209308_s_at	0	1310	1060	0	1181	1576	1798	689,67	1,694766765	0,24645474
C4orf27	54969	NM_017867.2	218646_at	1265	0	915	818	1131	1467	1683	1318	1,694845642	0,23904271
PDLIM2	64236	NM_176871.2	219165_at	0	0	0	0	0	2408	0	1272,3	1,69490384	0,30347229
ETFA	2108	NM_000126.2	201931_at	1115	781	0	319,3333333	1652	785	1622	1416	1,69546363	0,23120345
CHP	11261	NM_007236.4	214665_s_at	0	317	1411	303,6666667	1540	799	895	693,33	1,696274006	0,21818534
PPP1R13L	10848	NM_006663.2	218849_s_at	0	1160	3327	0	2640	1266	2795	469,67	1,69637922	0,29827311
NAT9	26151	NM_015654.3	204382_at	0	1488	1254	0	1724	1422	1847	759	1,697177267	0,2573538
MR1	3140	NM_001531.1	207566_at	0	0	0	1897	2425	0	0	3163,7	1,697234372	0,3034282
STX7	8417	NM_003569.1	212632_at	0	769	0	1153,3333333	1206	0	1552	1209,3	1,697294832	0,37231846
GLO1	2739	NM_006708.2	200681_at	766	1513	0	699	1663	1303	1303	695,67	1,697586332	0,24047227
ATP2A1	487	NM_173201.2	205444_at	0	0	693	0	1095	0	1543	696	1,697593075	0,36510053
TRPM2	7226	NM_003307.3	205708_s_at	0	0	0	2056	0	0	2428	2669,3	1,697643957	0,30342047
ATXN7L3	56970	NM_020218.1	X	0	2499	1408	1080,6666667	1830	2230	2098	962	1,698118729	0,2849282

SLC35C2	51006	NM_015945.10	219447_s_at	0	921	0	0	1934	1162	0	992	1,698710043	0,38546737
C3orf54	389119	NM_203370.1	X	0	0	0	2245,333333	0	2439	0	2595,7	1,699141475	0,30339225
PNLDC1	154197	NM_173516.1	X	735	732	0	329,3333333	918	1170	1229	704,33	1,699267312	0,20404554
MRM1	79922	NM_024864.3	219967_at	0	1169	2149	657,6666667	2184	1732	1625	705	1,699815722	0,27144667
SYNGR4	23546	NM_012451.2	206719_at	0	836	1620	0	1500	1470	1508	1852,3	1,700305903	0,24557726
CYC1	1537	NM_001916.3	201066_at	906	0	1365	2112,666667	1364	1427	1560	2678,7	1,700520577	0,23987251
MTPN	136319	NM_145808.2	X	0	1997	1140	1291,333333	1747	1184	2701	1856,3	1,701191032	0,2705291
NDUFA5	4698	NM_005000.2	201304_at	0	1852	1782	322	2303	1782	1975	976,33	1,701403866	0,27958536
KCNAB3	9196	NM_004732.2	221413_at	0	1569	0	861	3000	1285	0	1795,3	1,701905293	0,42192464
CNDP2	55748	NM_018235.1	217752_s_at	655	1171	0	325	2992	450	1393	696,33	1,702330544	0,24702792
EDC4	23644	NM_014329.3	202496_at	738	0	802	846,3333333	1602	519	1755	1667	1,703234667	0,22087405
NOLC1	9221	NM_004741.3	211951_at	0	2174	1437	0	1830	2051	2058	1826,3	1,703469608	0,27760922
EIF3D	8664	NM_003753.3	200005_at	0	814	1831	2215,333333	1759	1362	1543	2535	1,703588706	0,25077951
PMS2	5395	NM_000535.4	209805_at	0	1208	2017	348	2976	1056	1917	870	1,704044666	0,27479039
PALB2	79728	NM_024675.3	219530_at	0	2554	1987	0	2554	1929	2554	715,67	1,704607607	0,29668332
CHI3L2	1117	NM_001025199.1	213060_s_at	0	0	0	1329,666667	2480	0	0	1625,3	1,704664602	0,30328879
SMARCB1	6598	NM_003073.3	212167_s_at	369	0	1239	1736,666667	750	1239	1239	1826,7	1,705092267	0,20973283
TMEM143	55260	NM_018273.2	219589_s_at	0	907	1691	97,66666667	1571	1541	1579	733,67	1,705447938	0,24915513
TRAPPC2L	51693	NM_016209.2	218354_at	0	1232	131	444,3333333	815	1505	346	719	1,705538835	0,21207807
UTY	7404	NM_007125.3	211149_at	0	0	0	2212,666667	0	2489	0	3175	1,705864844	0,30326643
UBXN7	26043	NM_015562.1	217100_s_at	0	2009	2610	466,3333333	2189	3684	1620	705	1,706509213	0,30093944
PFKM	5213	NM_000289.3	210976_s_at	691	0	1264	432	1342	1025	1591	705	1,706670102	0,22654483
PTPN11	5781	NM_002834.3	212610_at	0	896	544	1475,333333	1112	962	1148	2435	1,707272249	0,19957276
SLC1A3	6507	NM_004172.3	202800_at	0	0	0	0	0	0	2506	726,33	1,708120242	0,30322454
FKBPL	63943	NM_022110.3	219187_at	0	759	2220	764,3333333	3065	1929	714	2900	1,708414337	0,27217042
POLG	5428	NM_002693.1	203366_at	625	0	0	1656,666667	0	1643	960	2605,3	1,708762143	0,35646523
POM121	9883	NM_172020.1	213360_s_at	0	2523	2523	610,6666667	2523	2523	2523	1872	1,710360482	0,30318309
SDAD1	55153	NM_018115.2	218607_s_at	0	2029	1358	408,3333333	1793	1823	2131	1100,7	1,710767736	0,27071096
ZNF768	79724	NM_024671.3	218916_at	0	1732	1823	546,6666667	1803	1634	2711	1160,3	1,711289465	0,27670577
SLC4A2	6522	NM_003040.3	202111_at	0	2227	4025	0	1226	4105	4498	731	1,711608284	0,3290873
PPIH	10465	NM_006347.3	204228_at	0	1006	1421	764	1868	898	2160	733,67	1,711978861	0,24890704
ABI1	10006	NM_001012750.1	209028_s_at	0	1836	1147	0	2076	1781	1448	736,67	1,712509966	0,26027703
CALM3	808	NM_005184.2	200623_s_at	0	2235	2352	0	3204	2641	1581	737	1,713514671	0,297945

SLC39A11	201266	NM_139177.2	X	687	0	314	0	920	391	1545	737,67	1,713766478	0,18341002
MGAT1	4245	NM_002406.2	201126_s_at	858	0	3725	494	2521	1422	2286	843	1,714309548	0,29029934
GPR18	2841	NM_005292.3	210279_at	0	0	0	815,3333333	0	2559	0	1615,7	1,715055396	0,30309673
VPS25	84313	NM_032353.2	X	0	2161	1533	2909	2389	1555	2284	2409	1,715312285	0,27795693
FAM167A	83648	NM_053279.1	X	0	1870	0	208,3333333	0	2710	1768	743,67	1,715514341	0,42869048
CD320	51293	NM_016579.2	218529_at	1492	0	1870	779,3333333	1834	1476	2643	952,67	1,715774095	0,27125089
GOLSYN	55638	NM_001099756.1	218692_at	0	0	0	340,3333333	0	2567	0	964,33	1,71608979	0,30307779
NP	4860	NM_000270.2	201695_s_at	2607	0	1895	0	2710	1093	4289	1977	1,717744763	0,30306157
IQCG	84223	NM_032263.2	221185_s_at	0	0	0	0	0	0	2582	1333	1,71802067	0,30304253
DFFA	1676	NM_004401.2	203277_at	0	954	729	0	1311	1135	1214	1841,7	1,718346551	0,21058272
PGM1	5236	NM_002633.2	201968_s_at	0	0	1426	0	2199	1679	0	1368,7	1,71875373	0,41038606
PIAS1	8554	NM_016166.1	217864_s_at	0	722	0	1084	1557	1206	0	910,67	1,718963785	0,36395396
CLNS1A	1207	NM_001293.1	209143_s_at	0	811	0	471	0	1041	2025	752,33	1,719434525	0,37361783
PTPN7	5778	NM_002832.2	204852_s_at	1869	0	1267	0	1767	1686	2065	1429,7	1,719735693	0,26227536
TECPR2	9895	NM_014844.2	204308_s_at	0	1504	698	0	1961	1360	1030	789	1,72115731	0,23406948
ARMC9	80210	NM_025139.3	219636_s_at	0	0	0	840,6666667	2610	0	0	1685,7	1,721595325	0,30297755
LXN	56925	NM_020169.2	218729_at	915	0	0	1719,333333	1471	1628	0	2875	1,721629185	0,37982283
ARL10	285598	NM_173664.4	X	697	0	950	377,6666667	1794	1281	755	1424,3	1,721900554	0,21363264
THG1L	54974	NM_017872.3	219122_s_at	938	0	0	1293,333333	1738	0	1414	2682,3	1,722049653	0,38158654
TBC1D10B	26000	NM_015527.2	220947_s_at	0	1618	2547	1391,333333	2945	2457	1492	2201	1,722945263	0,28697104
BUD13	84811	NM_032725.2	X	0	1050	1396	1587,666667	1396	2197	1254	1182	1,722952184	0,2433306
ERI1	90459	NM_153332.2	X	625	0	0	643,6666667	0	987	1671	1097,3	1,723449681	0,3538216
PGK1	5230	NM_000291.2	200738_s_at	662	0	1946	2213,666667	1630	1412	1478	2312	1,723478926	0,24322277
EID2B	126272	NM_152361.1	X	0	0	2091	0	2152	0	2553	1272,3	1,723795258	0,43359643
P2RX3	5024	NM_002559.2	208338_at	0	865	0	1510,666667	1270	0	1795	1875	1,723874671	0,37596956
TIGD6	81789	NM_030953.2	220986_s_at	0	3207	2270	0	2185	2768	3165	775,67	1,724068269	0,3063936
CD69	969	NM_001781.1	209795_at	0	0	0	1704,333333	0	0	2630	2140,3	1,724125381	0,30293179
RBM25	58517	NM_021239.1	212028_at	1658	2686	0	391,3333333	3123	3086	1214	1647,3	1,724325235	0,29381615
BXDC2	55299	NM_018321.3	219177_at	0	1105	2090	525,6666667	3239	553	3362	1619,7	1,724433272	0,2878562
TAF8	129685	NM_138572.2	X	0	0	0	1264	2635	0	0	2308,3	1,724754906	0,30292044
ARRDC5	645432	NM_001080523.1	X	846	0	0	0	0	1806	1238	1011	1,72476411	0,37436119
C12orf26	84190	NM_032230.1	X	0	1734	0	2308	0	1784	2562	3419	1,724839256	0,42201378
TRAPPC1	58485	NM_021210.3	X	0	1967	0	0	3601	1438	0	1006,7	1,724865823	0,43213986

CDK5	1020	NM_004935.2	204247_s_at	0	2572	3749	1769	1411	4111	4376	1611,7	1,725154227	0,32471981
RFC3	5983	NM_181558.2	204127_at	625	0	890	233	1926	897	854	698	1,725496126	0,20638507
YARS	8565	NM_003680.3	212048_s_at	0	1613	2167	524,3333333	1760	1382	3796	787,33	1,726043349	0,28270995
PPCDC	60490	NM_021823.3	219066_at	0	1473	1531	273	1969	1540	1969	789,67	1,726102252	0,2579399
GIGYF1	64599	NM_022574.3	X	0	1333	971	1129	825	1640	2531	1915,7	1,726384371	0,24396433
KLHDC4	54758	NM_017566.2	221219_s_at	0	361	0	645	0	986	986	1306,3	1,726623405	0,3117537
FAM122A	116224	NM_138333.3	X	0	1382	1369	1229,666667	2726	889	2065	1661	1,726721644	0,25909365
RP5-1000E10.4	80143	NM_001102396.1	204666_s_at	1077	0	1482	0	1830	1482	1563	794,67	1,726777233	0,24395044
POLR3F	10621	NM_006466.2	205218_at	0	1587	0	325,6666667	2107	0	2000	794,67	1,727143488	0,41550722
CMTM6	54918	NM_017801.2	217947_at	666	0	0	1019,333333	1419	1254	0	3118,3	1,727531661	0,35647957
ZMPSTE24	10269	NM_005857.3	202939_at	0	2362	1839	0	2362	2071	2362	2914,3	1,727815719	0,28413414
ZNF747	65988	NM_023931.2	206180_x_at	0	2333	1486	482	2404	2066	1864	799	1,728984041	0,27593872
WDR77	79084	NM_024102.2	201421_s_at	1709	0	2375	628,3333333	2642	1627	2524	1666	1,729549173	0,28286458
CHM	1121	NM_000390.2	207099_s_at	0	1420	735	338,3333333	1746	1420	1131	1592	1,729848866	0,22897213
RAB3A	5864	NM_002866.3	204974_at	1201	0	0	491,6666667	1214	2648	0	1129,7	1,729930811	0,39895022
SMARCD2	6603	NM_003077.3	201827_at	0	1729	1453	1018,666667	1732	1955	1988	2534	1,730067484	0,26121307
CCBP2	1238	NM_001296.4	206887_at	0	1189	661	2917,333333	1870	1842	612	810,33	1,730566433	0,22708024
MLL3	58508	NM_170606.2	X	0	1522	1424	803,3333333	1863	1683	1856	920	1,730685234	0,25475988
TWF1	5756	NM_002822.3	201745_at	0	1352	1382	438,6666667	1904	3108	846	1417,7	1,73123232	0,25989794
ZFYVE19	84936	NM_001077268.1	X	0	1875	2141	0	2245	2245	2141	813	1,731285958	0,27971541
CSDE1	7812	NM_007158.4	202646_s_at	0	1184	2080	577,6666667	2563	1805	1432	2280	1,731335501	0,26406614
EBNA1BP2	10969	NM_006824.1	201323_at	0	1065	1352	723	2304	1181	1424	2201,7	1,73139754	0,24124588
PQBP1	10084	NM_001032383.1	214527_s_at	0	1939	572	0	3114	380	2495	826,67	1,731561229	0,2723939
OGG1	4968	NM_016826.1	205301_s_at	0	276	0	858	578	1313	0	2363,3	1,731750087	0,29467462
FAM3C	10447	NM_014888.2	201889_at	0	1688	965	300,3333333	2513	1003	1740	1689,7	1,731751212	0,25057956
HAUS5	23354	NM_015302.1	36888_at	0	0	906	0	1790	0	1366	829,67	1,731789596	0,37755801
VPREB1	7441	NM_007128.2	221349_at	0	0	0	904	0	0	2692	1919	1,731848696	0,3027933
GEMIN7	79760	NM_001007270.1	219085_s_at	0	1195	1619	0	2077	2978	846	1197,7	1,734263241	0,26083358
BTBD1	53339	NM_025238.3	217945_at	0	910	910	2203,333333	1047	1057	2035	2129,3	1,734382646	0,21796898
HTR3A	3359	NM_000869.2	216615_s_at	0	0	0	715,3333333	0	2717	0	2001	1,734913007	0,30273884
ZNF410	57862	NM_021188.1	209944_at	0	0	1430	891,6666667	1872	0	2080	2003,7	1,735379192	0,40727183
STX6	10228	NM_005819.4	212799_at	0	664	1165	1028	1026	1147	1804	1149,7	1,736645379	0,2153445
LAMP1	3916	NM_005561.3	201553_s_at	625	0	0	174,6666667	1465	1173	0	837,33	1,736768496	0,35048075

IMPAD1	54928	NM_017813.3	218516_s_at	0	887	1482	1023,333333	1891	1735	1098	1314	1,737021466	0,2366759
GINS3	64785	NM_022770.2	218719_s_at	1664	1933	0	1146	2083	1736	2438	1938,3	1,737728941	0,26993039
WDR65	149465	NM_152498.2	X	0	1271	1657	2234,666667	2320	1486	1676	2064	1,737870484	0,25361581
EZR	7430	NM_003379.3	208622_s_at	0	2238	0	0	3012	0	2037	2078,7	1,737943125	0,43548518
ASB2	51676	NM_016150.3	X	0	0	0	1681,333333	2747	0	0	1995,3	1,738553378	0,30267451
ZBTB3	79842	NM_024784.2	X	0	569	0	0	1287	0	1224	1122	1,738588507	0,34320703
GABARAPL2	11345	NM_007285.6	209046_s_at	1857	0	1601	318,6666667	2622	1378	2261	1339	1,738754953	0,26863006
URM1	81605	NM_030914.1	208101_s_at	0	1835	2231	871,6666667	2140	1938	2723	1429	1,739917895	0,2792121
MTCH1	23787	NM_014341.1	221619_s_at	0	1565	1565	1892,666667	3127	1493	1447	1460,7	1,740101518	0,26233052
MOCS3	27304	NM_014484.3	206141_at	1685	2542	0	1436,333333	2533	2186	2136	2204,3	1,74013184	0,28122591
PPP2R3C	55012	NM_017917.2	218852_at	1970	0	0	833,3333333	3624	0	1499	1265,3	1,740183412	0,42916746
KIAA0415	9907	NM_014855.1	209912_s_at	0	1779	1664	0	1779	2583	1779	853	1,740232127	0,26628913
NSD1	64324	NM_022455.3	219084_at	0	1195	1879	122	1915	1564	2073	1556,3	1,740304044	0,25569834
PPPDE1	51029	NM_016076.3	219875_s_at	0	830	1027	1264,333333	3413	435	1570	1358,7	1,740345166	0,24463591
TMEM222	84065	NM_032125.2	221512_at	696	0	967	0	1327	1127	1251	1237,7	1,740585457	0,20450208
PARP4	143	NM_006437.3	202239_at	978	0	2128	2793,333333	2053	1259	2231	2859,3	1,740805782	0,25710587
ZNF79	7633	NM_007135.1	214138_at	0	2102	2947	1073,333333	2647	2148	3016	1056	1,741102278	0,29567084
KIAA0776	23376	NM_015323.3	212633_at	695	0	1373	1448	1279	729	2834	1892,3	1,741107844	0,23489271
C1D	10438	NM_173177.1	200056_s_at	0	1851	1709	2328,666667	2215	1786	2215	2386	1,741202013	0,26796529
NUP133	55746	NM_018230.2	202184_s_at	1331	0	2271	0	2673	1377	2282	1657,3	1,742302397	0,27025718
ATP5E	514	NM_006886.2	217801_at	0	1396	1533	988	3610	723	2268	1736	1,74265861	0,26890609
MAPK10	5602	NM_138982.1	204813_at	0	0	0	208,3333333	0	2782	0	1286	1,742750831	0,3026008
RAB1A	5861	NM_004161.3	208724_s_at	0	1867	1447	286,3333333	2576	1602	1822	1031,3	1,742771655	0,26271691
UMPS	7372	NM_000373.1	215165_x_at	0	1604	698	402	814	1764	2175	870,33	1,742862697	0,23692363
C1QBP	708	NM_001212.3	214214_s_at	0	1540	1399	454,3333333	2009	1727	1731	888,67	1,743081351	0,25166568
NIP7	51388	NM_016101.3	219031_s_at	0	3109	1432	1142	1926	2469	2612	1096,7	1,743338126	0,28497707
FBXL13	222235	NM_145032.2	X	0	1129	1092	623,3333333	1129	1092	2790	1492,7	1,743702872	0,23619503
ARMC10	83787	NM_031905.2	X	0	1129	1092	0	1129	1092	2790	876,67	1,743702872	0,23619503
TXN2	25828	NM_012473.3	209078_s_at	0	1627	895	0	2219	995	1843	878,33	1,743781806	0,24244064
CLEC17A	388512	NM_207390.2	X	0	0	0	409,3333333	2796	0	0	879,33	1,744415123	0,30257172
MAN2C1	4123	NM_006715.2	203668_at	0	1777	1934	970	2167	1971	2258	1604	1,745507114	0,26999794
PPP1R11	6992	NM_021959.2	201500_s_at	0	2476	1639	923	3249	1258	2784	2835,3	1,745805404	0,28366417
KIAA0101	9768	NM_014736.4	202503_s_at	0	2860	1153	1520	3647	1026	2472	2106,3	1,745875973	0,28339993

YOD1	55432	NM_018566.3	215150_at	0	732	0	608	0	992	2080	1563	1,74597478	0,36220562
RRM1	6240	NM_001033.3	201477_s_at	220	525	348	0	3295	1701	1513	1209,7	1,746204077	0,01440971
LRRCC1	85444	NM_001077501.1	X	0	2255	2079	496	2897	1551	2933	894,67	1,746446945	0,2852009
EIF4H	7458	NM_031992.1	206621_s_at	0	2121	1837	777,3333333	2493	1866	2357	1748	1,746508892	0,27533482
C13orf15	28984	NM_014059.2	218723_s_at	407	0	0	1177,3333333	625	1852	0	2458,7	1,746833602	0,3232798
STX8	9482	NM_004853.1	204690_at	0	664	0	946,3333333	1689	1114	0	1427,3	1,747049981	0,35355975
ZNF513	130557	NM_144631.4	X	0	0	865	507,6666667	1391	0	1759	921,33	1,747174709	0,37154623
SETD1A	9739	NM_014712.1	213202_at	0	1746	1636	1359,6666667	2513	1746	1838	1932	1,747519446	0,26287813
BLCAP	10904	NM_006698.2	201032_at	0	1472	1710	0	2154	2555	1291	897,33	1,747619507	0,26009433
WDR74	54663	NM_018093.1	221712_s_at	0	2123	1823	0	2929	1933	1933	1194,3	1,748177284	0,27550213
FAM43A	131583	NM_153690.4	X	0	0	0	980	0	2828	0	2171,7	1,748188304	0,30250608
SLC25A16	8034	NM_152707.2	214140_at	0	0	281	268,3333333	1386	586	0	1471	1,748375608	0,29379891
SLA	6503	NM_006748.2	203760_s_at	0	0	0	1134,3333333	0	0	2831	1776	1,748539859	0,30249999
NCF4	4689	NM_013416.2	205147_x_at	0	0	0	267,3333333	0	2839	0	2582	1,749475532	0,30248378
CHURC1	91612	NM_145165.2	X	0	1550	0	95,33333333	2841	1550	0	191	1,749709041	0,41104783
NOL10	79954	NM_024894.1	X	0	1263	1619	0	1768	1709	1927	905,67	1,750013535	0,24811191
MUL1	79594	NM_024544.1	218246_at	653	0	0	0	1770	1055	0	1144,3	1,750083082	0,35226763
C9orf30	91283	NM_080655.1	X	0	762	0	0	1476	0	1476	683,33	1,750304693	0,36194897
ZNF2	7549	NM_021088.2	X	0	1604	2345	767,3333333	2560	2345	1784	1862,7	1,750325631	0,27404416
ADAR	103	NM_001025107.1	201786_s_at	0	1990	1404	0	2454	1626	1996	915,67	1,750619917	0,26207821
KDELR2	11014	NM_006854.3	200699_at	625	0	1142	589,6666667	1307	1281	1223	1668,7	1,750695749	0,20651163
SMPDL3A	10924	NM_006714.2	213624_at	0	0	0	1106	0	2853	0	2173	1,751106667	0,30245559
COPZ1	22818	NM_016057.1	217726_at	1046	1487	0	831	1766	1667	1513	2868,3	1,751604641	0,23697614
HMGCR	3156	NM_000859.1	202539_s_at	0	2500	2481	409,6666667	3399	2269	2302	1387	1,752276328	0,29281356
C19orf28	126321	NM_021731.2	220178_at	0	0	0	980,6666667	0	2873	0	1318,7	1,7534231	0,30241569
TRUB1	142940	NM_139169.4	X	0	1190	1349	2865	1673	1603	1725	1177,3	1,753808093	0,23687461
LRCH1	23143	NM_015116.1	214936_at	0	849	1674	0	906	1935	2335	1950,3	1,753900136	0,24182322
DCK	1633	NM_000788.1	203302_at	0	0	302	885,3333333	526	0	1680	1577,3	1,753968441	0,30147654
S1PR4	8698	NM_003775.2	206437_at	0	0	0	942,6666667	0	0	2880	936	1,754230063	0,30240183
IMMT	10989	NM_006839.2	200955_at	0	982	1552	942,6666667	1425	2695	1144	936	1,754231979	0,24140831
TMEM186	25880	NM_015421.2	204676_at	0	2905	1277	0	2589	1661	2488	707,67	1,754292932	0,27637941
SLC43A1	8501	NM_003627.4	204394_at	0	0	1255	595,3333333	0	2394	1512	942,67	1,754401642	0,39595802
ANAPC2	29882	NM_013366.3	218555_at	0	1677	1237	0	1892	1959	1615	1792,7	1,754408275	0,24805271

HGS	9146	NM_004712.3	210428_s_at	0	1611	1430	0	1878	1318	2684	943,67	1,754649664	0,25478377
SNW1	22938	NM_012245.2	215424_s_at	0	1599	2020	904	2710	1490	2309	1207,3	1,755014951	0,26775271
TNFRSF1A	7132	NM_001065.2	207643_s_at	0	0	0	5915	0	0	2890	3506,7	1,755379489	0,30238211
DDX1	1653	NM_004939.1	201241_at	0	1662	0	534	2748	0	1749	1017	1,7555332	0,41388244
ZFYVE27	118813	NM_144588.4	X	0	360	0	621,3333333	921	1150	0	3114	1,755705205	0,30715241
ZC3H7A	29066	NM_014153.2	218348_s_at	0	0	0	947,3333333	2898	0	0	2705,7	1,756296185	0,30236641
AKR1A1	10327	NM_153326.1	201900_s_at	0	655	1384	483,6666667	2512	396	2616	952,67	1,756553238	0,2485934
ARL11	115761	NM_138450.4	X	0	0	0	320,6666667	0	0	2904	1359,3	1,756982057	0,30235468
ROCK2	9475	NM_004850.3	211504_x_at	0	985	1903	0	1579	1934	1788	960	1,757145682	0,24557009
MED4	29079	NM_014166.2	217843_s_at	0	1301	1531	408	2081	2277	1222	1644,7	1,757193985	0,24801394
GCET2	257144	NM_152785.3	X	1412	0	0	890,3333333	1842	0	2239	2952	1,758599812	0,40229836
RNF166	115992	NM_178841.2	X	329	0	0	0	0	1690	577	968	1,758711722	0,30589153
CD3EAP	10849	NM_012099.1	205264_at	0	1160	3327	3219,666667	2875	1309	2999	2695	1,75901652	0,28308416
MORF4L1	10933	NM_006791.2	221381_s_at	0	1641	814	3219,666667	2353	751	2213	2695	1,759804025	0,24251273
FAM148A	145741	NM_207322.2	X	0	1123	1215	1531,666667	1752	1516	1516	1869,7	1,761514666	0,22845279
SFRS9	8683	NM_003769.2	200044_at	0	1089	1012	318,3333333	1345	1556	1556	971	1,761677539	0,219562
DIS3L	115752	NM_133375.2	X	0	0	0	270,3333333	0	0	2950	1815	1,762194037	0,30226597
FAM98B	283742	NM_173611.2	X	1175	1537	0	0	1887	1884	1502	1970	1,762391815	0,24053537
RABGAP1	23637	NM_012197.2	213313_at	0	1437	1233	1097,666667	1811	1618	1793	2176,3	1,763329583	0,23883611
C12orf44	60673	NM_021934.4	218214_at	0	2293	246	0	953	1674	1082	1961,3	1,763583743	0,23073196
HES3	390992	NM_001024598.2	X	0	0	1000	343,3333333	1750	0	1698	1283,7	1,763737792	0,3783309
G3BP2	9908	NM_012297.3	206383_s_at	0	3076	1259	1373	1610	3023	2364	2471	1,764145436	0,27736199
SFN	2810	NM_006142.3	33322_i_at	0	260	1086	971,3333333	992	623	1392	1683,3	1,764496266	0,18454265
MRPL53	116540	NM_053050.2	X	0	2357	3488	1136,333333	2597	3572	2633	2024	1,764529634	0,30105384
TOX	9760	NM_014729.2	204530_s_at	0	0	0	489,3333333	0	2978	0	2706	1,765327102	0,302213
CD2BP2	10421	NM_006110.1	202257_s_at	0	2570	1899	741,3333333	2676	1786	3041	1867	1,765382029	0,28132732
FAM54B	56181	NM_001099626.1	X	0	2462	1507	306,6666667	3299	2128	1575	1396,3	1,765576107	0,27287342
MAN1B1	11253	NM_016219.2	65884_at	961	0	1690	1117,333333	1406	1567	2204	909	1,765846674	0,23811671
SSRP1	6749	NM_003146.2	200957_s_at	0	865	0	272	1368	0	1893	1997,7	1,765949692	0,36845132
NINJ2	4815	NM_016533.4	219594_at	0	0	0	246,3333333	0	2984	0	1603,7	1,765994659	0,30220175
BCL3	602	NM_005178.3	204907_s_at	0	2579	352	0	2002	1211	1142	1133,7	1,766698656	0,24106625
TRIM27	5987	NM_006510.4	212116_at	0	1584	1269	208,3333333	2885	1195	1744	1370,7	1,766807667	0,24843962
ARCN1	372	NM_001655.3	201176_s_at	0	2468	1123	1125	1455	2960	1930	1432,7	1,767244551	0,26307913

MRPL48	51642	NM_016055.4	218281_at	0	970	722	1032,666667	1389	1115	1364	1169	1,767629213	0,20027246
C14orf178	283579	NM_174943.2	X	0	1841	2113	1165	2710	1848	2331	1409,3	1,767822381	0,27040114
DEDD2	162989	NM_133328.2	X	0	729	1983	1007	2125	2935	697	2139,7	1,768735425	0,25098951
DCP1A	55802	NM_018403.4	218508_at	0	773	0	706,6666667	2323	1006	0	2398	1,76934689	0,36254209
DPP3	10072	NM_130443.2	218567_x_at	0	1772	1221	0	2315	1734	1628	1272	1,769574262	0,24714149
DDX55	57696	NM_020936.1	X	0	2566	1693	126	2485	1770	2984	1037,3	1,77006437	0,27594563
C16orf80	29105	NM_013242.2	217957_at	699	1594	0	2026,666667	1885	1165	1542	2445,3	1,770364581	0,22439487
TMEM41B	440026	NM_015012.1	212622_at	0	0	989	1333,333333	2212	1355	0	1906	1,770393062	0,37732928
TSN	7247	NM_004622.2	201513_at	0	0	1070	0	1330	0	2441	1876	1,771017705	0,38299041
SIL1	64374	NM_022464.4	218436_at	0	1071	1671	0	1987	1471	1859	1022,7	1,771051603	0,23921017
ZNF526	116115	NM_133444.1	X	0	1269	2165	0	2726	2534	1205	2795,3	1,771091599	0,26159181
MAP3K12	7786	NM_006301.2	205447_s_at	0	2429	1642	1142,666667	2207	2432	2254	2376,3	1,771223327	0,27055659
ZNF397	84307	NM_032347.1	X	0	1418	0	953	2278	1890	0	2893,7	1,77142598	0,40024924
SORBS2	8470	NM_003603.4	204288_s_at	418	0	0	1544,333333	1090	1181	0	2362,7	1,771850206	0,3153304
XPO5	57510	NM_020750.1	X	0	1949	789	2172	4054	485	2368	1416,3	1,773829388	0,26701935
POLH	5429	NM_006502.1	219380_x_at	0	1949	789	1624,666667	4054	485	2368	2208,3	1,773829388	0,26701935
MRPS12	6183	NM_033362.2	204331_s_at	0	1369	2612	1060,666667	2842	2328	1653	2000	1,773904766	0,26896264
BTAF1	9044	NM_003972.2	209430_at	0	1596	0	307	2966	0	1645	1364,3	1,773975464	0,40843077
SLC6A6	6533	NM_003043.3	211030_s_at	694	0	597	875,6666667	994	1305	986	1415,3	1,774072935	0,17706238
MRPL20	55052	NM_017971.2	220526_s_at	0	1115	1067	2468,333333	1785	1833	1115	2424,7	1,774261512	0,22188213
HMHA1	23526	NM_012292.2	212873_at	493	0	2354	547	1607	1971	1134	981,33	1,774395168	0,23791935
NUPL2	11097	NM_007342.1	204003_s_at	0	1593	1543	482,6666667	2130	1943	1821	1549,7	1,774654449	0,24944789
OLA1	29789	NM_013341.3	219293_s_at	834	0	1228	606,3333333	1408	1161	1927	2155	1,774825965	0,21632079
SFRS6	6431	NM_006275.4	208804_s_at	0	2164	2605	208,3333333	2641	2347	2789	1813,3	1,775013874	0,28267846
DOCK8	81704	NM_203447.1	X	0	0	0	1850,666667	3068	0	0	3133,7	1,775202742	0,30204781
DIDO1	11083	NM_033081.1	213213_at	0	1131	1069	304	1729	1246	1729	1891,7	1,775679088	0,22102819
LPHN1	22859	NM_001008701.1	47560_at	625	443	0	0	603	1173	1220	2162,7	1,776317882	0,16536828
PMM2	5373	NM_000303.1	203201_at	0	2905	1079	0	2589	1463	2562	1466,3	1,777548412	0,26714498
NPC1	4864	NM_000271.3	202679_at	0	1769	1615	1977,333333	2339	2339	1615	2805,3	1,77769302	0,25585489
C1orf128	57095	NM_020362.3	X	0	0	991	635,6666667	2017	1526	0	1983,3	1,778391697	0,37544152
DICER1	23405	NM_177438.1	212888_at	0	1114	0	281	1855	0	1865	1415	1,778527667	0,38298387
ANKMY2	57037	NM_020319.1	212798_s_at	1772	0	450	616,6666667	3562	2119	324	2269,7	1,778550719	0,25806078
RBCK1	10616	NM_031229.2	207713_s_at	1092	0	0	503	0	1720	1975	1665,7	1,779064492	0,38162747

ZNF238	10472	NM_205768.2	212774_at	958	0	0	137,6666667	1392	0	2142	1412,3	1,779084807	0,37344558
POLR2H	5437	NM_006232.2	209302_at	0	2135	2363	926,3333333	1969	2748	2896	1478	1,779302052	0,27798924
ITPR1	3708	NM_002222.4	203710_at	662	0	0	853	1820	0	1141	1625	1,780599779	0,34782273
PRPSAP2	5636	NM_002767.2	203537_at	871	0	0	0	1794	1523	0	1159	1,781333495	0,36594447
CCDC90B	60492	NM_021825.3	218288_s_at	0	1777	1359	1180	2930	1198	2154	1059,3	1,782039416	0,25259938
NT5C2	22978	NM_012229.2	209155_s_at	0	1191	1119	343,6666667	1539	1487	1829	1375,7	1,782070568	0,22293043
ZNF428	126299	NM_182498.2	215429_s_at	0	1196	1092	1881,6666667	2107	1629	1196	3193,3	1,782514254	0,22394208
INTS7	25896	NM_015434.2	222250_s_at	1848	0	2780	3156,6666667	3425	1557	3024	1429	1,783011186	0,28183765
C13orf1	57213	NM_020456.1	214668_at	915	0	893	1349,6666667	1205	1633	1315	2168,3	1,784126301	0,20267836
LIN7C	55327	NM_018362.2	221568_s_at	0	1630	1588	0	2609	1296	2415	1821	1,784489718	0,25281979
DPM1	8813	NM_003859.1	202673_at	1472	2542	0	1159	2533	2186	2136	1346,3	1,784754368	0,26581779
TIAM1	7074	NM_003253.2	213135_at	625	0	0	1210,3333333	1471	0	1352	2093,3	1,784899562	0,34213176
PDCD6	10016	NM_013232.3	203415_at	0	792	1298	1222	1713	1225	1556	2093,3	1,785203501	0,21382157
ANAPC1	64682	NM_022662.2	218575_at	0	1639	1496	0	2395	1262	2565	1076	1,785222174	0,25068674
HIGD1A	25994	NM_001099668.1	221896_s_at	0	1189	661	0	2065	1971	612	2049,3	1,785766552	0,21634302
ZSWIM3	140831	NM_080752.2	X	0	1297	1243	974,6666667	2388	1233	1738	3007,3	1,786072687	0,23244578
METTL5	29081	NM_014168.2	221570_s_at	0	0	547	1186	1506	1162	0	2477	1,78609845	0,33273428
S100PBP	64766	NM_022753.2	218370_s_at	0	2098	2521	1127,6666667	2361	1910	3723	1540	1,78663446	0,27987625
COX6A1	1337	NM_004373.2	200925_at	0	318	922	0	1552	391	1552	1278,7	1,787104557	0,18861057
BZW2	28969	NM_014038.1	217809_at	1757	0	450	1326	3562	2158	324	2579,7	1,787397363	0,25573994
EIF2AK3	9451	NM_004836.4	218696_at	0	3756	820	0	2521	1212	3222	1097,3	1,78749853	0,27569336
ARFGEF1	10565	NM_006421.3	216266_s_at	0	0	0	547	3189	0	0	1331,3	1,788035036	0,30183709
PGAM1	5223	NM_002629.2	200886_s_at	0	3805	1370	536	3842	1490	2912	1076	1,788805034	0,2872752
MDH2	4191	NM_005918.2	209036_s_at	0	2769	2488	285,6666667	2641	2873	2907	2783,3	1,789326696	0,28675576
GTF3C6	112495	NM_138408.2	X	0	2011	0	1615,6666667	2419	0	2663	2776,3	1,789415971	0,41903828
RASGEF1B	153020	NM_152545.1	X	625	2307	0	2102,6666667	1398	1843	1807	2821	1,78957128	0,23646003
ST14	6768	NM_021978.3	202005_at	952	0	0	1139,3333333	0	1716	1786	2807,7	1,790101068	0,37039806
PIP4K2B	8396	NM_003559.4	201080_at	0	345	1339	387,6666667	1306	938	1234	1886	1,790295011	0,19260098
MRPS25	64432	NM_022497.3	X	0	2217	511	0	1568	1936	1212	1191	1,790499036	0,23068461
SERF1B	728492	NM_022978.1	219982_s_at	0	314	1328	0	1838	994	748	1142,7	1,790588377	0,19584426
ARL16	339231	NM_001040025.1	X	0	1747	1764	628,3333333	2212	1652	2721	2242,7	1,791794044	0,2559365
UHRF1	29128	NM_013282.3	X	846	0	0	0	0	2213	1238	1581,3	1,792003617	0,36336156
EGR2	1959	NM_000399.2	X	0	0	0	0	3228	0	0	1291	1,792067968	0,30177176

ABCB9	23457	NM_203444.2	214209_s_at	0	3638	846	279,3333333	1119	2039	4365	1437,3	1,792135382	0,27823475
RMND5B	64777	NM_022762.3	218262_at	0	1573	2464	346	2860	1988	2203	1366,3	1,792226361	0,26548131
WDR32	79269	NM_024345.3	219001_s_at	0	2070	1236	943	1550	1774	3011	1993,7	1,792592412	0,25155948
HEATR5B	54497	NM_019024.1	X	0	1517	2879	436,3333333	2208	2602	2476	1584,3	1,794687291	0,27016844
ZMAT3	64393	NM_022470.2	219628_at	0	0	1775	389	2182	2649	0	702,67	1,794803668	0,41039284
TSKS	60385	NM_021733.1	220545_s_at	0	351	1775	1499,3333333	1413	1152	1271	2537,7	1,794953082	0,20852649
AIP	9049	NM_003977.1	201782_s_at	0	194	1004	229,6666667	613	737	1463	1569,3	1,795586702	0,17090091
PFDN6	10471	NM_014260.2	222029_x_at	0	1394	2918	0	3320	1584	2526	1173	1,795735958	0,2710838
PARD6A	50855	NM_016948.2	205245_at	0	0	252	1086,6666667	0	1296	655	1499,7	1,796841446	0,27713883
DNAJC17	55192	NM_018163.1	219861_at	0	1537	2069	1346,3333333	2245	2245	2069	2438,7	1,796963428	0,25502355
RPS7	6201	NM_001011.3	213941_x_at	0	1553	426	108,6666667	1961	1083	1034	1178,7	1,79700561	0,20686217
C16orf55	124045	NM_153025.1	X	0	666	1540	471,6666667	1235	1487	1847	1498,7	1,79800493	0,21451771
SNAP29	9342	NM_004782.2	218327_s_at	0	1383	1778	1753,3333333	1331	2390	2543	2394	1,798228359	0,24747822
EIF5B	9669	NM_015904.3	201027_s_at	0	2860	778	1587,6666667	3352	813	2687	1904,7	1,798285572	0,26489956
KCNAB2	8514	NM_172130.1	203402_at	0	0	958	2272,3333333	0	958	3290	2632,3	1,798380517	0,37518598
FADS2	9415	NM_004265.2	202218_s_at	0	0	0	0	3292	0	0	1934,7	1,798582171	0,30166712
LSMD1	84316	NM_032356.3	X	0	3390	1768	893	3846	3151	1628	2159,7	1,798693939	0,28591331
NDUFB6	4712	NM_002493.3	203613_s_at	0	1141	1324	1152,6666667	2403	1128	1843	2087	1,799638006	0,22790976
TMEM135	65084	NM_022918.2	222209_s_at	0	672	1332	518,3333333	964	1762	1758	1079,7	1,801207369	0,20893973
GNG5	2787	NM_005274.1	207157_s_at	625	0	2601	282,3333333	1002	1583	3423	2828	1,801615206	0,24978905
ITGB7	3695	NM_000889.1	205718_at	0	1630	0	1258,3333333	2366	2291	0	1616	1,801666561	0,40367913
PRDX5	25824	NM_181652.1	X	0	2374	2254	685	2046	2693	3230	1663,3	1,80200267	0,27500988
CCDC75	253635	NM_174931.1	X	0	1482	2879	1595,3333333	2208	2602	2476	619	1,802390946	0,26761227
RAN	5901	NM_006325.2	200749_at	0	1182	1558	569	1559	2184	1806	1111,3	1,802636897	0,23239287
HSPC152	51504	NM_016404.1	217774_s_at	0	2448	2260	2160,6666667	2120	2693	3230	3461,3	1,802712419	0,27596862
ICMT	23463	NM_012405.3	201609_x_at	0	0	1031	1308,3333333	1957	0	1766	1135,7	1,803651658	0,37347589
CRIP1	9419	NM_014171.3	218643_s_at	0	2745	620	0	1515	1856	2041	1223,3	1,803702603	0,24300845
DIAPH3	81624	NM_001042517.1	220997_s_at	1260	0	907	138	1009	1244	3050	1247,7	1,804016935	0,2218319
METTL14	57721	NM_020961.2	X	0	1908	1228	0	1573	2435	2054	151	1,804639862	0,24290503
CDC23	8697	NM_004661.3	202892_at	0	984	932	0	1488	1266	1640	1388	1,804688969	0,20276788
ZNF70	7621	NM_021916.2	X	695	0	0	2888,6666667	0	1533	1533	3253	1,805374312	0,3461627
CLCN2	1181	NM_004366.3	213499_at	0	1556	1762	770	1445	2347	2727	1618,3	1,806566301	0,2491279
IKBKE	9641	NM_014002.2	204549_at	0	517	1882	106	935	1717	2065	88	1,806964862	0,22091762

CCDC84	338657	NM_198489.1	X	1987	0	1380	1052	2555	2496	1454	2228,3	1,807277619	0,24950027
KIAA1328	57536	NM_020776.1	X	904	0	1056	2457	1610	1560	1292	3159	1,807692989	0,20382883
MAP3K11	4296	NM_002419.3	203652_at	697	934	0	1045,333333	874	1470	1727	2020,7	1,808173178	0,19199063
PIGN	23556	NM_012327.5	219048_at	0	2281	1552	0	3375	3069	1157	1247,7	1,808380901	0,26533491
XPNPEP1	7511	NM_020383.2	208453_s_at	951	0	860	720	1137	1484	1655	1155	1,808983108	0,19783175
MOCS2	4338	NM_004531.3	218212_s_at	915	0	929	1112,333333	1424	1349	1513	1935	1,809411521	0,19823746
LOC126661	126661	NM_001102601.1	X	0	1208	1831	71,33333333	2587	1446	2018	1289,7	1,810097044	0,24016598
CDC37L1	55664	NM_017913.2	219343_at	0	3070	1837	631,3333333	2809	2844	2412	1775,7	1,810723148	0,27546487
AASDHPPT	60496	NM_015423.2	202170_s_at	0	1498	1860	525,3333333	3135	1553	1962	1705	1,811928634	0,24917746
TCTN3	26123	NM_015631.2	212123_at	0	657	1005	0	1657	1549	888	2816,7	1,812211273	0,19214899
ACOT8	10005	NM_183386.1	204212_at	0	1124	1070	1058	2388	1060	1636	3527,3	1,812798063	0,21618669
KIAA1219	57148	NM_020336.2	221736_at	0	0	849	262,3333333	1750	1676	0	1416	1,813119449	0,35869287
POLR2A	5430	NM_000937.2	217420_s_at	0	3467	1024	0	2228	2538	2174	1323,7	1,814122579	0,26397434
C16orf84	348180	NM_001012759.1	X	329	0	0	1982	0	1999	577	2809,3	1,81423095	0,29933218
CYTA	23384	NM_015330.1	212480_at	0	590	1054	1272	1227	1237	1429	2046,7	1,814796854	0,18709486
ATP5F1	515	NM_001688.4	211755_s_at	1291	0	2088	1843	2642	1186	2976	2299,7	1,81511038	0,25132048
APOM	55937	NM_019101.2	214910_s_at	0	2378	1147	140	2505	1849	2043	888,67	1,815244289	0,24803272
TRIAPI1	51499	NM_016399.2	X	0	395	1559	385,3333333	1764	1204	1020	1210,3	1,815388911	0,20025511
UBE2G2	7327	NM_182688.1	209042_s_at	0	954	1069	1294,666667	1550	1478	1550	2459	1,815699003	0,20433202
PHF23	79142	NM_024297.2	X	0	4143	827	1675	4044	2664	1108	2910	1,816343352	0,27837808
LDHA	3939	NM_005566.1	200650_s_at	0	2907	2178	1495,666667	2758	2741	2917	2063	1,817187066	0,27720793
DHX33	56919	NM_020162.2	X	0	1471	914	1110,333333	1677	1677	1677	1679	1,818332485	0,21645431
DTL	51514	NM_016448.1	218585_s_at	1821	0	2780	282,3333333	3425	1710	3024	2985	1,818836905	0,27183533
PIGF	5281	NM_173074.2	205078_at	0	2662	437	634	1231	1867	1802	2355,7	1,819513888	0,23254005
RPS4X	6191	NM_001007.4	200933_x_at	1136	0	0	0	2303	0	1734	2780	1,81960763	0,37745272
STX12	23673	NM_177424.2	212111_at	835	0	0	1080	2015	1461	0	2488,3	1,819865176	0,35683592
PCNXL3	399909	NM_032223.2	X	697	934	0	0	874	1470	1790	1908,7	1,820015415	0,1898387
C10orf97	80013	NM_024948.2	218297_at	0	456	1397	446,3333333	1326	1284	1332	3201,3	1,820161788	0,19363126
PTPN2	5771	NM_080422.1	213137_s_at	0	0	0	1737	0	0	3519	2591,3	1,820711817	0,3013197
MRPS35	60488	NM_021821.2	217942_at	0	726	776	581	1574	1013	1254	1594	1,820955429	0,18056449
STIP1	10963	NM_006819.2	212009_s_at	0	2613	2908	1024,666667	3633	2667	2762	1850,7	1,820994852	0,28350626
C8orf37	157657	NM_177965.2	X	0	1647	996	1868	2789	1537	1353	2664	1,821561551	0,22791557
BICD2	23299	NM_001003800.1	213154_s_at	0	1030	0	2070	2152	1699	0	2743,3	1,822620578	0,37034767

COMMD6	170622	NM_203497.2	X	962	0	0	387,6666667	2468	1387	0	2081	1,823447	0,3666876
C14orf2	9556	NM_004894.1	202279_at	0	1580	1146	1144,6666667	1938	1724	1938	2155	1,825197726	0,22620098
TMC8	147138	NM_152468.3	X	0	1948	3242	1495,6666667	1540	4749	3079	2394,3	1,825484195	0,28321824
C21orf33	8209	NM_004649.5	210667_s_at	0	2143	813	2046	1631	2291	1674	3083	1,825754833	0,23093378
NIT1	4817	NM_005600.1	202891_at	0	2973	2796	1194,6666667	3215	2724	3412	2533,7	1,827773596	0,28495005
FBXO24	26261	NM_033506.2	221157_s_at	0	983	1663	1741,3333333	1937	2502	1216	2321	1,827951175	0,22610384
STYXL1	51657	NM_016086.2	218321_x_at	0	2769	2214	1067	2641	2873	2907	1727	1,827972349	0,27327467
NCL	4691	NM_005381.2	200610_s_at	0	3355	3544	1609,3333333	3439	3435	3621	3132	1,828034705	0,29808753
USP53	54532	NM_019050.2	X	0	1369	0	991,6666667	1954	0	2525	2486,7	1,828139034	0,38811266
BASP1	10409	NM_006317.3	202391_at	0	0	0	633,6666667	3599	0	0	2175,7	1,828173423	0,30120528
CCDC88A	55704	NM_018084.3	221078_s_at	854	2375	0	716	1818	2360	1710	1515,7	1,828334107	0,23684445
MAX	4149	NM_197957.2	214108_at	0	0	0	1033	3603	0	0	1585	1,828542155	0,30119966
MCRS1	10445	NM_006337.3	202556_s_at	0	2257	983	1035,3333333	1874	1874	2288	1847,7	1,829118126	0,23749138
RALA	5898	NM_005402.2	214435_x_at	0	1777	1720	892,3333333	2086	1950	2719	2292,7	1,829678918	0,24607099
BANP	54971	NM_017869.3	219966_x_at	0	964	572	156,6666667	1072	1233	1524	1302	1,829918635	0,17943548
SLC5A6	8884	NM_021095.1	204087_s_at	0	3350	2533	494,3333333	3510	2986	2935	965	1,830533183	0,28539894
DNAJA1	3301	NM_001539.2	200881_s_at	0	2306	1545	2106,6666667	2847	1851	2454	2355,7	1,830717374	0,25325717
SMC5	23137	NM_015110.3	212927_at	852	2299	0	0	2774	907	2830	1499,7	1,831159957	0,24437625
TMEM55B	90809	NM_001100814.1	X	2019	0	1594	1277,6666667	2809	1093	3803	2533,7	1,831508515	0,25745798
DENND4B	9909	NM_014856.2	202860_at	0	1381	926	850	1700	1389	1977	2283,7	1,831594586	0,2119612
PRCP	5547	NM_199418.2	201494_at	0	1424	1334	1654	1108	2266	2758	2222	1,832313486	0,23177792
PIK3C3	5289	NM_002647.2	204297_at	1279	1513	0	677,6666667	2152	2030	1620	959	1,832797169	0,22715551
RIOK3	8780	NM_003831.3	202129_s_at	0	1115	1153	0	2028	1362	1705	1902	1,832948462	0,21100922
TESK2	10420	NM_007170.2	205486_at	0	948	1465	846,3333333	3086	1080	1524	1024,3	1,832992239	0,22206019
USP30	84749	NM_032663.2	X	0	402	1101	1476,6666667	1160	1160	1221	1768,7	1,833013308	0,17491213
BAZ1B	9031	NM_032408.2	208445_s_at	0	972	1999	900	1275	3175	1760	1717,3	1,83371036	0,23529593
HMBBOX1	79618	NM_024567.2	219269_at	0	2996	1966	673	1882	3920	2924	1774	1,83402834	0,27403864
BMP3	651	NM_001201.2	208244_at	0	0	0	1855	0	0	3670	2225	1,834658535	0,30110693
NCAPH	23397	NM_015341.3	212949_at	0	915	2244	2018,6666667	2340	1308	2470	2649,7	1,834689602	0,23675819
C11orf82	220042	NM_145018.2	X	0	1687	1334	0	1258	2307	2854	1834	1,835435403	0,23680167
SEMA6C	10500	NM_030913.3	208100_x_at	0	0	0	1445,6666667	0	280	173	1775	1,835772306	0,08724301
PIGH	5283	NM_004569.3	209625_at	0	0	466	2307	1101	1579	0	3102,7	1,83586351	0,31374931
GADD45B	4616	NM_015675.2	209305_s_at	0	1131	3235	220,3333333	1577	3378	2541	2233,7	1,836640524	0,26094083

SFRS14	10147	NM_001017392.2	213505_s_at	0	0	1080	0	556	1042	86	1056,3	1,837029889	0,24473396
MPP5	64398	NM_022474.2	219321_at	962	0	0	456,3333333	2805	1273	0	1493	1,837600406	0,36541831
CD70	970	NM_001252.3	206508_at	0	0	1366	1028,666667	2154	0	2358	1160,7	1,838439471	0,38600863
MRPL44	65080	NM_022915.2	218202_x_at	0	523	1168	977,3333333	1494	1426	1076	2342	1,838475805	0,18459966
C5orf4	10826	NM_032385.3	48030_i_at	702	0	2107	1495,666667	1629	2089	1629	2233,7	1,839376788	0,22288917
PDE4B	5142	NM_001037339.1	203708_at	0	0	0	1764	0	0	3723	3067,3	1,839418596	0,30103537
GTF2A1	2957	NM_015859.2	206521_s_at	0	401	1090	0	1489	371	2947	1420,3	1,839668264	0,20514621
ZWINT	11130	NM_032997.2	204026_s_at	0	957	1568	1663,333333	2226	1244	2030	1910,7	1,840473504	0,21879294
ARL3	403	NM_004311.2	202641_at	0	1209	1250	0	1028	2654	2071	175,67	1,840520725	0,22125923
OXCT1	5019	NM_000436.3	202780_at	700	0	0	975,3333333	0	1399	1884	2667,3	1,840975938	0,34122952
ABR	29	NM_021962.2	212895_s_at	0	0	0	1078	3743	0	0	1680,7	1,841197326	0,30100877
CYBASC3	220002	NM_153611.3	X	0	1859	1945	368,6666667	2601	2601	2003	2162,3	1,841361737	0,24983976
PRPF8	10594	NM_006445.3	200000_s_at	0	460	0	1447,333333	1501	1164	0	2292,3	1,841629154	0,31164455
C2orf76	130355	NM_001017927.2	X	0	2529	3527	944	4013	2431	3441	1829,7	1,843037252	0,2857059
ITPKB	3707	NM_002221.2	203723_at	0	395	1348	910,6666667	715	2694	1058	1932,7	1,844647442	0,19693579
CNOT8	9337	NM_004779.4	202162_s_at	702	0	2573	2205,333333	1629	2593	1629	2598	1,844782459	0,23389002
DDX52	11056	NM_152300.2	213637_at	625	0	770	1710,666667	1272	1097	1320	2265,3	1,845156386	0,16859219
CYB5D1	124637	NM_144607.3	X	0	3390	1635	232	3846	3151	1733	2393,7	1,845184102	0,27192124
NFYA	4800	NM_021705.2	204107_at	0	993	1242	867,3333333	3231	1087	1340	2228,7	1,847120204	0,21470457
ACLY	47	NM_001096.2	201128_s_at	0	1328	879	2094,666667	2282	1340	1462	1872,7	1,847422349	0,20640633
FASTKD1	79675	NM_024622.2	219002_at	1094	0	1387	1048,666667	1998	1778	1636	1213	1,847748029	0,21404136
CNOT1	23019	NM_016284.3	200860_s_at	841	2970	0	1005,666667	2368	1715	2365	1508	1,848390776	0,24395834
LMO2	4005	NM_005574.2	204249_s_at	238	0	0	1763,666667	895	1053	0	2257	1,848515976	0,26345392
PRKAB1	5564	NM_006253.4	201834_at	0	1559	1280	783,3333333	1749	2610	1677	1875,7	1,848716783	0,22592122
CTDSP12	51496	NM_016396.2	X	0	2853	2598	1193	3037	3190	2935	2265,7	1,849301848	0,27532054
NCSTN	23385	NM_015331.2	208759_at	0	2692	2192	2930,333333	2887	2651	2959	1879,3	1,849372388	0,26680675
DDB1	1642	NM_001923.3	208619_at	0	3160	2522	1477,666667	3261	3017	3109	2821,3	1,849458344	0,27826369
AP2A1	160	NM_014203.2	X	0	351	1775	2750,333333	1606	1152	1322	1919,7	1,850173099	0,1972784
SFXN2	118980	NM_178858.3	X	0	1419	1460	1116	1320	2654	2281	1807,3	1,850794329	0,22863539
COQ10B	80219	NM_025147.3	219397_at	1433	0	1856	182,6666667	2403	1475	2896	3887,7	1,851087425	0,23844365
IL23A	51561	NM_016584.2	220054_at	0	2309	1584	1421,333333	2347	2567	2345	2494	1,851257145	0,24841911
MOBK13	25843	NM_001100819.1	202919_at	0	2024	1956	1160,333333	3048	1427	3513	2454,3	1,851620521	0,25603677
PSMA4	5685	NM_001102668.1	203396_at	0	1448	2487	591,3333333	2772	1792	2808	1846	1,852186484	0,25001268

TMEM50A	23585	NM_014313.2	217766_s_at	0	3709	2912	626	3638	3131	3670	1392	1,852293263	0,28920606
MED17	9440	NM_004268.4	221517_s_at	0	1802	0	267,3333333	2644	0	2644	1041,3	1,852806171	0,4010613
SMAD2	4087	NM_005901.4	203076_s_at	0	1231	916	834,3333333	1634	2351	1142	2853,7	1,852820972	0,20466387
SC4MOL	6307	NM_006745.3	209146_at	0	1768	1190	2533,6666667	2559	1734	1848	3351	1,853873856	0,22723847
METTL6	131965	NM_152396.2	X	0	1833	1612	525,3333333	2546	2222	2034	1062	1,853916212	0,23893887
STAT6	6778	NM_003153.3	201331_s_at	0	2025	2727	537	3388	2296	2763	2118,3	1,854045553	0,26423267
NCOA7	135112	NM_181782.2	X	1470	0	1781	2153,6666667	2356	1839	2356	2736,7	1,854232472	0,23442343
OGT	8473	NM_181672.1	209240_at	0	3042	3439	1013	4098	2420	4108	2017	1,854472852	0,28903435
MCTS1	28985	NM_014060.1	218163_at	0	1071	0	412,3333333	1915	0	2192	778	1,855452662	0,36730286
RPTOR	57521	NM_020761.2	X	0	1124	1983	1434,3333333	1869	1793	2607	2367	1,855654512	0,23014868
SLC20A2	6575	NM_006749.3	202744_at	0	533	2817	1044	3239	999	1831	2349,3	1,855670315	0,23822378
PPM1G	5496	NM_177983.1	200913_at	0	414	0	304	1180	0	1395	1932,3	1,855913109	0,30186483
THOC5	8563	NM_001002877.1	209419_at	0	989	1263	1745,3333333	2108	1589	1465	2777,3	1,855929827	0,20529421
TRIM56	81844	NM_030961.1	X	0	523	1085	307,3333333	2258	2185	450	2147	1,856043883	0,20060298
C6orf130	221443	NM_145063.2	213322_at	0	993	1242	2531	3323	1087	1340	1818,7	1,856436323	0,21321648
SFI1	9814	NM_014775.2	213431_x_at	0	1249	2516	110,3333333	4044	1834	1662	357	1,856465791	0,24911501
NEK9	91754	NM_033116.3	212299_at	0	0	663	1360,3333333	1630	1609	0	1657,3	1,856981898	0,33456603
NARS	4677	NM_004539.3	200027_at	0	2110	722	165	2110	1699	1680	3780,3	1,857128342	0,21969381
KIAA1468	57614	NM_020854.3	X	0	2197	1387	1005,3333333	3375	3069	1157	1646,3	1,857892425	0,24861715
HINT1	3094	NM_005340.4	200093_s_at	2428	0	2672	942,6666667	2675	2714	3521	2606,3	1,858175179	0,26868755
KEAP1	9817	NM_012289.3	202417_at	661	0	990	463,6666667	1180	1518	1452	1999,3	1,858290675	0,17935929
KIAA0141	9812	NM_014773.2	201978_s_at	0	997	0	460	0	1519	2596	2006,7	1,858462833	0,3630666
C21orf66	94104	NM_016631.3	218515_at	0	731	1038	1820,6666667	821	1248	2937	2940,7	1,859312536	0,19626529
NGRN	51335	NM_001033088.1	217722_s_at	0	2083	3083	645,3333333	2781	3262	2800	1238	1,859348094	0,26848831
FAM103A1	83640	NM_031452.2	X	0	1410	0	1025,3333333	2717	0	2058	3075,3	1,85985468	0,38464662
EIF3J	8669	NM_003758.2	208985_s_at	0	1888	3106	0	3164	2576	2859	1811,7	1,860811799	0,26527243
SGCE	8910	NM_001099401.1	204688_at	0	0	2599	649,3333333	3585	0	2882	2211	1,861144342	0,42197377
PPP1CB	5500	NM_206876.1	201408_at	0	2099	2484	2006	3118	2464	2699	2349,3	1,861167455	0,25951696
PIGT	51604	NM_015937.3	217770_at	0	518	0	942,3333333	1869	1115	0	2520,7	1,861517914	0,31789631
LPCAT3	10162	NM_005768.5	202793_at	803	0	1462	402,3333333	1462	2198	1462	1983	1,861653362	0,20423354
KIF5B	3799	NM_004521.1	201992_s_at	0	956	956	494	1500	941	2597	2414,3	1,863032328	0,1972312
TNIP1	10318	NM_006058.3	207196_s_at	0	0	715	309	0	2897	991	2450,3	1,863079342	0,34348394
DYNLL1	8655	NM_001037494.1	200703_at	0	1089	1012	0	1374	1796	1796	2797,3	1,86348854	0,19801331

ARHGAP5	394	NM_001030055.1	217936_at	274	0	0	1397	778	0	1450	3849,7	1,863652285	0,27336452
ZBED3	84327	NM_032367.2	X	0	2046	625	179,3333333	1584	2063	1584	771	1,864321213	0,21325842
EAFL1	85403	NM_033083.6	X	0	1833	1559	511,3333333	2546	2222	2034	1660,3	1,864955438	0,23524681
IDH3B	3420	NM_006899.2	201509_at	0	293	0	1074	0	1087	1114	2476,7	1,86527319	0,2758401
NXF1	10482	NM_001081491.1	208922_s_at	0	2341	3211	827,3333333	3116	2786	3499	2952	1,86652692	0,27262577
IQCH	64799	NM_001031715.1	220361_at	1192	1285	0	1857	1935	1723	1867	3514,3	1,867367437	0,20972866
CAD	790	NM_004341.3	202715_at	0	2749	2119	1336,666667	3289	2385	3013	2849,7	1,867844316	0,26278141
CTSZ	1522	NM_001336.2	210042_s_at	728	0	0	1124,666667	1254	2369	0	2606,3	1,867924417	0,34091121
C7orf68	29923	NM_001098786.1	218507_at	0	1595	2289	1033	2485	2407	2485	3559	1,868666422	0,2443297
RSL24D1	51187	NM_016304.2	217915_s_at	0	2200	1674	341,6666667	2311	2673	2427	2617	1,86869363	0,2444475
DENND1C	79958	NM_024898.2	221080_s_at	733	0	1549	1127	1585	1603	1830	2401	1,868828154	0,20147193
OGDH	4967	NM_002541.2	201282_at	0	672	1152	2482,666667	2374	1196	1119	2424,7	1,869587417	0,18912508
CHMP1A	5119	NM_002768.2	201933_at	0	724	1859	2218,666667	1414	1806	2166	2373,3	1,870077146	0,2111584
FLJ11506	79719	NM_024666.3	202852_s_at	906	999	0	632,3333333	1649	1437	1581	2245	1,872588058	0,18784918
ZNF692	55657	NM_017865.2	220661_s_at	0	894	3242	965,3333333	2833	1169	3611	2163	1,87265146	0,2520383
RPA1	6117	NM_002945.2	201529_s_at	0	1983	0	1863	2991	2736	0	2418	1,873377724	0,40347554
POLR2G	5436	NM_002696.1	202306_at	0	569	0	326	1768	0	1341	1534,7	1,873465301	0,32176056
EIF4ENIF1	56478	NM_019843.2	218626_at	0	1587	2854	770,6666667	4645	1834	2200	533,33	1,874467165	0,25816747
MMACHC	25974	NM_015506.2	211774_s_at	0	1398	2021	462	3367	1636	2125	533,33	1,874552373	0,23634741
C7orf60	154743	NM_152556.2	X	0	399	0	528,3333333	582	2870	0	228,33	1,875093706	0,30829598
SRR	63826	NM_021947.1	219205_at	0	420	0	1052,666667	1364	1302	0	2667,3	1,876276449	0,29978053
MARK3	4140	NM_002376.4	202569_s_at	0	1491	942	500,3333333	1480	1720	2305	1672	1,876300214	0,20708859
QPCTL	54814	NM_017659.2	220438_at	0	1438	0	78,33333333	0	2199	2727	1123,7	1,876521036	0,38300384
TNF	7124	NM_000594.2	207113_s_at	0	0	0	0	4166	0	0	2653	1,876751843	0,30049225
FBXL4	26235	NM_012160.3	209943_at	0	696	751	613	1413	1303	1195	963,67	1,876790565	0,16544376
VPS13C	54832	NM_017684.3	218396_at	0	1260	1217	1087,333333	2187	1715	1715	2661,3	1,87790963	0,2079666
C14orf156	81892	NM_031210.3	221434_s_at	0	2462	2568	1507,666667	2714	2568	3802	2145,3	1,878685648	0,26346681
COPA	1314	NM_004371.3	208684_at	0	2692	2006	1036,333333	2887	2651	2959	2239	1,878719618	0,25699303
RNASEH1	246243	NM_002936.3	218497_s_at	0	1503	1503	302,3333333	2760	1339	2576	2569	1,880225181	0,2262358
DAK	26007	NM_015533.3	218688_at	0	3160	2262	0	3268	2965	3109	1621,3	1,88044461	0,26738729
MAP4K4	9448	NM_145687.2	206571_s_at	0	981	0	901	1760	2360	0	3311,3	1,880836987	0,35760133
ASXL1	171023	NM_015338.4	212238_at	0	1630	2716	1106,333333	2623	3017	2368	2783,3	1,881633524	0,250001
UHRF1BP1	54887	NM_017754.3	X	0	0	1174	1116,666667	2634	0	1890	2023	1,881752226	0,36931807

ILKAP	80895	NM_030768.2	221548_s_at	0	1027	1064	1098,333333	2978	1168	1336	3170	1,882567774	0,20012909
TLN1	7094	NM_006289.2	203254_s_at	0	1305	1561	865,6666667	2977	1570	1852	1388,3	1,882680894	0,22066687
IRF9	10379	NM_006084.4	203882_at	1017	0	1356	1093,333333	1863	1312	2407	1540,3	1,883462597	0,20514243
MND1	84057	NM_032117.2	X	1614	1061	0	2173,6666667	1472	1837	2702	3372,7	1,88368114	0,21421679
DBI	1622	NM_001079863.1	202428_x_at	0	2529	3527	1660,333333	4013	2648	3574	2656,7	1,883957596	0,27582848
C3orf37	56941	NM_020187.2	201678_s_at	806	2169	0	387,3333333	1211	2069	2985	1698,7	1,884145813	0,222949
TARBP2	6895	NM_134324.2	203677_s_at	0	3796	1369	1737,6666667	2407	3849	2401	3205,7	1,885081813	0,2610767
TAF1	6872	NM_138923.1	216711_s_at	727	1430	0	1742,333333	2024	1532	1444	3201	1,885510042	0,19462318
C8orf30A	51236	NM_016458.2	219071_x_at	0	0	809	842	204	1094	204	2110	1,886362172	0,19742142
SERPINI1	5274	NM_005025.3	205352_at	1441	2449	0	3206	2311	2520	2617	3572	1,888104596	0,23972985
ARID1B	57492	NM_175863.2	X	0	571	824	377	899	1152	1982	2206	1,88861428	0,16480969
TMBIM4	51643	NM_016056.2	219206_x_at	732	1251	0	0	1467	1321	2055	1759	1,888718019	0,18842347
PAN2	9924	NM_014871.2	203117_s_at	0	2910	2185	1179,333333	2948	3168	2946	2752	1,889168901	0,26081356
LYRM7	90624	NM_181705.2	X	2613	0	2839	1316,6666667	3033	2664	3974	3122,3	1,889410087	0,2670411
CIRH1A	84916	NM_032830.1	X	0	2571	1145	1399,6666667	1969	2248	2888	2747,3	1,889574618	0,2355034
PI4KA	5297	NM_058004.2	207081_s_at	0	1383	1708	990,3333333	1509	2498	2721	2070	1,889969397	0,22471818
CCHCR1	54535	NM_019052.3	42361_g_at	659	0	1319	1206,6666667	1753	1438	1508	4305,7	1,890069907	0,18630454
GYS1	2997	NM_002103.3	201673_s_at	0	1779	2877	1184	3708	2622	2286	3366,3	1,890274841	0,25452408
RUVBL2	10856	NM_006666.1	201459_at	0	1641	3006	0	3708	2691	2148	1639,7	1,890403197	0,25416427
ALKBH1	8846	NM_006020.2	205621_at	0	2374	2568	1514,333333	2714	2568	3802	1328,7	1,890743408	0,25940317
TXNDC12	51060	NM_015913.2	X	0	2353	3102	0	3969	2532	3160	591	1,891099509	0,26662084
RABEPK	10244	NM_005833.2	203150_at	0	0	0	81,666666667	1584	0	26	374	1,891535126	0,19113087
TMEM50B	757	NM_006134.5	219600_s_at	625	0	664	81,666666667	1289	984	1443	374	1,891542643	0,15473337
GPR137C	283554	NM_001099652.1	X	0	812	1617	977	2241	2241	1146	2271	1,892105925	0,20559092
INTS9	55756	NM_018250.1	203941_at	0	2885	2026	1184,333333	2228	3920	2924	2714,7	1,892449661	0,25886178
SMYD4	114826	NM_052928.2	X	0	1863	0	87,33333333	2991	2736	0	283,33	1,894024157	0,39616163
ZBTB45	84878	NM_032792.2	X	703	0	2654	979,6666667	2147	1329	2891	817	1,894249481	0,22687768
IL28RA	163702	NM_173065.1	X	0	1072	0	328,6666667	2666	1773	0	2384,3	1,894523669	0,36152495
ESCO1	114799	NM_052911.2	X	0	1140	1252	1624	2257	1757	1593	3184	1,895571119	0,20188895
HAUS8	93323	NM_033417.1	X	1571	0	2915	371	2382	3378	2518	2032,3	1,896274781	0,24922908
PPP1R12C	54776	NM_017607.2	X	0	1057	1171	1092,333333	2229	1672	1474	3959	1,896303087	0,19651617
WDR36	134430	NM_139281.2	X	0	803	1696	560	1774	1393	2454	2179,7	1,897053433	0,20472794
RFC2	5982	NM_181471.1	203696_s_at	0	809	691	272	1115	1531	1471	369,33	1,898468799	0,16481944

ZBTB4	57659	NM_020899.2	X	0	2297	1063	1561,333333	2197	2425	2061	2711,7	1,900940914	0,2247518
DHX37	57647	NM_032656.2	X	0	907	2056	833	2985	853	3287	1873,7	1,901486874	0,22859576
BTF3L4	91408	NM_152265.2	X	0	2265	3102	125,6666667	3969	2518	3160	296,33	1,901885659	0,2629248
FCRL3	115352	NM_052939.3	X	0	0	0	1083,333333	4499	0	0	761	1,902296252	0,30013827
EIF5	1983	NM_001969.3	208706_s_at	0	3212	985	591	2606	1998	2750	2441	1,902791624	0,23961615
ALG9	79796	NM_001077690.1	219374_s_at	0	2115	2084	2344,666667	3080	2148	3014	3322,3	1,903879547	0,2440236
C15orf23	90417	NM_033286.2	X	0	1964	865	829,3333333	1901	1973	2061	316,33	1,904252845	0,21045556
FBXW11	23291	NM_033645.2	209455_at	0	1924	2457	1418,666667	2457	3502	2491	631	1,904609637	0,24686894
SUPT4H1	6827	NM_003168.1	201484_at	0	1628	1453	233,3333333	2344	2460	1865	2759	1,905010094	0,21940385
CEBPZ	10153	NM_005760.2	X	0	2529	1609	636,6666667	3030	2270	2690	2416	1,905348009	0,24138616
FHL3	2275	NM_004468.3	218818_at	0	988	1028	1715,666667	1461	1214	2620	2574,7	1,906342711	0,18993469
RLIM	51132	NM_183353.1	215823_x_at	0	286	0	84	918	0	1461	313,67	1,90677858	0,2696991
RNF114	55905	NM_018683.3	200867_at	0	1342	292	432,6666667	1409	1631	802	1678,7	1,908345987	0,16968589
TMEM168	64418	NM_022484.4	218962_s_at	0	1386	1079	0	2433	1404	2019	1959,3	1,909302056	0,20248426
NUP98	4928	NM_016320.3	203195_s_at	0	566	1506	0	2044	1291	1506	310	1,91063302	0,18605927
PRDX1	5052	NM_181697.1	208680_at	1957	0	1525	1041,333333	2493	2221	2493	864,67	1,910844735	0,22705132
SNRPD2	6633	NM_004597.4	200826_at	0	1348	0	235,6666667	0	2289	2727	731,33	1,911117083	0,3731534
PRDX6	9588	NM_004905.2	200845_s_at	0	1623	1132	1045,333333	2469	1109	3118	1964,7	1,912611394	0,21565093
UBE2T	29089	NM_014176.2	X	0	2461	1324	1255,333333	3632	1160	3588	3843	1,912692516	0,24190922
PLK4	10733	NM_014264.3	204887_s_at	0	2155	302	545	920	2058	1639	744,33	1,912938699	0,19843534
PSMD13	5719	NM_175932.2	201233_at	0	1162	1033	820,3333333	2027	1338	2080	902,33	1,915220095	0,19200566
PFDN5	5204	NM_002624.3	210908_s_at	0	588	1797	898,6666667	2153	1541	1506	1508	1,915467825	0,19483395
GADD45A	1647	NM_001924.2	203725_at	806	0	0	135,3333333	0	1552	2448	800,67	1,915826777	0,33949161
SIRT3	23410	NM_001017524.2	221913_at	0	1116	987	970,6666667	1981	1292	2034	2577,3	1,916945453	0,18844526
LYPLA1	10434	NM_006330.2	212449_s_at	0	683	1649	1914,333333	1748	1748	1748	6080,3	1,917022541	0,19271593
FARSB	10056	NM_005687.3	X	0	1759	1552	0	2583	2215	2250	2221,3	1,917207831	0,22204948
VPS33A	65082	NM_022916.4	204590_x_at	0	460	0	0	0	1683	1312	339,67	1,918839132	0,30029531
CNIH2	254263	NM_182553.1	X	0	0	1386	667,6666667	645	175	780	408	1,918854691	0,22314765
DAP	1611	NM_004394.2	201095_at	0	0	256	0	1112	0	1126	345,33	1,918935281	0,25931758
COQ4	51117	NM_016035.2	218328_at	0	1365	2085	315,6666667	2194	2270	2711	758,67	1,919141839	0,22439494
ATG12	9140	NM_004707.2	213930_at	0	967	1335	97	1971	1418	2199	368	1,919486002	0,19433929
UHRF2	115426	NM_152896.1	X	1206	0	961	275,6666667	1867	1976	1499	1787,7	1,920018266	0,18888261
TOP2A	7153	NM_001067.2	201292_at	849	810	0	136,3333333	1402	1034	2279	1304	1,921645263	0,17198871

GTPBP2	54676	NM_019096.3	221050_s_at	0	1641	2196	1016,333333	3301	2410	2165	1010,7	1,921923586	0,23311438
NCK1	4690	NM_006153.3	204725_s_at	0	2781	1652	2405,333333	2408	2994	3062	2798,3	1,923686329	0,2423457
C9orf163	158055	NM_152571.2	X	734	0	1133	766,6666667	1446	1471	1895	956,33	1,924337466	0,17624452
HNRNPA3	220988	NM_194247.2	211931_s_at	0	1771	2043	621,3333333	2309	2151	3520	3062,7	1,925625748	0,23263689
GTSE1	51512	NM_016426.4	204318_s_at	0	1801	1421	0	2170	3732	1528	358,33	1,92583575	0,22277937
SART1	9092	NM_005146.4	200051_at	0	1532	1715	0	2295	2528	2196	420,67	1,926434337	0,21858297
TXNRD1	7296	NM_003330.2	201266_at	0	1271	2110	499,6666667	1832	2423	2948	2437,7	1,92844655	0,22172062
FKBP7	51661	NM_181342.1	X	1257	0	1454	96,66666667	2260	1822	2168	399,67	1,928448884	0,20441507
TACC3	10460	NM_006342.1	218308_at	0	2746	1706	660,6666667	1160	3761	5219	3062,7	1,928771943	0,25515081
IPO7	10527	NM_006391.1	200995_at	0	1373	1445	255,6666667	2133	2133	2133	740,33	1,929005437	0,20702135
SQLE	6713	NM_003129.3	213577_at	0	2921	1004	1815,333333	3213	1940	2306	483,67	1,929362095	0,23043113
RWDD2B	10069	NM_016940.1	218377_s_at	660	2441	0	0	2504	686	4585	380,67	1,929628188	0,23250823
STAM2	10254	NM_005843.3	208194_s_at	701	0	770	299,6666667	1852	1175	1225	619,67	1,929749767	0,1586358
CCDC74A	90557	NM_138770.1	X	0	0	0	990,6666667	327	200	0	2455,7	1,929782788	0,08476026
BLOC1S2	282991	NM_173809.2	X	0	1840	1964	0	2786	2634	2412	477,33	1,93001445	0,23002281
RICTOR	253260	NM_152756.3	X	0	2140	1546	728	1308	3723	3335	491,33	1,931333551	0,23458494
ABCE1	6059	NM_002940.2	201872_s_at	0	3134	2276	0	3247	3025	3570	392,33	1,931529409	0,25600908
SNX13	23161	NM_015132.3	213292_s_at	0	2792	1984	337,3333333	2379	3044	3761	799,33	1,931553549	0,24761066
CALM1	801	NM_006888.3	200623_s_at	0	1022	0	647,3333333	2671	0	1891	2395,3	1,932144351	0,35228142
BRI3BP	140707	NM_080626.5	X	0	816	1719	0	2686	853	3025	397,67	1,932771903	0,20896593
GBA	2629	NM_000157.2	209093_s_at	1162	0	0	674	1696	0	3400	410,67	1,933997246	0,3615702
DDX20	11218	NM_007204.3	X	0	1533	1890	1132	1827	2890	2727	1039,7	1,934744068	0,22218794
EIF3B	8662	NM_003751.3	211501_s_at	0	3005	2833	885,6666667	3513	3399	3547	2869	1,935589733	0,26104562
HNRNPR	10236	NM_005826.3	208765_s_at	0	1449	2070	2331,333333	3215	1090	4260	461,33	1,936291794	0,23434522
RNF7	9616	NM_183237.1	218286_s_at	0	916	2188	1279	2152	2096	2233	930	1,937309145	0,21053784
SEC16A	9919	NM_014866.1	215696_s_at	734	0	1173	5304	1486	1511	1935	6039,3	1,937687003	0,17524579
RANBP10	57610	NM_020850.1	53987_at	0	447	941	465,6666667	1148	1284	1453	3764,7	1,937797124	0,15043913
PRDX2	7001	NM_005809.4	39729_at	837	0	2978	0	1556	2887	2794	427	1,937846221	0,22669973
EFCAB6	64800	NM_198856.1	220271_x_at	0	418	0	1759,6666667	0	1460	1460	2855,3	1,938012869	0,29073282
SPAG5	10615	NM_006461.3	203145_at	0	1619	1657	483	2150	2186	2874	644,67	1,938965384	0,21724499
PDS5B	23047	NM_015032.1	204742_s_at	0	1066	1361	517,6666667	2874	2372	1072	1445	1,939002392	0,20038293
SLC7A1	6541	NM_003045.3	212295_s_at	0	1505	541	989,6666667	1636	1388	1825	1350,7	1,939247088	0,178465
DOHH	83475	NM_031304.3	208141_s_at	0	1585	1585	866	3468	2304	1585	2296,7	1,939577166	0,21769564

CHAC2	494143	NM_001008708.2	X	1364	0	1532	0	2745	1487	2585	451,33	1,939856195	0,2097497
CENPF	1063	NM_016343.3	209172_s_at	981	0	254	1826	1015	1075	1191	1157,3	1,939934198	0,14033813
LUC7L2	51631	NM_016019.2	217842_at	0	1882	3124	518,6666667	3016	2479	3970	842,33	1,940281622	0,24881201
CCNT1	904	NM_001240.2	206967_at	1083	0	1375	383	1987	1915	1987	1417,7	1,940908117	0,19394739
ARMC1	55156	NM_018120.3	218185_s_at	1060	1466	0	442,3333333	2945	1261	2124	1162,7	1,941308255	0,200516
EED	8726	NM_152991.1	209572_s_at	0	2461	1471	806	3719	2583	1916	856	1,942410915	0,23147129
PCDH9	5101	NM_020403.3	219738_s_at	0	2513	2740	208,3333333	4203	2618	3178	280	1,942435012	0,2528844
SMPD1	6609	NM_001007593.1	209420_s_at	0	772	0	1076,333333	2449	1612	0	3537,7	1,942585327	0,33242894
CCDC58	131076	NM_001017928.2	X	0	2388	1170	770,6666667	3075	2493	1863	963,67	1,943702814	0,22178873
SMG6	23293	NM_017575.4	214940_s_at	0	259	0	1455	1203	1141	0	768	1,94550273	0,25682348
SPATA1	64173	NM_001081472.1	221057_at	625	0	2712	71,66666667	1291	2010	3387	563,33	1,946564101	0,21674143
PSMG1	8624	NM_203433.1	203405_at	0	2800	1306	0	2155	2769	3161	496	1,946864081	0,23108655
CCDC21	64793	NM_022778.2	219611_s_at	1306	0	1119	564,6666667	2021	1851	2021	2119	1,947112049	0,19185221
MEPCE	56257	NM_019606.4	219798_s_at	0	3270	2352	515,3333333	3618	3593	3049	525,67	1,947216234	0,25549673
PHGDH	26227	NM_006623.2	201397_at	0	0	1213	385	1902	0	3295	1009,3	1,947342634	0,36158665
C1orf123	54987	NM_017887.1	203197_s_at	0	911	0	0	2112	0	2237	1027,3	1,94770579	0,34193986
DCLRE1B	64858	NM_022836.2	219490_s_at	1491	0	3115	1331	2798	3067	2798	549,33	1,94776558	0,2388315
ETS1	2113	NM_005238.2	214447_at	1639	0	0	0	0	2024	4185	538,33	1,948017499	0,38105684
RNF167	26001	NM_015528.1	212047_s_at	0	2562	1266	317	2817	2677	2230	683,33	1,948470411	0,22521475
NOP58	51602	NM_015934.3	X	0	2140	2503	0	2903	2750	3472	662,67	1,948476757	0,24137699
C2orf56	55471	NM_001083946.1	220943_s_at	0	2529	1390	783	3030	2242	2690	2491,7	1,949523147	0,22739827
APOBEC3G	60489	NM_021822.1	214995_s_at	0	2059	0	312,6666667	1231	196	604	1140	1,951440772	0,24945045
ACTR2	10097	NM_005722.2	200728_at	778	1104	0	0	2362	1002	1906	498,67	1,951581298	0,17671081
MYST3	7994	NM_006766.3	202423_at	556	1545	0	0	2106	1726	1248	559	1,951740835	0,17946537
C11orf67	28971	NM_024684.2	221599_at	0	767	0	92	0	1992	2026	523,33	1,951895523	0,32992552
RNF34	80196	NM_025126.2	219035_s_at	0	2908	641	0	3125	1006	3125	904	1,952639074	0,22429969
OXA1L	5018	NM_005015.1	208717_at	0	1514	1618	345	2212	2248	2588	502	1,952894573	0,2104922
TRUB2	26995	NM_015679.1	X	0	1232	2085	1554	2194	2270	2711	1114,3	1,952922783	0,21410087
KBTBD3	143879	NM_152433.2	X	0	1204	1987	232	3135	1823	2203	1001,7	1,953404637	0,21267596
ATP6VOD1	9114	NM_004691.4	212041_at	0	1325	1186	0	2220	2596	1437	507,67	1,953599118	0,19564241
CNOT2	4848	NM_014515.4	217798_at	0	2006	2822	0	2547	3266	3583	507,67	1,954226692	0,24310147
DHX15	1665	NM_001358.2	201386_s_at	0	860	1364	966	2049	1430	2122	554,33	1,954678672	0,1844446
SNRPF	6636	NM_003095.2	203832_at	661	808	0	2181,666667	1632	1001	1743	1178,7	1,955023986	0,15480802

ZNF574	64763	NM_022752.5	218762_at	0	945	1327	0	1288	1889	2735	1065,3	1,95553106	0,18863046
FAM86C	55199	NM_001099653.1	220353_at	0	1462	807	0	2984	1767	1192	520,67	1,956620043	0,18952009
WBP1	23559	NM_012477.2	X	0	3326	1729	0	3506	2386	3649	643,33	1,956813131	0,24537754
CNGA4	1262	NM_001037329.1	X	0	518	1069	1625,666667	2465	1032	1169	2971	1,957122353	0,16287794
ESPL1	9700	NM_012291.4	204817_at	0	1816	1235	742,3333333	2252	2289	2317	637,67	1,957176548	0,20698415
C13orf34	79866	NM_024808.2	219544_at	1586	0	1074	0	2964	1987	1542	1253,7	1,957437349	0,19921781
RCHY1	25898	NM_015436.2	212743_at	767	2027	0	907,6666667	1657	2297	2187	1258,3	1,957725133	0,19880802
ZNF28	7576	NM_006969.2	214751_at	0	815	1099	668,6666667	2166	1386	1602	542,67	1,95853995	0,1727923
ATAD5	79915	NM_024857.3	220223_at	2134	0	3026	368	3777	2179	4192	612,67	1,959295267	0,24894657
SLBP	7884	NM_006527.2	206052_s_at	0	2689	1467	0	1302	3906	4151	1008,3	1,960079961	0,23864608
HSF1	3297	NM_005526.2	202344_at	0	2683	1758	219,3333333	3422	2573	2874	806,67	1,960305363	0,23511238
TXNDC16	57544	NM_020784.1	210914_at	0	812	1617	0	2381	2381	1250	638,67	1,960840963	0,19158726
FAM20B	9917	NM_014864.2	202915_s_at	0	0	256	831	1232	0	1163	1470,3	1,963300096	0,25386112
MEMO1	51072	NM_015955.2	219065_s_at	0	1991	1527	337	3082	3161	1691	984,33	1,963563336	0,21974068
C11orf1	64776	NM_022761.2	218925_s_at	0	2716	2156	528,6666667	3580	2749	3223	1010,3	1,963676032	0,24172249
ROCK1	6093	NM_005406.2	213044_at	0	2507	692	906,6666667	2549	2650	1402	1132,3	1,963897337	0,20848401
HDAC2	3066	NM_001527.2	201833_at	0	483	924	1074,333333	1147	1323	1619	1062	1,964049899	0,14761034
ELP4	26610	NM_019040.3	203829_at	0	602	1582	855	2923	798	2231	2762,3	1,964773409	0,19046229
EPS15L1	58513	NM_021235.1	221056_x_at	625	0	1014	316	1898	1537	1194	675,33	1,965138469	0,15969731
ZNF572	137209	NM_152412.1	X	625	639	0	887,6666667	2176	673	1499	915,67	1,965262294	0,14974863
TIMELESS	8914	NM_003920.2	215455_at	0	1589	1191	1470,666667	2306	1947	2306	1072	1,965952029	0,19861081
ANO8	57719	NM_020959.1	X	0	1013	1175	1911,666667	2400	1406	1934	571,67	1,966171053	0,18220477
MBNL2	10150	NM_144778.2	205017_s_at	838	0	0	576	0	2377	1935	1078	1,966220006	0,33381609
ALKBH8	91801	NM_138775.1	X	0	1556	1123	1648,333333	1701	2670	2108	3767,3	1,966409098	0,19668215
ATF6B	1388	NM_004381.3	216208_s_at	0	1234	3009	597	3934	2860	1809	1246,7	1,967109446	0,2312809
GATC	283459	NM_176818.1	214711_at	0	858	2113	0	3079	1264	2562	623,33	1,967503812	0,20647221
MPHOSPH8	54737	NM_017520.2	221771_s_at	1410	0	1808	0	2473	2330	2436	863	1,968436817	0,20908856
AGPAT5	55326	NM_018361.3	218096_at	0	1825	0	0	0	2623	3827	579	1,968651208	0,38314953
CRLF3	51379	NM_015986.3	205474_at	1834	0	2452	230,3333333	3176	2179	3591	778	1,970239041	0,23178556
CEP63	80254	NM_001042384.1	219242_at	0	4062	2342	676,3333333	3623	3768	3851	1009	1,970375279	0,25918235
C5orf33	133686	NM_001085411.1	X	0	323	0	593	0	1461	1254	1315,3	1,970659792	0,26886931
RNF214	257160	NM_001077239.1	X	0	1271	277	1464,333333	768	1887	1383	1069	1,970831985	0,15648912
EFCAB4B	84766	NM_032680.2	X	0	0	875	0	0	3060	1590	959	1,970889184	0,33739839

SLC25A11	8402	NM_003562.3	209003_at	0	5408	1739	208,3333333	5031	4653	2230	592	1,971729701	0,26749926
TSC22D1	8848	NM_006022.2	215111_s_at	0	0	732	1409,6666667	1624	2527	0	1130,7	1,972810881	0,32451835
RPLP0	6175	NM_053275.3	211720_x_at	0	2350	1103	468	3315	1699	2580	1257,3	1,974258107	0,21434165
RDH11	51109	NM_016026.2	217775_s_at	0	0	812	0	2192	2085	0	622,67	1,974409045	0,33038169
PPP1R12B	4660	NM_032105.1	201957_at	0	2374	1599	470,3333333	3828	1684	3321	1161	1,977060093	0,2273089
PATZ1	23598	NM_032050.1	209494_s_at	0	1056	584	0	550	1892	3351	636,67	1,977310947	0,17875166
TBRG4	9238	NM_030900.2	220789_s_at	0	1130	984	0	1706	1926	1926	613,33	1,978204356	0,17559913
C18orf21	83608	NM_031446.3	X	0	1429	261	542,3333333	947	1396	1657	1663	1,97974027	0,15737828
CCDC28B	79140	NM_024296.3	221912_s_at	0	0	803	0	2219	0	2072	1222,7	1,980039783	0,3288321
YTHDF3	253943	NM_152758.4	X	0	2515	1631	1035	3709	2372	2658	710	1,980391606	0,22654715
PTTG1	9232	NM_004219.2	203554_x_at	625	0	768	1127,6666667	1666	806	2058	1172,3	1,980589427	0,15073236
ERCC5	2073	NM_000123.2	202414_at	625	1574	0	0	1983	1442	1983	613,33	1,981186727	0,1767771
ROD1	9991	NM_005156.4	214698_at	0	0	378	0	2018	0	1094	892	1,982207329	0,27970883
KIAA0090	23065	NM_015047.1	212396_s_at	1414	0	878	0	2622	1245	2189	683,67	1,982308799	0,18413523
FAM120AOS	158293	NM_198841.2	X	0	2094	2896	538	3301	3699	2846	628	1,982344809	0,23939165
TXNL4A	10907	NM_006701.2	202836_s_at	0	525	1027	416,6666667	1797	762	2284	674,67	1,983113266	0,15982435
METTL12	751071	NM_001043229.1	X	0	1462	2327	386	2599	2262	3340	689,67	1,984292994	0,21859863
BAT3	7917	NM_004639.3	213318_s_at	0	4420	2016	606,6666667	4155	3537	3506	676,67	1,985273694	0,25540888
NAGLU	4669	NM_000263.3	204360_s_at	0	0	441	165,3333333	1500	1729	0	648,67	1,985521437	0,28806818
HAUS3	79441	NM_024511.5	210054_at	802	829	0	0	2149	1551	1164	1339,7	1,985524542	0,15739332
PTGR2	145482	NM_152444.1	X	0	622	0	376,3333333	1909	1909	0	650	1,986501135	0,31096142
C1orf183	55924	NM_198926.1	220476_s_at	0	1065	1416	317,3333333	1393	2758	2293	952	1,987617303	0,18877868
INO80D	54891	NM_017759.4	220165_at	0	1609	0	317,3333333	2865	356	118	952	1,987782947	0,2599021
RCBTB1	55213	NM_018191.3	218352_at	1654	0	2551	0	2923	2801	3031	639	1,990669313	0,22432178
PLEKHA3	65977	NM_019091.3	X	661	0	853	583,3333333	1659	1293	1567	904,33	1,991745313	0,14859275
PAPOLA	10914	NM_032632.3	222035_s_at	0	2104	1349	3382,6666667	3330	1857	2714	799,33	1,992249518	0,21128495
PPIL4	85313	NM_139126.2	X	928	0	1267	0	2033	1550	2218	656	1,992689407	0,17634109
SS18L2	51188	NM_016305.2	218283_at	0	936	2074	0	3263	2747	1286	1016,7	1,993194182	0,2034323
C18orf54	162681	NM_173529.3	X	548	0	1636	252,3333333	2616	1443	1429	644,67	1,99488208	0,17538594
ACBD5	91452	NM_145698.2	X	0	1956	1748	79,33333333	2961	1969	3521	649,33	1,997612806	0,21608959
SARS	6301	NM_006513.2	200802_at	0	1363	2213	0	2820	2250	2859	670,67	1,997763022	0,2110471
SIRT7	51547	NM_016538.1	218797_s_at	0	0	422	855,3333333	1521	1705	0	1029,3	1,999677696	0,28320482
RAP1B	5908	NM_001010942.1	200833_s_at	1835	1539	0	0	2251	3156	2412	649,67	2,000802091	0,20710817

PQLC2	54896	NM_001040126.1	X	0	0	514	0	0	2138	1482	662,67	2,00226575	0,29661875
KIAA0664	23277	NM_015229.3	212456_at	0	1053	1560	0	2241	1831	2449	662,67	2,002687527	0,18702358
SEC22C	9117	NM_004206.2	X	0	1119	2235	961,6666667	3179	3130	1549	1726	2,005786079	0,20751126
GALT	2592	NM_000155.2	203179_at	0	2597	1067	0	4146	1467	2815	664	2,006734118	0,2153621
FAM98A	25940	NM_015475.3	212333_at	0	1124	2538	651,3333333	3404	1749	2976	1329,3	2,008275034	0,21189086
PROCA1	147011	NM_152465.1	X	0	2215	1178	0	2365	1825	3754	737,33	2,008302708	0,20728752
GNAI3	2773	NM_006496.1	201180_s_at	625	0	2493	109,6666667	2261	2119	2039	755,67	2,008904446	0,19436334
BOP1	23246	NM_015201.3	216397_s_at	0	2589	1508	0	3422	2518	2819	675	2,009222263	0,21882302
ADSL	158	NM_000026.1	210250_x_at	0	2157	1199	267,3333333	2526	2526	2526	671	2,009269699	0,20330337
ZNF583	147949	NM_152478.1	X	625	1059	0	265,3333333	1464	1719	1653	1040	2,009341517	0,15267853
NHP2L1	4809	NM_001003796.1	201076_at	0	772	1957	231,6666667	2029	2108	2213	935,67	2,009675676	0,18658161
SYVN1	84447	NM_032431.2	X	0	2689	2449	929,6666667	2686	4023	3804	669	2,010849026	0,23668903
APC	324	NM_000038.3	203526_s_at	625	0	382	0	1783	1089	789	705	2,012423351	0,12064235
KIAA1143	57456	NM_020696.2	X	1997	0	721	664,6666667	2599	1397	2517	671,67	2,013999748	0,18807175
TOMM20	9804	NM_014765.1	212773_s_at	1122	0	1601	0	3375	1382	2440	672,67	2,014880555	0,19236015
GTPBP3	84705	NM_032620.1	213835_x_at	0	1492	1562	0	3001	2007	2452	674,33	2,015027086	0,1972347
PXMP3	5828	NM_001079867.1	210296_s_at	0	2476	820	257	2737	1829	2585	1107,3	2,015706962	0,19954656
TNFAIP8	25816	NM_014350.2	210260_s_at	2977	0	3517	810	5082	3386	3855	1092	2,015958293	0,252485
ACAA2	10449	NM_006111.1	202003_s_at	0	513	2351	1139	2279	2335	1458	5014,7	2,016392264	0,1879191
ANAPC13	25847	NM_015391.2	215282_at	0	3305	2504	457,6666667	3623	3768	3851	681,33	2,016683368	0,24321168
PCSK7	9159	NM_004716.2	203118_at	0	1512	277	3616,333333	844	2072	1568	4253	2,016821527	0,15834736
SMARCA4	6597	NM_003072.2	215714_s_at	0	1098	809	551,3333333	1702	3206	1042	679	2,017311971	0,16894717
UTP11L	51118	NM_016037.3	218235_s_at	0	1287	1259	668,6666667	2062	1631	3103	1307,3	2,020035465	0,18441809
SDCCAG1	9147	NM_004713.3	218649_x_at	0	534	1217	0	2211	1257	1521	714	2,020233801	0,15492936
FAR1	84188	NM_032228.4	X	0	383	1206	0	1498	1298	1564	691,67	2,021512974	0,1449897
USP16	10600	NM_001001992.1	218386_x_at	660	2195	0	0	2504	800	4678	691,33	2,02170734	0,20547277
ILDR2	387597	NM_199351.1	X	670	268	0	366	606	1333	1481	694,33	2,021780865	0,11614525
FBXL18	80028	NM_024963.4	215068_s_at	0	1612	1588	0	2425	2425	2817	1000,3	2,02202321	0,19859539
KIFC1	3833	NM_002263.2	209680_s_at	0	1605	1337	649,3333333	2922	2181	2181	744	2,022119217	0,19273182
NRD1	4898	NM_001101662.1	208709_s_at	0	2105	1384	231,6666667	2561	2561	2886	695,33	2,023354138	0,20411601
FAM160A2	84067	NM_032127.3	X	0	625	1288	442	3066	1214	1416	701,67	2,023717144	0,16527097
SIGMAR1	10280	NM_147157.1	214484_s_at	0	2648	1234	768,3333333	4497	1718	2762	1359,7	2,025291424	0,21547646
TRIM13	10206	NM_213590.1	203659_s_at	777	0	0	880,6666667	0	2725	1876	1726,3	2,025987558	0,32061199

KIAA1191	57179	NM_001079684.1	X	703	0	1072	0	2395	1734	1208	699,33	2,029182327	0,15629907
POLR2L	5441	NM_021128.3	211730_s_at	0	0	0	652,6666667	996	83	0	1299	2,029187432	0,12142051
USP10	9100	NM_005153.2	209136_s_at	0	218	0	0	0	1091	1381	1631,3	2,030260937	0,23574923
TAOK1	57551	NM_020791.1	X	625	0	0	370	1838	2274	0	998	2,03030439	0,30542076
ZNF551	90233	NM_138347.2	211721_s_at	0	462	0	360,6666667	1735	0	1795	1220	2,030962166	0,28516089
DOM3Z	1797	NM_005510.3	204522_at	1450	2825	0	269,3333333	3324	2568	3192	706,67	2,03133486	0,21697618
ZNF691	51058	NM_015911.2	X	0	1092	521	585,3333333	2300	1658	1013	705,33	2,034438606	0,14930975
SKAP2	8935	NM_003930.3	204361_s_at	0	839	1519	409	2189	1571	2514	1523	2,036321147	0,17369352
KIAA0247	9766	NM_014734.2	202181_at	0	1535	1050	363,3333333	3983	2515	1087	735	2,036538532	0,19003211
BAG2	9532	NM_004282.2	209406_at	0	1908	1510	0	3854	1883	2686	716,33	2,037081017	0,20324009
INTS12	57117	NM_020395.2	218616_at	0	672	1979	1493	1878	1575	3070	724	2,037810646	0,18157831
MYL12A	10627	NM_006471.2	201318_s_at	1300	2752	0	678,3333333	2757	2998	2948	1273,7	2,038937441	0,21082972
MRT04	51154	NM_016183.3	220688_s_at	1351	0	878	678,3333333	2622	1417	2189	1273,7	2,039991627	0,17042956
ALDH6A1	4329	NM_005589.2	204290_s_at	0	893	0	590,6666667	2823	2172	0	714,33	2,040615433	0,32727177
COASY	80347	NM_001042532.1	201913_s_at	0	1983	1650	1230,6666667	3532	2926	2169	714,33	2,041247722	0,20542628
MOBK1B	55233	NM_018221.3	201298_s_at	0	1112	886	911	2293	2257	1313	714,33	2,041703922	0,1625662
ZRANB2	9406	NM_203350.1	X	1328	0	292	1142	1474	792	2342	1449	2,042256486	0,14987491
ALG10	84920	NM_032834.3	X	0	736	0	1075,6666667	2667	1913	0	1561,3	2,043033562	0,31461415
TNFSF10	8743	NM_003810.2	202688_at	0	0	262	109,6666667	0	1288	1449	858,67	2,043094855	0,24615677
LIN52	91750	NM_001024674.1	X	0	893	0	1222	2823	2189	0	1324,3	2,043196483	0,32689301
HLA-DRA	3122	NM_019111.3	208894_at	657	426	0	135,6666667	1335	1107	1335	825,67	2,043744804	0,11658922
LENG8	114823	NM_052925.1	X	0	1876	132	237,3333333	1304	1088	1304	1023,3	2,043901156	0,15834049
PDF	64146	NM_022341.1	219575_s_at	0	2704	978	523,6666667	3049	2364	2558	1002,3	2,045979848	0,20155744
SUMO1	7341	NM_003352.4	211069_s_at	909	0	571	903,6666667	2189	1196	1396	1348,7	2,046400934	0,14001124
LAPTM4A	9741	NM_014713.3	200673_at	0	1078	2668	998,3333333	3113	3035	2123	781,67	2,046416508	0,2039406
MANBA	4126	NM_005908.3	203778_at	0	0	292	0	0	1447	1447	741,67	2,046741111	0,25280462
GLUD1	2746	NM_005271.1	200946_x_at	0	625	1181	610,6666667	1515	1830	1874	736,67	2,046934709	0,15136375
TAF5L	27097	NM_014409.3	213654_at	625	0	2106	794,3333333	3033	1279	2384	779,33	2,047126774	0,18333222
AMN1	196394	NM_207337.1	X	0	0	210	1351,6666667	1781	862	0	1408,3	2,048557879	0,23377255
HUS1	3364	NM_004507.2	204883_s_at	0	229	1144	1501	1278	1107	1354	2234,7	2,049631007	0,13010701
DYRK1A	1859	NM_101395.2	209033_s_at	0	1098	766	208,3333333	2648	1041	2177	918,33	2,052860665	0,15914439
IREB2	3658	NM_004136.2	214666_x_at	695	2556	0	676,6666667	1731	2432	3020	819	2,053434042	0,19124049
DNAJC5	80331	NM_025219.1	X	0	167	0	1009,3333333	1210	1041	0	1412	2,053627566	0,21606849

AFG3L2	10939	NM_006796.1	202486_at	0	421	1156	680,6666667	1193	1193	2473	1250,3	2,053790468	0,14410924
C11orf30	56946	NM_020193.3	219012_s_at	0	2814	1613	218,3333333	3554	2622	3467	1217,7	2,053987904	0,21575576
ZNF101	94039	NM_033204.2	X	1435	864	0	1027,666667	3017	1701	1737	1780,7	2,055696121	0,16987914
LOC199800	199800	NM_001101340.1	X	0	0	0	631	350	0	279	758,67	2,05579224	0,08056847
GNL2	29889	NM_013285.1	201948_at	737	0	1308	1644,333333	2340	1374	2165	1819,7	2,056423939	0,16060356
CDCA8	55143	NM_018101.2	221520_s_at	0	1146	1910	0	2881	2034	2687	756	2,056723997	0,18855411
TTC17	55761	NM_018259.4	X	625	0	278	221,3333333	1134	1004	1134	775	2,056726867	0,10238122
IFNAR1	3454	NM_000629.2	204191_at	0	1447	1151	139,3333333	2457	2059	2374	757	2,057234049	0,17663327
RTF1	23168	NM_015138.3	212301_at	0	1306	2388	74,66666667	2827	2651	3000	1739,3	2,057761726	0,20115429
SSR1	6745	NM_003144.2	201894_s_at	0	1003	829	1741,666667	2504	1463	1649	1189	2,058414702	0,15302405
CROP	51747	NM_016424.3	220044_x_at	0	812	801	747	1016	1227	3799	1192,3	2,059642427	0,15509427
USP12	219333	NM_182488.1	213327_s_at	799	0	735	208,3333333	1986	1773	1222	1617,7	2,060205296	0,13983703
SCAMP2	10066	NM_005697.3	218143_s_at	0	0	190	1996,666667	1434	0	1011	814,67	2,060330596	0,22408013
CPSF6	11052	NM_007007.1	202469_s_at	0	1771	1056	280	3072	1470	3020	794,67	2,061319915	0,18545331
SLAMF1	6504	NM_003037.1	206181_at	809	0	0	963,6666667	3708	1595	0	1259,7	2,061351267	0,32040779
CAND1	55832	NM_018448.2	208839_s_at	0	2987	1023	247,6666667	2805	2328	3416	1341	2,061383789	0,20494358
BRCA2	675	NM_000059.3	208368_s_at	0	1063	159	1138,333333	683	2170	880	1564	2,061481892	0,13109244
APOA1BP	128240	NM_144772.2	X	0	2609	880	412,6666667	2822	2269	2627	1434,7	2,062049474	0,19421811
APTX	54840	NM_175069.1	218527_at	0	395	2045	278,6666667	2271	1168	2271	948,67	2,06341931	0,16981589
TSPAN4	7106	NM_001025236.1	209263_x_at	0	0	0	0	984	95	0	837,33	2,063711581	0,11535692
LSS	4047	NM_001001438.1	211018_at	0	2668	1362	834	2742	2981	3266	1325,7	2,064143913	0,20608451
TIGD4	201798	NM_145720.2	X	712	0	1890	0	1621	2004	3061	795	2,0641795	0,1756093
NASP	4678	NM_172164.1	201970_s_at	1049	0	2066	661,6666667	3075	2304	2256	819,33	2,064782851	0,18781218
RWDD1	51389	NM_015952.2	219598_s_at	1256	1658	0	509,6666667	2900	2627	2030	806	2,06736216	0,18371646
ZNF346	23567	NM_012279.2	X	1500	0	2593	390,6666667	3164	3020	3020	836	2,067565175	0,20689191
SRRM1	10250	NM_005839.3	201225_s_at	0	1755	2227	706,3333333	3160	2909	3160	1382,3	2,068308338	0,20560299
PTPN4	5775	NM_002830.2	205171_at	0	0	0	407,6666667	487	0	207	1361	2,068392366	0,08484326
DDX23	9416	NM_004818.2	201440_at	1540	0	1019	930,6666667	2763	2021	2102	1456,3	2,069171103	0,17359286
KIAA0895	23366	NM_001100425.1	213424_at	0	1018	1831	0	2146	2664	2443	802,67	2,06985981	0,18033355
THAP6	152815	NM_144721.4	X	625	2038	0	812	1919	2297	2187	1208,7	2,071253143	0,17280119
RPS26	6231	NM_001029.3	217753_s_at	0	2116	948	0	2747	2440	2253	804	2,071265265	0,18448038
RNASEH2A	10535	NM_006397.2	203022_at	782	0	2988	0	2025	2934	2973	809,67	2,072004698	0,19736098
URB2	9816	NM_014777.1	205284_at	625	0	2250	0	2964	1423	2528	1255	2,072200947	0,18095805

KIF15	56992	NM_020242.1	219306_at	1997	0	537	307,3333333	2681	1178	2580	912,33	2,072203304	0,17364945
GSTCD	79807	NM_001031720.2	X	0	561	980	394,6666667	1440	1182	2469	812	2,073686576	0,13960825
ANAPC11	51529	NM_001002249.1	X	662	504	0	1605,3333333	1307	1235	1591	2234,7	2,073892129	0,11758925
PXK	54899	NM_017771.3	X	1250	0	640	78,33333333	1867	2046	1604	1011	2,075029339	0,14994869
PNPLA8	50640	NM_015723.2	X	0	2067	1195	459,3333333	2766	2531	2687	1233	2,075694021	0,18897307
NOM1	64434	NM_138400.1	X	0	1495	285	2101,6666667	1495	1495	1495	1204,3	2,075965728	0,14278666
BIRC2	329	NM_001166.3	202076_at	0	1478	2289	220,6666667	2589	2833	3519	819	2,076788969	0,20004631
THOC4	10189	NM_005782.2	X	655	504	0	1568	1307	1235	1591	1901,3	2,07735665	0,11670844
SOS2	6655	NM_006939.2	212870_at	0	414	0	243,3333333	2403	1340	0	1312,7	2,077581881	0,27357748
EVI2B	2124	NM_006495.3	211742_s_at	1285	1089	0	283,3333333	2028	2280	2329	822,33	2,078470632	0,16639505
C8orf40	114926	NM_138436.2	X	0	509	2422	0	3239	1309	2265	836	2,079972936	0,18115471
MON1B	22879	NM_014940.2	203644_s_at	0	1733	1457	456,6666667	2641	2444	3017	850,33	2,080136414	0,1876027
ARF6	382	NM_001663.3	203311_s_at	0	2398	1383	1325,3333333	3850	3399	1968	1649,7	2,082749601	0,20114213
SCLT1	132320	NM_144643.2	X	0	717	1247	0	1482	2189	2157	827	2,082789159	0,15255378
MAPKBP1	23005	NM_014994.1	213394_at	0	2525	716	526,3333333	3273	2745	1576	849	2,083585241	0,18729753
C7orf47	221908	NM_145030.2	X	0	294	1074	910,3333333	1657	1184	1295	828,33	2,084798255	0,12538613
PPP1R8	5511	NM_138558.1	207830_s_at	0	1868	458	231,3333333	2146	1477	2146	1265	2,085586125	0,16100977
ASCC3	10973	NM_006828.2	212815_at	0	745	939	563,3333333	3115	1536	1157	835,33	2,086626037	0,14716446
STK19	8859	NM_004197.1	204090_at	1289	2912	0	1990,3333333	3324	2689	3316	1577,7	2,087988895	0,20411719
C20orf144	128864	NM_080825.2	X	0	874	685	0	2092	1092	2092	835,67	2,088740663	0,13842212
SP140	11262	NM_007237.3	207777_s_at	661	0	0	257	1282	0	4113	1516,3	2,089704738	0,30617187
NRM	11270	NM_007243.1	X	0	0	938	478	174	392	1468	883,67	2,092222412	0,17437013
UBE2K	3093	NM_005339.3	202346_at	0	1401	1675	0	2796	2638	2565	844	2,09472044	0,18214612
OSBPL7	114881	NM_145798.2	210344_at	0	340	1870	674,6666667	2459	1273	1680	887,33	2,09600813	0,15660224
CEP76	79959	NM_024899.2	52285_f_at	0	0	1150	0	0	2964	3150	862,67	2,09690824	0,33511285
ATXN7	6314	NM_000333.2	209964_s_at	661	848	0	0	1752	1718	1527	843,33	2,096941783	0,13141357
WDTC1	23038	NM_015023.2	40829_at	0	0	0	909,3333333	535	206	0	1572	2,097326859	0,085339
H2AFX	3014	NM_002105.2	205436_s_at	0	4477	3580	0	4149	5619	5582	1060,7	2,098463203	0,25063692
DPY30	84661	NM_032574.2	X	0	952	1796	335	2233	2401	2617	1312,3	2,099760303	0,17223159
TSC22D4	81628	NM_030935.3	208104_s_at	312	0	812	0	1795	1091	1091	854,67	2,10075914	0,11237728
ZCCHC17	51538	NM_016505.2	X	0	1780	1723	272	3744	2281	2949	850	2,101275393	0,19177991
FAM35A	54537	NM_019054.2	220547_s_at	0	625	1181	692	1515	1830	2212	1335,3	2,101803975	0,14314378
BMF	90427	NM_001003942.1	X	0	2227	0	0	5893	3113	0	868,67	2,103012647	0,37519138

AMAC1L3	643664	NM_001102614.1	X	0	2087	0	0	290	984	840	1196,7	2,10380769	0,21153507
ARFIP1	27236	NM_001025595.1	218230_at	712	0	1838	0	1786	2004	3061	1706,3	2,10543413	0,1666106
UFM1	51569	NM_016617.1	218050_at	0	282	0	0	1474	0	1642	1274,3	2,105613903	0,24401889
APPL1	26060	NM_012096.2	218158_s_at	0	0	354	0	1773	1703	0	875	2,106307404	0,25854388
RAD50	10111	NM_005732.2	209349_at	0	495	1164	924,6666667	2064	976	2430	1448	2,108424799	0,14087953
DHFR	1719	NM_000791.3	48808_at	992	0	1380	0	2639	2432	1802	856,67	2,10931752	0,16178039
RPL6	6128	NM_001024662.1	200034_s_at	0	1283	579	1926,3333333	2256	1287	2192	4127,3	2,111837451	0,14486329
GNA13	10672	NM_006572.3	206917_at	1142	0	1503	563,6666667	3038	2135	2254	1332	2,112470904	0,16895556
KIF2C	11004	NM_006845.2	209408_at	1314	0	657	782	2512	1167	2544	941,33	2,11554418	0,15091511
USP49	25862	NM_018561.3	220667_at	0	0	912	657,3333333	3589	0	2208	1027,7	2,118802922	0,31845944
SLC9A9	285195	NM_173653.1	X	625	0	602	773,6666667	1693	1106	1770	885,67	2,119280363	0,11609645
NOL6	65083	NM_022917.4	218199_s_at	0	945	354	133	1606	1018	1818	1150,7	2,119650036	0,11923907
PPIL3	53938	NM_130906.1	X	936	722	0	444,6666667	1855	1914	1670	865,33	2,119939803	0,13440633
SLC27A5	10998	NM_012254.1	219733_s_at	625	0	2208	923,6666667	2448	1730	2867	1913	2,121251239	0,16958587
ZNF436	80818	NM_001077195.1	X	625	0	990	594	1099	1729	2873	1724,3	2,121902442	0,1377837
MCM8	84515	NM_182802.1	X	0	1449	2544	0	3571	2959	3055	1394,7	2,122512963	0,19514087
KDM4C	23081	NM_015061.2	214861_at	733	0	2710	0	3246	1536	3518	1145	2,1235567	0,18557728
YY1	7528	NM_003403.3	201902_s_at	943	1329	0	1236	2742	2097	1925	876	2,123809603	0,15620902
BTBD7	55727	NM_001002860.2	220297_at	912	0	0	1222,3333333	2859	0	2816	895,67	2,123947195	0,31694888
NONO	4841	NM_007363.3	210470_x_at	0	870	1299	208,3333333	2457	1597	2551	879,33	2,124549414	0,15356499
TMCO7	79613	NM_024562.1	X	0	449	1656	0	2169	1592	1942	1042,3	2,127031129	0,14732488
ZNF668	79759	NM_024706.3	219047_s_at	0	3734	2073	558	4107	4071	4107	1060,7	2,127417577	0,22039344
KIAA1009	22832	NM_014895.2	206006_s_at	0	0	362	1715	0	1786	1843	1419,7	2,127685959	0,2575554
RSPH9	221421	NM_152732.3	X	0	680	720	0	2065	1336	1624	892	2,132910848	0,12236482
C7orf51	222950	NM_173564.2	X	312	0	579	900,6666667	1438	1086	1086	1166,7	2,134814749	0,09260765
KIAA0430	9665	NM_014647.2	202386_s_at	0	2063	1820	0	2559	3552	3751	880,67	2,13481805	0,19265329
KIAA1409	57578	NM_020818.3	X	811	0	0	546	2743	0	2702	1384,3	2,134966564	0,30813242
HSD17B1	3292	NM_000413.1	205829_at	0	0	0	1281,3333333	354	354	0	1537	2,135164295	0,07874446
ZNF646	9726	NM_014699.2	204876_at	0	3723	2031	347,6666667	4107	4071	4107	890,33	2,135170388	0,2182233
E2F5	1875	NM_001083589.1	221586_s_at	537	208	0	1044,6666667	1731	758	817	899	2,136808069	0,08683564
CUL4A	8451	NM_001008895.1	201423_s_at	0	563	332	356	1575	1253	895	998,67	2,13772706	0,09404292
GOLGA1	2800	NM_002077.2	203383_s_at	195	0	2356	784,3333333	2087	1549	1374	1462,3	2,138586999	0,15765478
HCG27	253018	NM_181717.2	X	0	0	1680	634,6666667	1827	266	436	928,67	2,138963601	0,20180392

AP4B1	10717	NM_006594.1	X	830	0	3115	233	2798	3067	2798	1421,3	2,14039084	0,18731042
FBXW7	55294	NM_033632.2	218751_s_at	0	1161	2556	546,6666667	2712	3115	3264	1931	2,141688302	0,18577542
POL3S	339105	NM_001039503.2	214226_at	0	203	1176	1518	1408	1150	1437	957	2,142200775	0,11726709
BTBD12	84464	NM_032444.2	X	0	1942	1085	0	2710	2710	2674	900	2,142362814	0,17185251
CSTF3	1479	NM_001326.2	203947_at	920	0	0	332	0	2671	3214	1360,7	2,142379806	0,3151803
PBK	55872	NM_018492.2	219148_at	0	1642	1883	424	2684	4560	2349	964,67	2,142579591	0,18622126
TOE1	114034	NM_025077.3	204080_at	0	1136	1802	107,6666667	2946	2051	3163	905	2,143093549	0,17122744
VRK2	7444	NM_006296.3	205126_at	0	1159	697	0	2231	1268	2700	926,67	2,145369873	0,14156122
CCM2	83605	NM_031443.3	X	625	0	1194	179,3333333	2888	2657	920	928,33	2,145853933	0,1459572
TMEM80	283232	NM_174940.2	65630_at	0	840	309	1478,3333333	1354	1941	958	957	2,146993857	0,10866975
MRPL1	65008	NM_020236.3	X	1049	452	0	0	1394	1694	1928	1557,3	2,147372505	0,12326902
SPATA2	9825	NM_006038.2	204433_s_at	0	1085	960	0	2275	2010	2163	921,33	2,14741375	0,14471618
NUDT3	11165	NM_006703.2	221579_s_at	0	1251	1098	386	3288	1449	2738	911,67	2,148492823	0,15840242
ZRANB3	84083	NM_032143.2	X	841	936	0	514,3333333	2881	936	2783	1020	2,149141777	0,14478213
ARMC6	93436	NM_033415.2	221758_at	0	0	843	871,3333333	556	1145	172	1448	2,154656203	0,15140288
DAXX	1616	NM_001350.3	201763_s_at	0	909	1327	0	2668	2519	1743	962,33	2,155166233	0,1505219
ZBTB22	9278	NM_005453.3	213081_at	0	650	1110	2070,3333333	2067	2136	1597	1512	2,155542582	0,13325322
SRM	6723	NM_003132.2	201516_at	0	2463	904	256,3333333	2897	2654	2826	919,33	2,157140852	0,17511961
MAD2L1BP	9587	NM_014628.2	203094_at	0	1629	1664	452,3333333	3742	2723	2592	1111,3	2,157807677	0,17704316
SMC3	9126	NM_005445.3	209259_s_at	892	2034	0	0	3210	1960	2832	951,67	2,159244398	0,16731652
PER1	5187	NM_002616.1	202861_at	848	838	0	221,3333333	1402	2976	1680	934,33	2,159291293	0,1336166
RPL23A	6147	NM_000984.5	208825_x_at	0	2773	1178	0	3331	2233	4324	1543,3	2,161119961	0,18854075
R3HDM1	23518	NM_015361.2	202754_at	841	936	0	392	2988	936	2783	924,67	2,161235549	0,14328989
C13orf31	144811	NM_153218.1	X	1960	787	0	0	3124	3206	1524	1039,3	2,161504118	0,16485546
DARS	1615	NM_001349.2	201623_s_at	0	324	2867	0	2469	1955	1948	947	2,161784458	0,16690475
ZDHHC13	54503	NM_019028.2	219296_at	0	0	428	896,3333333	2600	1652	0	1435,3	2,162060096	0,26519459
CDK2	1017	NM_001798.2	204252_at	1155	0	576	1267,6666667	2349	1262	2246	1390,7	2,163105487	0,13301787
FAM13B	51306	NM_016603.2	218518_at	0	1057	2948	0	3147	3216	3062	938,67	2,16397609	0,18577468
SLC43A3	29015	NM_014096.2	213113_s_at	625	0	1991	0	1878	2522	2639	954	2,16502086	0,15667739
MAP3K8	1326	NM_005204.2	205027_s_at	142	0	0	312	0	1432	1068	1845	2,166813989	0,19636007
LRRC58	116064	NM_001099678.1	X	0	929	1662	468	3312	1446	3240	1510,7	2,167237371	0,16213586
BCLAF1	9774	NM_001077441.1	201084_s_at	0	3380	1576	0	3541	3831	3942	1314,3	2,168064898	0,20116415
C4orf33	132321	NM_001099783.1	X	0	547	922	850,6666667	1312	2019	1947	1002	2,169306639	0,12024834

BUB1B	701	NM_001211.4	203755_at	0	1418	1491	0	3114	2772	2474	980,67	2,169346012	0,1658758
RBM6	10180	NM_005777.1	201967_at	828	0	442	977,3333333	2333	1559	1035	2040,7	2,169846501	0,11347397
RBM23	55147	NM_018107.4	219816_s_at	0	818	2334	982	3508	2115	2618	2043	2,170665256	0,16953945
C12orf10	60314	NM_021640.3	218220_at	0	588	2232	2631,3333333	2210	3365	1825	2429,7	2,174448455	0,16095716
TMBIM6	7009	NM_001098576.1	200804_at	625	0	942	0	1979	1929	1600	1013,3	2,174723134	0,12278708
TRMT6	51605	NM_015939.3	X	0	1174	2544	475,3333333	3571	2959	2928	967	2,177783532	0,17974126
PA2G4	5036	NM_006191.2	208676_s_at	0	2117	1509	208,3333333	2600	3248	3919	941	2,178291316	0,17998856
C5orf24	134553	NM_152409.2	X	761	0	135	1833,3333333	2987	254	1481	953,33	2,179819178	0,12718636
ZMYND12	84217	NM_032257.3	X	0	494	2003	0	2523	1597	2593	1003	2,180113692	0,15124346
ZNF440	126070	NM_152357.2	X	0	0	271	208,3333333	0	1693	1731	1380,3	2,181373033	0,23357731
CTR9	9646	NM_014633.3	202060_at	0	0	357	1100,3333333	2549	0	1499	1514,3	2,181630066	0,25194716
NDE1	54820	NM_017668.1	218414_s_at	0	1520	1277	0	2013	3009	3361	1788	2,181768471	0,16242387
SNRNP40	9410	NM_004814.2	215905_s_at	0	1578	1521	977,3333333	3744	2281	2949	1682,7	2,182255188	0,16923389
CCDC55	84081	NM_032141.2	X	0	1997	1048	0	2612	3084	2733	950	2,182425363	0,16561367
MSH3	4437	NM_002439.2	210947_s_at	1097	0	1691	0	3215	2530	2403	950	2,182982324	0,16046834
NAGK	55577	NM_017567.2	218231_at	0	2659	1020	0	2926	2703	3641	960	2,185581267	0,17711807
NR4A3	8013	NM_006981.2	209959_at	877	0	973	609,6666667	3544	1318	1947	1325,7	2,185647605	0,13814207
RAB8B	51762	NM_016530.2	219210_s_at	0	1325	940	520,6666667	3188	2393	1746	972,67	2,187281877	0,14739285
RANGRF	29098	NM_016492.3	218526_s_at	0	280	0	0	2284	1348	0	1015,7	2,187549133	0,23622472
TMEM138	51524	NM_016464.3	X	0	1859	1914	852	4193	4536	1992	968,67	2,187867898	0,18497991
NARG1L	79612	NM_024561.3	219378_at	733	0	540	728	1176	2457	1490	1984	2,189152757	0,11092726
ATP6V1H	51606	NM_213619.1	221504_s_at	357	1719	0	1913	2747	1700	1447	1714,3	2,19110304	0,13812287
UTP23	84294	NM_032334.1	X	0	3266	313	0	2673	2098	2026	1019,7	2,192214847	0,16919796
ORMDL1	94101	NM_016467.3	X	625	0	2437	0	2507	2249	2947	1075	2,192379425	0,16164324
GOSR2	9570	NM_054022.2	213180_s_at	1048	1059	0	0	2546	1871	2546	974	2,194157927	0,14040812
DEAF1	10522	NM_021008.2	209407_s_at	0	1318	309	0	1721	1786	1482	1009,7	2,194224529	0,12026719
AKR7A2	8574	NM_003689.2	202139_at	0	0	257	0	0	2413	1200	966,67	2,19449008	0,23121808
WDR33	55339	NM_018383.3	218851_s_at	0	405	1201	284,6666667	2975	825	2192	1179,3	2,194730997	0,1306904
AVL9	23080	NM_015060.1	212474_at	1541	0	1535	0	2928	2134	4164	968	2,197945264	0,1672918
ATP13A1	57130	NM_020410.1	218052_s_at	1676	903	0	270,3333333	3618	1979	2338	1022	2,19861181	0,15388678
SLC39A9	55334	NM_018375.2	217859_s_at	0	1291	1448	463,6666667	3739	2635	2094	973,67	2,198614135	0,1586489
ZC3H18	124245	NM_144604.2	X	0	2348	147	1005,6666667	2490	1731	950	975	2,199973679	0,15227481
PPCS	79717	NM_024664.2	218341_at	0	494	1886	722,3333333	2523	1597	2593	1767,7	2,200022645	0,14529274

SLC12A2	6558	NM_001046.2	204404_at	1789	0	2214	1220,333333	3975	4075	2712	1615,3	2,201227969	0,18338457
L2HGDH	79944	NM_024884.2	220089_at	0	0	488	1286,666667	3088	1780	0	3757	2,201414865	0,2693468
RNF5	6048	NM_006913.3	209111_at	0	2323	1616	0	4444	4077	2305	1551,3	2,20224715	0,18340985
GRWD1	83743	NM_031485.2	221549_at	0	1409	773	1240,333333	2588	1721	2742	1006	2,202294609	0,14147295
C16orf85	400555	NM_001001682.1	X	0	2312	147	2231,333333	2482	1723	950	1855,7	2,202493999	0,15093335
PPP5C	5536	NM_006247.2	201979_s_at	0	311	1202	3157,666667	1700	1776	1432	1029	2,205284604	0,11457793
SLC25A27	9481	NM_004277.3	X	0	1100	0	0	4498	2761	0	1002,3	2,206274612	0,31853358
PCID2	55795	NM_018386.1	219940_s_at	0	642	332	1053,666667	1774	1397	1003	993	2,207570233	0,09083354
HMGNA4	10473	NM_006353.2	202579_x_at	0	1774	3697	313	5112	3142	4640	1574,7	2,209520757	0,20203881
MYL12B	103910	NM_033546.2	201318_s_at	0	808	0	562,666667	0	3349	2772	997,67	2,210866882	0,29847334
OSR2	116039	NM_053001.1	213568_at	625	0	0	443,333333	2296	0	3144	1093,7	2,211309345	0,28279171
CCDC6	8030	NM_005436.3	204716_at	0	568	734	0	1094	3576	1236	1000	2,21137404	0,116437
ANGEL2	90806	NM_144567.3	221826_at	0	0	0	0	531	300	0	1003	2,213030404	0,07938049
KIF24	347240	NM_194313.2	220652_at	0	1452	1657	456	3355	3061	2709	1378,7	2,214369749	0,16313128
ABHD15	116236	NM_198147.1	X	0	0	3091	853,666667	1498	266	1248	1013,3	2,2147527	0,22610619
C5orf28	64417	NM_022483.3	219029_at	1681	431	0	0	2939	2186	1328	1894,7	2,215282257	0,13737484
LDB1	8861	NM_003893.3	203451_at	0	378	1192	602	1341	3335	1193	1739,7	2,215992813	0,12311703
RRM2B	50484	NM_015713.3	X	0	1183	718	0	2584	1808	2135	1131,3	2,216913083	0,12979582
NUDT2	318	NM_147172.1	218609_s_at	0	1358	1751	0	3355	3061	2709	1022,7	2,218211344	0,16238462
ACTR3B	57180	NM_001040135.1	218868_at	0	454	850	231,666667	1588	1405	2068	1022	2,219408756	0,10565053
NFATC3	4775	NM_173165.1	207416_s_at	0	1039	1181	427	2677	3580	1512	1022	2,220421134	0,14368371
ZNF192	7745	NM_006298.2	206579_at	662	574	0	0	4160	762	1428	1026	2,22088063	0,11960231
CNPY4	245812	NM_152755.1	X	0	769	2849	0	3197	2885	2817	1028,3	2,221139932	0,16803595
TPX2	22974	NM_012112.4	210052_s_at	0	772	1584	1429,666667	2715	1972	2733	1946,3	2,223884874	0,14233507
ADAM17	6868	NM_003183.4	213532_at	0	1442	1250	0	2661	2378	3452	1029,3	2,229471349	0,15160546
MUTYH	4595	NM_001048174.1	207727_s_at	0	1161	1514	439,666667	3059	2139	3276	1113,7	2,231489998	0,15109255
LRBA	987	NM_006726.2	212692_s_at	0	749	1148	305	1851	1966	2918	1033	2,233771451	0,12814379
VAMP1	6843	NM_016830.2	213326_at	0	1710	1059	1633	2443	2806	3257	1858,7	2,234976298	0,15174358
DCTN4	51164	NM_016221.2	218013_x_at	0	314	1066	1393	1657	2190	1169	2021,7	2,235720876	0,10747882
FANCM	57697	NM_020937.1	X	0	0	976	0	4609	2636	0	1036,7	2,238314294	0,30753002
GOT2	2806	NM_002080.2	200708_at	0	1023	1375	0	1913	2965	3103	1096,7	2,239567938	0,14302532
DPP9	91039	NM_139159.3	X	0	0	1275	363	771	1524	184	1037,7	2,240217284	0,16952555
GSK3B	2932	NM_002093.2	209945_s_at	1497	0	989	94	1848	4520	2230	1038,7	2,241666158	0,14825632

TAF15	8148	NM_003487.2	202840_at	0	869	2503	0	3457	3033	2631	1063	2,24393462	0,16128282
PCDHGA1	56114	NM_018912.2	211880_x_at	0	334	0	559,3333333	334	402	438	1209,7	2,244292648	0,06557899
CRTC1	23373	NM_015321.2	213091_at	0	236	0	0	1764	1764	0	1123,3	2,244703412	0,21912888
TGFB1	7040	NM_000660.3	203084_at	0	0	810	1039	1360	1213	79	1520,3	2,250387371	0,16694358
CDKN2B	1030	NM_078487.2	207530_s_at	0	0	0	0	712	252	0	1043	2,253358245	0,08301096
CCDC122	160857	NM_144974.3	X	1209	787	0	0	3044	3206	1283	1252,3	2,255610706	0,13302489
WARS2	10352	NM_201263.2	218766_s_at	0	1244	232	470,6666667	1771	1328	1679	1081	2,256577087	0,1066623
TAPBP	6892	NM_003190.3	208829_at	0	2663	2982	492	5590	4702	3954	1592,7	2,256789759	0,1970709
TSGA10	80705	NM_182911.2	220623_s_at	0	0	0	0	649	281	0	1212	2,257513734	0,08077391
DCP2	167227	NM_152624.4	212919_at	0	0	0	836,3333333	134	0	1323	1057	2,262259048	0,10594689
NFYC	4802	NM_014223.3	202215_s_at	655	0	1044	0	2790	1094	3037	1062	2,264505646	0,1229834
EHD1	10938	NM_006795.2	222221_x_at	0	929	2343	0	3966	2614	2844	1059,3	2,266042964	0,15713517
LDHB	3945	NM_002300.4	201030_x_at	970	0	639	927	2216	1430	2674	1242,7	2,266398419	0,11446654
USP1	7398	NM_003368.4	202413_s_at	0	1165	3228	0	4463	2458	4650	1453	2,267462718	0,1774219
CLECL1	160365	NM_172004.2	X	0	2914	692	0	3374	2341	3522	1711,3	2,270849231	0,16040123
C13orf37	440145	NM_001071775.1	X	582	0	1257	421	2964	1987	1725	1652,7	2,271524082	0,12076983
RGL2	5863	NM_004761.2	209110_s_at	153	0	1815	561,3333333	2885	459	3057	1612	2,273224002	0,14713147
PUS10	150962	NM_144709.1	X	1079	2213	0	136,3333333	2795	3367	3549	1580,7	2,277098432	0,15598414
C7orf30	115416	NM_138446.1	X	1138	0	242	456,6666667	1143	1958	1803	1077,3	2,280001211	0,10151036
KIAA1012	22878	NM_014939.3	207305_s_at	0	813	557	1207	2471	1731	1515	1503	2,280111225	0,10223931
VKORC1	79001	NM_024006.4	217949_s_at	0	203	1235	266	1699	1244	1757	1539,7	2,28035939	0,1027148
MFNG	4242	NM_002405.2	204153_s_at	0	528	1357	967	1507	2698	2523	1509,3	2,28117939	0,12108098
AIDA	64853	NM_022831.2	220199_s_at	851	0	2200	711,3333333	3654	2073	3520	1303,3	2,282387387	0,15115368
HSPB6	126393	NM_144617.1	214767_s_at	0	0	1635	0	904	947	382	1703,3	2,283868628	0,16085878
AAAS	8086	NM_015665.4	218075_at	0	0	165	602	1577	1597	0	1852,3	2,285656746	0,19493702
UCRC	29796	NM_001003684.1	218190_s_at	693	0	698	1459	2846	1457	1695	1511	2,285858909	0,10406174
GOPC	57120	NM_020399.2	X	730	0	1485	930,3333333	2761	2177	2607	1701,7	2,286124609	0,12917244
FASTKD2	22868	NM_014929.2	216996_s_at	0	1366	359	0	1896	1896	2006	1230	2,286414151	0,11184155
AGPAT1	10554	NM_032741.3	32836_at	0	2403	903	994,6666667	3514	4004	2225	1154	2,28694858	0,1554108
HNRNPA1L2	144983	NM_001011724.1	X	0	971	971	0	2358	2248	2580	1131	2,287445262	0,12153565
EIF4B	1975	NM_001417.4	211938_at	0	725	328	290,3333333	1763	1072	1870	1105,7	2,28789119	0,0865956
CYP39A1	51302	NM_016593.3	220432_s_at	0	856	0	1234	4498	2761	0	1667,7	2,288597181	0,29338101
MRPL34	64981	NM_023937.2	221692_s_at	0	0	952	898,6666667	417	1117	417	1839,3	2,292764513	0,12651377

PRIM2	5558	NM_000947.2	215708_s_at	0	555	1388	0	2821	2525	1616	1106	2,295654403	0,12079743
ZMAT5	55954	NM_019103.2	218752_at	682	0	698	0	2846	1468	1706	1125,7	2,295697533	0,10236923
CBL	867	NM_005188.2	206607_at	0	0	1012	1197	245	511	1642	1975,3	2,296083083	0,14227982
GPATCH8	23131	NM_001002909.1	212487_at	0	928	1032	895,3333333	2491	2842	2017	1443,3	2,296648551	0,12145338
TMSB4X	7114	NM_021109.2	216438_s_at	941	0	2117	1156	3104	3583	2668	1681,3	2,297489361	0,14796096
ADK	132	NM_006721.2	204120_s_at	0	924	1055	390	2375	3183	1956	1176,3	2,302448746	0,12196165
DHX36	170506	NM_020865.1	X	625	1055	0	0	2419	1879	2241	1268,7	2,306717952	0,10993223
ANAPC5	51433	NM_016237.3	208722_s_at	0	657	321	164,6666667	1163	1403	2038	1512,7	2,306737929	0,08052158
MAD1L1	8379	NM_003550.2	204857_at	0	978	2543	0	4296	2629	3371	1691,7	2,30687203	0,15586964
NOP14	8602	NM_003703.1	214661_s_at	0	1064	665	85,66666667	1996	2063	2665	1204,3	2,30839589	0,11173956
CNPY3	10695	NM_006586.3	217931_at	0	1120	370	1413	2275	1728	1657	1289,7	2,308588157	0,10177262
GMIP	51291	NM_016573.2	218913_s_at	0	204	1292	0	1801	1537	1537	1197,7	2,308793105	0,10095505
EPN1	29924	NM_013333.2	221141_x_at	0	0	0	0	465	0	465	1279	2,310490602	0,07600323
DNAJA2	10294	NM_005880.3	209157_at	0	406	1995	0	1597	2785	2878	1159,3	2,312027296	0,1299883
NUP188	23511	NM_015354.1	212691_at	0	0	0	90,33333333	933	232	0	1141,3	2,315880812	0,08647974
MSRB2	22921	NM_012228.3	218773_s_at	0	0	0	1028,3333333	0	835	263	1452	2,31891902	0,08315675
MRPL36	64979	NM_032479.2	X	0	2690	559	283	2160	2932	3805	1142	2,31926528	0,14675369
AP3M1	26985	NM_207012.2	X	0	663	1152	278,3333333	2308	3132	1695	1158,7	2,319893053	0,11464305
MED25	81857	NM_030973.2	X	0	0	1111	1478,3333333	408	371	1634	1896,7	2,322868887	0,13958155
C1orf58	148362	NM_144695.2	X	684	0	2558	219,3333333	3654	2117	3660	1147	2,323756622	0,14739673
PPP1R12A	4659	NM_002480.1	201604_s_at	0	2154	1612	242,6666667	3324	4090	4115	1207,7	2,324951843	0,15878614
CD53	963	NM_001040033.1	203416_at	726	0	360	0	1730	1933	1299	1158,3	2,325640889	0,08329257
NAF1	92345	NM_138386.1	X	0	485	1248	737,3333333	2665	1299	2876	1225,3	2,326619198	0,11234513
ERH	2079	NM_004450.1	200043_at	0	820	1223	329,6666667	3739	2635	1680	1189	2,330531926	0,12220671
ZCWPW1	55063	NM_017984.3	220618_s_at	0	2492	2877	0	5275	4777	4658	1159,3	2,331079108	0,18103803
C12orf66	144577	NM_152440.4	X	214	0	0	118	2133	1736	0	1158,7	2,332820861	0,2060444
NDUFS6	4726	NM_004553.3	203606_at	0	2499	972	0	2761	3414	4287	1172,3	2,334424985	0,15072859
ANKFY1	51479	NM_016376.3	219868_s_at	0	1332	1150	0	3145	3040	2671	1162,7	2,334836271	0,13070101
GPSM3	63940	NM_022107.1	204265_s_at	0	1198	0	331,6666667	1537	693	259	2100	2,33530653	0,14436708
ATXN2L	11273	NM_148416.1	201806_s_at	0	2544	660	1024,3333333	3133	3025	3017	1839,7	2,340326141	0,14214373
DDX50	79009	NM_024045.1	221699_s_at	0	285	502	334,3333333	2111	771	1545	1049,3	2,340506634	0,07067179
C6orf81	221481	NM_145028.3	X	0	540	0	266,3333333	151	1057	773	1941,7	2,341232901	0,10363135
VMO1	284013	NM_182566.1	X	0	288	0	317,3333333	505	476	288	1167,3	2,344724179	0,05241938

C2orf15	150590	NM_144706.2	X	0	0	0	452,3333333	849	281	0	1232,7	2,345277274	0,08206134
ITPRIPL1	150771	NM_001008949.1	X	625	0	3566	0	4802	1557	5190	1592,3	2,348156604	0,16482645
CIC	23152	NM_015125.3	212784_at	0	494	2365	2026,3333333	3117	3863	1701	1680	2,34829973	0,13707288
LSM5	23658	NM_012322.1	211747_s_at	1541	0	1558	154	3529	2626	4522	1176,7	2,351093898	0,14394035
AKIRIN2	55122	NM_018064.2	X	651	1095	0	0	3490	891	4110	1189,7	2,358117079	0,12083233
EVI2A	2123	NM_014210.2	204774_at	1825	160	0	373,6666667	1978	1667	1694	1838,3	2,359480606	0,1113593
USP25	29761	NM_013396.3	220419_s_at	0	0	951	751,6666667	442	478	1130	1456	2,359696082	0,11677379
MCM5	4174	NM_006739.3	201755_at	0	328	459	0	1519	1271	1458	1300,3	2,360998111	0,06334004
HMGB1	3146	NM_002128.4	200680_x_at	0	1036	2824	171,3333333	4037	3677	3557	1206,7	2,361671892	0,15236998
PFN4	375189	NM_199346.1	X	0	1301	975	0	3147	2552	2887	476,67	2,364833792	0,12138161
USP4	7375	NM_003363.2	211800_s_at	625	0	1503	947,6666667	2755	2644	2390	1426,3	2,367648613	0,11553675
GOLIM4	27333	NM_014498.3	204324_s_at	0	1348	795	400,3333333	1960	2486	4067	1287,3	2,36819469	0,11960874
DNAJC15	29103	NM_013238.2	218435_at	0	0	0	1413	0	543	476	1266	2,368234229	0,07532226
BYSL	705	NM_004053.3	203612_at	0	812	1057	0	3202	1175	4238	1203,3	2,370052257	0,11838186
ZFYVE26	23503	NM_015346.2	213073_at	410	0	0	899,6666667	2915	2694	0	1205,3	2,375651058	0,2396924
TP53I13	90313	NM_138349.2	X	0	0	3525	754,3333333	1498	505	1248	1340,7	2,376313746	0,19733982
GATAD1	57798	NM_021167.3	208503_s_at	0	263	772	407,3333333	1423	1977	1418	1244,3	2,37717628	0,07539375
WBP2	23558	NM_012478.3	209117_at	0	642	491	120,6666667	2197	1779	1565	1209,7	2,378921547	0,0804048
TFCP2	7024	NM_005653.3	207627_s_at	862	0	259	756	2994	1606	915	1698,3	2,379220295	0,08593153
KDM6B	23135	NM_001080424.1	41387_r_at	0	0	0	0	625	428	0	1718,7	2,379645848	0,07583317
AMZ2	51321	NM_016627.4	218167_at	0	295	779	682	1551	1993	1467	1616,3	2,380205401	0,07681898
ITPR3	3710	NM_002224.2	201188_s_at	0	0	0	1912	0	526	510	1526	2,380239046	0,07508239
SFRS18	25957	NM_015491.1	212179_at	916	1377	0	292,6666667	3163	2835	2702	1568,7	2,381186304	0,11950765
CDC42SE2	56990	NM_001038702.1	X	250	0	1029	140,6666667	2179	777	3031	1546,3	2,38367759	0,09524969
RGS13	6003	NM_144766.1	210258_at	651	0	0	1261,6666667	4142	3056	0	2065,7	2,384322529	0,26618309
PMS1	5378	NM_000534.3	213677_s_at	625	0	2930	86,33333333	3108	3325	3449	1803	2,384357413	0,14164696
BCL11A	53335	NM_018014.3	219497_s_at	1275	1716	0	659	2882	5772	2539	1695,3	2,384438027	0,13936923
PDSS1	23590	NM_014317.3	220865_s_at	0	1055	814	320,6666667	3154	1604	3304	1285	2,38482328	0,11045997
TM9SF2	9375	NM_004800.1	201078_at	2304	0	925	0	4593	3232	2788	1530,3	2,385553371	0,13955499
ARMC8	25852	NM_015396.3	219094_at	749	840	0	546,3333333	2425	2098	2425	1543	2,385883732	0,09777628
CCT8L1	155100	NM_001029866.2	X	0	277	0	0	438	438	397	1242,3	2,386651132	0,04615553
KHDRBS1	10657	NM_006559.1	200040_at	0	140	1754	1055	1205	2626	1637	1237	2,388538664	0,10896413
PEX13	5194	NM_002618.2	205246_at	767	2213	0	795,3333333	2795	3367	3549	1773,3	2,389012179	0,13261405

AGRP	181	NM_001138.1	207193_at	0	0	0	0	279	980	0	1427,3	2,390074034	0,08309713
DOLK	22845	NM_014908.3	204488_at	0	0	0	862,6666667	943	293	0	1244,7	2,392949053	0,08195621
C11orf73	51501	NM_016401.2	219979_s_at	0	707	0	0	301	1439	454	2374	2,396764366	0,10351463
HSF2	3298	NM_004506.2	209657_s_at	0	0	0	1243	561	514	0	2072,3	2,40366523	0,07482366
FGF11	2256	NM_004112.2	X	0	0	0	481,6666667	365	795	0	1306	2,407035033	0,07783821
CHRN1	1140	NM_000747.2	206703_at	0	0	0	563	365	795	0	1263	2,407035033	0,07783821
SLC35A1	10559	NM_006416.3	203306_s_at	0	0	110	563	1804	0	1401	1263	2,408423171	0,16554229
KIAA0100	9703	NM_014680.2	201729_s_at	0	66	965	985,3333333	1518	1287	808	1865,3	2,409847658	0,07836916
TRIM37	4591	NM_001005207.1	213009_s_at	0	810	453	656,3333333	2681	1298	2244	1263,7	2,410123326	0,08519448
C2orf3	6936	NM_003203.3	210175_at	0	0	0	1699,3333333	1507	191	0	1721,7	2,413185435	0,09610381
ZNF446	55663	NM_017908.2	219900_s_at	0	928	0	764,6666667	486	1109	513	1687,7	2,415061577	0,10758161
FGR	2268	NM_001042729.1	208438_s_at	0	0	0	418,3333333	0	318	944	1302	2,419311054	0,08057737
ARF3	377	NM_001659.1	200011_s_at	0	0	777	976,6666667	433	1246	433	1380	2,419528336	0,10037287
PAPD4	167153	NM_173797.2	X	0	1346	0	0	234	1570	1091	1281,3	2,420740787	0,14367009
FAM161A	84140	NM_032180.1	X	0	480	1002	581,6666667	2842	1156	3245	1937,3	2,425134293	0,09546851
KLHDC5	57542	NM_020782.1	X	0	0	0	207,3333333	0	639	487	1272,7	2,42853569	0,07485391
RNF20	56254	NM_019592.5	X	174	0	0	0	2119	0	1939	1355	2,431196683	0,18715793
ANO6	196527	NM_001025356.1	X	1368	682	0	0	2262	2827	3276	1284	2,431659393	0,10692258
GTF3C5	9328	NM_012087.2	217876_at	0	0	0	904	326	959	0	1757,7	2,432397793	0,08026466
FBXO22	26263	NM_147188.1	219638_at	0	0	0	0	612	0	515	1920	2,432574382	0,07458387
POLM	27434	NM_013284.1	222238_s_at	0	0	0	0	0	668	474	1834,3	2,434252316	0,07500427
TMEM8	58986	NM_021259.2	221882_s_at	0	0	217	1114,6666667	1812	2816	0	1302	2,43467609	0,19949389
SMEK1	55671	NM_032560.4	220368_s_at	0	1942	761	0	3667	2335	3932	1808	2,437574119	0,12238271
APEX1	328	NM_080649.1	210027_s_at	0	1249	1139	0	3187	2883	3552	1315	2,440570326	0,1151693
MTX2	10651	NM_006554.3	203517_at	0	0	2051	971,3333333	809	556	1496	1822	2,44420555	0,15175239
SS18	6760	NM_005637.2	202817_s_at	661	0	838	0	2939	2770	1604	2704	2,446493248	0,09031849
PRMT3	10196	NM_005788.2	213320_at	0	328	1305	0	3292	1947	1606	1368,7	2,448382404	0,09335374
KIAA0020	9933	NM_014878.4	203712_at	0	0	856	788,6666667	606	486	971	1906,3	2,451950386	0,09723904
MCFD2	90411	NM_139279.3	212246_at	916	0	609	0	2978	1549	2937	1394	2,456270589	0,09065476
SSU72	29101	NM_014188.2	X	772	869	0	702,3333333	2944	1879	2944	1389,3	2,456974689	0,09328359
GSTT2	2953	NM_000854.3	205439_at	0	1575	327	317,6666667	2600	2515	1952	1644,3	2,458302848	0,09766151
FYN	2534	NM_002037.3	216033_s_at	0	0	0	0	0	298	1134	1193,3	2,458916689	0,08288078
OSBPL8	114882	NM_020841.4	212585_at	625	0	903	244	1576	2764	3180	1383,7	2,459863686	0,09041374

FRS3	10817	NM_006653.3	219907_at	0	825	1484	738,6666667	2919	3104	3309	1392,7	2,46143608	0,10994816
GCNT1	2650	NM_001097633.1	205505_at	0	0	0	0	557	620	0	1447,7	2,462221196	0,07414468
ODF2L	57489	NM_001007022.1	X	0	0	0	1194	0	683	510	1967,7	2,465172321	0,07447236
HECTD1	25831	NM_015382.2	X	918	504	0	208,3333333	2649	1893	2318	1544,3	2,465981957	0,0835405
ORC3L	23595	NM_181837.1	210028_s_at	0	446	1286	327	2832	1819	2801	1373,3	2,466337245	0,09366122
TMEM102	284114	NM_178518.2	X	0	0	0	0	365	956	0	1412,7	2,467465773	0,07855381
CTSC	1075	NM_001814.2	201487_at	0	378	867	0	1947	1608	2673	1396,3	2,46875068	0,07702926
ACTR3	10096	NM_005721.3	200996_at	0	961	595	0	4260	1525	2247	1397	2,473036663	0,09255795
ZNF33B	7582	NM_006955.1	215022_x_at	0	2069	0	1453,6666667	1294	242	2356	1390	2,479672377	0,16689011
CASKIN2	57513	NM_020753.2	221846_s_at	0	0	0	2073,3333333	417	871	0	1798,3	2,479680712	0,07651687
TSEN54	283989	NM_207346.2	X	0	0	0	308	417	871	0	2017,3	2,479680712	0,07651687
LLGL2	3993	NM_004524.2	203713_s_at	0	0	0	472,6666667	417	871	0	1389,3	2,479680712	0,07651687
UBA6	55236	NM_018227.5	218340_s_at	0	0	0	296	0	432	842	1697	2,47996537	0,07604324
ZNRD1	30834	NM_014596.4	X	0	2348	142	523,3333333	2521	1489	2490	1956,3	2,482762517	0,11161636
C13orf23	80209	NM_170719.2	218420_s_at	0	1008	2043	619,3333333	3215	3893	4285	1421	2,483117949	0,12350379
FGF22	27006	NM_020637.1	221315_s_at	0	767	0	0	467	1287	467	1397,3	2,483196636	0,09240431
ACTR10	55860	NM_018477.2	222230_s_at	0	0	1630	792,6666667	1213	1018	489	1410,3	2,484781593	0,13224503
SOCS1	8651	NM_003745.1	210001_s_at	0	0	0	0	0	611	611	2042	2,487533447	0,07380256
TBK1	29110	NM_013254.2	218520_at	0	218	1272	1040	2737	1319	2121	1641,3	2,487850921	0,08466316
BAZ1A	11177	NM_182648.1	217986_s_at	659	298	0	0	2954	868	2132	1944,3	2,494549657	0,06923793
PLEKHA9	51054	NM_015899.1	220157_x_at	1104	682	0	760,6666667	2262	2782	3273	1672,7	2,496641732	0,09277841
ABHD8	79575	NM_024527.4	219101_x_at	0	0	952	326,6666667	417	2074	417	1516	2,49699768	0,11222147
KRI1	65095	NM_023008.3	218798_at	0	0	0	357,3333333	0	480	801	1479,7	2,497623905	0,07494467
CDKN2D	1032	NM_079421.2	210240_s_at	0	0	0	700,3333333	0	480	801	1693,3	2,497623905	0,07494467
RBM26	64062	NM_022118.3	218422_s_at	0	874	2403	642,6666667	4562	2823	4492	2420	2,501399151	0,12535194
AATF	26574	NM_012138.3	X	0	706	1076	0	2833	2728	2728	1616,3	2,501482643	0,09159543
DHX35	60625	NM_021931.2	218579_s_at	0	0	0	0	0	342	1134	2024,3	2,502760886	0,08046318
SFRS2IP	9169	NM_004719.2	213850_s_at	0	1029	812	665,3333333	1577	3819	3919	2511	2,508384208	0,09806908
WDR68	10238	NM_005828.3	221744_at	0	448	1409	362	2378	2468	3093	1654	2,510752746	0,09175634
GLRX5	51218	NM_016417.2	221932_s_at	677	1418	0	944	3728	1798	4096	1860	2,51221364	0,10249238
ID3	3399	NM_002167.3	207826_s_at	696	0	726	1228,6666667	3266	1916	2326	1335,7	2,512435676	0,08056121
RMND1	55005	NM_017909.2	220329_s_at	0	0	0	2483,6666667	601	0	673	2015	2,513645133	0,07357731
TMEM62	80021	NM_024956.3	218776_s_at	0	0	1219	0	1553	421	750	1946,7	2,513652557	0,11572783

ZNF384	171017	NM_001039916.1	212369_at	0	967	1803	0	3121	4630	3484	1519	2,517116247	0,11457155
CLCN6	1185	NM_001286.2	203950_s_at	0	1395	1395	0	4305	3754	3515	2127	2,521296219	0,11479277
UBE2D2	7322	NM_181838.1	201343_at	0	504	1382	72,33333333	3018	2672	2584	1542,7	2,524777902	0,0912177
IL11RA	3590	NM_004512.3	204773_at	0	1052	0	259	1190	316	1158	1533,7	2,524988805	0,10896144
DDA1	79016	NM_024050.4	218260_at	0	0	952	257	417	2294	417	2517,3	2,530374029	0,11055356
SLC25A37	51312	NM_016612.2	221920_s_at	0	0	0	1602,666667	0	498	856	1591,7	2,531272473	0,07469764
CCND3	896	NM_001760.2	201700_at	267	0	1133	0	2752	1872	1840	2127	2,532722884	0,07602936
FAM21C	253725	NM_015262.1	211068_x_at	0	2430	0	1113,333333	704	882	1690	2561	2,533445602	0,14916301
WAC	51322	NM_100264.1	217742_s_at	0	0	0	0	492	0	886	1549	2,53863862	0,07485705
DDT	1652	NM_001084392.1	202929_s_at	0	2176	327	0	3201	3031	2329	1607	2,540706012	0,10278653
ANKRD13B	124930	NM_152345.4	X	0	0	2124	543,3333333	515	1131	1611	1552,3	2,542198028	0,14237114
LSM1	27257	NM_014462.1	203534_at	0	2308	257	1571,666667	3339	3089	1859	2108,3	2,543239762	0,10500581
RB1	5925	NM_000321.2	203132_at	0	1229	650	0	3033	2862	2899	2108,3	2,543367251	0,08990985
GIT1	28964	NM_014030.3	218030_at	0	0	2116	0	515	1131	1611	1683,7	2,543447053	0,14199138
REPS1	85021	NM_031922.2	215201_at	991	0	0	0	399	979	1118	1573	2,54346323	0,09910987
CLDN15	24146	NM_014343.1	219640_at	0	1327	0	0	2180	1059	249	1634	2,543671661	0,13075863
SRRD	402055	NM_001013694.2	213608_s_at	0	1559	1858	2929	3480	3067	8497	2422	2,545644183	0,1289157
CCNB2	9133	NM_004701.2	202705_at	0	0	937	2655,666667	648	566	1143	1618	2,547103323	0,09263076
HEATR7A	727957	NM_032450.2	X	0	0	1229	962,3333333	585	1611	585	1642,3	2,548516642	0,11072211
RAB42	115273	NM_152304.1	X	0	0	0	914,6666667	671	0	671	1578	2,548551618	0,07314842
OSGEP	55644	NM_017807.2	209450_at	0	1415	1447	345	4397	2883	5122	1606	2,54901449	0,11453865
RARS2	57038	NM_020320.2	207472_at	0	378	1008	338	2832	1598	2801	1961,7	2,556863435	0,07505418
MESDC1	59274	NM_022566.1	X	0	0	0	915,6666667	607	764	0	2618	2,558283579	0,0732906
ALMS1	7840	NM_015120.4	214220_s_at	0	0	837	595	537	1190	610	2065,3	2,560615871	0,08634145
NHLRC3	387921	NM_001017370.1	X	0	1008	2200	69,33333333	3755	4165	4668	1368,3	2,561012789	0,1168059
CHRA1	54108	NM_017444.3	X	0	0	538	0	409	409	1495	1668,7	2,562624479	0,07205175
SCYL3	57147	NM_181093.1	205607_s_at	0	2098	0	0	1248	535	1479	1613	2,562803782	0,13828979
MMS19	64210	NM_022362.3	202167_s_at	0	1086	0	448	386	1128	1166	1630,7	2,563138456	0,10336455
GTF2A2	2958	NM_004492.1	202678_at	0	674	0	738,3333333	875	230	1555	2515	2,566656299	0,08906167
PIN4	5303	NM_006223.2	214224_s_at	0	0	0	289,3333333	1122	0	429	2094,7	2,571957551	0,07709373
GPI	2821	NM_000175.2	208308_s_at	0	0	1270	1170,333333	550	1487	750	1800,3	2,572213333	0,10841013
PBX4	80714	NM_025245.1	X	0	0	0	776	481	1007	0	1843,7	2,573330765	0,07536613
PKIB	5570	NM_181794.1	X	625	502	0	329	2479	2189	2028	1645,3	2,57476188	0,06313508

KIF20B	9585	NM_016195.2	205235_s_at	0	0	0	37	699	0	699	2326,7	2,575221841	0,07287704
SLC2A11	66035	NM_001024939.1	221262_s_at	0	2284	0	0	1676	592	1128	2381	2,575561959	0,14125044
KATNA1	11104	NM_007044.2	205526_s_at	0	0	682	516,3333333	924	896	402	1655,7	2,576519595	0,0755961
PPP2R5C	5527	NM_002719.2	213305_s_at	0	578	840	404,3333333	2774	3056	2011	1732,3	2,577556508	0,07407482
ZNF259	8882	NM_003904.3	217185_s_at	0	0	0	0	666	743	0	1713	2,579381763	0,07288943
ZKSCAN3	80317	NM_024493.1	211773_s_at	0	1151	0	0	339	1449	1151	1681,7	2,580708068	0,10833336
BAG4	9530	NM_004874.2	219624_at	0	2400	257	1024,3333333	3339	3089	2179	1729,3	2,582843544	0,1016721
CDC5L	988	NM_001253.2	209055_s_at	0	1105	0	517,6666667	2188	535	471	3153,3	2,585505961	0,10793758
LSM14A	26065	NM_015578.1	212131_at	0	646	649	1403	3251	3425	1360	2105,7	2,586890281	0,07330786
SERPINB9	5272	NM_004155.3	209723_at	0	0	0	671,6666667	1191	423	0	2273	2,587060962	0,07755696
PHC2	1912	NM_004427.3	200919_at	0	0	0	0	0	199	2459	1961	2,587822389	0,10063489
NMNAT1	64802	NM_022787.3	X	0	394	1130	937,3333333	2755	2214	2683	2788,3	2,590417232	0,07480478
C7orf59	389541	NM_001008395.2	X	0	0	1363	837,3333333	1435	1301	372	1913,7	2,591868929	0,11537007
PLEC1	5339	NM_000445.2	201373_at	0	0	0	0	0	661	783	1776,7	2,59406709	0,07281831
UBTD1	80019	NM_024954.3	219172_at	0	988	0	264,6666667	386	1128	1166	1764,7	2,594212906	0,09528668
GSG2	83903	NM_031965.2	X	1063	1800	0	280,6666667	3998	3862	4525	2963	2,595346633	0,10736127
PAK1IP1	55003	NM_017906.2	218886_at	0	632	836	369	2841	2472	2805	1696,3	2,597897769	0,0733256
BLM	641	NM_000057.2	205733_at	1537	157	0	1031,6666667	2119	2119	2119	2688,7	2,598138639	0,07863608
GTF2H4	2968	NM_001517.4	203577_at	0	1471	0	0	1005	1135	677	1879,7	2,598239152	0,11030597
FBXW8	26259	NM_153348.2	X	0	0	0	0	1551	336	0	2404,3	2,600321899	0,08298143
MAPRE1	22919	NM_012325.1	200712_s_at	0	0	834	837,3333333	494	948	948	1913,7	2,604131751	0,08143901
PAIP2	51247	NM_001033112.1	X	0	0	1759	517,3333333	983	746	1286	2340,7	2,604727516	0,11949496
RFXANK	8625	NM_003721.2	202758_s_at	919	222	0	0	2014	2118	1899	2319,3	2,607315617	0,06031895
FGF9	2254	NM_002010.1	206404_at	0	0	0	0	472	0	1143	1836,3	2,608871126	0,07599652
C7orf23	79161	NM_024315.2	204215_at	1469	850	0	2046	3880	3186	3865	1843	2,60966606	0,09476398
RAD51L1	5890	NM_133509.2	216880_at	205	0	0	0	2993	2750	0	2377	2,610716284	0,18369977
HEPACAM2	253012	NM_001039372.1	X	0	0	0	1389,3333333	1664	324	0	1829	2,611951121	0,08425915
SH2B1	25970	NM_015503.1	40149_at	0	0	0	0	0	776	705	1874,7	2,612149593	0,0725555
YAF2	10138	NM_005748.3	206238_s_at	876	0	0	0	1036	411	1134	1861	2,616713055	0,08574922
AMD1	262	NM_001033059.1	201197_at	0	1210	806	360	3714	2578	4003	2509,3	2,617912093	0,08783179
PAFAH1B2	5049	NM_002572.2	210160_at	0	351	1009	709,6666667	1891	2363	3182	2355,7	2,618196657	0,06837757
SLC36A4	120103	NM_152313.2	X	0	0	0	709,6666667	795	701	0	2298,3	2,618204671	0,07252648
SULT1A1	6817	NM_177536.1	215299_x_at	0	0	0	1525,3333333	0	1223	454	2318,3	2,61858494	0,07675392

RAB11A	8766	NM_004663.3	200863_s_at	0	0	0	597,3333333	0	1112	501	3210	2,619106959	0,07523264
ZNF765	91661	NM_001040185.1	X	0	1684	0	0	886	519	2060	1974,3	2,622574002	0,12202069
ANXA11	311	NM_001157.2	214783_s_at	0	0	0	0	756	756	0	2117	2,626425448	0,07237906
MTRFR1	9650	NM_014637.2	203207_s_at	0	1814	134	1581,3333333	2585	1999	2049	2298,7	2,626674923	0,08357834
HOXA3	3200	NM_153631.2	208604_s_at	0	0	0	0	836	0	687	2014	2,62808171	0,07253124
HOXA4	3201	NM_002141.4	206289_at	0	0	0	1119,3333333	836	0	687	2216,7	2,62808171	0,07253124
ETAA1	54465	NM_019002.3	219216_at	0	1743	0	474	906	675	1707	2502,7	2,641786946	0,11740421
NDUFA13	51079	NM_015965.5	220864_s_at	0	1427	0	208,3333333	838	1499	682	2667,7	2,642722891	0,10559041
HVCN1	84329	NM_001040107.1	X	0	0	0	0	868	694	0	2726	2,643693442	0,07243321
WDFY2	115825	NM_052950.3	X	0	0	293	302	670	361	743	1663	2,647830394	0,03630376
ITGB1	3688	NM_002211.2	211945_s_at	0	0	0	786	0	1529	401	2091,3	2,652238863	0,07979188
RBKS	64080	NM_022128.1	219222_at	0	0	0	342,3333333	1650	373	0	2202,7	2,65416178	0,08154779
CLTA	1211	NM_007096.2	200960_x_at	0	198	904	408,6666667	2342	1918	1848	2615	2,656429421	0,05582094
PRDM2	7799	NM_012231.3	203057_s_at	0	0	1946	325,6666667	1345	608	1498	2615	2,658108661	0,12185565
C14orf118	55668	NM_017972.2	219720_s_at	0	0	0	0	410	0	1531	1974,7	2,659804999	0,07944771
KCTD18	130535	NM_152387.2	X	0	1030	0	0	1030	962	658	2076	2,66004386	0,08537597
SERINC1	57515	NM_020755.2	208671_at	625	382	0	0	2479	2189	2028	3230	2,662797411	0,05223743
NSUN2	54888	NM_017755.4	X	0	0	1129	689,3333333	1661	288	1479	3154,7	2,662907959	0,10465276
COG3	83548	NM_031431.2	X	0	0	803	487	2333	684	317	1892,3	2,664380718	0,08931108
LZIC	84328	NM_032368.3	X	0	394	901	0	2755	2214	2683	1970,3	2,664798416	0,06211595
MTHFR	4524	NM_005957.3	206800_at	0	1119	1119	1665,6666667	4305	3747	3515	2023,3	2,665902224	0,08815599
RLTPR	146206	NM_001013838.1	X	0	0	0	3988	0	1243	517	3322,7	2,665940508	0,07527553
BRE	9577	NM_199191.1	205550_s_at	0	0	0	809	1716	373	0	2106	2,667119831	0,08184349
OPRL1	4987	NM_000913.3	206564_at	0	0	0	1009	0	224	2801	2698	2,667811956	0,09866365
PSMB1	5689	NM_002793.2	214288_s_at	892	1202	0	1030,3333333	4692	2763	3794	2162,3	2,669692596	0,08541185
AKNA	80709	NM_030767.4	X	0	0	0	866,3333333	0	1473	443	2155,7	2,671985666	0,07804669
Sep 07	989	NM_001788.4	213151_s_at	627	0	754	358	2343	3064	3086	706,67	2,673226558	0,06505549
FAM177A1	283635	NM_001079519.1	X	0	0	406	1202	1488	625	289	3079	2,678327011	0,05401445
PKIG	11142	NM_181804.1	202732_at	0	691	0	460	804	765	765	1634,7	2,683652095	0,06395591
MOBK12A	126308	NM_130807.2	X	0	0	0	1577,3333333	724	942	0	2270	2,684333637	0,07214002
LANCL2	55915	NM_018697.3	218219_s_at	0	0	1110	710,6666667	642	722	1630	2223,7	2,684709619	0,09020243
C9orf91	203197	NM_153045.3	X	0	0	658	630	578	1184	658	1839	2,686112384	0,06408689
CCDC107	203260	NM_174923.1	X	0	0	0	0	846	816	0	2257,7	2,688207966	0,0718212

C17orf100	388327	NM_001105520.1	X	0	1442	0	0	1782	1512	365	2668	2,688290079	0,11112772
LOC729991-M	4207	NM_005919.1	205124_at	937	222	0	1526,666667	2291	2275	2056	2270	2,693562761	0,055082
CCDC77	84318	NM_032358.2	X	0	0	228	0	495	507	656	2240	2,697228535	0,02538384
TBP	6908	NM_003194.3	203135_at	835	1266	0	1059	4692	3204	3521	1742	2,698566881	0,08235739
ACSL5	51703	NM_203380.1	218322_s_at	0	1155	0	1063,666667	1516	926	586	2387	2,69945168	0,0902601
CCDC99	54908	NM_017785.4	221685_s_at	0	0	0	285,3333333	1646	0	431	2419,7	2,699797886	0,07913823
ZNF83	55769	NM_001105554.1	221645_s_at	0	1964	0	366,6666667	2040	447	1567	2419,7	2,707864606	0,1234234
SCRN1	9805	NM_014766.3	201462_at	0	0	0	1751	0	564	1306	3333	2,710448793	0,07452002
C17orf63	55731	NM_018182.2	218464_s_at	0	2042	0	0	1319	1183	971	2436	2,710966023	0,11515109
CHPF	79586	NM_024536.4	202175_at	0	0	0	1175	876	850	0	3197,7	2,712991177	0,0716043
TMEM198	130612	NM_001005209.1	X	0	0	0	0	876	850	0	2510,7	2,712991177	0,0716043
CCDC132	55610	NM_017667.2	X	0	0	0	0	2265	324	0	2391	2,713943476	0,08702111
C18orf24	220134	NM_145060.3	217640_x_at	0	0	0	1814,666667	851	0	886	847	2,717096588	0,07157214
POLRMT	5442	NM_005035.3	203782_s_at	0	1011	0	1401,666667	711	1531	711	2918,3	2,723000944	0,08131942
C10orf95	79946	NM_024886.1	220152_at	0	0	0	1306,333333	1560	0	490	3201,7	2,723489526	0,07697
POLE2	5427	NM_002692.2	205909_at	0	0	0	453,3333333	877	0	877	2478,7	2,723610621	0,07151016
KLHDC1	122773	NM_172193.1	X	0	0	0	1813,333333	877	0	877	3158,7	2,723610621	0,07151016
EIF6	3692	NM_181468.1	210213_s_at	0	0	954	0	1390	729	729	3267,3	2,726503212	0,07739148
NFKB1	4790	NM_003998.2	209239_at	0	0	0	559	0	938	829	671,67	2,727222332	0,07154169
SRD5A1	6715	NM_001047.2	211056_s_at	0	0	1186	0	1718	345	1536	2132	2,727786087	0,09817262
ZFX	7543	NM_003410.2	214678_x_at	0	0	0	2236,333333	0	992	793	2916	2,731064183	0,07165058
SNRNP70	6625	NM_003089.4	201221_s_at	0	2117	0	0	498	1491	2237	666,33	2,732048685	0,12386785
DSN1	79980	NM_024918.2	219512_at	740	340	0	410,3333333	3017	1709	2802	3285,7	2,735307409	0,05164337
ANP32B	10541	NM_006401.2	201305_x_at	0	0	0	0	0	822	970	2276,3	2,735455103	0,07152136
NUCB2	4925	NM_005013.2	203675_at	0	0	0	0	1199	0	669	3930,3	2,737844496	0,07276415
PRPF39	55015	NM_017922.3	220553_s_at	0	0	0	370,3333333	1193	675	0	804,33	2,739104191	0,07268768
MRPL52	122704	NM_178336.1	X	0	0	0	897,6666667	825	0	983	2492,3	2,741018255	0,07148788
MMP14	4323	NM_004995.2	217279_x_at	0	0	0	750,3333333	825	0	983	2919,3	2,741018255	0,07148788
SYNGR2	9144	NM_004710.3	201079_at	0	0	0	565,3333333	778	1045	0	1794,3	2,741915669	0,0717071
THRA	7067	NM_199334.2	35846_at	0	0	0	1148,666667	0	913	892	2688,3	2,742357927	0,0713553
Sep 01	1731	NM_052838.2	X	0	0	0	886,6666667	1269	641	0	2164,3	2,742598624	0,07322677
ZNF791	163049	NM_153358.1	X	0	0	1575	0	1724	453	1645	761,67	2,745505665	0,10681325
ADD3	120	NM_016824.3	201752_s_at	0	831	0	737	1142	1035	577	683	2,745672681	0,06962344

PDDC1	347862	NM_182612.2	X	0	0	0	0	0	768	1072	2633	2,746069727	0,0717687
FANCA	2175	NM_000135.2	203805_s_at	0	0	1043	0	951	951	951	2641,3	2,746418496	0,07764242
C10orf28	27291	NM_014472.4	210455_at	0	0	885	2145	807	1202	759	3816,3	2,749653732	0,07092635
PHRF1	57661	NM_020901.1	X	0	0	0	621	669	0	1259	3429,7	2,753924784	0,07285323
NAPSA	9476	NM_004851.1	X	0	0	0	0	920	920	0	2687,7	2,754997552	0,07124906
HPS4	89781	NM_152841.1	218402_s_at	0	1077	1257	613	3480	2979	7766	2225,3	2,756910754	0,08632151
DYNC2LI1	51626	NM_016008.2	203762_s_at	0	0	0	0	633	0	1359	732,33	2,761090589	0,0735173
KHSRP	8570	NM_003685.2	212303_x_at	0	0	1203	208,3333333	1164	1164	766	3426,7	2,761451033	0,08402661
EXOSC1	51013	NM_016046.3	X	0	973	0	1712,6666667	1459	239	2338	3504,3	2,761577543	0,09581685
C6orf211	79624	NM_024573.1	218195_at	0	0	0	307,3333333	895	0	967	2253,7	2,762311835	0,07121325
VPS11	55823	NM_021729.4	203292_s_at	0	2006	0	386,6666667	2098	912	912	2280	2,764107676	0,11193823
RHBDF2	79651	NM_001005498.2	219202_at	0	0	0	912,6666667	0	598	1453	2468,3	2,764640248	0,07429225
SDCCAG8	10806	NM_006642.2	X	0	0	2378	1037,333333	2160	1497	647	3206,7	2,768278189	0,12262554
HINT2	84681	NM_032593.2	X	0	0	1411	220,3333333	1374	601	1508	2943,7	2,769764885	0,09408252
LYPLAL1	127018	NM_138794.2	X	0	0	0	2173	0	566	1563	3751	2,770854619	0,07518898
CEP170	9859	NM_014812.2	207719_x_at	0	0	2378	1017	2060	1591	647	3797,7	2,772693464	0,12195907
NMRAL1	57407	NM_020677.2	X	0	0	952	267,6666667	952	952	952	1111,3	2,777432196	0,07106784
HMOX2	3163	NM_002134.2	218120_s_at	0	0	952	368,3333333	952	952	952	1064,7	2,777432196	0,07106784
CEP78	84131	NM_001098802.1	X	0	0	0	473,6666667	859	1058	0	3703,3	2,778397905	0,07123058
TSSC4	10078	NM_005706.2	218612_s_at	0	1791	0	0	1852	1006	882	5365	2,781570563	0,10325097
HERC2P3	283755	NM_001024682.1	X	0	71	1717	0	1815	2015	2525	882	2,78278403	0,07086237
COG2	22796	NM_007357.1	203073_at	0	0	2140	0	1531	649	1985	1000,3	2,783654811	0,11492594
PTAFR	5724	NM_000952.3	206278_at	0	0	0	163,6666667	1182	786	0	935,67	2,785778083	0,07165177
RGS19	10287	NM_005873.2	204336_s_at	0	0	0	1069,333333	0	337	2713	4196	2,786284931	0,0878916
FGGY	55277	NM_018291.2	219718_at	0	0	0	277	966	0	966	918	2,787014839	0,07099177
TMEM167B	56900	NM_020141.3	X	0	0	1717	0	970	1148	1452	3705,3	2,78974736	0,09855969
SNF8	11267	NM_007241.2	218391_at	0	0	0	0	0	1254	750	3275	2,789919966	0,07199797
C9orf72	203228	NM_018325.1	X	0	0	1688	330,3333333	1755	406	2207	3716,3	2,790427849	0,10985479
LPAR2	9170	NM_004720.4	206723_s_at	0	0	0	0	743	1269	0	4568	2,790772823	0,07207753
PDE7A	5150	NM_002603.1	X	0	0	0	0	1028	921	0	1133	2,79179051	0,07100115
UNC93B1	81622	NM_030930.2	220998_s_at	0	0	0	689,6666667	0	1188	800	1297,3	2,793220476	0,07155059
ALDH3B1	221	NM_000694.2	211004_s_at	0	0	0	0	0	1188	800	2822,7	2,793220476	0,07155059
CAPS	828	NM_004058.2	X	0	7	0	208,3333333	436	204	204	4929	2,794155981	0,0012918

PRKX	5613	NM_005044.3	204060_s_at	0	0	0	347,6666667	1187	805	0	951	2,794982018	0,07151455
FAM116A	201627	NM_152678.1	X	0	922	0	0	1074	876	937	1147	2,795046967	0,06852308
VKORC1L1	154807	NM_173517.3	X	0	0	991	254,6666667	991	969	991	1014	2,796420949	0,0714156
ATG2B	55102	NM_018036.5	219164_s_at	0	1375	147	900,3333333	2930	1413	3525	3375,3	2,797023561	0,06286606
XPA	7507	NM_000380.3	205672_at	0	0	0	561,3333333	911	0	1056	1155	2,797040634	0,07099759
MBP	4155	NM_001025101.1	207323_s_at	836	0	0	459	814	810	1222	1281,3	2,797845128	0,06483483
COX6B1	1340	NM_001863.3	201441_at	0	0	0	985,3333333	1565	0	621	1000	2,801426096	0,07417963
LRPPRC	10128	NM_133259.2	211971_s_at	0	2235	0	667,6666667	1688	1688	765	998,33	2,801600461	0,11329806
TRIM14	9830	NM_014788.2	203148_s_at	0	0	0	0	0	605	1607	1037,7	2,801678104	0,07456302
ZZZ3	26009	NM_015534.4	212893_at	664	0	613	780	3352	2749	3071	1067,3	2,803210381	0,0529536
SCP2	6342	NM_001007099.1	201339_s_at	0	0	0	0	0	1224	801	1026,3	2,803457945	0,07155702
KDM2A	22992	NM_012308.1	208988_at	0	0	1415	1027	1370	367	2759	1049	2,808463834	0,10273101
XPO6	23214	NM_015171.2	211982_x_at	0	0	1921	1027	1194	1357	1194	1049	2,811547613	0,10156844
SNX10	29887	NM_013322.2	218404_at	0	0	0	950,3333333	720	1395	0	1087,3	2,811705027	0,0724783
ECD	11319	NM_007265.1	203013_at	0	0	0	1260	1048	970	0	1170,7	2,815130539	0,07079597
C9orf116	138162	NM_144654.2	221946_at	0	0	0	257,3333333	0	1086	937	1234,7	2,81547959	0,07085378
TTL4	9654	NM_014640.3	203703_s_at	0	0	0	246,6666667	545	0	1872	1114,7	2,818193309	0,07656387
ALDH18A1	5832	NM_002860.3	217791_s_at	0	1447	0	0	1338	809	1371	1088,3	2,818255432	0,08838863
AGBL5	60509	NM_021831.5	218480_at	0	0	2421	1589,6666667	1573	1090	1455	1342,7	2,818878635	0,11308676
GFOD1	54438	NM_018988.2	219821_s_at	771	0	0	525	375	1190	1757	1274	2,819062841	0,06889892
DIAPH1	1729	NM_005219.3	213514_s_at	0	0	799	0	1658	641	775	1095,3	2,820835556	0,06437698
ZFP82	284406	NM_133466.2	X	0	0	0	615,6666667	1117	0	927	1225,7	2,821215377	0,07085919
EIF5A	1984	NM_001970.3	213753_x_at	0	789	0	0	919	645	1387	1203	2,823890556	0,06204071
ABCC4	10257	NM_005845.3	203196_at	0	0	0	654,6666667	1179	0	888	1351,3	2,824895482	0,07100434
MED24	9862	NM_001079518.1	213043_s_at	0	0	0	0	0	1176	892	1155,7	2,825530206	0,0709844
UBE2V2	7336	NM_003350.2	209096_at	625	0	0	0	531	1155	1069	1155,7	2,826074202	0,05334027
TMEM5	10329	NM_014254.1	204807_at	0	1003	0	1096,6666667	723	1136	1289	1340,7	2,827942125	0,07100099
NUMB	8650	NM_003744.5	207545_s_at	0	0	0	882	1158	914	0	1272,7	2,828442728	0,07088431
PLEKHO2	80301	NM_025201.3	204436_at	0	0	0	393	0	1355	787	1328	2,831191408	0,0717695
ELK4	2005	NM_001973.2	206919_at	0	899	0	0	1184	686	1184	1801	2,832354408	0,06611965
TDRD1	56165	NM_198795.1	X	0	0	0	0	1094	0	981	6468	2,832953614	0,07068277
ADCK2	90956	NM_052853.3	44120_at	0	0	0	0	1037	1037	0	1757,7	2,833598795	0,07063294
FIGNL1	63979	NM_001042762.1	X	0	0	2164	0	2173	958	1118	1284	2,83367659	0,10818017

HRK	8739	NM_003806.1	206864_s_at	0	0	0	608,6666667	1313	0	827	1611,7	2,837036314	0,07141365
SPTLC1	10558	NM_006415.2	202278_s_at	0	0	0	491,3333333	986	0	1112	1344	2,83998963	0,07063957
ZNF331	55422	NM_001079906.1	219228_at	0	0	0	104	1127	976	0	1335	2,841050174	0,07065507
RAB14	51552	NM_016322.2	200928_s_at	0	0	992	830,6666667	1321	1321	627	1354	2,842875906	0,07081554
MPZL3	196264	NM_198275.1	X	0	0	0	421,3333333	1251	898	0	1449,3	2,84808436	0,07093675
VTA1	51534	NM_016485.3	X	1294	0	0	0	862	1092	1546	1359,3	2,848626226	0,08063089
YEATS4	8089	NM_006530.2	218911_at	1404	0	0	0	875	912	1985	1351,7	2,850089803	0,08615677
ELAVL1	1994	NM_001419.2	201726_at	0	0	1076	725	1105	998	1105	1366	2,850629682	0,07103465
SNTB2	6645	NM_006750.3	205315_s_at	0	0	1575	518,3333333	1160	1198	1308	1416,7	2,856647601	0,08782789
RFTN1	23180	NM_015150.1	212646_at	742	0	370	1456	5777	6971	555	1365,3	2,856958644	0,07384813
TYK2	7297	NM_003331.3	205546_s_at	0	0	0	0	0	819	1417	1405	2,858986783	0,0715626
HISPPD2A	9677	NM_014659.3	217588_at	0	0	0	324,6666667	1348	862	0	1391,3	2,859283341	0,07118605
CKMT1B	1159	NM_020990.3	202712_s_at	0	0	0	1706,666667	1348	862	0	1407,7	2,859283341	0,07118605
IKZF2	22807	NM_016260.2	220567_at	727	670	0	602,6666667	5418	1831	4045	1384,3	2,861047711	0,05743305
CTPS2	56474	NM_019857.3	219080_s_at	0	0	0	1356,333333	998	0	1173	1382,7	2,861532534	0,07052309
ZNF611	81856	NM_030972.2	208137_x_at	0	764	0	0	906	1461	675	1403,3	2,861710397	0,05836486
DNAJC11	55735	NM_018198.2	215792_s_at	0	0	0	286,3333333	1083	0	1083	1455,3	2,862130281	0,07042179
NIPA2	81614	NM_001008894.1	212133_at	0	1096	0	1442,666667	1748	405	1810	1404	2,865081989	0,08143996
C12orf5	57103	NM_020375.2	219099_at	0	0	0	1164,666667	1121	1059	0	1418,7	2,866104491	0,07040486
SH3BGRL	6451	NM_003022.1	201311_s_at	0	0	0	208,3333333	0	883	1352	1405,3	2,868147834	0,07104907
RNF19B	127544	NM_153341.1	216336_x_at	0	0	0	603,6666667	774	1543	0	1425,3	2,868608048	0,07213382
TARDBP	23435	NM_007375.3	221264_s_at	0	835	0	797,6666667	2582	389	987	1412,3	2,870647873	0,07215406
MRPS2	51116	NM_016034.2	218001_at	0	0	0	1445,666667	0	1288	937	1479	2,871629737	0,0707263
ASPHD2	57168	NM_020437.3	X	0	0	0	668	959	1264	0	1494,7	2,873048234	0,07062369
TMEM151A	256472	NM_153266.2	X	0	1202	0	318	1343	907	1196	1867,7	2,87309026	0,0747454
KCNK6	9424	NM_004823.1	X	866	0	0	38,33333333	1048	1048	966	1465,7	2,876371729	0,06018687
ERCC4	2072	NM_005236.1	210158_at	0	1397	0	0	2256	540	1397	1493,7	2,876947751	0,08831732
RTN4RL1	146760	NM_178568.2	X	0	859	0	767,3333333	815	1113	1166	1584,3	2,878187724	0,06026355
SF3A1	10291	NM_005877.4	201357_s_at	0	0	1014	517,3333333	614	1328	1531	1614,3	2,879258515	0,06993425
LOC81691	81691	NM_030941.1	208107_s_at	0	0	0	363,3333333	993	1249	0	1649	2,880553207	0,07048172
CAB39	51719	NM_016289.2	217873_at	0	1263	0	1160	1263	721	1722	1484,7	2,881681494	0,0785302
Magmas	51025	NM_016069.8	218969_at	0	0	0	0	0	1122	1122	1515,3	2,885398862	0,07025422
LGTN	1939	NM_006893.2	218253_s_at	0	0	0	0	0	946	1332	1528,7	2,885836394	0,07067905

MAML1	9794	NM_014757.3	220711_at	0	0	0	0	1045	0	1215	1576	2,888231078	0,070317
PPP1CA	5499	NM_002708.3	200846_s_at	0	0	0	0	1291	986	0	1533,7	2,889126229	0,07049265
SMTN	6525	NM_134269.1	209427_at	0	0	0	0	1046	1222	0	1643,7	2,890437036	0,0703066
COG6	57511	NM_020751.1	X	0	0	0	43	1264	1021	0	1683,7	2,893618607	0,07036173
PRDM4	11108	NM_012406.3	218329_at	0	696	0	943,6666667	665	1084	1256	1711,3	2,896345064	0,05214985
ZNF787	126208	NM_001002836.2	213402_at	0	0	0	0	0	1051	1250	1553,7	2,899465201	0,07026379
ZNF490	57474	NM_020714.1	X	0	0	1474	0	1724	694	1614	1552,7	2,899560738	0,08491001
SPAG8	26206	NM_172312.1	206815_at	0	0	1238	169,3333333	2508	498	1298	1588	2,901384437	0,08285895
BBS4	585	NM_033028.2	212745_s_at	0	0	0	1137,6666667	2521	0	521	1734,3	2,902125691	0,07911129
ZDHHC16	84287	NM_198046.1	X	0	1194	0	745,6666667	1599	418	2338	1695,7	2,902335238	0,08342876
GRAMD1A	57655	NM_020895.2	X	0	0	0	694,3333333	0	1029	1291	1791,3	2,903146225	0,07031504
SPOPL	339745	NM_001001664.1	X	0	0	2642	330,3333333	1843	2607	729	1781,7	2,90331209	0,1147484
HAUS6	54801	NM_017645.3	218602_s_at	0	0	1458	543,6666667	1275	1530	995	1621,3	2,903908493	0,08102754
KYNU	8942	NM_003937.2	210662_at	0	0	0	244	1165	1146	0	1652,7	2,904735432	0,07011901
MIOS	54468	NM_019005.3	206860_s_at	0	0	491	841	491	1122	1194	1725,3	2,905865647	0,04157195
SIT1	27240	NM_014450.2	205484_at	0	0	0	424,3333333	1245	1076	0	1707,7	2,905872195	0,07018688
SLC39A2	29986	NM_014579.2	220413_at	0	0	1378	504,3333333	1236	1089	1374	1636	2,906472568	0,07783052
C3orf24	115795	NM_173472.1	X	0	0	1112	0	1599	1201	776	1637	2,906558654	0,07027656
DNM1L	10059	NM_012062.2	203105_s_at	0	0	0	1710,3333333	1167	1152	0	1650,7	2,907018143	0,07010274
YLPM1	56252	NM_019589.2	214659_x_at	0	1418	0	884,3333333	2476	422	1809	1752	2,90851135	0,09146999
ENPP3	5169	NM_005021.3	X	0	0	0	0	1304	1037	0	1701	2,908992381	0,07027736
SUV39H1	6839	NM_003173.2	218619_s_at	0	0	1709	995,3333333	1856	1451	861	1686,3	2,910461482	0,08927439
SYAP1	94056	NM_032796.2	X	0	0	0	0	998	0	1364	1922,3	2,911228327	0,07042376
ITPR2	3709	NM_002223.2	202661_at	0	231	1233	0	2148	3859	3406	1656	2,912101056	0,05161698
WNK1	65125	NM_018979.2	211993_at	0	0	1151	512,3333333	1115	962	1466	1688,3	2,912499203	0,07005826
C1orf74	148304	NM_152485.2	X	0	0	0	0	945	0	1446	1936,3	2,912569765	0,07071342
GRPEL2	134266	NM_152407.3	X	0	0	955	638	2000	488	1336	1718	2,914722836	0,0690605
ATXN3	4287	NM_004993.4	216657_at	0	940	0	588	1651	487	1597	1700,7	2,914733374	0,06778517
CUTC	51076	NM_015960.2	218970_s_at	0	1785	0	240	1928	661	1928	1710,3	2,916175876	0,09404239
HHEX	3087	NM_002729.4	204689_at	0	0	0	0	1698	814	0	1702	2,916707084	0,07197101
PPP2R1A	5518	NM_014225.3	200695_at	0	802	0	0	951	1196	977	1864,3	2,916783063	0,05488876
TBC1D10C	374403	NM_198517.2	X	0	0	0	0	1291	1076	0	1816	2,917824631	0,07014615
ZDHHC20	253832	NM_153251.2	X	0	0	0	890,3333333	1372	1013	0	1743,7	2,918056155	0,07035509

ACSF3	197322	NM_174917.1	X	0	0	0	467,3333333	1098	0	1270	1793,3	2,919075982	0,07009452
RFX1	5989	NM_002918.3	206321_at	0	0	796	0	1170	1009	941	1750,7	2,919119772	0,05442084
FANCC	2176	NM_000136.2	205189_s_at	0	0	0	0	1199	0	1165	1742,7	2,919615096	0,07001804
AGPS	8540	NM_003659.2	205401_at	0	0	1343	0	759	1343	1836	2174	2,919650928	0,07837351
STK17A	9263	NM_004760.2	202693_s_at	0	0	1885	1669	1538	2866	594	1918	2,919981753	0,09972996
	654787	NM_001383.3	X	0	1156	0	819,3333333	815	1410	1406	1764,7	2,920251719	0,07045676
ATF2	1386	NM_001880.2	212984_at	0	0	1424	429,3333333	1245	958	1674	1819,7	2,921112963	0,07908169
C7orf10	79783	NM_024728.1	X	625	0	102	430,3333333	1675	2313	1813	2065,7	2,921511352	0,03015685
MTERFD2	130916	NM_182501.2	214364_at	0	712	0	0	884	1338	848	1935	2,922250158	0,05084931
C7orf11	136647	NM_138701.1	X	625	0	102	1822	1675	2272	1854	1928	2,922982166	0,03004938
SIVA1	10572	NM_021709.2	203489_at	0	1230	0	661,6666667	1453	972	1230	1779,7	2,923408615	0,07201958
AKAP3	10566	NM_006422.2	207344_at	1022	0	0	733	1068	1012	1346	1802,7	2,925891616	0,06389757
ABCA7	10347	NM_019112.3	219577_s_at	0	0	1458	0	818	2027	1250	1896	2,926129741	0,08156609
MRPL50	54534	NM_019051.1	X	0	2049	0	882	1988	2119	691	1885	2,926422825	0,09977155
MFN2	9927	NM_014874.2	201155_s_at	0	0	0	523	1092	0	1312	1866,7	2,927994855	0,07007757
EIF2B3	8891	NM_020365.2	218488_at	0	0	686	1757,3333333	1276	541	1422	1990,3	2,928548427	0,05212567
ERCC6	2074	NM_000124.1	207347_at	0	0	0	603,3333333	1135	1271	0	2373,7	2,930236241	0,06998802
PPAT	5471	NM_002703.3	209434_s_at	0	0	2522	0	625	1485	3897	1931,3	2,930551544	0,11542918
TMEM177	80775	NM_001105198.1	218897_at	0	0	0	436,6666667	1276	1132	0	1910,7	2,930659035	0,06999057
DNAJB1	3337	NM_006145.1	200666_s_at	0	0	1182	0	1264	1167	1164	1889,7	2,932514931	0,06913972
AKAP5	9495	NM_004857.3	207800_at	0	0	0	657	1216	1196	0	1958,3	2,932894489	0,0699255
SLC30A4	7782	NM_013309.4	207362_at	0	0	0	281,6666667	1722	844	0	1886,7	2,933194429	0,07172415
HIBCH	26275	NM_198047.1	213374_x_at	0	0	820	0	2510	494	965	1908,3	2,936821601	0,06360451
APBB1IP	54518	NM_019043.3	219994_at	0	3016	0	0	1684	1571	1684	1904	2,937270789	0,11196356
MRPS36	92259	NM_033281.5	X	0	0	0	1639	1227	1202	0	2214,3	2,937507318	0,06989485
FAHD2B	151313	NM_199336.1	222056_s_at	0	0	1157	1036	1733	1246	789	2027	2,93763993	0,07006186
MRPS33	51650	NM_016071.2	218654_s_at	0	2839	0	242,3333333	1999	1245	1688	1933,7	2,938104851	0,10967181
PHF10	55274	NM_133325.1	219126_at	0	0	924	242,3333333	984	517	2664	1933,7	2,938560419	0,068321
TMX2	51075	NM_015959.1	201175_at	0	1181	0	0	991	927	1901	2055,7	2,938966416	0,07084954
UBE2S	27338	NM_014501.2	202779_s_at	0	0	1618	1751	2195	660	1647	2094	2,938987655	0,08780785
AHI1	54806	NM_017651.3	220841_s_at	0	0	0	530,6666667	853	0	1742	2230,7	2,9404848	0,07167124
CDC2L6	23097	NM_015076.3	211706_s_at	0	0	0	518,6666667	0	1087	1369	2067,3	2,940504908	0,07006081
TEP1	7011	NM_007110.3	205727_at	0	0	1179	0	1635	1730	619	1968,7	2,94130822	0,07306972

USHBP1	83878	NM_031941.3	X	697	0	0	0	1027	956	1062	2038,3	2,941660018	0,04819701
C3orf10	55845	NM_018462.4	X	0	0	1384	2204,666667	1990	1339	776	2276,3	2,942634128	0,07824979
IKBKG	8517	NM_003639.3	36004_at	0	0	2540	353,3333333	1666	1438	1598	2226,7	2,944157657	0,10296152
ZNF107	51427	NM_016220.3	205739_x_at	0	0	0	208,3333333	1028	0	1480	2189,3	2,94787918	0,07028995
PECI	10455	NM_006117.2	218025_s_at	0	0	0	917,3333333	1134	0	1352	2157,3	2,950306904	0,06991599
C21orf45	54069	NM_018944.2	219004_s_at	0	0	0	122	1208	0	1273	2459	2,951269213	0,06981086
ZNF543	125919	NM_213598.1	X	0	0	1439	315	2369	1303	715	2092,7	2,951758739	0,08113869
HMGXB4	10042	NM_001003681.1	212597_s_at	0	0	0	727,3333333	1228	1260	0	2108	2,953294716	0,0697901
THAP1	55145	NM_018105.2	219292_at	0	0	2208	0	1819	1584	1188	2153,7	2,953749588	0,09600121
MED19	219541	NM_153450.1	X	0	1212	0	466,6666667	1022	958	1919	2154,7	2,95446304	0,0706869
CCDC157	550631	NM_001017437.1	X	0	0	1172	0	772	1395	1689	2131,3	2,955007381	0,06951876
YIF1A	10897	NM_020470.1	202418_at	0	1519	0	0	1540	1104	1393	2158	2,955870895	0,07856333
EEF2K	29904	NM_013302.3	X	0	0	0	0	0	1188	1313	2200,3	2,955967548	0,06980503
ZMYND19	116225	NM_138462.2	X	0	0	0	294,3333333	0	1185	1322	2207,7	2,95738667	0,06980246
FUZ	80199	NM_025129.3	221187_s_at	0	0	772	282,3333333	753	716	2235	2212,7	2,957520012	0,05656946
RASGRP2	10235	NM_153819.1	214368_at	1555	0	0	2144,666667	1844	1550	856	2230	2,959381922	0,08117324
YPEL1	29799	NM_013313.3	213996_at	0	0	0	0	0	1118	1414	2350,3	2,960418012	0,06993279
YTHDF1	54915	NM_017798.2	221741_s_at	0	1318	0	791,3333333	1291	1427	1131	2212,3	2,960418601	0,07190508
ZNF236	7776	NM_007345.3	47571_at	0	0	0	1256,333333	996	1592	0	2217	2,961573061	0,07049836
TSSK6	83983	NM_032037.2	X	0	1579	0	1808	1085	2479	929	2353	2,961577497	0,08331426
METT11D1	64745	NM_001029991.1	218366_x_at	0	0	1638	827	1354	1207	1592	2284,7	2,961918944	0,08128402
PTPRCAP	5790	NM_005608.2	204960_at	0	0	0	529,6666667	1178	1352	0	2316	2,962833286	0,0697908
NFATC4	4776	NM_004554.3	205897_at	0	0	0	0	0	1116	1448	2481	2,967667158	0,0699282
MMAB	326625	NM_052845.3	X	0	1082	0	574,3333333	1500	1080	1080	2482,7	2,96791838	0,06360332
IFNGR2	3460	NM_005534.2	201642_at	0	542	0	509,3333333	860	1197	860	2506,7	2,969936432	0,03895656
SSB	6741	NM_003142.3	201139_s_at	0	0	0	0	961	0	1692	2417	2,969951636	0,07078557
SHPK	23729	NM_013276.2	219713_at	0	0	0	0	1568	1040	0	2510,3	2,970757568	0,07025602
MIPEP	4285	NM_005932.2	36830_at	0	0	0	0	1052	1554	0	2717,3	2,971566534	0,07019387
PTPRE	5791	NM_130435.2	221840_at	0	0	0	3714,666667	0	1590	1035	2578	2,973774692	0,07028963
NSUN5	55695	NM_148956.1	213842_x_at	0	0	740	285	853	1593	898	2623,3	2,974285298	0,05011457
EBPL	84650	NM_032565.2	X	0	0	0	1454	0	1285	1285	2520,7	2,974712895	0,06964726
ZNF614	80110	NM_025040.2	220721_at	0	2165	0	0	1777	929	2165	2713,3	2,975037786	0,09529148
SMC1A	8243	NM_006306.2	201589_at	0	1235	0	0	1447	1376	1026	2786,7	2,975425556	0,06843326

ATP1A1	476	NM_000701.6	220948_s_at	0	0	0	0	0	1121	1477	2787	2,975680326	0,06990322
CCNH	902	NM_001239.2	204093_at	0	0	1900	0	1355	1596	1460	2776	2,976672122	0,0865827
VHL	7428	NM_000551.2	203844_at	0	0	0	0	2012	828	0	2829	2,978392901	0,0723363
CD97	976	NM_078481.2	202910_s_at	0	0	0	1730	0	1667	1002	3122,7	2,978750278	0,07051268
KLHDC8B	200942	NM_173546.1	X	0	0	0	4633,666667	1194	0	1401	3443,3	2,979013241	0,06970735
RPS19BP1	91582	NM_194326.2	X	0	1007	0	0	1631	835	1237	3020,7	2,979406703	0,06109851
GTF3C4	9329	NM_012204.2	219198_at	0	0	0	0	0	591	2844	3059,3	2,983002259	0,07805619
ZNF189	7743	NM_003452.2	207513_s_at	0	2049	0	408,3333333	1988	2119	824	3065,7	2,983954648	0,09313135
MAP4K5	11183	NM_198794.1	203553_s_at	0	956	0	0	1339	1155	1050	3011,7	2,98396023	0,0574961
MTHFD2	10797	NM_006636.3	201761_at	0	1985	0	411,3333333	1066	2550	1239	3297,7	2,984148812	0,09085489
TMEM77	128338	NM_178454.3	X	135	0	1052	0	2777	1810	3630	3289	2,984556209	0,04207505
C4orf32	132720	NM_152400.1	X	0	0	0	0	0	879	1941	3647,7	2,986087408	0,07172296
PAICS	10606	NM_006452.3	214664_at	0	0	2655	634,3333333	625	1815	3994	3712,3	2,98796746	0,11266559
NCAPH2	29781	NM_152299.2	205086_s_at	0	0	1316	0	1878	732	1643	3849	2,988521484	0,07322061
CTSS	1520	NM_004079.3	202901_x_at	0	0	0	0	709	0	2418	3967	2,988523778	0,07470324
UBXN1	51035	NM_015853.3	210623_at	0	1516	0	19,33333333	2347	1155	965	5835,3	2,989932933	0,07856305
ATG5	9474	NM_004849.2	202512_s_at	0	0	1208	0	1791	661	1759	4857,3	2,990297478	0,07046993
C10orf118	55088	NM_018017.2	219844_at	0	0	0	0	1094	0	1582	0	2,990331911	0,07001137
COPS7A	50813	NM_016319.1	209029_at	0	0	1230	0	1116	1442	1327	0	2,991305796	0,06695151
DDX54	79039	NM_024072.3	219111_s_at	0	0	0	0	1247	1395	0	0	2,991899208	0,06957959
POMT1	10585	NM_007171.3	218476_at	0	0	0	0	1496	1166	0	0	2,992847792	0,06974242
CIAO1	9391	NM_004804.2	203536_s_at	0	0	0	0	1657	0	1054	0	2,993384767	0,07022495
MAP1D	254042	NM_199227.1	X	0	0	0	0	720	0	2419	0	2,993687124	0,07452903
STAT2	6773	NM_005419.2	217199_s_at	0	1125	0	0	1323	1323	1125	0	2,993920693	0,06309293
ATP1A3	478	NM_152296.3	214432_at	0	0	0	0	0	1325	1325	0	2,994916461	0,06951746
RBBP7	5931	NM_002893.2	201092_at	1334	0	0	0	1549	1288	1175	0	2,995305275	0,07004007
CPSF7	79869	NM_024811.2	217866_at	0	0	0	0	1744	0	1009	0	2,995957383	0,07052998
IFI27L2	83982	NM_032036.2	X	0	0	0	0	1113	0	1593	0	2,998282493	0,069933
TTK	7272	NM_003318.3	204822_at	0	0	0	0	3389	518	0	0	2,998375837	0,08146183
TRAIP	10293	NM_005879.2	205598_at	0	0	1340	0	1627	1310	1121	0	3,000149831	0,07009644
ABCD3	5825	NM_002858.2	202850_at	663	0	0	0	1051	940	1202	0	3,000758783	0,04364758
PCOTH	542767	NM_001014442.2	222277_at	0	0	0	0	1180	1520	0	0	3,002028907	0,06968973
PDRG1	81572	NM_030815.2	X	0	1141	0	0	1248	1664	986	0	3,002377369	0,06391473

AEN	64782	NM_022767.2	219361_s_at	0	0	0	0	1037	0	1734	0	3,003049155	0,0703614
DENND5B	160518	NM_144973.3	215058_at	854	0	0	0	902	1498	1138	0	3,00321206	0,05286556
G6PD	2539	NM_001042351.1	202275_at	0	0	2665	0	1791	1563	1723	0	3,004533688	0,09982681
C9orf78	51759	NM_016520.2	218116_at	0	0	1025	0	1873	509	1936	0	3,005928659	0,06633684
PSMD3	5709	NM_002809.2	201388_at	1148	0	0	0	1121	1388	1344	0	3,00709418	0,06310618
MAEA	10296	NM_001017405.1	207922_s_at	0	0	0	0	1691	0	1089	0	3,010833851	0,07006991
UPF1	5976	NM_002911.3	208947_s_at	0	949	0	0	1366	1132	1133	0	3,01135105	0,05555434
C11orf79	54949	NM_017841.1	X	0	0	0	0	1727	0	1068	0	3,011393001	0,07019195
C9orf93	203238	NM_173550.2	X	0	1414	0	0	2095	669	1858	0	3,012289089	0,07628484
AGTRAP	57085	NM_020350.4	X	0	0	0	0	0	1143	1621	0	3,012786258	0,06981586
OAS2	4939	NM_016817.2	204972_at	0	0	0	0	0	871	2124	0	3,012903419	0,07207932
PGLS	25796	NM_012088.2	218388_at	0	0	0	0	1909	978	0	0	3,015597298	0,07089081
RXFP4	339403	NM_181885.2	X	0	1837	0	0	2144	1152	1392	0	3,016228434	0,08324297
B3GAT3	26229	NM_012200.2	203452_at	0	1186	0	0	1602	1006	1379	0	3,016596015	0,06435504
MDM1	56890	NM_020128.1	213761_at	0	0	0	0	1824	1031	0	0	3,017868489	0,07046556
HN1L	90861	NM_144570.2	212109_at	0	1090	0	0	1259	1153	1415	0	3,018231236	0,06035289
YIF1B	90522	NM_001039672.1	X	903	0	0	0	1267	1267	1063	0	3,018972745	0,05328064
C12orf24	29902	NM_013300.2	204521_at	0	0	0	0	821	2297	0	0	3,01946548	0,0729119
KDM4A	9682	NM_014663.2	203205_at	0	0	0	0	2007	0	944	0	3,020544357	0,07126277
IFT88	8100	NM_175605.3	204703_at	0	0	0	0	1075	1766	0	0	3,020920952	0,07017966
HLTF	6596	NM_003071.3	202983_at	0	625	0	0	986	1273	951	0	3,021731981	0,0408948
CCDC71	64925	NM_022903.3	X	0	0	0	0	1357	0	1411	0	3,023517669	0,06934325
COMMD2	51122	NM_016094.2	X	0	1476	0	0	1626	1120	1552	0	3,023688182	0,07253864
PHYHD1	254295	NM_001100877.1	X	0	0	0	0	1665	0	1151	0	3,023927679	0,06979135
CAB39L	81617	NM_030925.2	221003_s_at	0	0	0	208,3333333	0	1794	1068	0	3,02397311	0,07023474
IER3IP1	51124	NM_016097.3	X	0	1404	0	0	2362	1280	890	0	3,024662435	0,07311312
FXR2	9513	NM_004860.2	35265_at	0	0	0	0	1706	1132	0	0	3,026488504	0,06988141
KBTBD8	84541	NM_032505.1	X	0	0	0	0	1008	1934	0	0	3,029822021	0,07071372
GSTK1	373156	NM_015917.1	217751_at	0	0	1886	309,3333333	1671	1296	1704	0	3,030640628	0,08223349
MRPS28	28957	NM_014018.2	219819_s_at	0	1283	0	0	1927	1017	1283	0	3,031542398	0,06714009
TRIM41	90933	NM_033549.3	X	0	0	1827	0	1582	1319	1718	0	3,031573682	0,0807135
ATP5O	539	NM_001697.2	200818_at	0	812	0	0	652	1335	1830	0	3,032326459	0,05225542
CKMT1A	548596	NM_001015001.1	202712_s_at	0	0	0	0	1579	1246	0	0	3,032520598	0,06946932

MARCH1	55016	NM_017923.2	219574_at	0	0	0	0	0	2107	933	0	3,032789473	0,07148741
APOBEC3F	200316	NM_145298.5	214995_s_at	0	363	0	0	1035	538	1298	0	3,033659574	0,02757441
CLSTN1	22883	NM_001009566.1	201561_s_at	0	0	1038	466,6666667	1680	720	1699	0	3,035464901	0,0604827
MFHAS1	9258	NM_004225.2	213457_at	0	0	0	0	1018	1955	0	0	3,036636963	0,07066996
ZNF330	27309	NM_014487.3	209814_at	0	0	0	0	0	1275	1563	0	3,036736866	0,06939456
CCDC88B	283234	NM_032251.4	X	0	0	0	0	1568	1271	0	0	3,036756187	0,06940313
ECE1	1889	NM_001397.1	201749_at	0	0	0	0	1357	1470	0	0	3,037031486	0,06927641
MVK	4598	NM_000431.1	215649_s_at	0	1223	0	0	1641	1221	1221	0	3,038026252	0,06382376
CCDC28A	25901	NM_015439.2	209479_at	0	0	0	0	2761	0	725	0	3,039772035	0,07515529
ICOSLG	23308	NM_015259.4	211198_s_at	0	0	0	335,6666667	0	2009	1000	0	3,039791507	0,07084945
PIGK	10026	NM_005482.2	209707_at	0	0	0	0	1419	1431	0	0	3,042893007	0,06921979
LRRIQ4	344657	NM_001080460.1	X	0	0	0	0	0	1425	1425	0	3,042898794	0,06921952
PRPF40B	25766	NM_012272.1	X	0	0	0	0	0	1635	1245	0	3,043765722	0,06945947
CCDC53	51019	NM_016053.2	218628_at	0	0	1157	0	1510	1272	1233	0	3,045516358	0,06097698
FH	2271	NM_000143.2	203032_s_at	0	0	0	0	1609	0	1274	0	3,046056374	0,06938011
ZHX2	22882	NM_014943.3	203556_at	0	1782	0	0	1015	1227	2931	0	3,046673884	0,08250884
C6orf223	221416	NM_153246.3	X	0	0	0	0	2029	1018	0	0	3,048928673	0,07074869
ZNF778	197320	NM_182531.2	X	0	0	0	0	0	1342	1551	0	3,051070378	0,06923904
KIAA1161	57462	NM_020702.3	X	0	0	0	0	1021	2038	0	0	3,051359813	0,0707384
COX15	1355	NM_078470.3	219547_at	0	1791	0	0	1928	1003	1928	0	3,051533987	0,08000103
ZNF322A	79692	NM_024639.3	219376_at	0	0	0	0	893	2332	0	0	3,052012391	0,07219106
SUCLA2	8803	NM_003850.1	202930_s_at	0	0	0	0	1673	1249	0	0	3,052411949	0,06944266
MTHFSD	64779	NM_022764.2	218879_s_at	0	0	0	0	1539	0	1359	0	3,052656201	0,06921146
CWC15	51503	NM_016403.3	X	0	0	0	0	2443	855	0	0	3,053165367	0,07277543
TFPT	29844	NM_013342.2	218996_at	0	0	0	0	1961	1068	0	0	3,053406574	0,07036807
C12orf52	84934	NM_032848.1	44065_at	0	0	0	0	1376	1524	0	0	3,053521975	0,06918971
KIAA1632	57724	NM_020964.2	X	0	0	0	0	1510	1394	0	0	3,0547616	0,06916898
ATPBD3	90353	NM_145232.2	X	0	904	0	0	1661	808	1419	0	3,055319326	0,053009
CBFB	865	NM_022845.2	202370_s_at	0	0	837	0	797	2097	1055	0	3,055539328	0,05164541
C3orf75	54859	NM_001031703.2	220600_at	0	0	0	0	2403	876	0	0	3,055646685	0,07247989
IFITM5	387733	NM_001025295.1	X	0	0	0	0	0	1447	1462	0	3,056409507	0,06913851
RIBC1	158787	NM_144968.1	X	0	1395	0	0	1607	1555	1186	0	3,057903523	0,06772181
DMXL1	1657	NM_005509.4	203791_at	0	0	2315	0	3054	505	3158	0	3,058548236	0,10296767

LMF2	91289	NM_033200.1	31837_at	0	0	1448	0	2010	864	1775	0	3,059245324	0,07147761
UBR2	23304	NM_015255.1	212760_at	0	1186	0	0	1917	536	2459	0	3,061542384	0,0693984
KIAA0753	9851	NM_014804.2	204711_at	0	1445	0	0	2373	1882	692	0	3,061659664	0,07410093
ARL5A	26225	NM_001037174.1	218150_at	0	0	1518	0	1246	1263	2076	0	3,062342463	0,07157935
TMEM127	55654	NM_017849.1	219460_s_at	0	0	0	0	1657	0	1302	0	3,062929031	0,06928894
ANGEL1	23357	NM_015305.2	36865_at	0	1229	0	0	1419	1353	1389	0	3,064740343	0,06195858
C9orf82	79886	NM_024828.2	219276_x_at	0	664	0	0	919	965	1637	0	3,066683145	0,04167629
ERI2	112479	NM_080663.1	213365_at	0	0	0	0	1355	1611	0	0	3,066781302	0,0691739
TPT1	7178	NM_003295.2	216520_s_at	0	0	2458	0	2001	1804	1489	0	3,067169547	0,0910576
C17orf80	55028	NM_001100621.1	221048_x_at	625	222	0	0	3143	2411	2930	0	3,067326287	0,02792921
PHLPP1	23239	NM_194449.1	212719_at	0	0	0	0	0	1807	1213	0	3,068243928	0,06958434
COCH	1690	NM_004086.1	205229_s_at	0	0	0	0	1247	0	1760	0	3,068636114	0,06945144
PHF14	9678	NM_001007157.1	204525_at	0	1540	0	0	2213	803	1901	0	3,06946189	0,0744491
TMEM91	641649	NM_001098825.1	X	0	1031	0	0	844	1728	1555	0	3,069711273	0,05698965
SLC9A8	23315	NM_015266.1	212947_at	0	2085	0	0	3086	850	1745	0	3,069828496	0,08872107
KDM3B	51780	NM_016604.3	201643_x_at	0	0	1216	0	1428	1419	1328	0	3,071227083	0,06116486
TMEM180	79847	NM_024789.3	219745_at	0	0	0	0	1488	0	1488	0	3,071445459	0,06904888
PKMYT1	9088	NM_182687.1	204267_x_at	0	0	1005	208,3333333	1386	1155	1396	0	3,072698739	0,0541414
ALG6	29929	NM_013339.2	219649_at	0	0	1053	0	1405	1121	1487	0	3,072863387	0,05595939
ZNF318	24149	NM_014345.2	203520_s_at	0	843	0	208,3333333	2468	1066	711	0	3,073236705	0,0528926
NDUFA9	4704	NM_005002.3	208969_at	1467	0	0	0	1497	1385	1578	0	3,073847391	0,06837374
RG9MTD1	54931	NM_017819.2	X	0	0	0	0	1500	0	1500	0	3,076747011	0,06901772
NCOA3	8202	NM_006534.2	209061_at	980	0	0	0	2690	1144	714	0	3,077000209	0,05859314
VRK1	7443	NM_003384.2	203856_at	0	1208	0	0	1608	1021	1657	0	3,077255749	0,06146678
C9orf3	84909	NM_032823.3	212848_s_at	0	0	0	0	1426	0	1583	0	3,07783344	0,06904661
TTC23	64927	NM_022905.4	219838_at	0	0	0	0	0	975	2313	0	3,078123117	0,07142133
LACE1	246269	NM_145315.3	X	0	483	0	0	2279	549	877	0	3,079957401	0,03686472
TESK1	7016	NM_006285.2	204106_at	0	0	0	0	1950	0	1167	0	3,08070344	0,06984498
RBM19	9904	NM_016196.2	205115_s_at	0	0	0	0	1598	0	1435	0	3,08302317	0,06901832
SMAP2	64744	NM_022733.1	X	0	0	1388	0	790	2094	1929	0	3,084948654	0,0691408
TMEM156	80008	NM_024943.1	220169_at	0	0	0	0	949	0	2445	0	3,08763584	0,07183159
KLHL11	55175	NM_018143.1	220657_at	1262	0	0	0	2242	1181	1109	0	3,088269828	0,06345412
LIMD2	80774	NM_030576.3	218600_at	0	0	0	0	0	1435	1633	0	3,090178715	0,06899306

SAMM50	25813	NM_015380.3	201569_s_at	0	1693	0	0	1584	1204	2080	0	3,090349966	0,07396908
TRAPPC2	6399	NM_001011658.1	209751_s_at	1764	0	0	0	1347	2169	1418	0	3,091080387	0,07552981
ME2	4200	NM_002396.3	210154_at	0	0	2019	0	1546	2593	1183	0	3,091323214	0,08234797
DPF2	5977	NM_006268.3	202116_at	0	0	1133	0	1121	1902	1250	0	3,091578588	0,0582661
CTNS	1497	NM_004937.2	204925_at	0	0	0	0	1822	1294	0	0	3,09226915	0,06930249
FAM100A	124402	NM_145253.2	X	0	0	0	0	1325	1781	0	0	3,092547247	0,06920594
KAT5	10524	NM_182710.1	206689_x_at	0	0	0	0	1628	0	1450	0	3,092596412	0,06896843
C14orf102	55051	NM_199043.1	X	0	0	0	0	1670	0	1414	0	3,092716873	0,06901347
RNF111	54778	NM_017610.6	218761_at	0	0	852	0	1174	1480	1161	0	3,093161377	0,04741796
MRPS5	64969	NM_031902.3	X	0	0	0	0	0	1647	1438	0	3,093687412	0,06897814
WDR45	11152	NM_007075.3	209217_s_at	0	0	1149	0	1437	1379	1379	0	3,094948116	0,05760853
C7orf49	78996	NM_024033.1	220949_s_at	693	0	0	0	1219	1031	1316	0	3,095295391	0,04065448
API5	8539	NM_006595.2	201687_s_at	0	719	0	0	1755	683	1427	0	3,095376938	0,04455488
PCYT2	5833	NM_002861.2	209577_at	0	0	0	0	1521	1566	0	0	3,095549783	0,06891119
FAM159A	348378	NM_001042693.1	X	0	0	0	0	1586	1502	0	0	3,095591097	0,0689177
RAD52	5893	NM_134424.2	210630_s_at	0	0	0	0	1341	1777	0	0	3,095760553	0,06916056
HSPA4L	22824	NM_014278.2	205543_at	0	0	740	0	661	1411	1895	0	3,096954016	0,04598778
TAF7	6879	NM_005642.2	201023_at	0	1123	0	0	1472	1535	1191	0	3,097487506	0,05684682
ZNF671	79891	NM_024833.1	219849_at	0	1977	0	0	1539	2017	1530	0	3,098382563	0,07920988
WSB1	26118	NM_015626.8	201296_s_at	0	0	1624	0	2223	882	1990	0	3,099283703	0,07395072
HAUS4	54930	NM_017815.1	218383_at	0	0	0	0	1226	0	1967	0	3,099811366	0,06959659
TRIM33	51592	NM_033020.2	212435_at	0	0	0	0	1585	0	1523	0	3,099965552	0,06888818
TNFAIP8L2	79626	NM_024575.3	X	0	0	0	0	0	1567	1543	0	3,100500991	0,06888079
ADAM19	8728	NM_033274.2	209765_at	0	0	0	0	1106	2184	0	0	3,10054467	0,07035524
ICAM3	3385	NM_002162.2	204949_at	0	0	0	0	1251	1938	0	0	3,101546377	0,06948427
HDDC2	51020	NM_016063.2	203259_s_at	0	0	843	0	1312	1125	1394	0	3,103130195	0,0464884
GPN3	51184	NM_016301.2	218461_at	0	0	0	0	1053	2317	0	0	3,103974722	0,07083811
PLCB2	5330	NM_004573.2	210388_at	0	0	0	0	0	1563	1566	0	3,104541979	0,06885694
KDM4D	55693	NM_018039.2	220278_at	0	0	0	0	2443	1000	0	0	3,104548926	0,07139339
IGF2R	3482	NM_000876.2	201392_s_at	0	0	0	0	1793	1368	0	0	3,10529549	0,0690852
IL10RA	3587	NM_001558.2	204912_at	0	1758	0	0	2239	1173	1647	0	3,106578821	0,07476049
TNFAIP8L1	126282	NM_152362.1	X	0	0	0	0	1636	1506	0	0	3,106719778	0,06886627
USP20	10868	NM_001008563.1	203965_at	0	0	1240	0	2027	724	2090	0	3,109354137	0,06413724

ARRB2	409	NM_004313.3	203388_at	0	1503	0	0	2119	1684	1045	0	3,109441127	0,06859336
IPPK	64768	NM_022755.4	219092_s_at	0	0	0	0	2082	1197	0	0	3,110729932	0,06979201
DDX10	1662	NM_004398.2	204977_at	0	0	0	0	1676	0	1493	0	3,111838165	0,06885774
NR1H2	7376	NM_007121.4	218215_s_at	0	0	0	0	920	2716	0	0	3,11228975	0,07252064
STK24	8428	NM_001032296.2	208854_s_at	0	0	956	0	1301	1328	1388	0	3,112318173	0,05011637
C1orf213	148898	NM_138479.2	X	18	0	1087	0	1411	1499	2857	0	3,112821071	0,04493674
FCGR2B	2213	NM_001002275.1	210889_s_at	0	0	0	0	0	1343	1869	0	3,11294012	0,06915464
CD80	941	NM_005191.3	207176_s_at	0	0	0	0	3449	0	724	0	3,113125596	0,07651114
SPNS1	83985	NM_032038.1	X	0	0	0	0	1845	1363	0	0	3,113539939	0,06909565
PILRB	29990	NM_178238.1	220954_s_at	0	0	0	0	1454	1732	0	0	3,113964028	0,06890015
GM2A	2760	NM_000405.3	212737_at	0	0	996	0	1316	1450	1316	0	3,114062179	0,05146273
OTUB1	55611	NM_017670.2	201245_s_at	0	0	0	0	1589	0	1589	0	3,114803725	0,06879865
CAPZA2	830	NM_006136.2	201237_at	0	0	920	0	1759	822	1608	0	3,11540029	0,05074107
MTMR14	64419	NM_022485.3	222143_s_at	0	0	0	0	1629	1553	0	0	3,115447791	0,06880222
OFD1	8481	NM_003611.1	203569_s_at	1764	0	0	0	1451	2026	1522	0	3,116389566	0,07330597
TNFRSF10A	8797	NM_003844.2	X	0	0	0	0	0	0	2675	954	3,119153561	0,07212336
FBXL5	26234	NM_012161.2	209004_s_at	0	1185	0	0	1808	1286	1309	0	3,120454251	0,05771489
SENP5	205564	NM_152699.3	213184_at	0	0	0	0	1615	1591	0	0	3,120578929	0,06876682
FAM104A	84923	NM_032837.2	X	625	222	0	0	3300	2568	3087	0	3,121714507	0,026162
RGS20	8601	NM_170587.1	210138_at	0	1188	0	0	2081	1099	1340	0	3,122127027	0,05857953
MED23	9439	NM_015979.2	218846_at	0	0	0	0	1909	1357	0	0	3,123362012	0,06911654
URG4	55665	NM_001077664.1	216173_at	0	0	1636	0	2277	1364	1364	0	3,123390329	0,07049394
MYBBP1A	10514	NM_014520.3	219098_at	0	2898	0	0	2273	2650	1250	0	3,124393644	0,0954549
PAWR	5074	NM_002583.2	204005_s_at	0	805	0	0	678	2502	1233	0	3,1252486	0,04889646
FCGR2C	9103	NM_001005410.2	X	0	0	0	0	0	0	1345	1937	3,125249781	0,0691575
AFF4	27125	NM_014423.3	219199_at	813	0	0	157	1487	1269	1126	0	3,125611703	0,04431381
IQCE	23288	NM_001100390.1	217124_at	0	0	0	0	0	0	1155	2278	3,128758303	0,07016519
DHPS	1725	NM_013406.1	202802_at	0	0	1410	0	1642	1383	1642	0	3,130099488	0,06329446
ULBP3	79465	NM_024518.1	X	0	0	0	0	1693	1565	0	0	3,130719366	0,06872874
C10orf84	63877	NM_022063.1	218390_s_at	0	770	0	0	895	1670	1367	0	3,130822776	0,04332133
SH3GLB2	56904	NM_020145.2	218813_s_at	0	0	1107	0	2030	1150	1259	0	3,131525927	0,05532951
LIPT1	51601	NM_145199.1	205571_at	0	0	1713	0	2778	1149	1430	0	3,133177814	0,07322486
HIATL1	84641	NM_032558.2	X	0	1253	0	0	2366	1284	1100	0	3,133313003	0,06058797

CLDND2	125875	NM_152353.1	X	0	122	0	0	390	1054	850	0	3,135004719	0,00847758
LARS	51520	NM_020117.9	217810_x_at	0	0	921	0	1361	1151	1581	0	3,135270095	0,04797778
PYCR2	29920	NM_013328.2	X	0	0	1470	0	2088	1288	1470	0	3,135814784	0,06518729
TOMM5	401505	NM_001001790.2	X	0	1583	0	0	1735	1415	1735	0	3,135854443	0,06745234
HOXA7	3204	NM_006896.3	206847_s_at	0	0	0	278	2689	1001	0	0	3,136671888	0,07172001
MSH2	4436	NM_000251.1	209421_at	0	1388	0	0	1443	847	3052	0	3,136687622	0,06731872
CDK5RAP2	55755	NM_018249.4	220935_s_at	0	0	1390	0	1690	1380	1622	0	3,139565892	0,06219416
PHF8	23133	NM_015107.1	215065_at	0	1135	0	0	2007	765	2007	0	3,139787032	0,05839277
DMAP1	55929	NM_001034023.1	X	0	0	0	0	1949	1398	0	0	3,140036156	0,06900119
TXNDC17	84817	NM_032731.3	X	0	1065	0	0	2371	1784	684	0	3,140397952	0,05748963
TFEB	7942	NM_007162.1	50221_at	0	1764	0	0	1909	1758	1435	0	3,140667228	0,07151794
TTYH3	80727	NM_025250.2	X	0	0	0	0	0	1313	2080	0	3,140879253	0,06931112
SNRPD1	6632	NM_006938.2	202690_s_at	0	0	0	0	2499	0	1094	0	3,141581325	0,07076977
C14orf145	145508	NM_152446.2	X	0	0	0	123,3333333	1388	0	1978	0	3,142554666	0,06903358
SETD6	79918	NM_024860.1	219751_at	0	0	0	0	0	1615	1703	0	3,143050331	0,06864994
PSMB6	5694	NM_002798.1	208827_at	0	1479	0	0	2055	1520	1303	0	3,143382498	0,0648398
SLC43A2	124935	NM_152346.1	X	0	0	0	0	1385	1992	0	0	3,144174487	0,06904482
C6orf167	253714	NM_198468.2	X	0	0	0	0	1640	0	1692	0	3,145982869	0,06862811
MRPL23	6150	NM_021134.2	213897_s_at	625	0	0	0	1297	1826	735	0	3,146625593	0,03766958
C14orf142	84520	NM_032490.4	X	0	0	0	0	2171	0	1285	0	3,14794927	0,06946563
EFTUD1	79631	NM_024580.5	218973_at	650	0	0	0	1612	354	3138	0	3,148503989	0,05072339
C6orf114	85411	NM_033069.2	X	771	0	0	0	572	1541	2436	0	3,148697571	0,047765
MAPKAP1	79109	NM_024117.3	217808_s_at	696	0	0	0	1480	1133	1169	0	3,149846349	0,03849214
C14orf106	55320	NM_018353.3	206500_s_at	0	0	0	0	1795	1565	0	0	3,150053949	0,06866093
COX10	1352	NM_001303.2	203858_s_at	0	0	0	0	2116	1335	0	0	3,152035367	0,06924704
DDX31	64794	NM_022779.7	219328_at	0	0	0	0	0	1008	2798	0	3,152133724	0,07180972
YIPF6	286451	NM_173834.2	212342_at	0	0	0	0	0	1297	2180	0	3,152381631	0,0694225
TCF19	6941	NM_007109.2	X	0	0	1207	0	1865	1326	1396	0	3,155969116	0,05632116
CHMP4A	29082	NM_014169.2	218571_s_at	0	0	0	0	1201	0	2382	0	3,156398298	0,07001235
CCNT2	905	NM_058241.1	204645_at	0	870	0	0	3330	355	2085	0	3,158909852	0,06112531
POMP	51371	NM_015932.3	217769_s_at	0	1298	0	0	2316	876	1844	0	3,159340259	0,0614799
GLOD4	51031	NM_016080.2	209092_s_at	0	1575	0	0	1938	1595	1473	0	3,159569969	0,0658218
C19orf36	113177	NM_001039846.1	214296_x_at	0	0	0	402	1595	1813	0	0	3,159622269	0,06860122

TUBA1A	7846	NM_006009.2	212639_x_at	0	694	0	0	1183	1306	1306	0	3,160247153	0,03777076
CENPJ	55835	NM_018451.3	220885_s_at	0	0	1090	0	835	2727	1385	0	3,160735236	0,05630537
AURKB	9212	NM_004217.2	209464_at	0	1476	0	0	2112	1912	1060	0	3,160986902	0,06470982
LRRK2	120892	NM_198578.2	X	0	0	0	0	2359	1234	0	0	3,162109894	0,06982585
B9D2	80776	NM_030578.2	219766_at	0	1576	0	0	1202	1991	1922	0	3,162906431	0,06636267
NUP210	23225	NM_024923.2	213947_s_at	0	0	0	0	0	2793	1044	0	3,163069236	0,07150227
UNC84B	25777	NM_015374.1	212144_at	0	0	0	0	2056	1422	0	0	3,163333115	0,06894757
MIER1	57708	NM_001077701.1	X	0	0	1163	0	2640	508	2510	0	3,163367991	0,06473002
N4BP3	23138	NM_015111.1	214775_at	0	0	0	0	0	1774	1654	0	3,164430535	0,06853985
EDC3	80153	NM_025083.2	219207_at	0	0	0	0	1601	0	1838	0	3,165390021	0,06857801
GNB1	2782	NM_002074.2	200746_s_at	0	235	0	0	475	909	1649	0	3,167511921	0,01711574
RACGAP1	29127	NM_013277.2	222077_s_at	0	758	0	0	1048	1619	1329	0	3,168220908	0,04053824
NHP2	55651	NM_017838.3	209104_s_at	0	1203	0	0	1943	1271	1449	0	3,168944191	0,05564135
EVL	51466	NM_016337.2	217838_s_at	0	0	0	0	1940	1535	0	0	3,16935176	0,06866588
ERCC3	2071	NM_000122.1	202176_at	1339	0	0	0	2191	1301	1399	0	3,169515767	0,05985692
CREM	1390	NM_182721.1	210171_s_at	0	0	0	0	1647	1811	0	0	3,169853211	0,0685232
SPTLC2	9517	NM_004863.2	203127_s_at	743	0	0	0	1542	928	1553	0	3,170118289	0,04030823
DHX57	90957	NM_198963.1	213420_at	0	1958	0	0	2122	1318	2089	0	3,170176747	0,07434425
MAST2	23139	NM_015112.2	211593_s_at	0	730	0	0	1483	1408	1047	0	3,170277781	0,03919226
PSMA5	5686	NM_002790.2	201274_at	0	0	953	220	1891	543	2755	0	3,170797052	0,05554479
WDR51A	25886	NM_015426.3	X	0	0	0	0	1897	1579	0	0	3,17126885	0,06859083
MTHFS	10588	NM_006441.2	203433_at	0	807	0	0	1789	1103	1231	0	3,172303752	0,04245381
PARP11	57097	NM_020367.3	220315_at	661	0	0	0	1594	1381	908	0	3,173356729	0,03676114
BCAP29	55973	NM_001008407.1	205084_at	0	0	0	0	1666	0	1812	0	3,173824763	0,06849593
NPM3	10360	NM_006993.1	205129_at	0	906	0	0	1193	750	3046	0	3,173844571	0,0512421
C14orf126	112487	NM_080664.2	X	0	0	1396	0	1702	1428	1735	0	3,174010044	0,06029934
SCFD2	152579	NM_152540.3	X	0	1317	0	0	2066	1235	1559	0	3,174113611	0,05882496
PRPF31	26121	NM_015629.2	202408_s_at	0	0	0	0	2022	1495	0	0	3,174332648	0,06874944
DCUN1D1	54165	NM_020640.2	218583_s_at	0	0	1309	0	1594	1671	1488	0	3,174729179	0,05781187
SP2	6668	NM_003110.5	204367_at	842	0	0	551,3333333	1153	1718	1289	0	3,174770292	0,04340265
ALOX5AP	241	NM_001629.2	204174_at	0	0	0	0	0	1731	1757	0	3,176282155	0,068462
IBTK	25998	NM_015525.2	210970_s_at	0	1176	0	0	2372	871	1742	0	3,179074565	0,05685408
DNAJC28	54943	NM_017833.3	220372_at	0	0	0	0	1666	0	1842	0	3,179253764	0,06847614

TIGD5	84948	NM_032862.3	X	0	0	532	960,6666667	1310	933	1345	0	3,179404338	0,03025576
ORC4L	5000	NM_181741.1	203351_s_at	0	0	929	349	1473	1354	1436	0	3,180268575	0,04578898
PSME2	5721	NM_002818.2	201762_s_at	0	0	1243	220,3333333	2510	697	2190	0	3,182392734	0,06138164
VPS29	51699	NM_057180.1	X	0	1145	0	0	1621	1549	1425	0	3,185044715	0,05253395
STYX	6815	NM_145251.2	X	0	0	0	0	2033	1536	0	0	3,185057916	0,06865257
CNIH	10175	NM_005776.2	201653_at	0	0	1230	0	2511	1323	1156	0	3,185315232	0,05700574
KIAA0907	22889	NM_014949.2	202220_at	0	2438	0	0	2745	1534	1810	0	3,185506206	0,08244557
ZNF420	147923	NM_144689.3	X	0	2752	0	0	1434	1960	3078	0	3,187410003	0,08809896
ZNF571	51276	NM_016536.3	206648_at	0	0	0	0	2764	1137	0	0	3,187666956	0,07078528
PSMB11	122706	NM_001099780.1	X	0	0	952	0	1456	1384	1492	0	3,188262665	0,04618958
RNF169	254225	NM_001098638.1	X	0	0	0	0	0	2668	1181	0	3,188442794	0,07040288
INPP5D	3635	NM_005541.3	203332_s_at	0	0	2132	0	1439	1931	2428	0	3,189553264	0,07639364
CSNK1G3	1456	NM_004384.3	220768_s_at	0	0	0	0	2488	1275	0	0	3,190514129	0,06973414
LPIN2	9663	NM_014646.2	218566_s_at	0	0	0	0	0	1798	1767	0	3,190709806	0,06838589
SEC11C	90701	NM_033280.2	X	0	0	437	0	2761	729	694	0	3,191626767	0,03106667
PISD	23761	NM_014338.3	202392_s_at	0	0	0	0	1732	1841	0	0	3,191911274	0,06838989
MTA3	57504	NM_020744.2	X	0	0	0	0	0	2684	1189	0	3,192646946	0,0703719
PLOD1	5351	NM_000302.2	200827_at	0	0	0	245,6666667	543	93	794	0	3,192712834	0,00365838
PELP1	27043	NM_014389.2	215354_s_at	0	1846	0	454	2602	2167	1045	0	3,192945199	0,07240905
FOXRED2	80020	NM_001102371.1	220707_s_at	0	0	0	0	1789	0	1790	0	3,193325723	0,06837125
FAM120B	84498	NM_032448.1	X	709	0	0	0	1210	1210	1559	0	3,193958627	0,03721481
NDNL2	56160	NM_138704.2	X	954	0	0	0	3172	494	1937	0	3,194509361	0,05668368
CEPT1	10390	NM_001007794.1	219375_at	135	0	795	0	3103	2319	3630	0	3,195225921	0,02666145
ZNF148	7707	NM_021964.2	203318_s_at	0	2042	0	0	1868	1975	1786	0	3,195834833	0,07343188
ZNHIT3	9326	NM_004773.2	212544_at	0	0	0	0	1975	0	1635	0	3,196106694	0,06846398
NDUFAF4	29078	NM_014165.1	219006_at	0	0	0	0	1879	0	1726	0	3,19752027	0,06837097
hCG_1642624	645545	NM_001101392.1	X	1188	0	0	0	1872	1146	1796	0	3,197580289	0,05395841
CLINT1	9685	NM_014666.2	201769_at	1224	0	0	530	1076	1773	2085	0	3,19841176	0,05547653
ZNF544	27300	NM_014480.2	218735_s_at	0	0	0	0	1808	0	1808	0	3,200125716	0,06833571
GLA	2717	NM_000169.2	214430_at	0	0	696	0	1295	1757	1006	0	3,201137178	0,03702261
ADI1	55256	NM_018269.1	217761_at	0	0	0	0	0	1734	1894	0	3,201677966	0,06835097
KCNMB4	27345	NM_014505.4	219287_at	0	0	0	0	0	1779	1848	0	3,202015337	0,06833022
C19orf46	163183	NM_001039876.1	X	0	0	1112	0	1399	1190	2197	0	3,202216713	0,05177305

OSBP	5007	NM_002556.2	201800_s_at	0	734	0	0	1524	1211	1313	0	3,202330065	0,03778123
PPP2R5A	5525	NM_006243.2	202187_s_at	0	0	1577	0	1503	1545	2237	0	3,202772426	0,06356293
EEF1D	1936	NM_032378.2	214394_x_at	0	0	690	0	1548	933	1583	0	3,203642251	0,03680175
SMAD3	4088	NM_005902.3	205398_s_at	0	1971	0	0	1188	2386	2301	0	3,204610968	0,07325918
AP4E1	23431	NM_007347.3	220229_s_at	0	0	1276	0	1787	1609	1471	0	3,204623464	0,05530964
C3orf34	84984	NM_032898.2	X	0	0	2611	0	1296	2551	2617	0	3,204943621	0,08470169
BCDIN3D	144233	NM_181708.1	X	0	1569	0	0	1950	1604	1671	0	3,206372214	0,06269607
MDP-1	145553	NM_138476.2	X	0	0	0	0	1595	0	2118	0	3,211057925	0,06851865
C9orf114	51490	NM_016390.2	218565_at	0	943	0	0	1801	1315	1350	0	3,211762436	0,0451095
RPE	6120	NM_006916.1	216574_s_at	0	1667	0	0	1938	1667	1749	0	3,212120255	0,06455962
TEX14	56155	NM_198393.2	221035_s_at	1188	0	0	0	1896	1170	1820	0	3,21300188	0,05311018
FAM154B	283726	NM_001008226.1	X	650	0	0	0	1964	354	3138	0	3,213788602	0,04822179
HNRNPH2	3188	NM_019597.3	201132_at	0	0	906	0	1295	1963	1216	0	3,213881872	0,04418059
UBE2D4	51619	NM_015983.2	218837_s_at	0	0	1758	0	2277	1622	1622	0	3,213964175	0,06684373
PMF1	11243	NM_007221.2	202337_at	0	1263	0	0	1859	1263	1836	0	3,214403791	0,05487374
RBM4	5936	NM_002896.2	200997_at	0	0	1861	208,3333333	3109	1616	1267	0	3,21566574	0,07102898
C1orf220	400798	NM_207467.1	X	0	1810	0	0	3794	2733	594	0	3,216711073	0,07889246
NFKBIZ	64332	NM_001005474.1	X	0	0	0	0	1676	0	2051	0	3,216781532	0,06837067
GPBR	2852	NM_001039966.1	211829_s_at	0	0	0	0	0	1068	3214	0	3,217105872	0,07185137
FAM105B	90268	NM_138348.4	X	0	0	1480	0	1181	2776	1561	0	3,219185517	0,06190928
IFFO1	25900	NM_001039670.1	36030_at	625	0	0	0	1789	1765	693	0	3,222335286	0,03557357
WRB	7485	NM_004627.2	202749_at	0	0	0	0	2279	1537	0	0	3,223083865	0,06867631
TSPYL4	23270	NM_021648.4	212928_at	0	0	0	0	1900	0	1865	0	3,226799852	0,06819951
CAMK1D	57118	NM_153498.2	220246_at	0	1018	0	0	1769	1215	1689	0	3,228597866	0,04687648
ZNF326	284695	NM_182976.2	X	0	0	297	0	649	1059	1572	0	3,229308185	0,01802863
LSR	51599	NM_015925.5	208190_s_at	0	0	0	0	1668	2154	0	0	3,231418101	0,06836749
CTSH	1512	NM_004390.3	202295_s_at	0	0	0	289,6666667	2095	1722	0	0	3,23275253	0,06828137
DTYMK	1841	NM_012145.2	203270_at	0	1471	0	0	1872	1135	2495	0	3,232785057	0,06052722
IFITM2	10581	NM_006435.2	201315_x_at	0	0	0	0	0	1951	1850	0	3,232890744	0,06817594
WDR78	79819	NM_024763.3	220769_s_at	0	0	1163	0	2989	508	2746	0	3,234318641	0,06188735
UTP20	27340	NM_014503.2	209725_at	0	0	0	0	2174	0	1670	0	3,234873513	0,06836191
CDKN1A	1026	NM_078467.1	202284_s_at	0	0	0	0	2935	0	1244	0	3,237177694	0,07030719
BMP7	655	NM_001719.1	209591_s_at	0	0	0	722	1343	0	2722	0	3,237428538	0,06960837

RNF6	6049	NM_005977.3	203403_s_at	0	0	797	0	2430	1135	1059	0	3,237620719	0,0408783
SLC25A35	399512	NM_201520.1	X	0	0	0	0	2139	1713	0	0	3,237900468	0,06828698
C19orf62	29086	NM_014173.2	221711_s_at	803	0	0	0	1463	1321	1533	0	3,239212257	0,03877746
ARL15	54622	NM_019087.1	X	0	0	0	0	2718	1355	0	0	3,239873601	0,06955137
MBIP	51562	NM_016586.1	218411_s_at	0	0	0	0	2493	1478	0	0	3,239894432	0,06893267
C5orf13	9315	NM_004772.1	201310_s_at	0	1402	0	0	1583	1336	2461	0	3,242370152	0,05758947
TUBGCP3	10426	NM_006322.4	203690_at	798	0	0	0	1739	2047	833	0	3,242378321	0,0408852
TMEM33	55161	NM_018126.1	218465_at	0	1174	0	0	1832	1384	1726	0	3,243359199	0,05057562
ASPH	444	NM_032466.1	210896_s_at	0	0	0	0	2584	1447	0	0	3,244780758	0,06908955
XRN2	22803	NM_012255.3	X	0	2677	0	0	2743	2855	1280	0	3,245484749	0,08330952
JMJD4	65094	NM_023007.1	218560_s_at	0	0	2084	0	2645	2745	1078	0	3,246810709	0,07411349
C7orf42	55069	NM_017994.4	218008_at	0	0	1070	341,3333333	1561	1610	1610	0	3,247911931	0,04708404
RHOBTB2	23221	NM_015178.1	209441_at	0	0	991	0	1331	3096	918	0	3,252053152	0,04878716
MPP6	51678	NM_016447.2	205429_s_at	953	0	0	0	1169	2532	1232	0	3,252162916	0,04531624
SAV1	60485	NM_021818.2	218276_s_at	625	0	0	0	1529	1668	944	0	3,25292914	0,0323437
NUP107	57122	NM_020401.2	218768_at	939	0	0	299,6666667	1859	1754	1111	0	3,254554297	0,04356885
PPM1M	132160	NM_144641.1	X	0	0	1250	0	2095	1952	1180	0	3,255227235	0,05292735
MLF1IP	79682	NM_024629.2	218883_s_at	699	0	0	208,3333333	1785	1357	1122	0	3,25624396	0,03475776
PRDM10	56980	NM_199438.1	219515_at	0	0	0	0	0	1955	1990	0	3,25769592	0,06804468
PMPCB	9512	NM_004279.2	201682_at	0	1569	0	0	2222	1372	2006	0	3,258442708	0,06028105
RAD9B	144715	NM_152442.2	X	0	1361	0	0	1837	1765	1641	0	3,259171324	0,05454409
TRAF4	9618	NM_004295.3	202871_at	0	1260	0	0	4126	1810	655	0	3,259501234	0,06150764
PLK1	5347	NM_005030.3	202240_at	1135	0	0	0	2307	1734	1111	0	3,259930941	0,04991628
TRAF5	7188	NM_001033910.1	204352_at	0	0	0	0	1506	2600	0	0	3,260014089	0,06889503
TMEM161A	54929	NM_017814.1	43977_at	0	0	1015	0	1470	1520	1786	0	3,260712858	0,04493612
THUMPD2	80745	NM_025264.3	219248_at	0	326	0	0	1694	471	1622	0	3,260836668	0,02187943
UBR7	55148	NM_175748.3	218108_at	0	0	0	291,3333333	2262	0	1743	0	3,262148581	0,06821811
PIGX	54965	NM_017861.2	X	0	0	2611	0	1544	2551	2617	0	3,262695083	0,07973043
TMX1	81542	NM_030755.4	208097_s_at	0	0	0	306	2333	1693	0	0	3,262765718	0,06831577
HDAC3	8841	NM_003883.3	216326_s_at	0	0	2246	437	1787	1655	3010	0	3,26407828	0,07386871
CCL4	6351	NM_002984.2	204103_at	0	0	0	335,6666667	0	1456	2726	0	3,264558472	0,0691449
MKRN1	23608	NM_013446.2	201285_at	0	0	468	0	893	1319	1598	0	3,265638542	0,02500948
ARL2BP	23568	NM_012106.3	202092_s_at	0	0	0	0	1963	0	2036	0	3,266607956	0,06800379

RSF1	51773	NM_016578.3	218166_s_at	0	0	0	0	0	1992	2026	0	3,26983037	0,06798502
ACN9	57001	NM_020186.1	218981_at	0	0	1184	0	1610	1324	2251	0	3,271123108	0,05003285
ICT1	3396	NM_001545.1	204868_at	0	0	1071	0	1633	1385	1933	0	3,273248936	0,04622445
TNFSF8	944	NM_001244.2	207216_at	0	0	0	291,3333333	1402	2941	0	0	3,27726304	0,06951998
ADRBK2	157	NM_005160.3	204183_s_at	0	0	0	269	0	2534	1630	0	3,277617222	0,0685037
SLU7	10569	NM_006425.4	X	0	0	883	0	1762	834	2481	0	3,277638424	0,04320786
LAP3	51056	NM_015907.2	217933_s_at	0	1221	0	255,6666667	1825	1585	1749	0	3,278294318	0,04994287
RELL2	285613	NM_173828.3	X	0	0	2250	0	2015	1427	3238	0	3,278493292	0,07371803
SERINC3	10955	NM_198941.1	221471_at	0	1745	0	0	2028	1783	2001	0	3,27876865	0,0622719
DUSP19	142679	NM_080876.2	X	0	0	0	292,6666667	1798	0	2308	0	3,27908418	0,06811757
NDUFV3	4731	NM_021075.3	X	0	1623	0	0	2469	1574	1739	0	3,280269372	0,06015265
MAML3	55534	NM_018717.3	216534_at	0	0	0	0	0	2691	1547	0	3,280282912	0,06880952
WDR18	57418	NM_024100.3	209461_x_at	0	0	0	0	0	1994	2089	0	3,280295845	0,06793954
TNFRSF13C	115650	NM_052945.2	X	0	0	0	176	1636	2553	0	0	3,281306236	0,06849424
LRRC28	123355	NM_144598.2	X	0	0	0	268	0	1434	2914	0	3,281648296	0,06936301
SDR39U1	56948	NM_020195.2	213398_s_at	0	0	0	0	1885	0	2219	0	3,281685914	0,06800264
RAD51C	5889	NM_058216.1	206066_s_at	1263	0	0	0	2043	1317	1967	0	3,282212148	0,05145824
IFI30	10437	NM_006332.3	X	0	0	0	483	1876	2237	0	0	3,282778219	0,06800977
SHFM1	7979	NM_006304.1	202276_at	0	1107	0	0	2129	1527	1433	0	3,283411387	0,0469826
SEC13	6396	NM_183352.1	207707_s_at	662	0	0	462,3333333	1648	1208	1408	0	3,284063846	0,03201733
RFC1	5981	NM_002913.3	209085_x_at	0	0	987	0	1322	1470	2144	0	3,284300125	0,04359972
CCL4L2	388372	NM_207007.2	X	0	0	0	0	0	1702	2489	0	3,285959397	0,0683176
FAM54A	113115	NM_138419.3	X	0	0	0	0	1891	0	2246	0	3,286741385	0,06798656
STAT5B	6777	NM_012448.3	212550_at	0	0	798	0	1018	2002	1668	0	3,28703023	0,03790832
GTPBP10	85865	NM_001042717.1	X	1291	0	0	0	2911	736	2550	0	3,28722876	0,05765532
RERE	473	NM_001042682.1	221643_s_at	0	0	0	0	2008	0	2128	0	3,28873281	0,0679023
XYLT1	64131	NM_022166.3	X	0	2182	0	0	2254	2035	2035	0	3,289112051	0,06995934
DOCK2	1794	NM_004946.1	213160_at	878	0	0	312,3333333	1773	1312	1621	0	3,289617175	0,03947903
LSP1	4046	NM_002339.2	203523_at	0	0	1672	0	2337	2071	1485	0	3,290812616	0,06060622
BICD1	636	NM_001714.2	204741_at	0	0	1353	0	1320	1925	2327	0	3,296228289	0,05330159
C7orf27	221927	NM_152743.2	X	0	0	0	0	0	1520	2879	0	3,296860055	0,06900887
SNAPC1	6617	NM_003082.2	205443_at	0	0	0	0	2476	1769	0	0	3,296984142	0,06817327
SLC7A7	9056	NM_003982.2	204588_s_at	0	0	0	0	2207	1985	0	0	3,296988343	0,06788507

INO80C	125476	NM_194281.3	X	625	0	0	415,3333333	1542	1320	1354	0	3,297156663	0,02996559
TNK2	10188	NM_005781.4	203839_s_at	0	0	0	0	0	2337	1883	0	3,298492295	0,06797804
METT10D	79066	NM_024086.3	220797_at	0	1861	0	0	2576	1965	1619	0	3,298813349	0,06400286
DULLARD	23399	NM_015343.3	200035_at	0	1969	0	218	4241	2721	762	0	3,305602323	0,07396016
ATP8A1	10396	NM_001105529.1	210192_at	0	0	0	0	0	2326	1935	0	3,305939239	0,06790618
SLC2A5	6518	NM_003039.1	204430_s_at	0	0	0	0	0	2019	2235	0	3,306781557	0,0678359
CD86	942	NM_006889.3	205686_s_at	1358	0	0	0	3162	1112	1742	0	3,307172143	0,05497247
FABP5	2171	NM_001444.1	202345_s_at	0	1785	0	0	1664	1746	2786	0	3,308560065	0,06222455
AP4M1	9179	NM_004722.3	209837_at	0	0	470	0	1312	1114	1480	0	3,309798597	0,02326185
ZNF321	399669	NM_203307.2	X	0	1461	0	0	2100	1941	1636	0	3,31047066	0,05441048
ASTL	431705	NM_001002036.3	X	0	0	1108	0	1729	1488	1986	0	3,313565991	0,0453546
ETNK1	55500	NM_018638.4	219017_at	0	229	0	0	1684	1201	538	0	3,314402186	0,01360662
FBXO42	54455	NM_018994.1	221812_at	0	0	415	0	1177	782	2105	0	3,314509428	0,02265792
C1orf31	388753	NM_001012985.1	X	739	0	0	0	1081	1327	2403	0	3,316847349	0,03519474
JOSD1	9929	NM_014876.4	201751_at	0	0	3240	0	2696	2585	2184	0	3,320016536	0,08356016
HEXA	3073	NM_000520.3	201765_s_at	0	2545	0	0	2545	1858	2545	0	3,322319613	0,07407496
CCNE2	9134	NM_057749.1	211814_s_at	0	1592	0	0	3905	1284	1503	0	3,323373713	0,06047643
SERPINA9	327657	NM_001042518.1	X	0	0	0	0	1365	3484	0	0	3,324656956	0,070169
C10orf4	118924	NM_145246.3	X	0	901	0	0	1359	1359	2351	0	3,327934074	0,03945295
TRIM59	286827	NM_173084.2	X	0	1310	0	0	2135	1294	2303	0	3,33114459	0,05064386
NXT1	29107	NM_013248.2	218708_at	0	2722	0	457,3333333	2539	2408	2167	0	3,331818938	0,07576586
FAM81A	145773	NM_152450.2	X	0	0	1556	0	3034	1560	1608	0	3,333681008	0,05669391
CD83	9308	NM_004233.3	204440_at	625	0	0	280,6666667	3492	1568	561	0	3,336044131	0,03685747
ARHGAP25	9938	NM_014882.2	204882_at	0	0	0	326	3642	1357	0	0	3,337440941	0,07035915
EXOSC9	5393	NM_001034194.1	205061_s_at	0	1756	0	0	2299	1858	2058	0	3,341127228	0,05904208
GRHPR	9380	NM_012203.1	214864_s_at	0	0	0	0	2939	1706	0	0	3,341825286	0,06845983
TIPIN	54962	NM_017858.2	219258_at	0	1235	0	0	1939	1544	2089	0	3,344676681	0,04734151
FGFR1OP	11116	NM_007045.2	214124_x_at	0	0	0	0	1940	2617	0	0	3,345848121	0,06787217
ZUFSP	221302	NM_145062.1	X	0	1035	0	0	1786	1720	1720	0	3,346992295	0,04163174
TMEM184C	55751	NM_018241.1	219074_at	0	689	0	0	1488	1156	2064	0	3,349198428	0,03139532
C12orf43	64897	NM_022895.1	219022_at	661	0	0	347,3333333	1729	1367	1443	0	3,349250348	0,02971723
HERC4	26091	NM_022079.2	208055_s_at	0	0	425	0	1414	1366	1145	0	3,349531162	0,02021668
SGTA	6449	NM_003021.3	201396_s_at	0	0	698	244,6666667	2190	995	1654	0	3,3501955	0,032412

GTPBP1	9567	NM_004286.4	219357_at	0	0	2975	0	2298	2573	2589	0	3,350205418	0,07799588
OMA1	115209	NM_145243.3	X	0	0	555	0	1528	1239	1528	0	3,351774888	0,0256138
TWF2	11344	NM_007284.3	202009_at	0	0	1375	0	2696	2149	1235	0	3,354175297	0,05174928
SEC23A	10484	NM_006364.2	204344_s_at	0	0	1611	0	3022	1687	1646	0	3,354460397	0,05652074
MON2	23041	NM_015026.2	212754_s_at	0	0	0	0	2277	0	2293	0	3,355072101	0,06758398
HES1	3280	NM_005524.2	203395_s_at	888	0	0	46,66666667	2041	1317	1733	0	3,355786359	0,03742628
NOC3L	64318	NM_022451.9	218889_at	0	1527	0	67	2033	1858	2132	0	3,358268843	0,05331153
SLC4A1AP	22950	NM_018158.2	218682_s_at	1457	0	0	67	2429	1640	1935	0	3,359351519	0,05207519
C1orf163	65260	NM_023077.1	219420_s_at	0	1407	0	0	2150	1622	2150	0	3,361683949	0,05069456
ANKLE1	126549	NM_152363.3	X	0	0	409	0	1345	1297	1270	0	3,362409363	0,01911683
FAM73B	84895	NM_032809.2	X	0	0	1605	0	2631	1751	1860	0	3,362452945	0,05522344
CCS	9973	NM_005125.1	203522_at	0	0	473	0	1416	1416	1274	0	3,362487918	0,02189504
FCRL2	79368	NM_138738.2	221239_s_at	0	0	0	398	4458	1203	0	0	3,364893216	0,07220959
JMJD1C	221037	NM_032776.1	221763_at	0	0	732	0	1412	1187	2359	0	3,36507924	0,03278204
C18orf1	753	NM_004338.2	209573_s_at	0	0	0	0	0	2420	2227	0	3,365575079	0,0675554
FIS1	51024	NM_016068.2	218034_at	0	1928	0	0	3925	2036	1299	0	3,365920369	0,06416824
TLR1	7096	NM_003263.3	210176_at	0	0	0	0	1768	3053	0	0	3,366244459	0,06834493
ARL6IP6	151188	NM_152522.3	X	663	0	0	0	2739	488	2685	0	3,36905307	0,03842977
CD63	967	NM_001780.4	200663_at	0	0	1710	0	1861	2250	2226	0	3,36927397	0,05661243
MAPRE2	10982	NM_014268.1	202501_at	0	1577	0	0	1867	1911	2415	0	3,370030227	0,05394738
FTSJ2	29960	NM_013393.1	222130_s_at	0	0	1542	0	2133	2133	1853	0	3,370197319	0,05305133
RG9MTD2	93587	NM_152292.3	X	0	1814	0	0	2253	2141	2061	0	3,37107893	0,05843833
ITGAL	3683	NM_002209.1	213475_s_at	0	0	0	0	3470	1581	0	0	3,3717929	0,06918371
IFI16	3428	NM_005531.2	206332_s_at	0	2015	0	0	1686	2682	2451	0	3,372442708	0,06266977
RNF144B	255488	NM_182757.2	X	625	0	0	316,3333333	2480	1069	1304	0	3,372505921	0,02933599
MTTP	4547	NM_000253.2	205675_at	0	1799	0	0	2253	2141	2061	0	3,373823936	0,05800461
ZNF600	162966	NM_198457.2	X	0	0	0	0	2563	2156	0	0	3,37387065	0,06758056
DIS3	22894	NM_014953.2	214194_at	2129	0	0	0	1961	2731	2203	0	3,374854236	0,06414731
PEX5	5830	NM_000319.3	203244_at	0	0	0	0	0	1773	3129	0	3,375334569	0,06836579
SGPP1	81537	NM_030791.2	221268_s_at	827	0	0	0	2690	1597	1076	0	3,377019228	0,03631649
FKBP5	2289	NM_004117.2	204560_at	0	420	0	0	1527	1298	1201	0	3,377593686	0,01937835
CDKN2AIP	55602	NM_017632.2	218929_at	0	0	0	0	0	1479	3798	0	3,379761174	0,06987339
RECQL	5965	NM_002907.2	212918_at	0	0	2590	0	1838	2538	3145	0	3,382208198	0,07137374

NFS1	9054	NM_021100.3	218455_at	865	0	0	0	2626	1293	1457	0	3,384507478	0,03656907
DUSP2	1844	NM_004418.2	204794_at	0	0	1196	0	1892	1605	2252	0	3,384792846	0,04458842
AIM2	9447	NM_004833.1	206513_at	0	1991	0	0	2420	2064	2279	0	3,38513275	0,06095478
SCO2	9997	NM_005138.2	205241_at	0	0	2912	208,3333333	2136	2927	2669	0	3,385920947	0,07506172
ALKBH6	84964	NM_032878.3	X	0	0	1371	0	1848	1527	2798	0	3,387502717	0,04935777
OSGEPL1	64172	NM_022353.2	220631_at	0	0	852	0	2315	1286	1653	0	3,38758441	0,03549642
B3GNT7	93010	NM_145236.1	X	0	0	0	0	3203	1803	0	0	3,388635733	0,06832071
NDUFA2	4695	NM_002488.3	209223_at	0	0	2072	0	2341	2243	2283	0	3,38905548	0,06207455
ASB1	51665	NM_001040445.1	212819_at	0	1249	0	0	2720	1719	1550	0	3,389858999	0,04629935
CXCR5	643	NM_001716.2	206126_at	0	0	0	0	2304	2535	0	0	3,392213191	0,06744326
SFXN1	94081	NM_022754.4	218392_x_at	0	247	0	0	791	1043	1803	0	3,392422241	0,01218369
C17orf81	23587	NM_203415.1	219260_s_at	0	3339	0	0	5476	2899	1227	0	3,392872191	0,08565489
SOLH	6650	NM_005632.2	204275_at	0	2333	0	0	1647	2436	3401	0	3,392944777	0,06750033
EHMT2	10919	NM_025256.5	202326_at	0	0	1440	0	2352	1631	2202	0	3,393510206	0,05002408
TRIP11	9321	NM_004239.1	209778_at	0	2828	0	512,6666667	3366	1753	2811	0	3,393811032	0,07438234
DBF4B	80174	NM_145663.1	206661_at	0	0	1341	0	2284	1740	1982	0	3,393820041	0,04757199
IFITM1	8519	NM_003641.3	201601_x_at	0	0	0	0	0	1447	4080	0	3,396327411	0,07027283
PIBF1	10464	NM_006346.2	213239_at	2129	0	0	713,3333333	1961	2731	2375	0	3,399750062	0,06272017
RUNX1	861	NM_001754.3	220918_at	0	0	2646	0	2193	2646	2730	0	3,40042612	0,07041152
FUS	2521	NM_004960.2	200959_at	1140	0	0	0	3147	1707	1273	0	3,401030528	0,04433434
UVRAG	7405	NM_003369.3	203241_at	0	1244	0	0	1910	2250	1743	0	3,401923309	0,04489808
SLC25A12	8604	NM_003705.2	203339_at	0	0	1950	0	2444	2691	1784	0	3,402125053	0,05971995
THOP1	7064	NM_003249.3	203235_at	0	0	694	0	2127	1135	1751	0	3,404509642	0,0299447
C14orf109	26175	NM_001098621.1	213246_at	936	0	0	0	2305	1991	1239	0	3,404566563	0,03754879
SUPT7L	9913	NM_014860.1	201838_s_at	1414	0	0	0	2500	1711	2006	0	3,404702364	0,04890221
C5orf55	116349	NM_138464.1	X	0	2622	0	0	2730	2696	2171	0	3,406313428	0,06974226
NUP35	129401	NM_138285.3	X	0	0	0	0	2666	0	2292	0	3,407182665	0,06741448
AP1GBP1	11276	NM_007247.3	221937_at	0	259	0	0	1621	1025	989	0	3,409834767	0,01185158
FOXP1	27086	NM_032682.4	215221_at	0	0	0	0	0	2196	2807	0	3,410100304	0,06750098
WDR89	112840	NM_001008726.1	X	659	0	0	0	2748	910	1646	0	3,413236886	0,03031726
FAM126B	285172	NM_173822.2	X	0	0	2120	0	2430	2842	1922	0	3,41530038	0,06181825
NOP2	4839	NM_001033714.1	214427_at	0	0	2240	1437,3333333	2414	2414	2414	0	3,416233044	0,06329363
PRPF40A	55660	NM_017892.3	218053_at	663	0	0	0	2973	488	2852	0	3,416241164	0,03743207

FAM179B	23116	NM_015091.2	213304_at	0	0	2377	0	3937	2311	1640	0	3,416484387	0,06744897
HSP90AA1	3320	NM_005348.3	211969_at	0	1200	0	0	3856	1017	1921	0	3,416767202	0,04749032
CCDC69	26112	NM_015621.2	212886_at	0	0	0	0	2018	3121	0	0	3,417290264	0,06781239
C7orf43	55262	NM_018275.3	220659_s_at	0	0	494	0	2025	1380	1133	0	3,419527646	0,02205228
NIPSNAP3A	25934	NM_015469.1	X	0	0	1556	0	2727	1606	2259	0	3,420323005	0,05155305
KIAA1274	27143	NM_014431.1	X	0	0	0	0	2501	2544	0	0	3,420565684	0,0672972
CDC40	51362	NM_015891.2	203376_at	0	826	0	0	2425	1198	1816	0	3,42084357	0,03387746
PEF1	553115	NM_012392.2	217923_at	0	0	1207	0	2231	1917	1801	0	3,421088056	0,04313142
ACTR6	64431	NM_022496.3	218395_at	0	0	312	0	1933	1178	894	0	3,421689809	0,01472215
C6orf89	221477	NM_152734.3	X	1113	0	0	0	2978	1419	1700	0	3,425040351	0,04198581
OTUD4	54726	NM_001102653.1	203480_s_at	0	3197	0	0	3083	1578	4233	0	3,425113472	0,07849822
WASF2	10163	NM_006990.2	221725_at	1014	0	0	0	1611	1436	2838	0	3,425856585	0,03918295
NDUFB3	4709	NM_002491.1	203371_s_at	0	0	2842	0	2430	3543	2144	0	3,427508965	0,07197334
STAU1	6780	NM_017452.2	207320_x_at	0	413	0	0	1495	1217	1525	0	3,433524391	0,01789472
CRKL	1399	NM_005207.2	212180_at	0	0	863	443,3333333	1120	1800	2844	0	3,434236291	0,03538616
MARK2	2011	NM_001039468.1	203942_s_at	0	720	0	0	1345	1951	1835	0	3,435322099	0,02926594
PMAIP1	5366	NM_021127.2	204286_s_at	0	1773	0	0	3431	1353	2539	0	3,435512398	0,05660511
ANLN	54443	NM_018685.2	X	0	0	1230	0	1545	2559	2080	0	3,43665837	0,0435424
EXOC3	11336	NM_007277.4	212630_at	0	2622	0	0	2730	2696	2385	0	3,43744521	0,06776231
RPS20	6224	NM_001023.2	200949_x_at	0	0	906	0	2548	1596	1497	0	3,437724076	0,03526199
NUDT1	4521	NM_198953.1	204766_s_at	0	0	2294	0	3015	2022	2532	0	3,439184193	0,06325954
PSMA6	5687	NM_002791.1	208805_at	0	0	455	0	2995	1223	859	0	3,44506503	0,02257844
CIITA	4261	NM_000246.3	205101_at	0	2782	0	0	2026	3115	3045	0	3,447916849	0,06984266
FAM168A	23201	NM_015159.1	X	0	0	508	0	1145	1394	2225	0	3,448453358	0,02213112
MYST2	11143	NM_007067.3	200049_at	841	0	0	0	1751	2327	1445	0	3,451017954	0,03266136
KLHL28	54813	NM_017658.3	220374_at	0	0	2214	0	4398	2148	1640	0	3,452569662	0,06354956
SSX2IP	117178	NM_014021.2	210871_x_at	0	0	0	0	0	1846	3797	0	3,452892706	0,06850644
ETFB	2109	NM_001985.2	202942_at	0	1692	0	0	2100	2055	2772	0	3,45541396	0,05208317
MYO1E	4643	NM_004998.2	203072_at	0	0	0	0	3679	1960	0	0	3,462229479	0,06814264
SNAP47	116841	NM_053052.2	X	0	0	1737	0	2654	2833	1679	0	3,464688541	0,05300797
ATG4C	84938	NM_178221.1	X	0	670	0	0	1254	1784	2194	0	3,465248888	0,02709882
DEK	7913	NM_003472.3	200934_at	733	0	0	1291,3333333	1912	1554	1811	0	3,466097701	0,02849342
ROMO1	140823	NM_080748.2	X	1176	0	0	241	2626	1735	1899	0	3,468195193	0,04079781

CCDC87	55231	NM_018219.2	219887_at	0	0	572	1998	1664	1664	1538	0	3,469575305	0,02299974
PPIG	9360	NM_004792.2	208995_s_at	0	0	1263	0	2090	1898	2353	0	3,469715891	0,04241422
KLHL14	57565	NM_020805.1	X	0	0	0	0	0	2698	2737	0	3,469931037	0,06709104
PSMB5	5693	NM_002797.2	208799_at	0	0	1134	0	2057	1959	2093	0	3,471611351	0,03921147
GGA1	26088	NM_013365.3	218114_at	0	768	0	0	1701	1187	2838	0	3,472128883	0,03099442
RANBP6	26953	NM_012416.2	213019_at	0	0	811	0	1811	1811	1847	0	3,472159135	0,03056828
GORASP2	26003	NM_015530.3	207812_s_at	0	450	0	0	2619	1417	914	0	3,473019054	0,02061281
HLA-DOB	3112	NM_002120.3	205671_s_at	0	0	0	0	3048	2461	0	0	3,475149779	0,06718617
CASC5	57082	NM_144508.3	X	0	0	422	0	1866	940	1833	0	3,475698608	0,01844358
SPC25	57405	NM_020675.3	209891_at	625	0	0	0	2027	1328	1767	0	3,477423075	0,02498176
PANK2	80025	NM_153638.2	218809_at	0	2660	0	0	2590	2664	2921	0	3,478461717	0,06587985
GOLT1B	51026	NM_016072.3	218193_s_at	0	0	2068	1428,333333	1967	2538	3145	0	3,479182865	0,05771215
CCL4L1	9560	NM_001001435.2	X	0	0	0	0	0	2255	3369	0	3,479416143	0,06746276
RNMTL1	55178	NM_018146.2	218993_at	0	1166	0	0	2307	2024	1907	0	3,480434435	0,03971528
AKAP11	11215	NM_016248.2	203156_at	0	0	1552	0	2144	3070	1808	0	3,482309166	0,04857354
SLC26A8	116369	NM_052961.2	X	0	906	0	640,6666667	2445	1281	2227	0	3,482839224	0,03402631
FGF8	2253	NM_033165.1	208449_s_at	0	208	0	208,3333333	910	750	2445	0	3,484771342	0,01041183
SP110	3431	NM_080424.1	209761_s_at	0	0	0	54	1883	0	4113	0	3,486001295	0,06857577
ZNF160	90338	NM_198893.2	214715_x_at	0	0	845	0	1962	1615	2083	0	3,487126038	0,03123215
GLIPR1	11010	NM_006851.2	204222_s_at	0	0	0	0	2799	2784	0	0	3,487759775	0,06701836
PFTK1	5218	NM_012395.2	204604_at	0	0	1060	0	3673	1449	1558	0	3,488776946	0,03923931
TPP2	7174	NM_003291.1	203374_s_at	0	0	1723	0	3017	1561	2870	0	3,490104163	0,05205301
PSMD14	10213	NM_005805.3	212296_at	0	0	1170	0	937	2609	3764	0	3,491545477	0,0442104
KIAA0892	23383	NM_015329.3	212505_s_at	0	0	1271	0	3369	1070	2777	0	3,491756715	0,04518676
PGGT1B	5229	NM_005023.2	206288_at	1106	0	0	0	2500	1302	2685	0	3,492023337	0,03923142
PRKCE	5581	NM_005400.2	206248_at	625	0	0	0	1278	1651	2362	0	3,492975697	0,02497517
SEN3	26168	NM_015670.4	203871_at	0	740	0	280,6666667	3089	2572	740	0	3,49420022	0,03307918
ANKHD1-EIF4E	404734	NM_020690.4	214919_s_at	0	0	1832	0	2697	2169	2498	0	3,495389714	0,05253223
ANKHD1	54882	NM_017747.1	219081_at	0	0	1832	757	2697	2169	2498	0	3,495389714	0,05253223
KLHDC3	116138	NM_057161.2	214383_x_at	0	1214	0	0	2891	2781	1214	0	3,498125848	0,04231598
WHAMM	123720	NM_001080435.1	X	0	0	705	303,3333333	1200	3333	1449	0	3,504064623	0,028961
NIF3L1	60491	NM_021824.2	218133_s_at	0	684	0	0	1855	1876	1632	0	3,506504788	0,02576366
NOP16	51491	NM_016391.3	214011_s_at	0	0	2801	0	2708	3131	2741	0	3,508579696	0,06601322

HIGD2A	192286	NM_138820.2	209328_x_at	0	0	2801	0	2708	3131	2741	0	3,508579696	0,06601322
TAF2	6873	NM_003184.3	209523_at	0	0	802	0	2186	1420	2154	0	3,508623074	0,02969968
ATP6VOE1	8992	NM_003945.3	201172_x_at	0	0	744	0	2301	1278	2130	0	3,51170329	0,0282644
MCM7	4176	NM_182776.1	210983_s_at	0	0	235	217	1011	1325	1546	0	3,516456173	0,00920669
UBL3	5412	NM_007106.2	201534_s_at	0	0	995	0	2223	1506	2571	0	3,521507576	0,03463808
MAPK14	1432	NM_139014.1	210449_x_at	0	906	0	0	2751	1281	2227	0	3,521919518	0,03300997
CMAS	55907	NM_018686.3	218111_s_at	661	0	0	0	1981	1785	1633	0	3,523155544	0,02463015
DNAJC10	54431	NM_018981.1	221782_at	799	0	0	0	1757	2439	1629	0	3,524055188	0,02902782
NUDT15	55270	NM_018283.1	219347_at	0	0	924	208,3333333	2333	1881	1838	0	3,524155403	0,03219242
SF4	57794	NM_172231.2	209547_s_at	0	0	1194	0	3369	1147	2700	0	3,525869879	0,04152526
LRRC34	151827	NM_153353.3	X	0	0	0	0	0	2806	3117	0	3,526057789	0,06689428
ADAT2	134637	NM_182503.2	X	0	0	651	0	2018	2018	1410	0	3,526357549	0,02450641
EEPD1	80820	NM_030636.2	X	0	0	0	0	2964	2964	0	0	3,527528501	0,06686113
MME	4311	NM_000902.3	203434_s_at	0	0	0	292,6666667	0	2039	4312	0	3,528024576	0,06825089
UBAC2	337867	NM_177967.2	X	0	0	1027	0	2892	2425	1291	0	3,528118968	0,03613861
TMEM18	129787	NM_152834.2	X	0	0	0	0	0	2727	3254	0	3,530860622	0,06692552
HMGN1	3150	NM_004965.6	200944_s_at	0	1131	0	0	2329	2580	1709	0	3,537741699	0,03707994
OSBPL10	114884	NM_017784.3	219073_s_at	0	0	0	0	2792	3250	0	0	3,538262072	0,06687653
ANKRD36B	57730	NM_025190.2	214723_x_at	0	0	1731	0	2285	2505	2754	0	3,539245656	0,04870076
HSPH1	10808	NM_006644.2	208744_x_at	0	868	0	0	2146	1326	2812	0	3,542347665	0,03123146
C9orf97	158427	NM_139246.4	213161_at	0	0	2493	0	2687	3256	2662	0	3,547903095	0,05994368
GGA2	23062	NM_015044.3	213772_s_at	0	409	0	0	1633	1476	1633	0	3,552001293	0,01541577
GABARAP	11337	NM_007278.1	200645_at	0	4324	0	0	6278	3170	2054	0	3,552240614	0,08220373
ZNF573	126231	NM_152360.2	217627_at	0	945	0	0	2416	2000	1862	0	3,552942933	0,03181384
PEX3	8504	NM_003630.1	203972_s_at	0	0	651	0	2018	2018	1534	0	3,554170132	0,02365511
NCBP1	4686	NM_002486.4	209520_s_at	0	0	2671	0	2829	3256	2771	0	3,555423731	0,06181024
SHPRH	257218	NM_173082.2	X	0	0	366	0	1974	1281	1414	0	3,556085185	0,01406001
RABEP2	79874	NM_024816.2	74694_s_at	0	1160	0	0	1724	2683	2433	0	3,559744789	0,03701695
DDX41	51428	NM_016222.2	217840_at	0	0	495	0	2941	745	2206	0	3,56003747	0,02221106
FAM113B	91523	NM_138371.1	X	0	0	0	0	3114	3114	0	0	3,560279028	0,06673566
MTRF1	9617	NM_004294.2	219822_at	0	0	816	0	2011	2046	1936	0	3,560710803	0,02804463
ZC3H15	55854	NM_018471.2	201595_s_at	730	0	0	0	2942	942	2569	0	3,561114385	0,02879931
FAM111B	374393	NM_198947.2	X	0	986	0	0	2314	1127	3712	0	3,564078126	0,03546021

TNKS2	80351	NM_025235.2	218228_s_at	0	939	0	0	2102	2224	1993	0	3,566556765	0,03110278
MMD	23531	NM_012329.2	203414_at	625	0	0	245,6666667	1628	1741	2210	0	3,568338836	0,02251536
OCIAD1	54940	NM_001079841.1	X	0	420	0	0	1790	1429	1688	0	3,574062813	0,01550153
MPDU1	9526	NM_004870.2	209208_at	0	0	433	0	2313	1376	1420	0	3,579523165	0,01635692
PLEKHA2	59339	NM_021623.1	217677_at	922	0	0	1114,3333333	1723	2480	2238	0	3,58125619	0,03049451
POLR1E	64425	NM_022490.1	218997_at	0	0	1098	0	3143	1669	2170	0	3,581692581	0,03525957
RNF31	55072	NM_017999.4	220788_s_at	0	0	1864	0	3659	1533	3453	0	3,583497752	0,05108057
NDUFA4L2	56901	NM_020142.3	218484_at	0	0	2068	219,6666667	1738	5454	2272	0	3,5844221	0,05537629
FSD2	123722	NM_001007122.2	X	0	0	705	219,6666667	1420	3373	1565	0	3,588914565	0,02596699
FAM78A	286336	NM_033387.3	X	0	0	3112	508,3333333	3178	3112	3330	0	3,589279254	0,06511243
UTP18	51096	NM_016001.2	203721_s_at	657	0	0	0	1123	1684	3735	0	3,592658371	0,02562593
NEURL4	84461	NM_001005408.1	X	912	0	0	553,6666667	2382	3767	1094	0	3,594380501	0,0328322
ACADM	34	NM_000016.2	202502_at	0	0	0	0	1379	192	552	0	3,596286695	0,00149473
C5orf34	375444	NM_198566.1	213614_x_at	0	2184	0	0	3470	2123	3258	0	3,601817766	0,05354971
ACAP1	9744	NM_014716.2	205212_s_at	661	0	0	0	1996	3869	952	0	3,604304412	0,02637234
GRAP	10750	NM_006613.3	206620_at	0	0	0	0	3961	2812	0	0	3,606300841	0,066844
TAF1A	9015	NM_139352.1	206613_s_at	632	0	0	0	2243	1504	2129	0	3,610008024	0,02191159
MS4A1	931	NM_021950.3	217418_x_at	0	0	0	0	3360	3360	0	0	3,610733601	0,06654902
KCNN3	3782	NM_170782.1	205902_at	0	0	0	0	0	3350	3387	0	3,612400538	0,06654327
CTDSP1	58190	NM_182642.1	217844_at	0	0	0	438,3333333	0	3502	3327	0	3,62119598	0,06651749
PCMT1	5110	NM_005389.1	205202_at	0	892	0	242,6666667	2416	3390	1273	0	3,621220416	0,03029073
C4orf30	54876	NM_017741.3	219717_at	2511	0	0	2087,6666667	3524	2670	3116	2165	3,621883501	0,05649373
C1orf112	55732	NM_018186.2	220840_s_at	0	2867	0	0	3620	2644	3529	0	3,624913638	0,06073811
CD19	930	NM_001770.4	206398_s_at	0	922	0	0	1847	2806	2108	0	3,625351649	0,02926231
P2RY8	286530	NM_178129.3	X	0	883	0	1433,6666667	1999	2632	1992	0	3,625728718	0,02813236
SNX11	29916	NM_152244.1	220140_s_at	0	0	225	0	966	2426	1186	0	3,627635342	0,00862302
POLR1B	84172	NM_019014.3	X	0	0	2198	0	3154	3117	2696	0	3,632488841	0,05173043
CPSF2	53981	NM_017437.1	X	0	1518	0	0	2740	2444	2740	0	3,632924401	0,04100658
LRRC8A	56262	NM_019594.2	X	0	0	2645	0	3197	3184	3184	0	3,637884784	0,05718788
CCBL1	883	NM_004059.4	206037_at	0	0	2535	0	3067	3184	3184	0	3,638190685	0,05582726
RNGTT	8732	NM_003800.3	204208_at	0	847	0	504	2273	1808	2557	0	3,640251847	0,02687687
WTAP	9589	NM_152857.1	203137_at	0	886	0	307,3333333	2936	1146	3258	0	3,640264324	0,03025035
TTC9	23508	NM_015351.1	213174_at	0	0	0	0	4482	2826	0	0	3,648992255	0,06690656

WASF1	8936	NM_003931.2	204165_at	0	394	0	0	2408	1181	1799	0	3,650991243	0,0140717
LEKR1	389170	NM_001004316.1	X	0	927	0	0	1395	3575	2381	0	3,651567582	0,03004494
LCK	3932	NM_005356.3	204891_s_at	0	0	0	0	3573	3600	0	0	3,654032319	0,06639513
CLIP1	6249	NM_198240.1	201975_at	0	205	0	525,6666667	1294	1446	1482	0	3,655128538	0,00647744
CBX1	10951	NM_006807.3	201518_at	0	0	225	260,3333333	966	1825	1767	0	3,664948531	0,00772982
ZBTB5	9925	NM_014872.1	203026_at	1188	0	0	0	3110	2315	2223	0	3,668492293	0,03372384
NUP43	348995	NM_198887.1	219007_at	0	1103	0	0	2599	3390	1691	0	3,669382262	0,03266458
FGD6	55785	NM_018351.3	219901_at	0	0	1982	0	2206	3273	3709	0	3,670266494	0,04758369
FAM158A	51016	NM_016049.3	219203_at	0	0	1864	0	3914	1751	3677	0	3,670646932	0,0469231
QKI	9444	NM_006775.1	214543_x_at	0	0	0	0	667	148	1836	0	3,672703523	0,00284298
AGPAT6	137964	NM_178819.2	X	625	0	0	0	2865	2508	1195	0	3,673185527	0,02155832
VEZT	55591	NM_017599.3	X	0	0	1864	0	2088	3391	3709	0	3,684124091	0,04544967
TTC37	9652	NM_014639.2	203048_s_at	1226	0	0	0	2182	2570	3093	0	3,684763461	0,0339291
NDUFB1	4707	NM_004545.3	206790_s_at	0	1294	0	0	2740	2444	2740	0	3,685578772	0,03500103
NCOA4	8031	NM_005437.2	210774_s_at	0	0	0	279	648	477	648	0	3,689292698	0,00017084
SAMHD1	25939	NM_015474.2	204502_at	0	0	224	0	3115	1203	900	0	3,693371281	0,00888235
CD68	968	NM_001251.2	X	0	0	424	0	2348	2174	1231	0	3,695327086	0,01435447
ANKRD10	55608	NM_017664.2	218093_s_at	0	0	712	0	2498	2356	1778	0	3,695639406	0,02206818
GRB2	2885	NM_203506.2	215075_s_at	0	0	684	0	3309	1767	1723	0	3,696384975	0,02206067
C21orf57	54059	NM_058181.1	X	0	0	681	0	2904	1184	2935	0	3,698783304	0,02289446
SNRNP200	23020	NM_014014.2	214982_at	0	0	1270	0	2710	2710	2575	0	3,701748723	0,03398704
C1orf156	92342	NM_033418.1	213528_at	0	2206	0	0	3620	2644	3529	0	3,711755956	0,0485396
EMB	133418	NM_198449.1	X	1025	0	0	0	2597	3527	1727	0	3,713343691	0,02971098
SLC20A1	6574	NM_005415.3	201920_at	0	0	1006	0	2895	1926	2824	0	3,71781196	0,02858652
ALG14	199857	NM_144988.2	X	0	0	492	0	1885	1885	2213	0	3,721155509	0,01531454
ZCCHC11	23318	NM_001009881.1	212704_at	0	0	661	232,6666667	2151	1758	2792	0	3,722881277	0,02028601
NFX1	4799	NM_002504.3	202585_s_at	0	0	293	0	1604	1744	1744	0	3,729455086	0,00891261
NCAPG	64151	NM_022346.3	218663_at	1880	0	0	0	3582	2728	3120	0	3,730657623	0,04317539
PPFIBP2	8495	NM_003621.1	212841_s_at	0	1792	0	0	2159	3036	4435	0	3,730894812	0,04280435
ATG9B	285973	NM_173681.4	X	0	0	0	0	586	376	1037	0	3,733866762	0,00031977
ZNF552	79818	NM_024762.3	219741_x_at	0	0	1088	0	3282	2275	2481	0	3,745876883	0,02937981
FAM53B	9679	NM_014661.3	203206_at	0	771	0	0	2242	3737	1573	0	3,746336511	0,02350271
CCDC49	54883	NM_017748.3	218655_s_at	0	368	0	0	2358	1149	2358	0	3,74643425	0,01208687

KIAA0586	9786	NM_014749.3	37232_at	936	0	0	0	3065	2116	2489	0	3,749687259	0,02608662
SORL1	6653	NM_003105.3	203509_at	0	0	0	0	4448	3892	0	0	3,752667052	0,06610307
LATS1	9113	NM_004690.2	219813_at	0	0	567	0	3275	2416	1274	0	3,757917324	0,01824228
ARSK	153642	NM_198150.2	X	977	0	0	0	2182	2570	3093	0	3,759413354	0,02668157
C12orf4	57102	NM_020374.2	218374_s_at	1085	0	0	0	3353	2396	2396	0	3,759500757	0,02894356
ZC3H13	23091	NM_015070.3	209851_at	907	0	0	1255	2401	2150	3156	0	3,763066949	0,02515013
RAD51AP1	10635	NM_006479.3	204146_at	1066	0	0	0	3353	2396	2396	0	3,765308637	0,0284036
POLD4	57804	NM_021173.2	202996_at	0	855	0	0	2308	3781	1781	0	3,767013843	0,02467078
REL	5966	NM_002908.2	206036_s_at	0	3773	0	0	4187	4031	4067	0	3,769149462	0,06202523
MTIF3	219402	NM_152912.3	X	696	0	0	0	2489	2816	1876	0	3,778706085	0,01994964
USP24	23358	NM_015306.1	212388_at	0	746	0	0	888	3653	4330	0	3,779723888	0,02612816
SENP8	123228	NM_145204.2	X	0	1188	0	38	3589	2353	2663	0	3,781250674	0,03037819
MYO9A	4649	NM_006901.2	219027_s_at	0	1256	0	0	3657	2421	2731	0	3,786948431	0,03143682
TIMM9	26520	NM_012460.2	218316_at	858	0	0	0	3065	2194	2489	0	3,790196285	0,02335063
ATF7	11016	NM_006856.1	214184_at	0	802	0	0	3190	2809	1747	0	3,790280759	0,02259653
CD164	8763	NM_006016.3	208653_s_at	0	1553	0	0	3451	2558	3451	0	3,793561383	0,0360859
ZNF324	25799	NM_014347.1	205182_s_at	0	0	0	0	486	1109	513	0	3,795400271	0,00026085
ABCB8	11194	NM_007188.3	206317_s_at	0	0	0	208,3333333	586	376	1323	0	3,814027711	0,00041451
ATAD2B	54454	NM_017552.1	213387_at	0	0	1203	0	3054	2605	3161	0	3,814116208	0,02944589
KLHL6	89857	NM_130446.2	X	0	0	1863	0	3050	4153	3086	0	3,816137096	0,03985794
EIF2C3	192669	NM_024852.2	219426_at	0	0	238	0	1446	1269	2867	0	3,820453927	0,00714324
MCM3AP	8888	NM_003906.3	215581_s_at	0	0	439	0	2904	1089	3005	0	3,821502036	0,01412252
HSP90AB1	3326	NM_007355.2	214359_s_at	0	857	0	224	3573	1690	3087	0	3,82652771	0,02338154
C9orf102	375748	NM_001010895.2	X	0	0	259	0	1955	1808	1646	0	3,826658066	0,00696598
CDC2L1	984	NM_033486.1	208919_s_at	0	218	0	0	1765	1393	2055	0	3,83415307	0,00576724
SERINC5	256987	NM_178276.4	212812_at	0	1339	0	294	3709	2315	3580	0	3,8455192	0,03132295
PLEKHF2	79666	NM_024613.2	218640_s_at	0	0	366	0	4639	1334	1404	0	3,8504697	0,01244537
MEA1	4201	NM_014623.2	218061_at	0	1255	0	0	3710	3600	2201	0	3,852085244	0,02984737
STAMBP	10617	NM_201647.1	202811_at	0	0	0	0	869	1666	229	0	3,861539606	0,00114703
NEK6	10783	NM_014397.3	X	0	1231	0	0	4147	3841	1869	0	3,862831672	0,02991182
SLC25A42	284439	NM_178526.2	X	0	0	129	208,3333333	733	2140	2178	0	3,866687009	0,00391843
BRWD1	54014	NM_018963.3	214820_at	0	115	0	0	1300	1667	1430	0	3,867186844	0,00242287
TNFSF9	8744	NM_003811.2	206907_at	0	0	0	0	1003	556	638	0	3,876803644	0,00016388

BACH2	60468	NM_021813.1	221234_s_at	1903	0	0	208,3333333	2761	4320	4056	0	3,879916167	0,03839064
RALGPS2	55103	NM_018037.1	X	0	1234	0	0	3878	2005	4089	0	3,883768871	0,02913115
C6orf153	88745	NM_033112.2	X	0	1061	0	299,3333333	3570	3288	2340	0	3,884763347	0,02531545
ZNF292	23036	NM_015021.1	212368_at	0	919	0	0	2928	2788	2997	0	3,893471016	0,02211653
GCNT2	2651	NM_145649.3	211020_at	625	0	0	0	2751	2821	2175	0	3,896465215	0,01596657
TRAPPC9	83696	NM_031466.4	56829_at	0	0	0	0	1244	305	1031	0	3,911657357	0,00052192
PIK3AP1	118788	NM_152309.2	X	625	0	0	0	2886	2231	2886	0	3,928319708	0,0154645
SDF4	51150	NM_016176.2	217855_x_at	0	0	0	0	724	724	799	0	3,929468535	0,00011099
B3GALT6	126792	NM_080605.3	X	0	0	0	280,3333333	724	724	799	0	3,929468535	0,00011099
CD2AP	23607	NM_012120.2	203593_at	0	700	0	0	2948	2653	2676	0	3,93077572	0,01695487
KLF12	11278	NM_007249.4	208467_at	0	0	842	0	3450	2832	2607	0	3,935547781	0,01987299
RABGGTB	5876	NM_004582.2	209180_at	324	0	0	0	2937	2507	1473	0	3,962044469	0,00821493
SLC6A16	28968	NM_014037.2	219820_at	0	0	0	208,3333333	551	1574	551	0	3,974632573	0,00030824
CUX1	1523	NM_181552.2	214743_at	0	0	1421	495	4421	2833	3856	0	3,97581054	0,02886094
GAPVD1	26130	NM_015635.2	212804_s_at	0	0	0	347,6666667	848	487	1205	0	3,987156782	0,00019946
CYB5B	80777	NM_030579.2	201634_s_at	0	0	0	0	711	1273	557	0	3,991128103	0,0001834
SAT1	6303	NM_002970.1	203455_s_at	0	0	0	284	1397	336	1070	0	3,992911101	0,00046479
AP2B1	163	NM_001282.2	200612_s_at	844	0	0	61	3409	3752	2386	0	3,994790072	0,01900451
DGUOK	1716	NM_080918.1	209549_s_at	0	0	0	0	1333	320	1203	0	4,000440889	0,00051529
SEC62	7095	NM_003262.3	208942_s_at	661	0	0	0	3440	2772	2619	0	4,008088056	0,01499954
PDCD2	5134	NM_002598.2	213581_at	0	0	0	0	1572	277	1228	0	4,015829004	0,00077167
NUS1	116150	NM_138459.3	215207_x_at	0	0	0	0	1389	426	926	0	4,019639332	0,00028417
SLC2A6	11182	NM_017585.2	220091_at	0	0	0	0	1075	1012	512	0	4,023793377	0,00016977
POLD1	5424	NM_002691.2	203422_at	0	0	321	0	2757	2571	1829	0	4,023890921	0,00727857
GDI2	2665	NM_001494.2	200009_at	0	0	1539	0	4522	3415	4031	0	4,033710968	0,02876431
C2orf29	55571	NM_017546.3	X	0	0	0	0	821	975	784	0	4,061847966	9,67E-05
KIAA2013	90231	NM_138346.1	X	0	0	0	0	1151	701	794	0	4,068887616	0,0001157
ZNF701	55762	NM_018260.1	220242_x_at	0	0	0	0	1730	811	460	0	4,073422936	0,00032225
HINT3	135114	NM_138571.3	X	0	0	0	0	571	981	1160	0	4,073979957	0,0001444
MELK	9833	NM_014791.2	204825_at	0	0	0	0	2273	214	1305	0	4,076797256	0,00164061
EIF4A1	1973	NM_001416.2	201530_x_at	0	0	424	481	3392	3270	1817	0	4,081091026	0,0095099
PEX12	5193	NM_000286.1	205094_at	844	0	0	0	3564	3980	2844	0	4,087331812	0,01722587
POLD3	10714	NM_006591.1	212836_at	0	0	0	305,3333333	2194	194	1573	0	4,096236498	0,00196113

EIF2C2	27161	NM_012154.2	X	0	0	0	0	476	1122	1304	0	4,09769039	0,00021891
BIRC5	332	NM_001012271.1	202095_s_at	0	0	0	0	578	948	1283	0	4,099892368	0,00015082
HLA-DPB1	3115	NM_002121.4	X	0	3000	0	0	6345	4665	5054	0	4,104093457	0,04169513
LCP1	3936	NM_002298.2	208885_at	0	0	991	0	4060	4048	3041	0	4,105775773	0,01932247
SLC23A2	9962	NM_005116.5	209236_at	0	0	0	0	1853	1221	325	0	4,11901809	0,00062718
HLA-DPA1	3113	NM_033554.2	211990_at	0	2640	0	0	6575	4646	4954	0	4,150322493	0,03721392
C19orf15	57828	NM_021185.3	221316_at	0	0	0	451	1020	767	1090	0	4,162487152	9,18E-05
MRPL16	54948	NM_017840.2	217980_s_at	0	0	0	0	878	1108	878	0	4,162927171	8,64E-05
ANAPC4	29945	NM_013367.2	X	0	0	0	341,6666667	1772	372	1297	0	4,167291858	0,00046289
DHX40	79665	NM_024612.3	218277_s_at	0	0	0	0	1646	502	1048	0	4,16930592	0,00023564
MAPK1IP1L	93487	NM_144578.3	212643_at	0	0	0	0	1756	485	1021	0	4,170959852	0,00026984
ARHGDI1B	397	NM_001175.4	201288_at	625	0	0	0	3255	3110	3915	0	4,179520317	0,01198668
RAB3GAP1	22930	NM_012233.1	213530_at	0	0	0	1268,3333333	753	719	1710	0	4,190376829	0,00016824
HOXC4	3221	NM_153633.2	206194_at	0	0	0	0	601	1966	796	0	4,196240487	0,0002432
GMFB	2764	NM_004124.2	202544_at	0	0	0	0	1595	541	1130	0	4,207922355	0,00019622
SAP30BP	29115	NM_013260.6	217965_s_at	0	0	0	0	1648	356	1648	0	4,208269473	0,0005251
RUFY1	80230	NM_025158.3	218243_at	0	0	0	0	716	909	1513	0	4,210229966	0,00012533
CYP2W1	54905	NM_017781.2	220562_at	0	0	0	208,3333333	956	1089	956	0	4,213065853	7,74E-05
SOBP	55084	NM_018013.3	218974_at	0	0	0	0	862	1462	789	0	4,213241314	0,00011185
CTPS	1503	NM_001905.2	202613_at	0	0	0	979	1088	854	1088	0	4,218256853	8,10E-05
MAST3	23031	NM_015016.1	213045_at	0	0	0	0	953	928	1198	0	4,233666559	7,95E-05
ZFAT	57623	NM_020863.2	X	0	0	0	0	943	1090	1049	0	4,23936282	7,49E-05
ZMYND15	84225	NM_032265.1	X	0	0	0	0	1364	766	1036	0	4,241011932	9,85E-05
CENPV	201161	NM_181716.2	X	0	0	0	0	1318	1152	728	0	4,247974798	0,00010206
RSBN1	54665	NM_018364.3	213694_at	0	0	0	0	1385	766	1058	0	4,252955268	9,85E-05
REXO1	57455	NM_020695.3	X	0	0	0	515	992	992	1143	0	4,253253613	7,39E-05
FBXO30	84085	NM_032145.4	X	0	0	0	0	983	532	2219	0	4,265866818	0,00029868
CYFIP2	26999	NM_014376.2	215785_s_at	0	0	1130	0	5034	5622	3318	0	4,272140177	0,01865442
SLC2A1	6513	NM_006516.1	201250_s_at	0	0	0	0	768	987	1578	0	4,274036561	0,00011143
ELF4	2000	NM_001421.2	31845_at	0	0	0	0	1081	1018	1116	0	4,28211727	7,01E-05
THAP4	51078	NM_015963.4	220417_s_at	0	0	0	0	1245	849	1178	0	4,286838529	8,09E-05
ATG4B	23192	NM_178326.2	204902_s_at	0	0	0	0	1245	849	1178	0	4,286838529	8,09E-05
IL16	3603	NM_004513.4	209827_s_at	0	0	0	0	1258	901	1106	0	4,288991261	7,66E-05

CD38	952	NM_001775.2	205692_s_at	0	0	0	0	1072	1214	1000	0	4,301208762	7,04E-05
SYK	6850	NM_003177.3	207540_s_at	0	0	0	1939	1215	643	1751	0	4,318765386	0,00015129
DOK3	79930	NM_024872.1	220320_at	0	0	495	3299,333333	2541	3708	5092	0	4,318780063	0,00871051
TALDO1	6888	NM_006755.1	201463_s_at	0	0	0	0	744	988	1866	0	4,31938693	0,00013739
BAI2	576	NM_001703.2	204966_at	0	0	0	208,333333	448	2157	1414	0	4,320570103	0,0003736
IRF8	3394	NM_002163.2	204057_at	0	0	111	0	2214	1861	2905	0	4,32438735	0,00139932
LRRK1	79705	NM_024652.3	219441_s_at	0	548	0	0	3161	3609	4893	0	4,335984422	0,00918654
IARS2	55699	NM_018060.3	217900_at	0	0	0	208,333333	1158	1053	1190	0	4,33698237	6,60E-05
RNF138	51444	NM_198128.1	218738_s_at	0	0	0	208,333333	831	1538	1143	0	4,339587413	9,07E-05
FBXO31	79791	NM_024735.2	X	0	0	0	0	1185	1141	1099	0	4,344786567	6,47E-05
GNGT2	2793	NM_031498.1	X	0	0	0	0	982	1357	1128	0	4,34867888	7,07E-05
ABI3	51225	NM_016428.2	X	0	0	0	0	982	1357	1128	0	4,34867888	7,07E-05
REV1	51455	NM_016316.2	218428_s_at	0	0	0	208,333333	718	1268	1663	0	4,351769783	0,00011806
WAS	7454	NM_000377.1	205400_at	0	0	0	0	1857	310	2612	0	4,356011675	0,00094589
PRAGMIN	157285	NM_001080826.1	X	0	0	0	0	1068	1958	739	0	4,358680839	0,00013876
NAP1L1	4673	NM_004537.3	213864_s_at	0	0	0	1483,666667	1204	2224	579	0	4,360766487	0,00023432
ITPRIP	85450	NM_033397.2	X	0	0	0	0	1046	1187	1288	0	4,368994409	6,51E-05
KLF16	83855	NM_031918.2	X	0	0	0	0	1254	1358	944	0	4,370826115	7,14E-05
HSD17B12	51144	NM_016142.2	217869_at	0	0	0	0	1415	894	1271	0	4,37097204	7,69E-05
SERTAD1	29950	NM_013376.3	X	0	0	0	0	1189	1122	1225	0	4,376089725	6,24E-05
SEMA4A	64218	NM_022367.2	219259_at	0	0	0	0	3137	1029	511	0	4,382585943	0,00047892
COX19	90639	NM_001031617.2	X	0	0	0	0	1108	1374	1108	0	4,386568883	6,48E-05
IL10RB	3588	NM_000628.3	209575_at	0	0	0	288,666667	924	1149	1590	0	4,387053847	8,00E-05
YKT6	10652	NM_006555.3	217784_at	0	0	0	0	1606	994	1068	0	4,390284395	7,76E-05
PSMC1	5700	NM_002802.2	204219_s_at	0	0	0	0	1681	1242	834	0	4,397473203	9,29E-05
C6orf225	619208	NM_001033564.1	X	0	0	0	0	2123	268	3012	0	4,401416565	0,00139579
BCL6	604	NM_138931.1	203140_at	0	898	0	0	6502	5090	3436	0	4,411242732	0,0136983
TUBE1	51175	NM_016262.3	X	0	0	0	0	2123	296	2854	0	4,414995739	0,00112639
ZNF480	147657	NM_144684.1	222283_at	0	0	0	0	822	1407	1623	0	4,422241447	9,16E-05
CTNNB1	1499	NM_001904.3	201533_at	0	0	0	0	1460	846	1529	0	4,424162967	8,56E-05
ENO2	2026	NM_001975.2	201313_at	0	0	0	0	1414	1223	1115	0	4,430601647	6,12E-05
CCNF	899	NM_001761.2	204826_at	0	0	0	0	1334	1121	1334	0	4,441785236	5,94E-05
RECQL5	9400	NM_001003716.2	34063_at	0	0	0	0	1782	626	1782	0	4,442208876	0,00017248

P2RY11	5032	NM_002566.4	214546_s_at	0	0	0	0	954	2568	820	0	4,445417509	0,00018162
EIF2AK1	27102	NM_014413.2	217735_s_at	0	0	0	0	1135	1389	1293	0	4,448900578	5,90E-05
SCNN1D	6339	NM_002978.2	208458_at	0	0	0	0	1131	1167	1553	0	4,450800564	6,34E-05
HLA-DOA	3111	NM_002119.3	206313_at	0	0	0	0	1259	1295	1269	0	4,453761378	5,64E-05
UBE2J2	118424	NM_058167.2	X	0	0	0	0	1131	1167	1604	0	4,461469815	6,42E-05
AKIRIN1	79647	NM_024595.1	217893_s_at	0	0	0	0	1127	1085	1751	0	4,465307876	7,19E-05
HOXA5	3202	NM_019102.2	213844_at	0	0	0	0	591	2713	1350	0	4,470987703	0,00027105
PRICKLE4	29964	NM_013397.4	218233_s_at	0	0	0	0	1259	1569	1115	0	4,474482572	6,15E-05
TTC5	91875	NM_138376.1	X	0	0	0	0	1621	1363	1020	0	4,48213469	6,66E-05
KIAA2026	158358	NM_001017969.2	X	0	0	0	0	1290	1290	1361	0	4,483567352	5,46E-05
C17orf89	284184	NM_001086521.1	X	0	0	0	0	1460	1071	1462	0	4,486762483	6,11E-05
RGS9	8787	NM_003835.2	206518_s_at	0	0	0	0	687	1626	2046	0	4,487930158	0,00015056
TOMM7	54543	NM_019059.2	201812_s_at	0	0	0	0	1132	1136	1810	0	4,492825396	7,01E-05
ARHGEF1	9138	NM_004706.3	203055_s_at	0	0	106	0	3708	1898	2724	0	4,494056755	0,00116425
MED11	400569	NM_001001683.2	X	0	0	0	208,3333333	1965	898	1350	0	4,50078237	9,04E-05
RASAL1	8437	NM_004658.1	219752_at	0	0	0	0	1367	1118	1570	0	4,502700116	5,93E-05
MAP1LC3B	81631	NM_022818.3	208785_s_at	0	0	0	0	1452	1235	1366	0	4,50942872	5,41E-05
ANGPTL6	83854	NM_031917.2	X	0	0	0	0	954	3119	820	0	4,509870385	0,0002371
ING4	51147	NM_016162.2	48825_at	0	0	0	220,6666667	1716	900	1599	0	4,512566289	8,15E-05
MRPS10	55173	NM_018141.2	218106_s_at	0	0	0	0	1636	986	1562	0	4,519006736	6,92E-05
BMPR1A	657	NM_004329.2	204832_s_at	0	0	0	0	3381	982	756	0	4,519547363	0,00028976
ZNF608	57507	NM_020747.2	X	625	0	0	0	5573	3508	5706	0	4,523258405	0,00879981
PPAN	56342	NM_020230.4	221649_s_at	0	0	0	0	1154	2697	820	0	4,524208911	0,00016231
PHTF1	10745	NM_006608.1	215285_s_at	0	0	0	0	2609	972	1010	0	4,525140826	0,00013848
ZNF665	79788	NM_024733.3	220760_x_at	0	0	0	75,33333333	1041	1713	1456	0	4,528836844	6,53E-05
CEP250	11190	NM_007186.2	209495_at	0	0	0	0	1415	1275	1481	0	4,538075592	5,22E-05
DHCR24	1718	NM_014762.3	200862_at	0	0	0	289	2159	1310	948	0	4,539798205	9,15E-05
RBM16	22828	NM_014892.3	203250_at	0	0	0	0	696	1724	2284	0	4,547938955	0,00016095
C17orf56	146705	NM_144679.1	X	0	0	0	0	1604	1071	1606	0	4,548822791	6,16E-05
SEPSECS	51091	NM_153825.1	X	0	0	0	0	729	1649	2294	0	4,549813287	0,0001466
PTP4A2	8073	NM_080392.2	208615_s_at	0	0	0	0	1441	1221	1585	0	4,552230724	5,36E-05
LASS4	79603	NM_024552.1	218922_s_at	0	0	0	270,3333333	820	2500	1371	0	4,555828795	0,00013284
SLC9A1	6548	NM_003047.2	209453_at	0	0	0	390	970	3033	970	0	4,561124532	0,00017866

THOC7	80145	NM_025075.2	218334_at	0	0	0	0	1516	1482	1291	0	4,565156162	5,09E-05
PPAN-P2RY11	692312	NM_001040664.1	214546_s_at	0	0	0	0	1260	2803	820	0	4,565921757	0,00015978
NHEDC1	150159	NM_001100874.1	X	0	0	0	403,6666667	1261	1117	2077	0	4,568317315	7,23E-05
TMEM128	85013	NM_032927.2	X	0	0	0	0	2295	692	1932	0	4,58530929	0,00016738
MRPS27	23107	NM_015084.1	212145_at	0	0	0	305,3333333	1790	1115	1554	0	4,587443977	5,98E-05
C19orf63	284361	NM_175063.4	X	0	0	0	0	1436	1436	1508	0	4,588101085	4,83E-05
DDI2	84301	NM_032341.3	214583_at	0	0	0	0	1062	2016	1451	0	4,588120173	6,94E-05
CYP2R1	120227	NM_024514.4	207786_at	0	0	0	0	1957	1302	1222	0	4,588736335	6,11E-05
ARPC3	10094	NM_005719.2	208736_at	0	0	0	454	1664	1130	1664	0	4,590305542	5,77E-05
RPRD1A	55197	NM_018170.3	218209_s_at	0	0	0	0	2448	655	1972	0	4,595547917	0,00019791
SPPL2A	84888	NM_032802.3	X	0	0	0	0	2167	1564	939	0	4,596352416	8,71E-05
SETD3	84193	NM_032233.2	212465_at	0	0	0	208,3333333	2160	1931	768	0	4,5990991	0,00012964
COTL1	23406	NM_021149.2	221059_s_at	0	0	0	0	1730	1730	1086	0	4,602947734	6,15E-05
NROB2	8431	NM_021969.1	206410_at	0	0	0	0	1507	1170	1850	0	4,604048107	5,74E-05
SRFBP1	153443	NM_152546.2	X	0	0	0	0	1337	1568	1572	0	4,607289145	4,86E-05
TFB1M	51106	NM_016020.2	219169_s_at	0	0	0	0	1925	1359	1267	0	4,60931692	5,65E-05
RASSF2	9770	NM_170774.1	203185_at	0	0	0	0	1493	1935	1158	0	4,612431148	5,95E-05
HOXA1	3198	NM_153620.2	214639_s_at	0	0	0	0	2947	1333	854	0	4,614396603	0,00015296
SYF2	25949	NM_015484.4	202553_s_at	0	0	0	0	1848	1492	1223	0	4,614973806	5,46E-05
CCNK	8812	NM_003858.3	219273_at	0	0	0	0	2273	1931	768	0	4,615982236	0,00013398
VWCE	220001	NM_152718.2	X	0	0	0	0	1755	953	2020	0	4,616022469	8,06E-05
LHFP	10186	NM_005780.2	218656_s_at	0	0	0	0	1399	1247	1955	0	4,618756369	5,68E-05
KAT2B	8850	NM_003884.4	203845_at	0	0	0	259,3333333	2277	1842	812	0	4,61918391	0,00011865
HLA-DMA	3108	NM_006120.2	X	0	0	0	244,6666667	2319	1418	1040	0	4,620003228	8,13E-05
CD52	1043	NM_001803.2	34210_at	0	0	0	0	2057	1341	1263	0	4,625821701	5,96E-05
VAMP5	10791	NM_006634.2	204929_s_at	0	0	0	1186,666667	1677	1155	1826	0	4,630779715	5,69E-05
SLC25A33	84275	NM_032315.2	X	0	0	0	0	1843	1315	1464	0	4,631720333	5,11E-05
ZNF23	7571	NM_145911.1	213934_s_at	0	0	0	0	1628	1302	1700	0	4,636802859	4,91E-05
IRF1	3659	NM_002198.1	202531_at	0	0	0	0	1270	984	2878	0	4,637055826	0,00012239
HECTD3	79654	NM_024602.5	218632_at	0	0	0	0	1261	1131	2580	0	4,644236518	8,86E-05
HINFP	25988	NM_015517.3	206495_s_at	0	0	0	0	3146	663	1765	0	4,646003013	0,00024014
TCTE3	6991	NM_174910.1	X	0	0	0	0	1516	1569	1573	0	4,649155002	4,49E-05
SLC41A1	254428	NM_173854.4	X	0	0	0	0	810	3273	1433	0	4,655735371	0,0001834

UBA52	7311	NM_003333.3	221700_s_at	0	0	0	240	2258	1091	1558	0	4,657983435	7,06E-05
TOX4	9878	NM_014828.2	201685_s_at	0	0	0	0	2795	558	2451	0	4,65934252	0,0003283
ADORA2A	135	NM_000675.4	205013_s_at	0	0	0	0	1760	2435	915	0	4,665477663	9,90E-05
MTERF	7978	NM_006980.3	X	0	0	0	0	1705	1547	1492	0	4,665842499	4,48E-05
NGDN	25983	NM_001042635.1	216263_s_at	0	0	0	208,3333333	1432	1644	1718	0	4,674892234	4,50E-05
PTCD2	79810	NM_024754.3	219658_at	0	0	0	0	1790	1368	1658	0	4,6761831	4,67E-05
AMFR	267	NM_001144.4	202204_s_at	0	0	0	0	1911	1911	1113	0	4,676817338	6,16E-05
ATXN2	6311	NM_002973.2	202622_s_at	0	0	0	0	1645	1265	1984	0	4,681813323	5,22E-05
SNX3	8724	NM_003795.3	210648_x_at	0	0	0	0	2681	1102	1396	0	4,681943207	8,77E-05
SYPL1	6856	NM_006754.2	201260_s_at	0	0	0	0	1984	1029	2057	0	4,687778701	7,26E-05
BPNT1	10380	NM_006085.4	X	0	0	0	0	1670	1460	1734	0	4,689527661	4,42E-05
MRPL14	64928	NM_032111.2	X	0	0	0	0	2851	1435	1044	0	4,693640395	0,00010022
NUDC	10726	NM_006600.2	201173_x_at	0	0	0	0	1507	1329	2140	0	4,69419382	5,33E-05
SLC9A7	84679	NM_032591.1	218085_at	0	0	0	208,3333333	2890	1217	1217	0	4,694275451	9,63E-05
SPI1	6688	NM_001080547.1	205312_at	0	0	0	0	1657	1492	1762	0	4,699394406	4,35E-05
TMEM48	55706	NM_018087.3	218073_s_at	0	0	0	0	2087	1339	1559	0	4,69956261	5,11E-05
FAM71E1	112703	NM_138411.1	X	0	0	0	0	1627	1627	1663	0	4,702849288	4,22E-05
RAB2B	84932	NM_032846.2	X	0	0	0	1800,333333	2795	638	2451	0	4,702906324	0,00024732
VAMP8	8673	NM_003761.2	202546_at	0	0	0	0	2253	1155	1695	0	4,703836913	6,28E-05
TAF4B	6875	NM_005640.1	216226_at	0	0	0	0	3073	752	1942	0	4,710927692	0,00018058
AFF3	3899	NM_002285.2	205735_s_at	0	0	0	0	1694	1758	1516	0	4,711205927	4,27E-05
DCUN1D2	55208	NM_001014283.1	219116_s_at	0	0	0	82,33333333	1485	2408	1263	0	4,711627713	6,24E-05
TSSC1	7260	NM_003310.1	217968_at	0	0	0	0	1893	1270	1893	0	4,713995033	5,07E-05
CDCA7	83879	NM_145810.2	X	0	0	0	0	1151	1336	2957	0	4,714258169	9,63E-05
LST1	7940	NM_205837.1	X	0	0	0	0	2065	1786	1238	0	4,715121956	5,36E-05
LIG4	3981	NM_206937.1	206235_at	0	0	0	0	1038	1586	2810	0	4,719965088	9,36E-05
SC5DL	6309	NM_001024956.2	215064_at	0	0	0	0	1213	2754	1397	0	4,722665149	7,91E-05
SPTAN1	6709	NM_003127.2	208611_s_at	0	0	0	161,3333333	1598	1056	2770	0	4,723350566	8,92E-05
ADIPOR2	79602	NM_024551.2	201346_at	0	0	0	0	822	1808	3179	0	4,72764719	0,00015769
COX7A2	1347	NM_001865.2	201597_at	0	0	0	234,3333333	1946	1254	1946	0	4,728084506	5,19E-05
TRAF3IP2	10758	NM_147200.1	215411_s_at	0	0	0	0	1859	1532	1715	0	4,737209799	4,20E-05
C14orf153	84334	NM_032374.2	X	0	0	0	0	2784	931	1937	0	4,747239741	0,00010711
LYL1	4066	NM_005583.3	210044_s_at	0	0	0	0	1184	2978	1431	0	4,748560154	8,76E-05

SLAMF6	114836	NM_052931.3	X	0	0	0	0	1096	1862	2490	0	4,750779745	7,22E-05
TBC1D5	9779	NM_014744.1	215612_at	0	0	0	0	2273	1044	2146	0	4,75156315	7,54E-05
LRRC23	10233	NM_006992.2	206076_at	0	0	0	0	1953	1507	1792	0	4,762608768	4,21E-05
TTC1	7265	NM_003314.1	201434_at	0	0	0	0	1800	1738	1690	0	4,763364806	3,95E-05
LTB	4050	NM_009588.1	207339_s_at	0	0	0	0	1987	2153	1238	0	4,764202558	5,43E-05
FNBP1	23048	NM_015033.2	212288_at	0	0	0	0	2082	1372	1860	0	4,765124929	4,67E-05
PLEK	5341	NM_002664.2	203471_s_at	0	0	0	0	2887	3029	606	0	4,767087877	0,00031201
PCDHGC4	56098	NM_018928.2	205717_x_at	0	0	0	0	3167	1357	1281	0	4,77739243	8,97E-05
TMCO3	55002	NM_017905.4	220240_s_at	0	0	0	208,3333333	1600	2525	1378	0	4,780691322	5,52E-05
ZBTB2	57621	NM_020861.1	X	0	0	0	208,3333333	1118	1200	4170	0	4,783411665	0,00018029
FOXP4	116113	NM_001012426.1	X	0	0	0	0	1602	1569	2247	0	4,785296828	4,47E-05
RAD23B	5887	NM_002874.3	201223_s_at	0	0	0	0	2857	1271	1598	0	4,794585437	6,92E-05
CYTH4	27128	NM_013385.2	219183_s_at	0	0	0	269,6666667	1245	2724	1719	0	4,796083574	6,50E-05
UROD	7389	NM_000374.3	208971_at	0	0	0	499,6666667	1664	1384	2580	0	4,802219275	5,44E-05
BAG5	9529	NM_001015049.1	202985_s_at	0	0	0	0	2878	940	2233	0	4,808468751	0,00010896
DDX24	57062	NM_020414.3	200694_s_at	0	0	0	208,3333333	2809	1328	1623	0	4,808550485	6,32E-05
CORO1A	11151	NM_007074.2	209083_at	0	0	0	0	1509	1977	2039	0	4,809793987	4,14E-05
C6orf70	55780	NM_018341.1	X	0	0	0	721	1833	1799	1847	0	4,810134912	3,74E-05
RRAS2	22800	NM_001102669.1	208456_s_at	0	0	0	289	3818	1618	993	0	4,813716668	0,00014516
SCO1	6341	NM_004589.1	X	0	0	0	208,3333333	1700	2116	1723	0	4,815951565	3,93E-05
TMEM63B	55362	NM_018426.1	X	0	0	0	0	3002	1650	1259	0	4,818454958	7,23E-05
KIAA1407	57577	NM_020817.1	X	0	0	0	0	2417	1203	2174	0	4,822828062	6,04E-05
ANUBL1	93550	NM_174890.1	X	0	0	0	0	1939	1841	1777	0	4,823583245	3,71E-05
MDN1	23195	NM_014611.1	212693_at	0	0	0	0	3218	810	2430	0	4,824732988	0,0001652
MOAP1	64112	NM_022151.4	212508_at	0	0	0	0	2305	1866	1513	0	4,832148553	4,30E-05
NR4A1	3164	NM_173157.1	202340_x_at	0	0	0	0	2222	1916	1531	0	4,83265329	4,16E-05
PSD4	23550	NM_012455.2	203317_at	0	0	0	0	2585	1303	1945	0	4,834562196	5,54E-05
RBM4B	83759	NM_031492.2	209497_s_at	0	0	0	0	1895	1280	2703	0	4,834875162	5,93E-05
RNH1	6050	NM_203385.1	206050_s_at	0	0	0	0	1826	1754	2126	0	4,847037187	3,73E-05
UBXN11	91544	NM_145345.2	X	0	0	0	0	2160	1802	1763	0	4,849606608	3,75E-05
CCL3L3	414062	NM_001001437.3	209403_at	0	0	0	0	1460	1779	2644	0	4,850057033	4,98E-05
FGD2	221472	NM_173558.2	X	0	0	0	0	1830	2052	1830	0	4,850057356	3,63E-05
NCKAP1L	3071	NM_005337.4	209734_at	0	0	0	0	2118	2478	1314	0	4,851519419	5,27E-05

TTC15	51112	NM_016030.5	203122_at	0	0	0	240,3333333	2339	1270	2339	0	4,854035323	5,52E-05
PAQR8	85315	NM_133367.3	X	0	0	0	0	3153	818	2757	0	4,863021051	0,00016572
CD72	971	NM_001782.1	215925_s_at	0	0	0	247,3333333	1329	1751	3087	0	4,865176548	6,60E-05
STXBP4	252983	NM_178509.5	X	0	0	0	0	2728	1807	1469	0	4,867614463	5,01E-05
ZCCHC7	84186	NM_032226.2	X	0	0	0	328	1680	2084	2076	0	4,868633812	3,71E-05
LAPTM5	7805	NM_006762.1	201720_s_at	0	0	0	0	2220	1491	2220	0	4,872351606	4,24E-05
CD74	972	NM_001025159.1	209619_at	0	0	0	0	2021	1877	1953	0	4,874918201	3,49E-05
SPSB2	84727	NM_032641.1	X	0	0	0	0	2476	1273	2399	0	4,882058407	5,65E-05
TLR10	81793	NM_001017388.1	X	0	0	0	0	2038	1934	1934	0	4,884350071	3,45E-05
COX11	1353	NM_004375.2	214277_at	0	0	0	0	2728	1896	1473	0	4,884409016	4,87E-05
KATNAL1	84056	NM_001014380.1	X	0	0	0	0	1901	2099	1924	0	4,886703059	3,47E-05
IFI27L1	122509	NM_206949.1	X	0	0	0	0	2809	1591	1726	0	4,888491943	4,82E-05
C17orf48	56985	NM_020233.4	220606_s_at	0	0	0	0	1919	1980	2033	0	4,888737796	3,43E-05
ANKRD13A	88455	NM_033121.1	X	0	0	0	0	2752	2539	1105	0	4,889289459	7,88E-05
QTRTD1	79691	NM_024638.2	219178_at	0	0	0	0	2417	1452	2246	0	4,89561863	4,49E-05
BXDC1	84154	NM_032194.1	X	0	0	0	0	1676	1946	2451	0	4,900162419	3,88E-05
MYO1G	64005	NM_033054.1	X	0	0	0	0	3063	1305	2036	0	4,906451495	6,26E-05
ECHDC1	55862	NM_018479.3	219974_x_at	0	0	0	0	1790	2159	2141	0	4,911499756	3,49E-05
ZEB2	9839	NM_014795.2	203603_s_at	0	0	0	428,6666667	1167	1684	4204	0	4,911987043	0,00012231
DAPP1	27071	NM_014395.1	219290_x_at	0	0	0	208,3333333	2147	2074	1930	0	4,924032138	3,33E-05
TMEM106C	79022	NM_024056.2	201764_at	0	0	0	0	2270	2198	1768	0	4,932709219	3,50E-05
AKAP1	8165	NM_003488.3	201675_at	0	0	0	0	1774	1549	3274	0	4,939534082	5,63E-05
GIT2	9815	NM_014776.2	204982_at	0	0	0	234	3022	2702	1105	0	4,940947478	8,52E-05
CD79A	973	NM_021601.3	205049_s_at	0	0	0	0	2673	2185	1603	0	4,952520278	4,08E-05
DAGLB	221955	NM_139179.1	X	0	0	0	23,33333333	2133	2059	2133	0	4,952556232	3,20E-05
NCF1	653361	NM_000265.4	204961_s_at	0	0	0	356,6666667	2137	2310	1947	0	4,961065759	3,25E-05
NUFIP1	26747	NM_012345.1	205135_s_at	0	0	0	0	2080	2182	2119	0	4,961253244	3,17E-05
KIAA1704	55425	NM_018559.2	220171_x_at	0	0	0	0	2080	2182	2119	0	4,961253244	3,17E-05
TFB2M	64216	NM_022366.1	218605_at	0	0	0	0	2344	1031	4034	0	4,966932112	0,00012502
CD22	933	NM_001771.2	204581_at	0	0	0	0	2329	2329	1816	0	4,969231748	3,39E-05
TM2D1	83941	NM_032027.2	213882_at	0	0	0	0	2453	1956	2146	0	4,983878482	3,24E-05
FCRLA	84824	NM_032738.3	X	0	0	0	0	2054	1959	2588	0	4,987635733	3,35E-05
NADK	65220	NM_023018.3	208917_x_at	0	0	0	1693	2760	2078	1826	0	4,989557776	3,63E-05

SASH3	54440	NM_018990.2	204923_at	0	0	0	1522,333333	2161	3454	1436	0	4,997574302	5,87E-05
TMED8	283578	NM_213601.1	X	0	0	0	0	2608	1984	2123	0	5,005317268	3,26E-05
CCL3L1	6349	NM_021006.4	209403_at	0	0	0	575,6666667	1608	2114	3236	0	5,006002183	4,69E-05
TCL1A	8115	NM_001098725.1	39318_at	0	0	0	0	2753	1454	2924	0	5,026630519	4,98E-05
PSIP1	11168	NM_033222.2	210758_at	0	0	0	0	2331	1565	3247	0	5,030530778	4,71E-05
C1orf71	163882	NM_152609.1	X	0	0	0	0	2481	1188	4034	0	5,032364353	9,38E-05
DHRS12	79758	NM_024705.1	204800_s_at	0	0	0	0	2148	3132	1842	0	5,045341094	3,80E-05
RAD54L	8438	NM_003579.2	204558_at	0	0	0	0	2815	1336	3342	0	5,050428241	6,33E-05
HNRNPC	3183	NM_001077442.1	212626_x_at	0	0	0	0	3428	993	3691	0	5,051126572	0,00013394
PCDHGC3	5098	NM_032403.1	205717_x_at	0	0	0	0	3768	1931	1744	0	5,053384676	5,25E-05
HOXA6	3203	NM_024014.2	208557_at	0	0	0	0	2772	3410	1350	0	5,055445627	6,27E-05
LARP4	113251	NM_052879.3	212714_at	0	0	0	0	2695	2144	2261	0	5,062709512	3,00E-05
ZNF532	55205	NM_018181.4	220617_s_at	0	0	0	0	2980	2264	1969	0	5,068303741	3,33E-05
MAGOHB	55110	NM_018048.2	218894_s_at	0	0	0	399,6666667	2316	2301	2535	0	5,073782504	2,84E-05
SYTL1	84958	NM_032872.1	X	0	0	0	301,6666667	2348	2516	2387	0	5,087987812	2,78E-05
CD84	8832	NM_003874.1	205988_at	0	0	0	0	2149	1888	3494	0	5,089945427	4,03E-05
SWAP70	23075	NM_015055.2	209306_s_at	0	0	0	0	3941	2653	1410	0	5,103283196	6,54E-05
HIST1H4L	8368	NM_003546.2	214516_at	0	0	0	0	1369	3108	3482	0	5,104930876	6,36E-05
ABHD13	84945	NM_032859.2	X	0	0	0	2201,666667	1639	2103	4410	0	5,113351452	6,42E-05
SFT2D1	113402	NM_145169.1	X	0	0	0	0	3264	2477	1905	0	5,117354839	3,50E-05
C14orf174	161394	NM_001010860.1	X	0	0	0	0	2608	2796	2157	0	5,124207543	2,85E-05
SCFD1	23256	NM_016106.2	215548_s_at	0	0	0	0	2459	2187	2994	0	5,131975115	2,90E-05
AKAP13	11214	NM_006738.4	221718_s_at	0	0	0	0	3496	1922	2506	0	5,146937388	3,60E-05
THAP8	199745	NM_152658.2	X	0	0	0	481	3324	2215	2360	0	5,157261873	3,07E-05
WDR62	284403	NM_001083961.1	215218_s_at	0	0	0	292,6666667	3316	2106	2641	0	5,177032233	3,05E-05
TRIM5	85363	NM_033034.1	210705_s_at	0	0	0	220,3333333	3565	2336	2239	0	5,180675073	3,20E-05
KIAA0746	23231	NM_015187.3	212314_at	58	0	0	0	8978	7080	1448	0	5,184343974	0,00074007
HIST1H3I	8354	NM_003533.2	214509_at	0	0	0	0	1766	3236	3390	0	5,193499273	3,96E-05
CD37	951	NM_001040031.1	204192_at	0	0	0	0	2385	3408	2385	0	5,193523356	2,90E-05
ALOX5	240	NM_000698.2	204446_s_at	0	0	0	0	3718	2611	2031	0	5,199225292	3,44E-05
LY86	9450	NM_004271.3	205859_at	0	0	0	0	2866	2064	3431	0	5,208784612	3,12E-05
RUNDC2B	400509	NM_001012391.1	X	0	0	0	0	3078	3078	2172	0	5,213309654	2,82E-05
TRIM22	10346	NM_006074.3	213293_s_at	0	0	0	264,6666667	3692	2383	2393	0	5,220923247	3,04E-05

TNFRSF18	8784	NM_148901.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TNFRSF4	7293	NM_003327.2	214228_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM132A	388581	NM_001014980.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DVL1	1855	NM_182779.3	203230_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MXRA8	54587	NM_032348.2	213422_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
VWA1	64856	NM_022834.3	218731_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ATAD3C	219293	NM_001039211.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MIB2	142678	NM_080875.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MMP23B	8510	NM_006983.1	207118_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM52	339456	NM_178545.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C1orf222	339457	NM_001003808.1	X	0	0	0	388	0	0	0	0	0	NA	NA
KIAA1751	85452	NM_001080484.1	216807_at	0	0	0	305,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
GABRD	2563	NM_000815.2	208457_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PRKCZ	5590	NM_002744.4	202178_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C1orf86	199990	NM_182533.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SKI	6497	NM_003036.1	204270_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PEX10	5192	NM_002617.3	206351_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PLCH2	9651	NM_014638.2	206080_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HES5	388585	NM_001010926.2	X	0	0	0	281	0	0	0	0	0	NA	NA
MMEL1	79258	NM_033467.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ACTRT2	140625	NM_080431.4	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PRDM16	63976	NM_199454.1	220928_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ARHGEF16	27237	NM_014448.2	208009_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MEGF6	1953	NM_001409.3	213942_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TPRG1L	127262	NM_182752.3	X	0	0	0	307,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
WDR8	49856	NM_017818.2	219322_s_at	0	0	0	362,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
TP73	7161	NM_005427.1	220804_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KIAA0495	57212	NM_207306.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CCDC27	148870	NM_152492.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KIAA0562	9731	NM_014704.2	204074_s_at	0	0	0	296	0	0	0	0	0	NA	NA
DFFB	1677	NM_004402.2	206752_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C1orf174	339448	NM_207356.1	222000_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
AJAP1	55966	NM_018836.3	215789_s_at	0	0	0	220,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA

DMRTA2	63950	NM_032110.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TTC39A	22996	NM_001080494.1	210652_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RAB3B	5865	NM_002867.2	205924_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KTI12	112970	NM_138417.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZFYVE9	9372	NM_007324.2	204893_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ECHDC2	55268	NM_018281.2	218552_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PODN	127435	NM_153703.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC1A7	6512	NM_006671.3	210923_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GLIS1	148979	NM_147193.1	216446_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
YIPF1	54432	NM_018982.3	214733_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DIO1	1733	NM_001039716.1	206457_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HSPB11	51668	NM_016126.2	203960_s_at	0	0	0	710,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
LRRC42	115353	NM_052940.3	215084_s_at	0	0	0	487	0	0	0	0	0	NA	NA
LDLRAD1	388633	NM_001010978.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CDCP2	200008	NM_201546.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ACOT11	26027	NM_015547.2	216103_at	0	0	0	74,66666667	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM151A	338094	NM_176782.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C1orf175	374977	NM_001039464.1	214147_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PARS2	25973	NM_152268.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TTC22	55001	NM_017904.2	215106_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C1orf177	163747	NM_152607.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM61	199964	NM_182532.1	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
BSND	7809	NM_057176.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PCSK9	255738	NM_174936.2	X	0	0	0	232	0	0	0	0	0	NA	NA
PRKAA2	5563	NM_006252.3	207709_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C1orf168	199920	NM_001004303.3	X	0	0	0	611	0	0	0	0	0	NA	NA
C8B	732	NM_000066.2	206979_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DAB1	1600	NM_021080.3	217753_s_at	0	0	0	657,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
RPS26P15	644928	NM_001093732.1	X	0	0	0	216,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
MYSM1	114803	NM_001085487.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CYP2J2	1573	NM_000775.2	205073_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C1orf87	127795	NM_152377.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
INADL	10207	NM_176877.2	214493_s_at	0	0	0	565	0	0	0	0	0	NA	NA

C1orf52	148423	NM_198077.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DDAH1	23576	NM_012137.2	209094_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CYR61	3491	NM_001554.3	201289_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CLCA2	9635	NM_006536.4	206165_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CLCA1	1179	NM_001285.3	210107_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CLCA4	22802	NM_012128.3	220026_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CLCA3P	9629	NM_004921.2	X	0	0	0	265,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
GBP3	2635	NM_018284.2	X	0	0	0	220	0	0	0	0	0	NA	NA
GBP1	2633	NM_002053.1	202270_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GBP7	388646	NM_207398.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GBP4	115361	NM_052941.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GBP5	115362	NM_052942.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GBP6	163351	NM_198460.2	X	0	0	0	234,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
LRRC8B	23507	NM_015350.1	212978_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
BARHL2	343472	NM_020063.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HFM1	164045	NM_001017975.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TGFBR3	7049	NM_003243.2	204731_at	0	0	0	165,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
BRDT	676	NM_207189.1	206787_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
EPHX4	253152	NM_173567.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
BTBD8	284697	NM_183242.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C1orf146	388649	NM_001012425.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FNBP1L	54874	NM_017737.3	215017_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ARHGAP29	9411	NM_004815.3	203910_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
F3	2152	NM_001993.2	204363_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC44A3	126969	NM_152369.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CNN3	1266	NM_001839.2	201445_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM56	148534	NM_152487.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RWDD3	25950	NM_015485.4	205087_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PAP2D	163404	NM_001010861.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PALMD	54873	NM_017734.3	218736_s_at	0	0	0	48,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
FRRS1	391059	NM_001013660.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LRRC39	127495	NM_144620.2	X	0	0	0	60	0	0	0	0	0	NA	NA
GPR88	54112	NM_022049.2	220313_at	0	0	0	26	0	0	0	0	0	NA	NA

C1orf56	54964	NM_017860.3	221222_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMOD4	29765	NM_013353.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SELENBP1	8991	NM_003944.2	214433_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CGN	57530	NM_020770.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TNRC4	11189	NM_007185.3	206817_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LINGO4	339398	NM_001004432.2	X	0	0	0	1139,666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RORC	6097	NM_005060.3	206419_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
THEM5	284486	NM_182578.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HRNR	388697	NM_001009931.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FLG	2312	NM_002016.1	215704_at	0	0	0	254	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FLG2	388698	NM_001014342.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CRNN	49860	NM_016190.1	220090_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCE5A	254910	NM_178438.4	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CRCT1	54544	NM_019060.1	220620_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCE3E	353145	NM_178435.2	X	0	0	0	256	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCE3D	84648	NM_032563.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCE3C	353144	NM_178434.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCE3A	353142	NM_178431.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCE2C	353140	NM_178429.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCE2A	353139	NM_178428.3	X	0	0	0	80	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCE4A	199834	NM_178356.2	X	0	0	0	258,666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KPRP	448834	NM_001025231.1	X	0	0	0	324	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCE1F	353137	NM_178354.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCE1E	353135	NM_178353.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCE1C	353133	NM_178351.3	X	0	0	0	502,666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCE1B	353132	NM_178349.1	X	0	0	0	383	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCE1A	353131	NM_178348.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SMCP	4184	NM_030663.2	206406_at	0	0	0	313	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPRR4	163778	NM_173080.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPRR1A	6698	NM_005987.2	214549_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPRR3	6707	NM_005416.2	218990_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPRR1B	6699	NM_003125.2	205064_at	0	0	0	536,666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPRR2A	6700	NM_005988.2	208539_x_at	0	0	0	285,666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA

AVPR1B	553	NM_000707.2	208260_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C1orf186	440712	NM_001007544.1	222281_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CTSE	1510	NM_001910.2	205927_s_at	0	0	0	283,6666667	0	0	0	0	NA	NA
SRGAP2	23380	NM_015326.2	213329_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DYRK3	8444	NM_003582.2	210151_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IL10	3586	NM_000572.2	207433_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IL19	29949	NM_153758.1	220745_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IL24	11009	NM_181339.1	206569_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAIM3	9214	NM_005449.3	221601_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PIGR	5284	NM_002644.2	204213_at	0	0	0	232,3333333	0	0	0	0	NA	NA
C4BPB	725	NM_001017366.1	208209_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C4BPA	722	NM_000715.3	205654_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CR2	1380	NM_001006658.1	205544_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CR1	1378	NM_000573.3	208488_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CR1L	1379	NM_175710.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CD34	947	NM_001773.2	209543_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LOC642587	642587	NM_001104548.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LAMB3	3914	NM_000228.2	209270_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GOS2	50486	NM_015714.2	213524_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HSD11B1	3290	NM_181755.1	205404_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TRAF3IP3	80342	NM_025228.1	205804_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IRF6	3664	NM_006147.2	202597_at	0	0	0	439,6666667	0	0	0	0	NA	NA
C1orf107	27042	NM_014388.5	204700_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCNH1	3756	NM_172362.1	207635_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RD3	343035	NM_183059.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM206	55248	NM_018252.2	218814_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM71A	149647	NM_153606.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
BATF3	55509	NM_018664.1	220358_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	NA	NA
C1orf227	149643	NM_001024601.2	X	0	0	0	295	0	0	0	0	NA	NA
VASH2	79805	NM_024749.2	219740_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PTPN14	5784	NM_005401.3	205503_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCNK2	3776	NM_001017424.2	210261_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
USH2A	7399	NM_206933.1	207706_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	NA	NA

TET1	80312	NM_030625.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
STOX1	219736	NM_152709.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TACR2	6865	NM_001057.2	214348_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NEUROG3	50674	NM_020999.2	207965_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C10orf35	219738	NM_145306.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
COL13A1	1305	NM_080799.2	211809_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
H2AFY2	55506	NM_018649.2	218445_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NPFFR1	64106	NM_022146.2	221387_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NODAL	4838	NM_018055.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PRF1	5551	NM_005041.4	214617_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ADAMTS14	140766	NM_080722.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C10orf27	219793	NM_152710.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SGPL1	8879	NM_003901.2	212322_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PCBD1	5092	NM_000281.2	203557_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
UNC5B	219699	NM_170744.2	213100_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC29A3	55315	NM_018344.4	219344_at	0	0	0	547	0	0	0	0	0	NA	NA
CDH23	64072	NM_022124.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C10orf54	64115	NM_022153.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PSAP	5660	NM_001042466.1	200866_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CHST3	9469	NM_004273.2	209834_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPOCK2	9806	NM_014767.1	202523_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OIT3	170392	NM_152635.1	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
PLA2G12B	84647	NM_032562.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NUDT13	25961	NM_015901.4	214136_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZMYND17	118490	NM_001024593.1	X	0	0	0	367	0	0	0	0	0	NA	NA
NDST2	8509	NM_003635.2	203916_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C10orf55	414236	NM_001001791.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DUPD1	338599	NM_001003892.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
COMTD1	118881	NM_144589.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C10orf11	83938	NM_032024.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCNMA1	3778	NM_001014797.1	221584_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZMIZ1	57178	NM_020338.2	212124_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZCCHC24	219654	NM_153367.2	212419_at	0	0	0	972,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA

EIF5AL1	143244	NM_001099692.1	213753_x_at	0	0	0	301,3333333	0	0	0	0	NA	NA
SFTPA2	729238	NM_001098668.1	218835_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SFTPA1	653509	NM_001093770.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SFTPA2B	6436	NM_006926.2	218835_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SFTPA1B	6435	NM_005411.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PLAC9	219348	NM_001012973.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAT1A	4143	NM_000429.2	205813_s_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	NA	NA
DYDC1	143241	NM_138812.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DYDC2	84332	NM_032372.4	X	0	0	0	165	0	0	0	0	NA	NA
C10orf58	84293	NM_032333.4	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SH2D4B	387694	NM_207372.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NRG3	10718	NM_001010848.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C10orf99	387695	NM_207373.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PCDH21	92211	NM_033100.1	213369_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LRIT2	340745	NM_001017924.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LRIT1	26103	NM_015613.2	211353_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RGR	5995	NM_001012722.1	207070_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KIAA1128	54462	NM_018999.2	209378_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GRID1	2894	NM_017551.1	208445_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OPN4	94233	NM_033282.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LDB3	11155	NM_001080116.1	213371_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MMRN2	79812	NM_024756.1	219091_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SNCG	6623	NM_003087.1	209877_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C10orf116	10974	NM_006829.2	203571_s_at	0	0	0	211	0	0	0	0	NA	NA
FAM22A	728118	NM_001099338.1	X	0	0	0	548,6666667	0	0	0	0	NA	NA
FAM22D	728130	NM_001009610.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MINPP1	9562	NM_004897.2	209585_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PAPSS2	9060	NM_004670.3	203059_s_at	0	0	0	314	0	0	0	0	NA	NA
LIPF	8513	NM_004190.2	206334_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LIPK	643414	NM_001080518.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LIPN	643418	NM_001102469.1	X	0	0	0	246	0	0	0	0	NA	NA
IFIT2	3433	NM_001547.4	217502_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IFIT3	3437	NM_001549.3	204747_at	0	0	0	260,6666667	0	0	0	0	NA	NA

IFIT1L	43996	NM_001010987.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
IFIT1	3434	NM_001548.3	203153_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
IFIT5	24138	NM_012420.1	203596_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
SLC16A12	387700	NM_213606.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
HTR7	3363	NM_019860.2	216098_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
PCGF5	84333	NM_032373.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
PPP1R3C	5507	NM_005398.4	204284_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
CYP26C1	340665	NM_183374.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
MYOF	26509	NM_133337.1	201798_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
CEP55	55165	NM_018131.3	218542_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
GPR120	338557	NM_181745.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
PDE6C	5146	NM_006204.3	211093_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
LGI1	9211	NM_005097.1	206349_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
PLCE1	51196	NM_016341.3	205111_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
CYP2C18	1562	NM_000772.1	215103_at	0	0	0	278,3333333	0	0	0	0	0	0	0
CYP2C19	1557	NM_000769.1	216058_s_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	0	0
CYP2C9	1559	NM_000771.2	216661_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
CYP2C8	1558	NM_000770.3	208147_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
C10orf129	142827	NM_207321.1	X	0	0	0	280,3333333	0	0	0	0	0	0	0
SORBS1	10580	NM_024991.1	218087_s_at	0	0	0	314,3333333	0	0	0	0	0	0	0
CC2D2B	387707	NM_001001732.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
ZNF518A	9849	NM_014803.3	204291_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
DNTT	1791	NM_004088.3	210487_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
C10orf12	26148	NM_015652.2	219601_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
SLIT1	6585	NM_003061.1	213601_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
ARHGAP19	84986	NM_032900.4	37577_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
ANKRD2	26287	NM_020349.2	221232_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
NPL2	112817	NM_138413.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
C10orf62	414157	NM_001009997.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
MORN4	118812	NM_001098831.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
PI4K2A	55361	NM_018425.2	209346_s_at	0	0	0	293,6666667	0	0	0	0	0	0	0
SFRP5	6425	NM_003015.2	207468_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
GOLGA7B	401647	NM_001010917.1	X	0	0	0	269,3333333	0	0	0	0	0	0	0

CRTAC1	55118	NM_018058.4	221204_s_at	0	0	0	318,3333333	0	0	0	0	NA	NA
LOXL4	84171	NM_032211.6	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PYROXD2	84795	NM_032709.1	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	NA	NA
HPSE2	60495	NM_021828.3	220927_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CNNM1	26507	NM_020348.2	220166_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NKX2-3	159296	NM_145285.2	X	0	0	0	442,3333333	0	0	0	0	NA	NA
ABCC2	1244	NM_000392.2	206155_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DNMBP	23268	NM_015221.2	212838_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CPN1	1369	NM_001308.2	206256_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PKD2L1	9033	NM_016112.2	221061_at	0	0	0	144	0	0	0	0	NA	NA
WNT8B	7479	NM_003393.3	207612_at	0	0	0	445,3333333	0	0	0	0	NA	NA
PAX2	5076	NM_003987.3	206228_at	0	0	0	593,6666667	0	0	0	0	NA	NA
PDZD7	79955	NM_024895.3	220555_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SFXN3	81855	NM_030971.3	220974_x_at	0	0	0	424,6666667	0	0	0	0	NA	NA
TD1	1E+08	NM_001085398.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TLX1	3195	NM_005521.2	207179_at	0	0	0	220,6666667	0	0	0	0	NA	NA
LBX1	10660	NM_006562.4	208380_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCNIP2	30819	NM_173195.2	221321_s_at	0	0	0	291	0	0	0	0	NA	NA
ELOVL3	83401	NM_152310.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CYP17A1	1586	NM_000102.3	205502_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
AS3MT	57412	NM_020682.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
INA	9118	NM_032727.2	204465_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PCGF6	84108	NM_032154.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TAF5	6877	NM_006951.3	210053_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NEURL	9148	NM_004210.3	204888_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SH3PXD2A	9644	NM_014631.2	207661_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
COL17A1	1308	NM_000494.3	204636_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C10orf79	80217	NM_025145.5	220919_s_at	0	0	0	302,3333333	0	0	0	0	NA	NA
CCDC147	159686	NM_001008723.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ADRA2A	150	NM_000681.2	209869_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HABP2	3026	NM_004132.2	206010_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C10orf81	79949	NM_024889.3	219857_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
VWA2	340706	NM_198496.1	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	NA	NA

ODF3	113746	NM_053280.3	X	0	0	0	474,6666667	0	0	0	0	NA	NA
NLRP6	171389	NM_138329.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ATHL1	80162	NM_025092.3	219359_at	0	0	0	232	0	0	0	0	NA	NA
B4GALNT4	338707	NM_178537.3	X	0	0	0	364,6666667	0	0	0	0	NA	NA
PKP3	11187	NM_007183.2	209872_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SIGIRR	59307	NM_021805.1	52940_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ANO9	338440	NM_001012302.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PTDSS2	81490	NM_030783.1	221005_s_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	NA	NA
HRAS	3265	NM_005343.2	212983_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LRRC56	115399	NM_198075.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IRF7	3665	NM_001572.3	208436_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MUPCDH	53841	NM_021924.3	220075_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SCT	6343	NM_021920.2	221198_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DRD4	1815	NM_000797.2	208215_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
EFCAB4A	283229	NM_173584.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CD151	977	NM_139029.1	204306_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
AP2A2	161	NM_012305.2	212159_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MUC6	4588	NM_005961.2	214133_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MUC2	4583	NM_002457.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MUC5B	727897	NM_002458.1	222268_x_at	0	0	0	773	0	0	0	0	NA	NA
BRSK2	9024	NM_003957.2	215010_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HCCA2	81532	NM_053005.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DUSP8	1850	NM_004420.2	206374_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KRTAP5-1	387264	NM_001005922.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KRTAP5-2	440021	NM_001004325.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KRTAP5-3	387266	NM_001012708.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KRTAP5-5	439915	NM_001001480.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KRTAP5-6	440023	NM_001012416.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SYT8	90019	NM_138567.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TNNI2	7136	NM_003282.2	206393_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TNNT3	7140	NM_001042780.1	X	0	0	0	139	0	0	0	0	NA	NA
IGF2	3481	NM_001007139.3	202409_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IGF2AS	51214	NM_016412.2	X	0	0	0	105,3333333	0	0	0	0	NA	NA

INS-IGF2	723961	NM_001042376.1	202410_x_at	0	0	0	338	0	0	0	0	NA	NA
INS	3630	NM_000207.2	206598_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TH	7054	NM_000360.3	208291_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ASCL2	430	NM_005170.2	207607_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TSPAN32	10077	NM_139022.2	220558_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RPL26P30	653147	NM_001093761.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TRPM5	29850	NM_014555.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCNQ1	3784	NM_000218.2	211217_s_at	0	0	0	321,6666667	0	0	0	0	NA	NA
CDKN1C	1028	NM_000076.1	213182_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PHLDA2	7262	NM_003311.3	209803_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OSBPL5	114879	NM_145638.1	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	NA	NA
MARGPRE	116534	NM_001039165.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF195	7748	NM_007152.2	204234_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ART5	116969	NM_001079536.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ART1	417	NM_004314.1	207919_at	0	0	0	513,3333333	0	0	0	0	NA	NA
OR52B4	143496	NM_001005161.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR52K2	119774	NM_001005172.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR52M1	119772	NM_001004137.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C11orf40	143501	NM_144663.1	X	0	0	0	258,6666667	0	0	0	0	NA	NA
OR52I2	143502	NM_001005170.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR52I1	390037	NM_001005169.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TRIM68	55128	NM_018073.5	219405_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR51E1	143503	NM_152430.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR51F1	256892	NM_001004752.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR51F2	119694	NM_001004753.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR51A7	119687	NM_001004749.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR51G2	81282	NM_001005238.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR51G1	79324	NM_001005237.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR51A2	401667	NM_001004748.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR52E2	119678	NM_001005164.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR52A4	390053	NM_001005222.1	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	NA	NA
OR52A1	23538	NM_012375.2	221329_at	0	0	0	323	0	0	0	0	NA	NA
HBB	3043	NM_000518.4	217232_x_at	0	0	0	231	0	0	0	0	NA	NA

PRKCDBP	112464	NM_145040.2	213010_at	0	0	0	267,6666667	0	0	0	0	NA	NA
APBB1	322	NM_145689.1	202652_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
	283294	NM_173589.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DNHD1	144132	NM_144666.1	X	0	0	0	243	0	0	0	0	NA	NA
DCHS1	8642	NM_003737.2	222101_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR2AG1	144125	NM_001004489.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR6A2	8590	NM_003696.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR10A5	144124	NM_178168.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR10A2	341276	NM_001004460.1	X	0	0	0	292,3333333	0	0	0	0	NA	NA
OR10A4	283297	NM_207186.1	X	0	0	0	164,3333333	0	0	0	0	NA	NA
OR2D2	120776	NM_003700.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR2D3	120775	NM_001004684.1	X	0	0	0	908,6666667	0	0	0	0	NA	NA
ZNF214	7761	NM_013249.2	220497_at	0	0	0	244	0	0	0	0	NA	NA
NLRP14	338323	NM_176822.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RBMXL2	27288	NM_014469.4	207208_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SYT9	143425	NM_175733.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OLFML1	283298	NM_198474.2	217525_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR5P2	120065	NM_153444.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR10A3	26496	NM_001003745.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TUB	7275	NM_003320.3	208431_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RIC3	79608	NM_024557.2	220282_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LMO1	4004	NM_002315.1	206718_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C11orf16	56673	NM_020643.2	220344_at	0	0	0	971,3333333	0	0	0	0	NA	NA
NRIP3	56675	NM_020645.1	219557_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SCUBE2	57758	NM_020974.1	219197_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DENND5A	23258	NM_015213.2	212561_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
AMPD3	272	NM_000480.2	207992_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LYVE1	10894	NM_006691.3	220037_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MRVI1	10335	NM_001100163.1	X	0	0	0	399,6666667	0	0	0	0	NA	NA
DKK3	27122	NM_013253.4	202196_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MICALCL	84953	NM_032867.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PARVA	55742	NM_018222.3	217890_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ARNTL	406	NM_001178.4	209824_s_at	0	0	0	323,6666667	0	0	0	0	NA	NA

LRP4	4038	NM_002334.2	212850_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C11orf49	79096	NM_001003678.1	203257_s_at	0	0	0	539	0	0	0	0	0	NA	NA
PACSIN3	29763	NM_016223.3	218744_s_at	0	0	0	80	0	0	0	0	0	NA	NA
MYBPC3	4607	NM_000256.3	208040_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RAPSN	5913	NM_005055.3	211570_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C1QTNF4	114900	NM_031909.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
AGBL2	79841	NM_024783.2	220390_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PTPRJ	5795	NM_002843.3	210173_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4B1	119765	NM_001005470.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4X1	390113	NM_001004726.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4S1	256148	NM_001004725.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4C3	256144	NM_001004702.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4C13	283092	NM_001001955.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4C12	283093	NM_001005270.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4A5	81318	NM_001005272.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4C46	119749	NM_001004703.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TRIM48	79097	NM_024114.2	220534_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4A16	81327	NM_001005274.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4C16	219428	NM_001004701.2	X	0	0	0	233	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4C11	219429	NM_001004700.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4P4	81300	NM_001004124.1	X	0	0	0	3224,333333	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4S2	219431	NM_001004059.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR5L1	219437	NM_001004738.1	X	0	0	0	357,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
OR5D18	219438	NM_001001952.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPRYD5	84767	NM_032681.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR5I1	10798	NM_006637.1	208521_at	0	0	0	237	0	0	0	0	0	NA	NA
OR10AG1	282770	NM_001005491.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR5F1	338674	NM_003697.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR8H2	390151	NM_001005200.1	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
OR8H3	390152	NM_001005201.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR8J3	81168	NM_001004064.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR5T2	219464	NM_001004746.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR5T1	390155	NM_001004745.1	X	0	0	0	288,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA

OR5AN1	390195	NM_001004729.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR5A2	219981	NM_001001954.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR5A1	219982	NM_001004728.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4D6	219983	NM_001004708.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4D11	219986	NM_001004706.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR4D9	390199	NM_001004711.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PATL1	219988	NM_152716.1	X	0	0	0	221,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR10V1	390201	NM_001005324.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GIF	2694	NM_005142.2	207033_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PLAC1L	219990	NM_173801.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MS4A3	932	NM_006138.4	210254_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MS4A4A	51338	NM_148975.1	219607_s_at	0	0	0	84,33333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MS4A14	84689	NM_032597.3	X	0	0	0	510,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MS4A5	64232	NM_023945.2	220790_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MS4A12	54860	NM_017716.1	220834_at	0	0	0	1549,333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MS4A13	503497	NM_001012417.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MS4A8B	83661	NM_031457.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MS4A15	219995	NM_152717.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MS4A10	341116	NM_206893.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GPR44	11251	NM_004778.2	216464_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC15A3	51296	NM_016582.1	219593_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CD6	923	NM_006725.2	211900_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CD5	921	NM_014207.2	206485_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PGA3	643834	NM_001079807.1	213265_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PGA4	643847	NM_001079808.1	213265_at	0	0	0	529,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C11orf66	220004	NM_145017.1	X	0	0	0	1425,333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SYT7	9066	NM_004200.2	X	0	0	0	844,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DAGLA	747	NM_006133.1	214128_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C11orf9	745	NM_013279.1	217463_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FADS3	3995	NM_021727.3	204257_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RAB31L1	5866	NM_013401.2	219579_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
BEST1	7439	NM_004183.2	207671_s_at	0	0	0	219,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SCGB1D1	10648	NM_006552.1	207910_at	0	0	0	302,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA

GDPD5	81544	NM_030792.5	32502_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAP6	4135	NM_033063.1	X	0	0	0	740,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
MOGAT2	80168	NM_025098.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DGAT2	84649	NM_032564.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
WNT11	7481	NM_004626.2	206737_at	0	0	0	345,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
TSKU	25987	NM_015516.3	218245_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
B3GNT6	192134	NM_138706.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CAPN5	726	NM_004055.4	205166_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OMP	4975	NM_006189.1	X	0	0	0	308	0	0	0	0	0	NA	NA
MYO7A	4647	NM_000260.2	33197_at	0	0	0	255,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
GDPD4	220032	NM_182833.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
AQP11	282679	NM_173039.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCTD14	65987	NM_023930.3	58916_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
THRSP	7069	NM_003251.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCTD21	283219	NM_001029859.1	X	0	0	0	125	0	0	0	0	0	NA	NA
USP35	57558	NM_020798.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GAB2	9846	NM_080491.1	203853_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CCDC89	220388	NM_152723.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SYTL2	54843	NM_032943.2	220613_s_at	0	0	0	242,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
CCDC81	60494	NM_021827.3	220389_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PRSS23	11098	NM_007173.4	202458_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RAB38	23682	NM_022337.1	219412_at	0	0	0	508,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
GRM5	2915	NM_000842.1	214217_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TYR	7299	NM_000372.4	206630_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NOX4	50507	NM_016931.2	219773_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FOLH1B	219595	NM_153696.2	217487_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TRIM49	57093	NM_020358.2	221154_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LOC729384	729384	NM_001105522.1	220534_at	0	0	0	298,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
FAT3	120114	NM_001008781.2	X	0	0	0	735	0	0	0	0	0	NA	NA
MTNR1B	4544	NM_005959.3	208516_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CCDC67	159989	NM_181645.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C11orf75	56935	NM_020179.1	219806_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HEPHL1	341208	NM_001098672.1	X	0	0	0	45	0	0	0	0	0	NA	NA

ROBO3	64221	NM_022370.2	219550_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HEPACAM	220296	NM_152722.4	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HEPN1	641654	NM_001037558.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC37A2	219855	NM_198277.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PKNOX2	63876	NM_022062.2	63305_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FEZ1	9638	NM_005103.3	205973_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ACRV1	56	NM_001612.4	207973_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PATE1	160065	NM_138294.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CDON	50937	NM_016952.4	207230_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KIRREL3	84623	NM_032531.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCNJ1	3758	NM_153765.1	210402_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCNJ5	3762	NM_000890.3	208397_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C11orf45	219833	NM_145013.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TP53AIP1	63970	NM_022112.1	220402_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RICS	9743	NM_014715.2	203431_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
BARX2	8538	NM_003658.4	210419_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM45B	120224	NM_138788.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ADAMTS15	170689	NM_139055.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NTM	50863	NM_001048209.1	222020_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPATA19	219938	NM_174927.1	X	0	0	0	358,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IGSF9B	22997	NM_014987.1	215255_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
JAM3	83700	NM_032801.3	212813_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GLB1L2	89944	NM_138342.2	213713_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IQSEC3	440073	NM_015232.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC6A12	6539	NM_003044.2	206058_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HSN2	378465	NM_213655.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
WNT5B	81029	NM_030775.2	221029_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LRTM2	654429	NM_001039029.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CACNA1C	775	NM_000719.5	211592_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NRIP2	83714	NM_031474.1	215104_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DYRK4	8798	NM_003845.1	212954_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GALNT8	26290	NM_017417.1	220929_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCNA6	3742	NM_002235.2	205616_at	0	0	0	234	0	0	0	0	0	0	NA	NA

C13orf33	84935	NM_032849.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C13orf26	122046	NM_152325.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
B3GALTL	145173	NM_194318.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FRY	10129	NM_023037.2	214318_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KL	9365	NM_004795.2	205978_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SOHLH2	54937	NM_017826.1	220129_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPG20	23111	NM_015087.3	212526_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C13orf36	400120	NM_203451.2	X	0	0	0	136	0	0	0	0	0	NA	NA
CSNK1A1L	122011	NM_145203.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FREM2	341640	NM_207361.4	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
STOML3	161003	NM_145286.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KIAA0564	23078	NM_015058.1	214231_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TNFSF11	8600	NM_033012.2	210643_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SERP2	387923	NM_001010897.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCTD4	386618	NM_198404.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CPB2	1361	NM_016413.3	206651_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HTR2A	3356	NM_000621.2	207135_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
P2RY5	10161	NM_005767.4	218589_at	0	0	0	258	0	0	0	0	0	NA	NA
CYSLTR2	57105	NM_020377.2	220813_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCNRG	283518	NM_173605.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DLEU7	220107	NM_198989.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM124A	220108	NM_145019.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SERPINE3	647174	NM_001101320.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CCDC70	83446	NM_031290.2	221167_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
UTP14C	9724	NM_021645.4	203614_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
NEK5	341676	NM_199289.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NEK3	4752	NM_002498.2	213116_at	0	0	0	443,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
LECT1	11061	NM_007015.2	206309_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OLFM4	10562	NM_006418.3	212768_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PRR20	122183	NM_198441.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PCDH17	27253	NM_001040429.2	205656_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KLHL1	57626	NM_020866.1	216391_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TBC1D4	9882	NM_014832.2	203386_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA

OSTbeta	123264	NM_178859.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RASL12	51285	NM_016563.2	219167_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
hCG_1645727	390594	NM_001101362.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CILP	8483	NM_003613.2	206227_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IGDCC3	9543	NM_004884.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IGDCC4	57722	NM_020962.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC24A1	9187	NM_004727.2	206081_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MEGF11	84465	NM_032445.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCTL	197021	NM_207338.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LBXCOR1	390598	NM_001031807.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ITGA11	22801	NM_001004439.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NOX5	79400	NM_024505.2	220641_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPESP1	246777	NM_145658.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GLCE	26035	NM_015554.1	213552_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PAQR5	54852	NM_017705.3	220333_at	0	0	0	1439,333333	0	0	0	0	0	NA	NA
UACA	55075	NM_018003.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LARP6	55323	NM_018357.2	218651_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
THAP10	56906	NM_020147.2	219596_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LRRC49	54839	NM_017691.2	219338_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LOC196993	196993	NM_001102658.1	214418_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
THSD4	79875	NM_024817.2	219153_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RPL17P39	645296	NM_001093733.2	X	0	0	0	230,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
NR2E3	10002	NM_014249.2	208385_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GRAMD2	196996	NM_001012642.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
BRUNOL6	60677	NM_052840.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM202	338949	NM_001080462.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GOLGA6B	55889	NM_018652.4	207575_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HCN4	10021	NM_005477.1	206946_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C15orf60	283677	NM_001042367.1	X	0	0	0	285,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
NPTN	27020	NM_012428.2	202228_s_at	0	0	0	190,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
CD276	80381	NM_025240.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C15orf59	388135	NM_001039614.1	X	0	0	0	453,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
LOXL1	4016	NM_005576.2	203570_at	0	0	0	859	0	0	0	0	0	NA	NA

C16orf62	57020	NM_020314.4	203173_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GPRC5B	51704	NM_016235.1	203632_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GP2	2813	NM_001502.2	208473_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PDILT	204474	NM_174924.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ACSM5	54988	NM_017888.2	220061_at	0	0	0	244	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ACSM2A	123876	NM_001010845.2	214069_at	0	0	0	294,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ACSM2B	348158	NM_001105069.1	214069_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ACSM1	116285	NM_052956.2	215432_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ACSM3	6296	NM_005622.3	205942_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZP2	7783	NM_003460.1	207933_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ANKS4B	257629	NM_145865.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NCRNA00169	400508	NM_001101368.1	X	0	0	0	238,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NPIPL3	23117	NM_130464.1	214870_x_at	0	0	0	57,66666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IGSF6	10261	NM_005849.2	206420_at	0	0	0	159	0	0	0	0	0	0	NA	NA
VWA3A	146177	NM_173615.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HS3ST2	9956	NM_006043.1	219697_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
USP31	57478	NM_020718.3	X	0	0	0	243	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SCNN1G	6340	NM_001039.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ERN2	10595	NM_033266.3	214372_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CHP2	63928	NM_022097.2	206149_at	0	0	0	283	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PRKCB	5579	NM_212535.1	207957_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TNRC6A	27327	NM_014494.2	X	0	0	0	793,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC5A11	115584	NM_052944.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
AQP8	343	NM_001169.2	206784_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HS3ST4	9951	NM_006040.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C16orf82	162083	NM_182831.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NSMCE1	197370	NM_145080.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IL4R	3566	NM_000418.2	203233_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GSG1L	146395	NM_001109763.1	X	0	0	0	464,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SBK1	388228	NM_001024401.2	X	0	0	0	229,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NPIPL1	440350	NM_001018122.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IL27	246778	NM_145659.3	X	0	0	0	2277,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NUPR1	26471	NM_001042483.1	209230_s_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA

LOC729355	729355	NM_001099687.1	220167_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MYLK3	91807	NM_182493.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ABCC12	94160	NM_033226.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
N4BP1	9683	NM_153029.3	48612_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CBLN1	869	NM_004352.1	205747_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C16orf78	123970	NM_144602.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF423	23090	NM_015069.2	214761_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HEATR3	55027	NM_182922.2	219289_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PAPD5	64282	NM_001040285.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ADCY7	113	NM_001114.3	203741_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NKD1	85407	NM_033119.3	X	0	0	0	231,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SNX20	124460	NM_182854.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NOD2	64127	NM_022162.1	220066_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CYLD	1540	NM_015247.2	214272_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SALL1	6299	NM_002968.2	206893_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TOX3	27324	NM_001080430.1	214774_x_at	0	0	0	1091	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RPGRIP1L	23322	NM_015272.2	213959_s_at	0	0	0	95	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FTO	79068	NM_001080432.1	209702_at	0	0	0	314,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IRX6	79190	NM_024335.2	X	0	0	0	243	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MMP2	4313	NM_004530.2	201069_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LPCAT2	54947	NM_017839.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CAPNS2	84290	NM_032330.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC6A2	6530	NM_001043.2	215715_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CES1	1066	NM_001025194.1	209616_s_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GNAO1	2775	NM_020988.1	204763_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MT4	84560	NM_032935.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MT3	4504	NM_005954.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MT2A	4502	NM_005953.2	212185_x_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MT1E	4493	NM_175617.3	212859_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MT1M	4499	NM_176870.2	217546_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MT1A	4489	NM_005946.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MT1G	4495	NM_005950.1	204745_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MT1H	4496	NM_005951.2	206461_x_at	0	0	0	235	0	0	0	0	0	0	NA	NA

	85282	NM_033059.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
	85287	NM_033061.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DOC2B	8447	NM_003585.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
hCG_1741344	653486	NM_001097610.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FLJ44838	644767	NM_001039904.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GCGR	2642	NM_000160.2	210565_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LOC348262	348262	NM_001093767.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
COLEC12	81035	NM_130386.1	221019_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CETN1	1068	NM_004066.1	207209_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CLUL1	27098	NM_014410.4	206556_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ADCYAP1	116	NM_001099733.1	206281_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
EMILIN2	84034	NM_032048.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MYOM1	8736	NM_019856.1	205610_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FLJ35776	649446	NM_001039796.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TTMA	645369	NM_001080209.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
L3MBTL4	91133	NM_173464.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ARHGAP28	79822	NM_001010000.1	220382_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LAMA1	284217	NM_005559.2	222346_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LRRC30	339291	NM_001105581.1	X	0	0	0	349,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
TWSG1	57045	NM_020648.3	219201_s_at	0	0	0	641,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
RAB31	11031	NM_006868.2	217763_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TXNDC2	84203	NM_001098530.1	X	0	0	0	541	0	0	0	0	0	NA	NA
APCDD1	147495	NM_153000.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NAPG	8774	NM_003826.1	210048_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GNAL	2774	NM_182978.1	206355_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CIDEA	1149	NM_001279.3	221295_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPIRE1	56907	NM_020148.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CEP192	55125	NM_032142.2	218827_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MC5R	4161	NM_005913.1	208565_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MC2R	4158	NM_000529.2	208568_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CTAGE1	64693	NM_172241.2	220957_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LAMA3	3909	NM_198129.1	203726_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TTC39C	125488	NM_153211.2	X	0	0	0	220,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA

ZNF433	163059	NM_001080411.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LOC729747	729747	NM_001080404.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF20	7568	NM_021143.2	213916_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF442	79973	NM_030824.2	208081_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF799	90576	NM_001080821.1	205928_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF443	10224	NM_005815.3	205928_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF709	163051	NM_152601.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
BEST2	54831	NM_017682.2	207432_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RTBDN	83546	NM_031429.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAST1	22983	NM_014975.1	217231_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SYCE2	256126	NM_001105578.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NFIX	4784	NM_002501.2	209807_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CACNA1A	773	NM_000068.3	210770_s_at	0	0	0	454,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
CCDC130	81576	NM_030818.2	208094_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZSWIM4	65249	NM_023072.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NANOS3	342977	NM_001098622.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PODNL1	79883	NM_024825.2	220411_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C19orf72	90379	NM_138353.2	221849_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RLN3	117579	NM_080864.2	217702_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SAMD1	90378	NM_138352.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PKN1	5585	NM_002741.3	202161_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PTGER1	5731	NM_000955.2	207650_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GIPC1	10755	NM_005716.2	207525_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NDUFB7	4713	NM_004146.4	202839_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
EMR3	84658	NM_032571.3	210724_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
EMR2	30817	NM_152919.1	207610_s_at	0	0	0	321,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
OR7C1	26664	NM_198944.1	216690_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR7A10	390892	NM_001005190.1	217316_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR7A17	26333	NM_030901.1	208509_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR7C2	26658	NM_012377.1	208507_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC1A6	6511	NM_005071.1	206882_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CCDC105	126402	NM_173482.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CASP14	23581	NM_012114.1	X	0	0	0	257,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA

INSL3	3640	NM_005543.2	214400_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
JAK3	3718	NM_000215.2	207187_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC5A5	6528	NM_000453.1	211123_at	0	0	0	265	0	0	0	0	0	NA	NA
CCDC124	115098	NM_138442.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCNN1	3780	NM_002248.3	206231_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IL12RB1	3594	NM_005535.1	206890_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PGPEP1	54858	NM_017712.2	219891_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GDF15	9518	NM_004864.2	221577_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LRRC25	126364	NM_145256.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ISYNA1	51477	NM_016368.3	222240_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C19orf50	79036	NM_024069.2	200076_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CRLF1	9244	NM_004750.2	206315_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM59L	25789	NM_012109.2	219005_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
COMP	1311	NM_000095.2	205713_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LASS1	10715	NM_198207.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HAPLN4	404037	NM_023002.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TM6SF2	53345	NM_001001524.2	X	0	0	0	221	0	0	0	0	0	NA	NA
GATAD2A	54815	NM_017660.2	218131_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CILP2	148113	NM_153221.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF506	440515	NM_001099269.1	221626_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF253	56242	NM_021047.2	206900_x_at	0	0	0	227,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF93	81931	NM_031218.2	215758_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF682	91120	NM_033196.2	216468_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF486	90649	NM_052852.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF826	664701	NM_001039884.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF626	199777	NM_001076675.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF430	80264	NM_025189.2	206829_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF714	148206	NM_182515.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF431	170959	NM_133473.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF708	7562	NM_021269.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF493	284443	NM_175910.5	211064_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF429	353088	NM_001001415.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF43	7594	NM_003423.2	206695_x_at	0	0	0	524	0	0	0	0	0	NA	NA

CRX	1406	NM_000554.3	217510_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ELSPBP1	64100	NM_022142.3	220366_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CABP5	56344	NM_019855.3	221160_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PLA2G4C	8605	NM_003706.1	209785_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF114	163071	NM_153608.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CCDC114	93233	NM_144577.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CYTH2	9266	NM_017457.3	209158_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LMTK3	114783	NM_001080434.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SULT2B1	6820	NM_177973.1	205759_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPACA4	171169	NM_133498.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CA11	770	NM_001217.3	209726_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NTN5	126147	NM_145807.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FUT2	2524	NM_001097638.1	210608_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RASIP1	54922	NM_017805.2	220027_s_at	0	0	0	145,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
IZUMO1	284359	NM_182575.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FUT1	2523	NM_000148.2	206109_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FGF21	26291	NM_019113.2	221433_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
BCAT2	587	NM_001190.2	215654_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NUCB1	4924	NM_006184.3	200646_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DHDH	27294	NM_014475.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LHB	3972	NM_000894.2	214471_x_at	0	0	0	348,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
CGB	1082	NM_000737.2	205387_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CGB2	114336	NM_033378.1	205387_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CGB1	114335	NM_033377.1	205387_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CGB5	93659	NM_033043.1	205387_s_at	0	0	0	33,33333333	0	0	0	0	0	NA	NA
CGB8	94115	NM_033183.2	205387_s_at	0	0	0	66,66666667	0	0	0	0	0	NA	NA
CGB7	94027	NM_033142.1	205387_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NTF4	4909	NM_006179.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCNA7	3743	NM_031886.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LIN7B	64130	NM_022165.2	219760_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HRC	3270	NM_002152.2	207066_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TEAD2	8463	NM_003598.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DKKL1	27120	NM_014419.3	220284_at	0	0	0	329	0	0	0	0	0	NA	NA

ZNF776	284309	NM_173632.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF586	54807	NM_017652.2	219711_at	0	0	0	1412	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF256	10172	NM_005773.2	X	0	0	0	304,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF606	80095	NM_025027.3	219635_at	0	0	0	233,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF135	7694	NM_003436.2	206142_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZSCAN18	65982	NM_023926.3	218312_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF329	79673	NM_024620.3	219765_at	0	0	0	378,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF274	10782	NM_016324.2	204937_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF8	7554	NM_021089.1	214901_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KIR3DS1	3813	NM_001083539.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KIR2DL5A	57292	NM_020535.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KIR2DS5	3810	NM_014513.2	X	0	0	0	441,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
KIR2DS1	3806	NM_014512.1	208179_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
	642250	NM_001089592.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
	653573	NM_207418.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM110C	642273	NM_001077710.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM150B	285016	NM_001002919.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LOC391343	391343	NM_001013662.2	X	0	0	0	460,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
SNTG2	54221	NM_018968.2	220487_at	0	0	0	266	0	0	0	0	0	NA	NA
TPO	7173	NM_175719.1	210342_s_at	0	0	0	397	0	0	0	0	0	NA	NA
PXDN	7837	NM_012293.1	212012_at	0	0	0	261,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
MYT1L	23040	NM_015025.2	216672_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
COLEC11	78989	NM_024027.3	219873_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ALLC	55821	NM_018436.3	220365_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CMPK2	129607	NM_207315.2	X	0	0	0	355,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
RNF144A	9781	NM_014746.3	204040_at	0	0	0	499	0	0	0	0	0	NA	NA
KIDINS220	57498	NM_020738.1	214932_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MBOAT2	129642	NM_138799.2	213288_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ASAP2	8853	NM_003887.1	206414_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KLF11	8462	NM_003597.4	218486_at	0	0	0	278,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
C2orf48	348738	NM_182626.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ATP6V1C2	245973	NM_144583.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCNF1	3754	NM_002236.4	210263_at	0	0	0	263,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA

KREMEN1	83999	NM_001039571.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
EMID1	129080	NM_133455.2	213779_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GAS2L1	10634	NM_152237.1	31874_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RASL10A	10633	NM_006477.3	206850_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NEFH	4744	NM_021076.2	204412_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CABP7	164633	NM_182527.1	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
HORMAD2	150280	NM_152510.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LIF	3976	NM_002309.2	205266_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OSM	5008	NM_020530.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GATSL3	652968	NM_001037666.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TBC1D10A	83874	NM_031937.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RNF215	200312	NM_001017981.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SEC14L2	23541	NM_012429.1	204541_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SEC14L3	266629	NM_174975.3	216346_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SEC14L4	284904	NM_174977.2	216402_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GAL3ST1	9514	NM_004861.1	205670_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TCN2	6948	NM_000355.2	204043_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC35E4	339665	NM_001001479.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OSBP2	23762	NM_030758.3	221237_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SELM	140606	NM_080430.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
INPP5J	27124	NM_014422.2	213651_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PLA2G3	50487	NM_015715.3	220780_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C22orf30	253143	NM_173566.1	216555_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C22orf42	150297	NM_001010859.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RFPL2	10739	NM_006605.2	207227_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC5A4	6527	NM_014227.1	215960_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RFPL3	10738	NM_006604.2	207936_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
BPIL2	254240	NM_174932.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SYN3	8224	NM_003490.2	206322_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TIMP3	7078	NM_000362.4	201147_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ISX	91464	NM_001008494.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RASD2	23551	NM_014310.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MB	4151	NM_203377.1	204179_at	0	0	0	327,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA

SEMA3B	7869	NM_001005914.1	203071_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C3orf45	132228	NM_153215.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CACNA2D2	9254	NM_001005505.1	204811_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DOCK3	1795	NM_004947.3	213482_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RAD54L2	23132	NM_015106.1	213205_s_at	0	0	0	50	0	0	0	0	0	NA	NA
GRM2	2912	NM_000839.2	208465_at	0	0	0	184	0	0	0	0	0	NA	NA
IQCF3	401067	NM_001085479.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IQCF2	389123	NM_203424.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IQCF1	132141	NM_152397.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GPR62	118442	NM_080865.3	X	0	0	0	307,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
DUSP7	1849	NM_001947.2	213848_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TLR9	54106	NM_017442.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DNAH1	25981	NM_015512.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SEMA3G	56920	NM_020163.1	219689_at	0	0	0	327,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
STAB1	23166	NM_015136.2	38487_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NT5DC2	64943	NM_022908.1	218051_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ITIH3	3699	NM_002217.3	205755_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SFMBT1	51460	NM_001005158.1	213370_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PRKCD	5580	NM_212539.1	202545_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CACNA1D	776	NM_000720.1	210108_at	0	0	0	292,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
CHDH	55349	NM_018397.2	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
IL17RB	55540	NM_018725.3	219255_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CACNA2D3	55799	NM_018398.2	219714_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LRTM1	57408	NM_020678.2	221612_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ERC2	26059	NM_015576.1	213938_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C3orf63	23272	NM_015224.2	209285_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPATA12	353324	NM_181727.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ASB14	142686	NM_130387.4	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
	375347	NM_198564.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DNASE1L3	1776	NM_004944.2	205554_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ABHD6	57406	NM_020676.4	45288_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
PDHB	5162	NM_000925.2	208911_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ACOX2	8309	NM_003500.2	205364_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA

GRAMD1C	54762	NM_017577.3	219313_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZDHC23	254887	NM_173570.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF80	7634	NM_007136.2	207272_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TIGIT	201633	NM_173799.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GAP43	2596	NM_002045.2	204471_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LSAMP	4045	NM_002338.2	214460_at	0	0	0	2355	0	0	0	0	0	0	NA	NA
UPK1B	7348	NM_006952.3	210065_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PLA1A	51365	NM_015900.1	219584_at	0	0	0	1403,333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
POPDC2	64091	NM_022135.2	219647_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C3orf15	89876	NM_033364.3	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NR1I2	8856	NM_033013.2	207203_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GPR156	165829	NM_153002.1	X	0	0	0	134	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FSTL1	11167	NM_007085.3	208782_at	0	0	0	353,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HGD	3081	NM_000187.2	205221_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
STXBPL	9515	NM_014980.1	215518_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ARGFX	503582	NM_001012659.1	X	0	0	0	269,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CASR	846	NM_000388.2	210577_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CSTA	1475	NM_005213.3	204971_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KPNA1	3836	NM_002264.2	202058_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PARP15	165631	NM_152615.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PARP14	54625	NM_017554.2	X	0	0	0	231	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SEMA5B	54437	NM_001031702.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ADCY5	111	NM_183357.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ROPN1	54763	NM_017578.2	220425_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ITGB5	3693	NM_002213.3	201124_at	0	0	0	614	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HEG1	57493	NM_020733.1	212822_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC12A8	84561	NM_024628.5	219874_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC41A3	54946	NM_017836.3	219175_s_at	0	0	0	132,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ALDH1L1	10840	NM_012190.2	205208_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KLF15	28999	NM_014079.2	221302_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CCDC37	348807	NM_182628.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
UROC1	131669	NM_144639.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CHST13	166012	NM_152889.1	X	0	0	0	284,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA

C3orf22	152065	NM_152533.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TR2IT1	645840	NM_001039783.1	59631_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CHCHD6	84303	NM_032343.1	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
PLXNA1	5361	NM_032242.2	221537_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C3orf56	285311	NM_001007534.1	X	0	0	0	1186,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
ABTB1	80325	NM_032548.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
EEFSEC	60678	NM_021937.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DNAJB8	165721	NM_153330.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C3orf27	23434	NM_007354.1	208440_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RAB7A	7879	NM_004637.5	211960_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KIAA1257	57501	NM_020741.1	X	0	0	0	1057,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
CCDC48	79825	NM_024768.1	220006_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GP9	2815	NM_000174.2	206883_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RHO	6010	NM_000539.2	206455_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
H1FOO	132243	NM_153833.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PLXND1	23129	NM_015103.2	212235_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMCC1	23023	NM_001017395.1	213351_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TRH	7200	NM_007117.1	206622_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
COL29A1	256076	NM_153264.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
COL6A6	131873	NM_001102608.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CPNE4	131034	NM_130808.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ACPP	55	NM_001099.2	204393_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DNAJC13	23317	NM_015268.3	212467_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM108	66000	NM_023943.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
BFSP2	8419	NM_003571.2	207399_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TF	7018	NM_001063.2	203400_s_at	0	0	0	3696,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
RAB6B	51560	NM_016577.3	210127_at	0	0	0	267,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
C3orf36	80111	NM_025041.2	221175_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLCO2A1	6578	NM_005630.1	204368_at	0	0	0	255,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
RYK	6259	NM_002958.3	216976_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
AMOTL2	51421	NM_016201.2	203002_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KY	339855	NM_178554.4	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
EPHB1	2047	NM_004441.3	210753_s_at	0	0	0	245	0	0	0	0	0	NA	NA

PPP2R3A	5523	NM_002718.3	209633_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM22	80723	NM_025246.2	219569_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IL20RB	53833	NM_144717.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SOX14	8403	NM_004189.2	208574_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CLDN18	51208	NM_001002026.2	214135_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DZIP1L	199221	NM_173543.1	X	0	0	0	245,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
A4GNT	51146	NM_016161.1	221131_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TXNDC6	347736	NM_178130.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MRAS	22808	NM_012219.3	206538_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM62C	83850	NM_031913.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CEP70	80321	NM_024491.2	219036_at	0	0	0	456	0	0	0	0	0	NA	NA
FAIM	55179	NM_001033031.1	220643_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PIK3CB	5291	NM_006219.1	217620_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FOXL2	668	NM_023067.2	220102_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C3orf72	401089	NM_001040061.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LOC389151	389151	NM_001013650.1	X	0	0	0	909,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
RBP2	5948	NM_004164.2	X	0	0	0	593	0	0	0	0	0	NA	NA
RBP1	5947	NM_002899.2	203423_at	0	0	0	305	0	0	0	0	0	NA	NA
NMNAT3	349565	NM_178177.2	220912_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TRIM42	287015	NM_152616.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPSB4	92369	NM_080862.1	X	0	0	0	220,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
ZBTB38	253461	NM_001080412.2	219221_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GRK7	131890	NM_139209.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TFDP2	7029	NM_006286.3	203589_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GK5	256356	NM_001039547.1	X	0	0	0	46,66666667	0	0	0	0	0	NA	NA
TRPC1	7220	NM_003304.4	205803_s_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
PAQR9	344838	NM_198504.2	X	0	0	0	221,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
PLSCR4	57088	NM_020353.1	218901_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PLSCR2	57047	NM_020359.1	207374_at	0	0	0	242	0	0	0	0	0	NA	NA
PLSCR5	389158	NM_001085420.1	X	0	0	0	230,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
ZIC4	84107	NM_032153.3	211463_at	0	0	0	370,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
AGTR1	185	NM_031850.2	205357_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CPB1	1360	NM_001871.2	205509_at	0	0	0	236,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA

TM4SF18	116441	NM_138786.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TM4SF1	4071	NM_014220.2	209386_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TM4SF4	7104	NM_004617.2	209937_at	0	0	0	56,66666667	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM183B	653659	NM_001079809.1	212164_at	0	0	0	208,33333333	0	0	0	0	0	NA	NA
C3orf44	131831	NM_152394.3	X	0	0	0	375,66666667	0	0	0	0	0	NA	NA
MED12L	116931	NM_053002.3	X	0	0	0	329	0	0	0	0	0	NA	NA
GPR171	29909	NM_013308.3	207651_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
P2RY14	9934	NM_014879.3	206637_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
P2RY13	53829	NM_176894.1	220005_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IGSF10	285313	NM_178822.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
AADAC	13	NM_001086.2	205969_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
P2RY1	5028	NM_002563.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SGEF	26084	NM_015595.2	222121_at	0	0	0	232	0	0	0	0	0	NA	NA
GPR149	344758	NM_001038705.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PLCH1	23007	NM_014996.1	216633_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C3orf33	285315	NM_173657.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCNAB1	7881	NM_172160.2	210078_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PTX3	5806	NM_002852.2	206157_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C3orf55	152078	NM_001099777.1	X	0	0	0	245,33333333	0	0	0	0	0	NA	NA
MLF1	4291	NM_022443.2	204783_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RARRES1	5918	NM_206963.1	206391_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IQCJ	654502	NM_001042705.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SCHIP1	29970	NM_014575.2	204030_s_at	0	0	0	65,66666667	0	0	0	0	0	NA	NA
IL12A	3592	NM_000882.2	X	0	0	0	387	0	0	0	0	0	NA	NA
ARL14	80117	NM_025047.1	220468_at	0	0	0	332	0	0	0	0	0	NA	NA
PPM1L	151742	NM_139245.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
B3GALNT1	8706	NM_033167.2	211379_x_at	0	0	0	221,33333333	0	0	0	0	0	NA	NA
C3orf57	165679	NM_001040100.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RPL23AP42	647099	NM_001093758.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OTOL1	131149	NM_001080440.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SI	6476	NM_001041.2	206664_at	0	0	0	531	0	0	0	0	0	NA	NA
BCHE	590	NM_000055.2	205433_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
WDR49	151790	NM_178824.3	X	0	0	0	472,66666667	0	0	0	0	0	NA	NA

ESM1	11082	NM_007036.3	208394_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GZMA	3001	NM_006144.2	205488_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GPX8	493869	NM_001008397.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CCNO	10309	NM_021147.3	210021_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DDX4	54514	NM_024415.1	221630_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IL31RA	133396	NM_139017.4	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MIER3	166968	NM_152622.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ACTBL2	345651	NM_001017992.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PLK2	10769	NM_006622.2	201939_at	0	0	0	219,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
RAB3C	115827	NM_138453.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PDE4D	5144	NM_001104631.1	204491_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ELOVL7	79993	NM_024930.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FLJ37543	285668	NM_173667.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HTR1A	3350	NM_000524.2	221351_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RNF180	285671	NM_178532.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RGS7BP	401190	NM_001029875.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAST4	375449	NM_198828.2	210958_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CCDC125	202243	NM_176816.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MARVELD2	153562	NM_144724.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OCLN	4950	NM_002538.2	209925_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NAIP	4671	NM_004536.2	204860_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MCCC2	64087	NM_022132.3	209623_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CARTPT	9607	NM_004291.2	206339_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAP1B	4131	NM_005909.3	214577_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF366	167465	NM_152625.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM171	134285	NM_173490.5	X	0	0	0	277,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM174	134288	NM_153217.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RGNEF	64283	NM_001080479.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM169A	26049	NM_015566.1	213954_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GCNT4	51301	NM_016591.1	220831_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SV2C	22987	NM_014979.1	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
hCG_1757335	643752	NM_001089704.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
F2RL1	2150	NM_005242.3	206429_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA

SFTA2	389376	NM_205854.2	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	NA	NA
DPCR1	135656	NM_080870.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MUC21	394263	NM_001010909.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C6orf15	29113	NM_014070.2	221100_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PSORS1C1	170679	NM_014068.1	220362_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CDSN	1041	NM_001264.3	206192_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PSORS1C2	170680	NM_014069.2	220635_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
POU5F1	5460	NM_002701.4	208286_x_at	0	0	0	273,3333333	0	0	0	0	NA	NA
MCCD1	401250	NM_001011700.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ATP6V1G2	534	NM_138282.1	214762_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NCR3	259197	NM_147130.1	210763_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
AIF1	199	NM_001623.3	215051_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LY6G5C	80741	NM_025262.2	219860_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LY6G6C	80740	NM_025261.1	207114_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	NA	NA
C6orf26	401251	NM_001039651.1	212913_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC44A4	80736	NM_025257.2	205597_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZBTB12	221527	NM_181842.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CFB	629	NM_001710.4	202357_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C4A	720	NM_007293.2	214428_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CYP21A2	1589	NM_000500.5	214622_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TNXB	7148	NM_019105.5	216339_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NOTCH4	4855	NM_004557.3	205247_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C6orf10	10665	NM_006781.3	207523_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HLA-DRB5	3127	NM_002125.3	215193_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HLA-DRB1	3123	NM_002124.1	215193_x_at	0	0	0	241,6666667	0	0	0	0	NA	NA
HLA-DQA1	3117	NM_002122.3	213831_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HLA-DQB1	3119	NM_002123.3	209480_at	0	0	0	170,6666667	0	0	0	0	NA	NA
HLA-DQA2	3118	NM_020056.2	212671_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C6orf227	401253	NM_207497.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IP6K3	117283	NM_054111.3	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	NA	NA
MLN	4295	NM_002418.2	207473_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GRM4	2914	NM_000841.1	210234_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PACSIN1	29993	NM_020804.2	214403_x_at	0	0	0	331	0	0	0	0	NA	NA

WISP3	8838	NM_003880.2	210861_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RFPL4B	442247	NM_001013734.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NT5DC1	221294	NM_152729.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
COL10A1	1300	NM_000493.3	205941_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM26F	441168	NM_001010919.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM26E	254228	NM_153711.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RSPH4A	345895	NM_001010892.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM162B	221303	NM_001085480.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GPRC6A	222545	NM_148963.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RFX6	222546	NM_173560.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
VGLL2	245806	NM_153453.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ROS1	6098	NM_002944.2	207569_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DCBLD1	285761	NM_173674.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC35F1	222553	NM_001029858.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C6orf204	387119	NM_001042475.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM184A	79632	NM_001100411.1	220150_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C6orf170	221322	NM_152730.4	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GJA1	2697	NM_000165.3	201667_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FABP7	2173	NM_001446.3	205030_at	0	0	0	217,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
RLBP1L2	134829	NM_001010852.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NKAIN2	154215	NM_001040214.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RNF217	154214	NM_152553.2	X	0	0	0	288	0	0	0	0	0	NA	NA
TPD52L1	7164	NM_001003396.1	210372_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C6orf173	387103	NM_001012507.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RSPO3	84870	NM_032784.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C6orf58	352999	NM_001010905.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TSEPA	387357	NM_001010923.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LAMA2	3908	NM_000426.3	216840_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ARHGAP18	93663	NM_033515.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
L3MBTL3	84456	NM_001007102.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM200A	114801	NM_052913.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ARG1	383	NM_000045.2	206177_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR2A4	79541	NM_030908.1	X	0	0	0	196,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA

SLC22A3	6581	NM_021977.2	205421_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LPAL2	80350	NM_145727.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LPA	4018	NM_005577.2	209978_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PLG	5340	NM_000301.1	209978_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAP3K4	4216	NM_006724.2	204089_x_at	0	0	0	360,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
AGPAT4	56895	NM_020133.2	219693_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PARK2	5071	NM_013988.1	207058_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PACRG	135138	NM_001080378.1	214204_at	0	0	0	220,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
C6orf118	168090	NM_144980.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PDE10A	10846	NM_006661.1	211170_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
T	6862	NM_003181.2	206524_at	0	0	0	816,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
PRR18	285800	NM_175922.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RPS6KA2	6196	NM_001006932.1	212912_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CCR6	1235	NM_004367.5	206983_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GPR31	2853	NM_005299.2	208556_at	0	0	0	357	0	0	0	0	0	NA	NA
UNC93A	54346	NM_018974.2	214382_at	0	0	0	95,33333333	0	0	0	0	0	NA	NA
TTL2	83887	NM_031949.4	X	0	0	0	779	0	0	0	0	0	NA	NA
TCP10	6953	NM_004610.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C6orf124	653483	NM_001042508.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MLLT4	4301	NM_001040001.1	214939_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KIF25	3834	NM_005355.3	207682_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FRMD1	79981	NM_024919.2	220819_at	0	0	0	332,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
SMOC2	64094	NM_022138.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
THBS2	7058	NM_003247.2	203083_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DLL1	28514	NM_005618.3	X	0	0	0	477	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM20C	56975	NM_020223.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PDGFA	5154	NM_002607.4	205463_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PRKAR1B	5575	NM_002735.1	212559_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
UNC84A	23353	NM_025154.3	212074_at	0	0	0	291,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
C7orf20	51608	NM_015949.2	X	0	0	0	314	0	0	0	0	0	NA	NA
ADAP1	11033	NM_006869.1	90265_at	0	0	0	550	0	0	0	0	0	NA	NA
GPR146	115330	NM_138445.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
UNCX	340260	NM_001080461.1	X	0	0	0	664,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA

TMEM196	256130	NM_152774.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SP8	221833	NM_182700.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DNAH11	8701	NM_003777.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RAPGEF5	9771	NM_012294.3	204681_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IL6	3569	NM_000600.2	205207_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GPNMB	10457	NM_002510.2	201141_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C7orf46	340277	NM_199136.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
STK31	56164	NM_031414.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DFNA5	1687	NM_004403.2	203695_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HOXA2	3199	NM_006735.3	214457_at	0	0	0	276,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
HOXA9	3205	NM_152739.3	214651_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HOXA11	3207	NM_005523.5	213823_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
HOXA13	3209	NM_000522.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
EVX1	2128	NM_001989.3	207914_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KIAA0644	9865	NM_014817.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CPVL	54504	NM_031311.3	208146_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CHN2	1124	NM_004067.2	207486_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PRR15	222171	NM_175887.2	X	0	0	0	499,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
WIPF3	644150	NM_001080529.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C7orf41	222166	NM_152793.2	X	0	0	0	440,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
CRHR2	1395	NM_001883.3	207897_at	0	0	0	266	0	0	0	0	0	NA	NA
INMT	11185	NM_006774.4	X	0	0	0	695,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
C7orf67	84182	NM_032222.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
AQP1	358	NM_198098.1	209047_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GHRHR	2692	NM_000823.2	207825_s_at	0	0	0	232	0	0	0	0	0	NA	NA
ADCYAP1R1	117	NM_001118.3	207151_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NEUROD6	63974	NM_022728.2	220045_at	0	0	0	424,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
CCDC129	223075	NM_194300.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C7orf16	10842	NM_006658.2	220231_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PDE1C	5137	NM_005020.1	207303_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FKBP9	11328	NM_007270.2	212169_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RP9	6100	NM_203288.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
BMPER	168667	NM_133468.2	X	0	0	0	610,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA

OR2A12	34625	NM_001004135.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR2A2	442361	NM_001005480.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR2A14	135941	NM_001001659.1	X	0	0	0	304	0	0	0	0	0	NA	NA
ARHGEF5L	445328	NM_001003702.1	X	0	0	0	334,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
OR2A42	402317	NM_001001802.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR2A7	401427	NM_001005328.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ARHGEF5	7984	NM_005435.3	204765_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NOBOX	135935	NM_001080413.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TPK1	27010	NM_001042482.1	221218_s_at	0	0	0	257	0	0	0	0	0	NA	NA
tcag7.926	402715	NM_001045546.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C7orf33	202865	NM_145304.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF783	155060	NM_001004302.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF777	27153	NM_015694.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF767	79970	NM_024910.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF467	168544	NM_207336.1	214746_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SSPO	23145	NM_198455.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RARRES2	5919	NM_002889.2	209496_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GIMAP8	155038	NM_175571.2	X	0	0	0	232,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
GIMAP7	168537	NM_153236.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GIMAP4	55303	NM_018326.2	219243_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GIMAP6	474344	NM_024711.3	219777_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GIMAP1	170575	NM_130759.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GIMAP5	55340	NM_018384.3	64064_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM176B	28959	NM_014020.3	220532_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM176A	55365	NM_018487.2	218345_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ABP1	26	NM_001091.2	203559_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCNH2	3757	NM_000238.2	210036_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NOS3	4846	NM_000603.3	205581_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ACCN3	9311	NM_020321.1	207561_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GBX1	2636	NM_001098834.1	217011_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ASB10	136371	NM_080871.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SMARCD3	6604	NM_003078.3	204099_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NUB1	51667	NM_016118.3	X	0	0	0	232,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA

CEP110	11064	NM_007018.4	205642_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GSN	2934	NM_198252.2	214040_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DAB2IP	153090	NM_032552.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LHX6	26468	NM_014368.3	219884_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PTGS1	5742	NM_080591.1	215813_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR1J1	347168	NM_001004451.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR1J2	26740	NM_054107.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR1N1	138883	NM_012363.1	X	0	0	0	223,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
OR1N2	138882	NM_001004457.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR1L8	138881	NM_001004454.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR1B1	347169	NM_001004450.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR1L1	26737	NM_001005236.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR1L3	26735	NM_001005234.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR5C1	392391	NM_001001923.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OR1K1	392392	NM_080859.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CRB2	286204	NM_173689.5	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DENND1A	57706	NM_020946.1	219763_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NR5A1	2516	NM_004959.3	210333_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
WDR38	401551	NM_001045476.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C9orf126	286205	NM_173690.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM125B	89853	NM_033446.1	221687_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LMX1B	4010	NM_002316.1	208487_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZBTB34	403341	NM_001099270.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RALGPS1	9649	NM_014636.1	204199_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ANGPTL2	23452	NM_012098.2	213001_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GARNL3	84253	NM_032293.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM129B	64855	NM_001035534.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
STXBP1	6812	NM_001032221.1	202260_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C9orf117	286207	NM_001012502.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TOR2A	27433	NM_130459.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ENG	2022	NM_000118.1	201809_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
AK1	203	NM_000476.2	202587_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ST6GALNAC6	30815	NM_013443.3	X	0	0	0	303,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA

INPP5E	56623	NM_019892.3	204706_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NOTCH1	4851	NM_017617.3	218902_at	0	0	0	40,33333333	0	0	0	0	0	NA	NA
EGFL7	51162	NM_201446.1	218825_at	0	0	0	232,33333333	0	0	0	0	0	NA	NA
AGPAT2	10555	NM_001012727.1	210678_s_at	0	0	0	241,33333333	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM69B	138311	NM_152421.2	X	0	0	0	220,33333333	0	0	0	0	0	NA	NA
LCN10	414332	NM_001001712.2	X	0	0	0	220,33333333	0	0	0	0	0	NA	NA
LCN6	158062	NM_198946.2	X	0	0	0	259,33333333	0	0	0	0	0	NA	NA
LCN8	138307	NM_178469.3	X	0	0	0	299,66666667	0	0	0	0	0	NA	NA
LCN15	389812	NM_203347.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM141	85014	NM_032928.3	X	0	0	0	204	0	0	0	0	0	NA	NA
KIAA1984	84960	NM_001039374.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LOC389813	389813	NM_001080482.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
EDF1	8721	NM_003792.2	209058_at	0	0	0	180,66666667	0	0	0	0	0	NA	NA
PTGDS	5730	NM_000954.5	212187_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCNL1	401562	NM_207510.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C9orf142	286257	NM_183241.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CLIC3	9022	NM_004669.2	219529_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ABCA2	20	NM_212533.2	212772_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C9orf139	401563	NM_207511.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FUT7	2529	NM_004479.2	217696_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ENTPD2	954	NM_001246.2	207372_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DPP7	29952	NM_013379.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GRIN1	2902	NM_007327.2	210782_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RNF208	727800	NM_031297.3	221273_s_at	0	0	0	288	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC34A3	142680	NM_080877.2	X	0	0	0	242,66666667	0	0	0	0	0	NA	NA
TUBB2C	10383	NM_006088.5	213726_x_at	0	0	0	208,33333333	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM166A	401565	NM_001001710.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LOC441476	441476	NM_001004353.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
COBRA1	25920	NM_015456.2	202757_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
C9orf167	54863	NM_017723.2	219620_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NRARP	441478	NM_001004354.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
EXD3	54932	NM_017820.3	220838_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NOXA1	10811	NM_006647.1	X	0	0	0	208,33333333	0	0	0	0	0	NA	NA

MAGEB6	158809	NM_173523.2	X	0	0	0	852,6666667	0	0	0	0	NA	NA
MAGEB10	139422	NM_182506.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
IL1RAPL1	11141	NM_014271.2	220663_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAGEB2	4113	NM_002364.3	206218_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAGEB3	4114	NM_002365.3	207579_at	0	0	0	398,6666667	0	0	0	0	NA	NA
NROB1	190	NM_000475.3	206645_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAP3K7IP3	257397	NM_152787.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FTHL17	53940	NM_031894.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM47	83604	NM_031442.2	209656_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAGEB16	139604	NM_001099921.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CXorf22	170063	NM_152632.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CXorf59	286464	NM_173695.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM47C	442444	NM_001013736.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PRRG1	5638	NM_000950.1	205618_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CYBB	1536	NM_000397.2	203922_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DYNLT3	6990	NM_006520.1	203303_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CXorf27	25763	NM_012274.1	215142_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SYTL5	94122	NM_138780.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SRPX	8406	NM_006307.3	204955_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CXorf38	159013	NM_144970.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
USP9X	8239	NM_001039590.2	201100_s_at	0	0	0	220	0	0	0	0	NA	NA
GPR34	2857	NM_001097579.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAOA	4128	NM_000240.2	204389_at	0	0	0	245,3333333	0	0	0	0	NA	NA
MAOB	4129	NM_000898.4	204041_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
EFHC2	80258	NM_025184.3	220591_s_at	0	0	0	346	0	0	0	0	NA	NA
FUNDC1	139341	NM_173794.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DUSP21	63904	NM_022076.2	220515_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CXorf36	79742	NM_024689.1	219652_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF673	55634	NM_017776.1	206583_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF674	641339	NM_001039891.1	215309_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CHST7	56548	NM_019886.2	206756_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RGN	9104	NM_152869.2	210751_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
USP11	8237	NM_004651.3	208723_at	0	0	0	107,3333333	0	0	0	0	NA	NA

ZNF157	7712	NM_003446.3	208019_at	0	0	0	455,6666667	0	0	0	0	NA	NA
SYN1	6853	NM_006950.3	221914_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TIMP1	7076	NM_003254.2	201666_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CFP	5199	NM_002621.1	206380_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
UXT	8409	NM_153477.1	218495_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
WASF4	644739	NM_001102604.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF81	347344	NM_007137.2	215901_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SSX6	280657	NM_173357.2	211425_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPACA5B	729201	NM_001079900.1	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	NA	NA
SSX5	6758	NM_175723.1	208528_x_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	NA	NA
SSX1	6756	NM_005635.2	206627_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SSX3	10214	NM_021014.2	210497_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SSX4	6759	NM_005636.3	216471_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SSX4B	548313	NM_001034832.2	216471_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GLOD5	392465	NM_001080489.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GATA1	2623	NM_002049.2	210446_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HDAC6	10013	NM_006044.2	216224_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ERAS	3266	NM_181532.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PCSK1N	27344	NM_013271.2	218952_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KCND1	3750	NM_004979.4	206842_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GRIPAP1	56850	NM_020137.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CCDC120	90060	NM_033626.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAGIX	79917	NM_024859.2	219965_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PLP2	5355	NM_002668.1	201136_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PRICKLE3	4007	NM_006150.3	217349_s_at	0	0	0	574,6666667	0	0	0	0	NA	NA
SYP	6855	NM_003179.2	213200_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CACNA1F	778	NM_005183.2	208377_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CCDC22	28952	NM_014008.2	206016_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GAGE10	643832	NM_001098413.2	207739_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GAGE12J	729396	NM_001098406.1	207739_s_at	0	0	0	349,6666667	0	0	0	0	NA	NA
GAGE2E	26749	NM_012196.1	207739_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GAGE2D	729408	NM_001098407.1	207739_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GAGE12I	26748	NM_001477.1	207739_s_at	0	0	0	82,33333333	0	0	0	0	NA	NA

MAGED2	10916	NM_177433.1	208682_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TRO	7216	NM_016157.2	211701_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ALAS2	212	NM_001037969.1	211560_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PAGE2B	389860	NM_001015038.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PAGE2	203569	NM_207339.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM104B	90736	NM_138362.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PAGE5	90737	NM_130467.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PAGE3	139793	NM_001017931.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FOXR2	139628	NM_198451.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
KLF8	11279	NM_007250.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPIN3	169981	NM_001010862.2	X	0	0	0	81,33333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPIN2B	474343	NM_001006683.1	211704_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAAH2	158584	NM_174912.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZXDB	158586	NM_007157.3	216013_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ASB12	142689	NM_130388.2	221390_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MTMR8	55613	NM_017677.2	221390_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZC3H12B	340554	NM_001010888.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
VSIG4	11326	NM_007268.2	204787_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
EDA2R	60401	NM_021783.2	221399_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
AR	367	NM_000044.2	211110_s_at	0	0	0	235,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OPHN1	4983	NM_002547.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
STARD8	9754	NM_014725.2	206868_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
EFNB1	1947	NM_004429.3	202711_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM155B	27112	NM_015686.2	206299_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
EDA	1896	NM_001399.4	211129_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
AWAT2	158835	NM_001002254.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
OTUD6A	139562	NM_207320.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DGAT2L6	347516	NM_198512.1	X	0	0	0	424	0	0	0	0	0	0	NA	NA
AWAT1	158833	NM_001013579.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
P2RY4	5030	NM_002565.3	221466_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ARR3	407	NM_004312.2	207136_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RAB41	347517	NM_001032726.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GDPD2	54857	NM_017711.2	220291_at	0	0	0	102,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA

ZCCHC5	203430	NM_152694.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
P2RY10	27334	NM_014499.2	214615_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GPR174	84636	NM_032553.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ITM2A	9452	NM_004867.3	202747_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM46D	169966	NM_152630.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NSBP1	79366	NM_030763.1	221238_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
POU3F4	5456	NM_000307.2	207694_at	0	0	0	448,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
CYLC1	1538	NM_021118.1	216778_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
RPS6KA6	27330	NM_014496.2	220738_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HDX	139324	NM_144657.3	X	0	0	0	221	0	0	0	0	0	NA	NA
APOOL	139322	NM_198450.3	222269_at	0	0	0	1013	0	0	0	0	0	NA	NA
SATL1	340562	NM_001012980.1	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
POF1B	79983	NM_024921.2	219756_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DACH2	117154	NM_053281.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NAP1L3	4675	NM_004538.4	204749_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM133A	286499	NM_173698.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DIAPH2	1730	NM_006729.3	205726_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PCDH19	57526	NM_020766.2	X	0	0	0	315,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
TSPAN6	7105	NM_003270.2	209109_s_at	0	0	0	266,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
SRPX2	27286	NM_014467.2	205499_at	0	0	0	290	0	0	0	0	0	NA	NA
SYTL4	94121	NM_080737.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CSTF2	1478	NM_001325.2	204459_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NOX1	27035	NM_013955.2	210808_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
XKRX	402415	NM_212559.1	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
ARL13A	392509	NM_001012990.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TRMT2B	79979	NM_024917.4	205238_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CENPI	2491	NM_006733.2	214804_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DRP2	1821	NM_001939.2	207648_at	0	0	0	320	0	0	0	0	0	NA	NA
TAF7L	54457	NM_024885.2	220325_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA
ARMCX1	51309	NM_016608.1	218694_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ARMCX2	9823	NM_014782.5	203404_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
NXF5	55998	NM_032946.1	X	0	0	0	227	0	0	0	0	0	NA	NA
TCEAL2	140597	NM_080390.3	211276_at	0	0	0	569,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA

VGLL1	51442	NM_016267.2	215729_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GPR101	83550	NM_054021.1	X	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZIC3	7547	NM_003413.2	207197_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
F9	2158	NM_000133.2	207218_at	0	0	0	295,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MCF2	4168	NM_001099855.1	217004_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ATP11C	286410	NM_001010986.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CXorf66	347487	NM_001013403.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SOX3	6658	NM_005634.2	214633_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPANXB1	728695	NM_032461.2	220921_at	0	0	0	208,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LDOC1	23641	NM_012317.2	204454_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPANXC	64663	NM_022661.2	220922_s_at	0	0	0	619,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPANXA1	30014	NM_013453.2	220922_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPANXA2	728712	NM_145662.2	220922_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPANXD	64648	NM_032417.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAGEC1	9947	NM_005462.3	206609_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAGEC2	51438	NM_016249.2	220062_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPANXN3	139067	NM_001009609.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPANXN2	494119	NM_001009615.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
UBE2NL	389898	NM_001012989.1	217393_x_at	0	0	0	1134	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SPANXN1	494118	NM_001009614.2	X	0	0	0	355	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLITRK2	84631	NM_032539.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FMR1NB	158521	NM_152578.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAGEA9B	728269	NM_001080790.1	210437_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TMEM185A	84548	NM_032508.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAGEA11	4110	NM_001011544.1	210503_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HSFX1	51402	NM_016153.1	220314_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAGEA9	4108	NM_005365.4	210437_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAGEA8	4107	NM_005364.3	210274_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CXorf40B	541578	NM_001013845.1	213315_x_at	0	0	0	64,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAMLD1	10046	NM_005491.2	205088_at	0	0	0	301	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MTM1	4534	NM_000252.1	36920_at	0	0	0	501,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GPR50	9248	NM_004224.2	208311_at	0	0	0	333,3333333	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PASD1	139135	NM_173493.2	X	0	0	0	425,6666667	0	0	0	0	0	0	NA	NA

PRRG3	79057	NM_024082.2	220433_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FATE1	89885	NM_033085.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CNGA2	1260	NM_005140.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAGEA4	4103	NM_001011548.1	214254_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GABRE	2564	NM_004961.3	204537_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAGEA5	4104	NM_021049.3	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAGEA10	4109	NM_021048.3	210295_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GABRA3	2556	NM_000808.3	207210_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
GABRQ	55879	NM_018558.1	220886_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAGEA2	4101	NM_175742.1	214603_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
CSAG2	728461	NM_001080848.2	220445_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
MAGEA3	4102	NM_005362.3	209942_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF185	7739	NM_007150.2	203585_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PNMA5	114824	NM_001103151.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PNMA3	29944	NM_013364.4	220923_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PNMA6A	84968	NM_032882.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ZNF275	10838	NM_001080485.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
TREX2	11219	NM_080701.3	213334_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
HAUS7	55559	NM_017518.5	213334_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
BGN	633	NM_001711.3	201261_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ATP2B3	492	NM_001001344.1	207026_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
FAM58A	92002	NM_152274.2	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
DUSP9	1852	NM_001395.1	205777_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PNCK	139728	NM_001039582.1	X	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
SLC6A8	6535	NM_005629.1	213843_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
BCAP31	10134	NM_005745.6	200837_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
ABCD1	215	NM_000033.2	205142_x_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
PLXNB3	5365	NM_005393.1	205957_at	0	0	0	161	0	0	0	0	0	NA	NA
SRPK3	26576	NM_014370.2	206216_at	0	0	0	161	0	0	0	0	0	NA	NA
PDZD4	57595	NM_032512.2	X	0	0	0	437,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
L1CAM	3897	NM_024003.1	204585_s_at	0	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
LCAP	643736	NM_001039768.2	X	0	0	0	241,6666667	0	0	0	0	0	NA	NA
AVPR2	554	NM_000054.2	208108_s_at	0	0	0	243,3333333	0	0	0	0	0	NA	NA

O	P	Q	R	S	T	U	V
Name	Probe set (PCM/B-cell)	BH (PCM/B-cell)	Expression (PCM/B-cell)	Chromosome	Start	End	Strand
ADM	202912_at	5,92E-05	4,829074409	11	10283218	10285499	1
ST3GAL6	210942_s_at	9,28E-05	3,75216806	3	99934262	99995927	1
VIM	201426_s_at	0,049244451	4,887370417	10	17311304	17319598	1
CXXC4	220277_at	0,102682066	0,900452786	4	105612779	105631916	-1
TERT	207199_at	0,012130736	1,514011042	5	1306282	1348162	-1
LIMD1	218850_s_at	0,001826375	1,661890781	3	45611327	45697759	1
RUNX2	216994_s_at	0,014864886	0,587720169	6	45497892	45626797	1
PLEKHH3	220259_at	0,044456509	0,690216476	17	38073458	38082495	-1
C1orf106	219010_at	0,003495384	2,009919566	1	199127292	199151486	1
CNTNAP1	219400_at	0,000403574	0,906052848	17	38088158	38105358	1
GAS2	205848_at	0,000257195	4,642704796	11	22646230	22791123	1
VPS37B	221704_s_at	0,001323277	2,635006799	12	121915835	121946665	-1
ATP8B2	216873_s_at	0,035288714	1,171442994	1	152566900	152590404	1
ELL2	214446_at	2,01E-05	3,740165415	5	95246558	95323531	-1
EFNA5	207301_at	0,16839842	0,277304775	5	106744250	107034495	-1
CABLES1	NA	NA	NA	18	18969725	19091329	1
ITGA8	214265_at	0,004058293	1,778663764	10	15599094	15801776	-1
BEND6	NA	NA	NA	6	56927732	57000103	1
SBF2	217202_s_at	0,537760248	0,461290327	11	9756905	10272312	-1
GUCY1A3	221942_s_at	7,10E-05	1,484020377	4	156807328	156871232	1
ZNF217	203739_at	0,002202603	2,028591969	20	51617017	51633043	-1
SNX18	NA	NA	NA	5	53849350	53878173	1
NCRNA00173	NA	NA	NA	12	115455610	115457709	1
RHOB	212099_at	0,008886521	3,290426154	2	20510316	20512682	1
GPR25	221363_x_at	0,945490025	0,01532697	1	199108789	199109874	1
YES1	202932_at	4,24E-05	1,934543207	18	711592	802327	-1
RBM47	218035_s_at	7,20E-05	3,544122238	4	40120029	40326640	-1
PPARGC1A	219195_at	0,004362086	0,842009395	4	23402742	23500798	-1

STBD1	203986_at	0,000129203	2,448122932	4	77446823	77451307	1
DDR2	205168_at	0,090022993	0,599808871	1	160868852	161016879	1
FBXO3	218432_at	0,734724369	0,149782478	11	33719066	33752647	-1
C3orf59	NA	NA	NA	3	193997298	194118644	-1
ABCD2	207583_at	0,094114816	0,73990987	12	38232813	38300237	-1
PMEPA1	217875_s_at	0,019318137	0,416718291	20	55656858	55718437	-1
C12orf40	NA	NA	NA	12	38306239	38401983	1
PRDM1	217192_s_at	0,001881715	1,17280932	6	106640888	106664506	1
GALM	NA	NA	NA	2	38746743	38815049	1
CCR10	220565_at	4,28E-05	3,684368783	17	38084946	38087371	-1
TUBG2	203894_at	0,0248095	0,819378644	17	38064837	38072550	1
IRF4	216986_s_at	0,000523581	2,397308738	6	336760	356193	1
TMEM173	NA	NA	NA	5	138835733	138842476	-1
DPF3	NA	NA	NA	14	72206413	72430562	-1
FBXL7	213249_at	0,00088484	2,32681859	5	15553305	15992900	1
DST	212253_x_at	0,001224206	1,060812436	6	56430744	56816422	-1
KANK1	213005_s_at	0,882709851	0,309277854	9	696896	736103	1
WDR13	222138_s_at	0,21053677	0,473159165	X	48340845	48348518	1
HSPB1	NA	NA	NA	7	75769859	75771548	1
CADM1	209030_s_at	0,002214517	2,909356851	11	114549555	114880451	-1
FRMD6	NA	NA	NA	14	51188326	51267195	1
ANKRD16	NA	NA	NA	10	5943695	5971352	-1
PIF1	NA	NA	NA	15	62894884	62904891	-1
ZNF281	218401_s_at	0,071164921	1,135068403	1	198642043	198645789	-1
MARCH3	213256_at	0,091478088	0,992635267	5	126233448	126394149	-1
KCTD3	217894_at	0,006513073	1,722025133	1	213807358	213861772	1
SHROOM3	NA	NA	NA	4	77575277	77923430	1
FBXO18	NA	NA	NA	10	5972220	6019562	1
DACH1	205471_s_at	0,025870609	0,954952325	13	70910099	71339331	-1
C1orf21	221272_s_at	0,007533724	0,408453301	1	182622773	182864778	1
GYG1	201554_x_at	0,888605502	-0,075515795	3	150192065	150228109	1
BOLA1	219345_at	0,341764275	0,591735416	1	148137825	148138969	1
SMOC1	NA	NA	NA	14	69415896	69568836	1

MDFIC	211675_s_at	0,100211933	1,938059566	7	114349445	114446501	1
PHAX	NA	NA	NA	5	125964532	125988979	1
RNF11	208924_at	0,008306337	2,031266262	1	51474533	51511707	1
CD99L2	NA	NA	NA X		149685467	149817837	-1
GPATCH2	219078_at	0,193789335	0,313097389	1	215670457	215871032	-1
CD59	200983_x_at	0,003698549	3,305667498	11	33681132	33714600	-1
ZMYND11	202136_at	0,002310936	1,981047189	10	170643	290577	1
N4BP2L1	217197_x_at	0,039274325	0,47955149	13	31872860	31900315	-1
AGAP1	204066_s_at	0,000835089	2,600490464	2	236067475	236698866	1
FAM18B2	NA	NA	NA	17	15346304	15407570	-1
AGK	222132_s_at	0,043890979	1,418844501	7	140897693	141000678	1
CCND2	200953_s_at	1,47E-06	6,104053491	12	4253199	4284777	1
SPRY1	212558_at	0,056570657	0,573377158	4	124537406	124544357	1
HTN3	206786_at	0,75897466	0,031101323	4	70928765	70936836	1
TCEAL1	204045_at	0,013854075	1,064411314 X		102770304	102772537	1
RHOC	200885_at	0,000212182	2,258081026	1	113045272	113051548	-1
IFT81	219372_at	0,755783603	0,087535619	12	109046565	109140983	1
RGS1	202988_s_at	0,844501787	-0,199802173	1	190811480	190815782	1
DNPEP	38703_at	0,029248389	0,796942845	2	219946424	219960906	-1
KLF2	219371_s_at	0,000257195	2,936305943	19	16296651	16299345	1
CCR1	205098_at	8,20E-05	2,977441326	3	46218204	46224836	-1
CRY1	209674_at	0,000216476	2,086881819	12	105909272	106011455	-1
TOM1L2	NA	NA	NA	17	17687547	17816509	-1
SPATA17	NA	NA	NA	1	215871318	216107107	1
LRRC48	208140_s_at	0,747784077	0,093268521	17	17816924	17860898	1
OSBPL9	218047_at	0,498004329	-0,294622569	1	51855352	52026729	1
GDNF	221359_at	0,139297246	0,228891072	5	37851510	37870655	-1
XKRY	NA	NA	NA Y		18390254	18391834	-1
C16orf7	205781_at	0,119009576	0,326804628	16	88301042	88314895	-1
ULK3	NA	NA	NA	15	72915512	72922605	-1
NOXO1	NA	NA	NA	16	1968919	1971441	-1
SYNGR3	205691_at	0,329848902	0,466019429	16	1979969	1984277	1
MREG	219648_at	0,480751315	0,444779893	2	216515559	216586591	-1

LAIR2	207509_s_at	0,064059623	0,436092843	19	59705825	59713709	1
TOR3A	218459_at	0,061329004	0,45813438	1	177317735	177331754	1
OTUD7B	220031_at	0,514052998	0,122254857	1	148178855	148249310	-1
SPAG4	219888_at	0,002002017	1,35364133	20	33667223	33672379	1
GRM3	205814_at	0,578544929	0,062514697	7	86111166	86332128	1
EHBP1	212653_s_at	0,310468379	-0,423725674	2	62786638	63127126	1
KIF21A	NA	NA	NA	12	37973297	38123185	-1
SLC9A3R1	201349_at	0,016937987	1,510533839	17	70256373	70277089	1
ZNF276	213778_x_at	0,035358813	0,458547259	16	88314934	88333811	1
NFIL3	203574_at	0,000471574	3,116908974	9	93211148	93225965	-1
NPY2R	210730_s_at	0,905170427	-0,015714142	4	156349232	156357678	1
ALDH7A1	208950_s_at	0,004687448	1,897232919	5	125908344	125958839	-1
GPC6	NA	NA	NA	13	92677096	93853948	1
HSPA1L	210189_at	0,142915879	0,259156201	6	31885375	31890814	-1
FAM123A	NA	NA	NA	13	24640660	24643857	-1
TNFRSF13B	207641_at	0,010211411	0,997261083	17	16783123	16816127	-1
RNF122	219897_at	0,027206994	0,451721204	8	33524815	33544185	-1
CASP8	207686_s_at	0,043796196	0,668349637	2	201830999	201860679	1
GFER	204659_s_at	0,552872084	0,203859446	16	1974151	1977751	1
KIF14	206364_at	0,788534669	-0,126579618	1	198787930	198856485	-1
PCTP	218676_s_at	0,102736307	0,900254665	17	51183355	51209747	1
BAZ2B	203080_s_at	0,470368081	-0,259738573	2	159883736	160181305	-1
TMEM65	NA	NA	NA	8	125392340	125454121	-1
LCE2D	NA	NA	NA	1	150902496	150903759	1
AFF1	211826_s_at	0,050722436	0,367604896	4	88147177	88281215	1
SPTBN1	200671_s_at	0,082385025	1,241512615	2	54639035	54742949	1
HSP90B1	216449_x_at	0,011135792	2,452809772	12	102848319	102865833	1
VWC2	NA	NA	NA	7	49783803	49922684	1
TSHR	215442_s_at	0,004362086	0,846361457	14	80491622	80682399	1
PLEKHO1	218223_s_at	0,653509517	0,577140954	1	148388794	148398449	1
CREB3L2	212345_s_at	0,077565122	2,488514865	7	137210265	137337386	-1
HSPA1B	NA	NA	NA	6	31903503	31906010	1
EDEM3	220926_s_at	0,018549728	2,103792768	1	182926260	182990327	-1

IDH3A	202070_s_at	0,923232023	0,071622152	15	76228774	76249939	1
NRG2	208062_s_at	0,000490613	1,425350012	5	139207444	139403063	-1
OXSM	219133_at	0,270736293	0,619146058	3	25806575	25811029	1
IL6ST	212195_at	0,002934617	3,953497382	5	55272451	55326520	-1
SIAH1	202980_s_at	0,75556428	-0,069870646	16	46951943	46957285	-1
MEIS1	204069_at	0,083627978	0,645027105	2	66516036	66653395	1
UAP1	209340_at	0,000560166	3,513457312	1	160797920	160836257	1
ERN1	207061_at	0,198654421	0,160005042	17	59474122	59561234	-1
LAIR1	210644_s_at	0,02814932	1,162217276	19	59557047	59568533	-1
CPNE8	NA	NA	NA	12	37332269	37585687	-1
MYEOV	NA	NA	NA	11	68818198	68821330	1
TSC22D3	207001_x_at	0,101190124	0,350253325	X	106843107	106846367	-1
KCNK1	204679_at	0,0794422	1,601465416	1	231816373	231874607	1
NGLY1	207492_at	0,469937214	0,137106973	3	25735779	25799926	-1
ERMP1	218342_s_at	0,259927271	0,240299614	9	5774572	5823081	-1
TRAM2	202368_s_at	0,000107524	2,092822463	6	52470159	52549821	-1
PDE3B	214582_at	0,037487885	1,350760594	11	14621907	14848926	1
ARHGAP10	219431_at	0,013137239	0,976037098	4	148872903	149213377	1
SOX12	204432_at	0,848082059	0,031254518	20	254239	258868	1
SLITRK5	214930_at	0,038264844	1,500682827	13	87122871	87129872	1
PSMA1	201676_x_at	0,223921354	-0,399621528	11	14482998	14621739	-1
TUFT1	205807_s_at	0,001221041	1,030358363	1	149779405	149822683	1
FHIT	206492_at	0,356639691	0,309853362	3	59710076	61212164	-1
ELK3	206127_at	0,042182882	0,372636962	12	95112338	95185740	1
QPCT	205174_s_at	0,196406825	2,332505358	2	37425257	37453969	1
FAM46C	220306_at	0,018185384	2,234710139	1	117950127	117972534	1
RANBP3L	NA	NA	NA	5	36284861	36337761	-1
NES	218678_at	0,062016355	1,443158462	1	154905179	154913813	-1
PPIF	201490_s_at	0,681425308	0,236395081	10	80777226	80785096	1
SLC7A11	207528_s_at	0,280884493	0,162940364	4	139304698	139382953	-1
AHNAK	211986_at	0,052699385	2,060919843	11	61957592	62070908	-1
DUSP6	208893_s_at	0,059844053	0,455328794	12	88265968	88270427	-1
BHLHE41	221530_s_at	0,204604466	0,595140567	12	26164226	26169113	-1

IRAK1	201587_s_at	0,018150642	1,319298399	X	152929151	152938536	-1
INHBE	210587_at	0,000492921	1,068696231	12	56135363	56138058	1
C10orf57	218174_s_at	0,058914713	0,47277364	10	81828406	81842286	1
KLF13	219878_s_at	0,621525246	0,227420413	15	29406375	29457394	1
ATXN1	203232_s_at	0,037870921	1,880805468	6	16407322	16869700	-1
C5orf43	NA	NA	NA	5	60489293	60494059	-1
RORA	210426_x_at	0,035498392	1,3436861	15	58576755	58671999	-1
SCARB2	201646_at	6,64E-05	3,301848342	4	77298918	77354059	-1
PDE4C	206791_s_at	0,277537364	0,140392527	19	18179771	18196303	-1
PHPT1	NA	NA	NA	9	138863367	138865311	1
MOSPD3	219070_s_at	0,305337429	0,288593757	7	100047989	100050936	1
RNF157	NA	NA	NA	17	71651451	71747985	-1
MBOAT1	NA	NA	NA	6	20208914	20320649	-1
CADPS2	219572_at	0,000398145	1,220179364	7	121745714	122313790	-1
ZNF503	NA	NA	NA	10	76827915	76831431	-1
MYOM2	205826_at	0,206111398	0,645355076	8	1980565	2080787	1
TNIK	213107_at	0,037304688	1,206720639	3	172264364	172660546	-1
SLAMF7	219159_s_at	0,000152135	2,77489576	1	158975701	158991225	1
ACOT2	NA	NA	NA	14	73105525	73112112	1
NEURL2	NA	NA	NA	20	43950674	43953308	-1
SPRED2	212458_at	0,216046825	-1,290946557	2	65391489	65512815	-1
EPB41L4A	220120_s_at	0,869537536	-0,01720462	5	111526214	111782909	-1
BHLHA15	NA	NA	NA	7	97679502	97680207	1
CD28	211856_x_at	0,028227103	1,555711368	2	204279443	204310801	1
KLF9	203543_s_at	0,100818107	0,225117421	9	72189333	72219393	-1
TMEM55A	NA	NA	NA	8	92075675	92122227	-1
SRGN	201858_s_at	0,002831918	5,249998653	10	70517834	70534573	1
CTSA	200661_at	0,021863297	0,729128996	20	43952998	43960866	1
PRR19	NA	NA	NA	19	47498124	47506813	1
RAB27A	209514_s_at	0,000804766	1,848239555	15	53283084	53369293	-1
SDF2L1	218681_s_at	0,016916248	1,273988786	22	20326542	20328588	1
LEFTY2	206012_at	0,06831917	1,710134152	1	224190926	224195543	-1
LRIG3	NA	NA	NA	12	57552204	57600529	-1

IGF2BP2	218847_at	0,181695222	1,069087826	3	186844221	187025521	-1
CASP10	205467_at	0,003335958	1,111140557	2	201755866	201802355	1
NCOR1	200854_at	0,271290818	-0,715516286	17	15875983	16059570	-1
RYBP	201845_s_at	0,005038613	1,256091844	3	72506438	72578462	-1
NPEPPS	214107_x_at	0,362969882	-0,222616425	17	42963603	43055634	1
FAM127B	217948_at	0,000129203	0,945019694	X	134012628	134013887	-1
MCC	206132_at	0,046594199	0,656827985	5	112385695	112658511	-1
C20orf103	219463_at	0,029928256	2,750749993	20	9443271	9459171	1
CAV1	212097_at	7,61E-05	2,884966391	7	115952075	115988466	1
HDAC7	217937_s_at	0,879339607	0,061821528	12	46462772	46499924	-1
CHST12	218927_s_at	0,000977074	1,994904614	7	2409785	2440766	1
ARID5A	213138_at	0,079252072	0,7827147	2	96566191	96582098	1
HYAL3	211728_s_at	0,278979767	0,155552555	3	50305266	50311903	-1
NAT6	210874_s_at	0,295252408	0,195962945	3	50308837	50311716	-1
IRF2BP2	NA	NA	NA	1	232806638	232811894	-1
CCR5	206991_s_at	0,112233735	1,023791067	3	46386637	46392701	1
PPIL2	206063_x_at	0,339514342	0,202934299	22	20350273	20382202	1
TP53INP2	NA	NA	NA	20	32755809	32764898	1
CXorf65	NA	NA	NA	X	70240562	70243145	-1
GFI1	206589_at	0,559221175	0,169099282	1	92712909	92725021	-1
GPRIN3	NA	NA	NA	4	90384452	90448184	-1
NFU1	218946_at	0,246437902	-0,290016382	2	69476756	69518257	-1
CA13	NA	NA	NA	8	86345259	86383554	1
MAMDC4	NA	NA	NA	9	138866640	138875072	1
OR4X2	NA	NA	NA	11	48223232	48224143	1
C9orf119	NA	NA	NA	9	130078246	130091089	1
XPO7	208459_s_at	0,875472592	-0,140977385	8	21833126	21920042	1
SOX2	213721_at	0,062699255	0,543200638	3	182912416	182914918	1
FRAT1	219889_at	0,189780467	0,281273594	10	99069012	99071662	1
CLEC7A	221698_s_at	0,003281757	3,558480686	12	10160643	10174135	-1
KDM5B	201548_s_at	0,008704134	1,545632821	1	200963155	201044172	-1
USP7	201498_at	0,191223523	-0,829224383	16	8893452	8964842	-1
PTPDC1	NA	NA	NA	9	95832897	95911957	1

TRPS1	218502_s_at	0,006003829	0,370806049	8	116489900	116750402	-1
SNRPB2	202505_at	0,395215566	-0,228361579	20	16658629	16670037	1
SPRYD3	NA	NA	NA	12	51744665	51759405	-1
SLC1A4	209611_s_at	0,045355499	0,890633454	2	65070098	65104503	1
GPHN	220773_s_at	1,05E-05	2,401407863	14	66043878	66718278	1
MAML2	NA	NA	NA	11	95351088	95715992	-1
ZNF212	203985_at	0,720715002	-0,059268479	7	148567707	148583630	1
PSAT1	220892_s_at	0,671429843	0,170764825	9	80101879	80134829	1
TMPRSS11D	207602_at	0,214770363	0,260849386	4	68369189	68432311	-1
PARP6	219639_x_at	0,368107386	0,175976533	15	70320576	70350682	-1
HNRNPL	35201_at	0,256694353	-0,403451811	19	44018868	44034819	-1
MGST3	201403_s_at	0,200370747	1,126978579	1	163867074	163891481	1
LMNA	212086_x_at	0,009714681	0,730241419	1	154351085	154376502	1
SH3RF1	NA	NA	NA	4	170251982	170428824	-1
OLFML2A	213075_at	0,682148256	0,135417474	9	126579258	126616982	1
MTG1	212767_at	0,604313351	-0,173951898	10	135057611	135084164	1
NQO1	201468_s_at	0,001533575	0,939095711	16	68300805	68318034	-1
PLA2G4A	210145_at	0,064059623	1,808574979	1	185064655	185224736	1
TMEM169	NA	NA	NA	2	216654887	216675739	1
PIGL	205873_at	0,645791095	0,232753003	17	16061234	16170298	1
CRYZ	202950_at	0,135154593	-0,811136625	1	74943772	74971315	-1
MED9	218372_at	0,008334749	0,382104864	17	17321025	17337259	1
MNX1	214614_at	0,058195602	0,659879931	7	156490308	156496108	-1
ZNF365	206448_at	0,082429864	1,586524515	10	63803922	64101777	1
C20orf165	NA	NA	NA	20	43948537	43949645	-1
BTN3A2	204820_s_at	0,123251171	1,39455056	6	26473377	26486527	1
KIAA1279	212453_at	0,134777855	1,104437645	10	70418499	70446744	1
RNLS	220564_at	0,700504586	0,040271437	10	90034696	90332950	-1
BMP8B	207865_s_at	0,002871163	1,725800895	1	39996490	40027120	-1
GOLGA2	211059_s_at	0,122712963	0,271340892	9	130057929	130078089	-1
C22orf39	NA	NA	NA	22	17810894	17815220	-1
LOC26010	222154_s_at	0,018122119	2,119356735	2	200879601	201055231	1
EML2	204398_s_at	0,287412672	0,397701383	19	50804498	50834509	-1

DOK2	214054_at	0,109091518	0,301077348	8	21822330	21827151	-1
PAFAH1B3	203228_at	0,943185478	0,033377592	19	47493025	47498563	-1
GNPTG	NA	NA	NA	16	1341933	1353353	1
ARHGAP21	NA	NA	NA	10	24912549	25052550	-1
RRAGA	201628_s_at	0,999751726	-0,000197475	9	19039372	19041023	1
MAPKAPK2	215050_x_at	0,616843434	0,18051319	1	204924912	204974249	1
PPAPDC1B	NA	NA	NA	8	38239805	38245895	-1
AHCYL2	212814_at	0,112520533	0,196330988	7	128652100	128857288	1
SNAPC2	204104_at	0,545607058	0,128547274	19	7891229	7894134	1
RAB36	211471_s_at	0,000193415	1,668597683	22	21817513	21836531	1
CHST2	203921_at	0,323682814	1,023718045	3	144321358	144324502	1
SDC1	201287_s_at	0,001009124	3,657375496	2	20264039	20288408	-1
MAGEB18	NA	NA	NA X		26066381	26068773	1
CSNK1E	222015_at	0,156525305	0,35910683	22	37016643	37044035	-1
KLHL9	213117_at	0,035324228	0,324931423	9	21321018	21325429	-1
DUSP5	209457_at	0,187747389	1,282915561	10	112247615	112261292	1
SPARC	200665_s_at	0,069613065	2,519676351	5	151021201	151046710	-1
ARMCX6	214749_s_at	0,132152352	0,738974867 X		100756764	100759647	-1
SOCS5	208127_s_at	0,421054231	0,16512786	2	46779603	46843431	1
SEMA3C	203789_s_at	0,004338206	1,111937817	7	80209790	80386603	-1
CTSO	203758_at	0,01592554	1,831409416	4	157064720	157094498	-1
IKIP	NA	NA	NA	12	97531313	97562720	-1
RORB	206443_at	0,465976556	0,124988127	9	76302072	76491937	1
ACOT1	202982_s_at	0,06470581	0,660850109	14	73073681	73080251	1
KCNMB2	221097_s_at	0,505316205	-0,551480164	3	179736918	180044911	1
LANCL1	202020_s_at	0,217893269	-0,446900894	2	211004220	211049676	-1
DMRTA1	NA	NA	NA	9	22436840	22442472	1
AQP3	203747_at	0,047800045	0,793568636	9	33431158	33437590	-1
BLVRB	202201_at	0,607485342	0,18598477	19	45645541	45663516	-1
SMAP1	218137_s_at	0,361047073	-0,445458438	6	71434200	71628439	1
LETM1	218939_at	0,734002032	-0,058808457	4	1784558	1827772	-1
EIF3M	202232_s_at	0,505589454	-0,365272479	11	32561967	32580595	1
TP53BP2	203120_at	0,205770407	0,773173252	1	222034218	222100297	-1

CIR	209571_at	0,754059521	0,084856551	2	174921124	174968689	-1
TMCC3	NA	NA	NA	12	93486168	93568455	-1
EIF4EBP2	208769_at	0,541141171	0,175952615	10	71833928	71853676	1
EMD	209477_at	0,132577976	0,46421119	X	153260981	153263075	1
HSPA6	213418_at	0,223536282	0,190983721	1	159760660	159763311	1
UBE2E1	212519_at	0,111426052	1,045181869	3	23822443	23907811	1
UFSP2	218449_at	0,087190875	0,507805138	4	186558437	186584062	-1
KCNA3	207237_at	0,030895971	0,750482381	1	111015833	111019178	-1
FZD3	219683_at	0,068251541	0,703275712	8	28407692	28477901	1
CHD1L	212539_at	0,895016146	-0,05031448	1	145180915	145234067	1
PCDH8	206935_at	0,935706532	-0,010950331	13	52316110	52320775	-1
AP2M1	200613_at	0,786961713	0,080664268	3	185375328	185384573	1
TRIM47	NA	NA	NA	17	71381840	71386251	-1
CSRP1	200621_at	0,191938734	1,240171471	1	199719283	199742873	-1
MAFF	36711_at	0,044456509	0,500441227	22	36927944	36942460	1
SUB1	221727_at	0,011135792	3,295259236	5	32621434	32637820	1
IMPA2	203126_at	0,337078091	0,689037016	18	11971455	12020876	1
GLDC	204836_at	0,000455532	3,401810358	9	6522464	6635692	-1
C9orf150	NA	NA	NA	9	12765012	12813059	1
SP100	202864_s_at	0,046443596	-0,675276215	2	230989115	231118561	1
PHKA2	209438_at	0,374223974	-0,205209023	X	18820793	18912097	-1
DENND1B	NA	NA	NA	1	195788008	196010947	-1
RNF24	210706_s_at	0,134763078	0,329274873	20	3861713	3944036	-1
TMTC2	NA	NA	NA	12	81605065	82052196	1
NR6A1	207742_s_at	0,183475573	0,185172278	9	126324524	126573397	-1
KRTAP19-7	NA	NA	NA	21	30855288	30855479	-1
TRIM44	217760_at	0,798160632	0,27898605	11	35640929	35786351	1
OSBPL1A	209485_s_at	0,010888435	1,968201502	18	19996007	20106194	-1
ENTPD6	201704_at	0,000606217	1,29230915	20	25124372	25155360	1
WDR59	221981_s_at	0,224888155	0,180669231	16	73464972	73576518	-1
ENC1	201341_at	0,162904353	1,046034736	5	73958990	73972273	-1
PDLIM3	209621_s_at	0,020457913	2,237123044	4	186659899	186693650	-1
EML4	220386_s_at	0,699889618	0,269221892	2	42250020	42413192	1

SLC25A39	NA	NA	NA	17	39752522	39757710	-1
PSD	208102_s_at	0,463960476	0,129354107	10	104152366	104168891	-1
FBXL15	218938_at	0,719117996	0,148425486	10	104169579	104172883	1
C6orf105	215100_at	0,018532873	0,453635656	6	11821895	11887052	-1
LRRC1	218816_at	0,586251612	0,122241559	6	53767737	53896878	1
STARD13	213103_at	0,288596442	0,39236747	13	32575307	32678143	-1
ASB16	NA	NA	NA	17	39603600	39611977	1
CASP7	207181_s_at	0,167774104	0,862595466	10	115428925	115480654	1
TSHB	214529_at	0,438254668	0,103442252	1	115373938	115378464	1
LRRC50	222068_s_at	0,159206639	0,219486841	16	82736366	82769025	1
F8	205756_s_at	0,285324302	0,131387475	X	153717260	153767771	-1
ZNF483	NA	NA	NA	9	113327260	113379945	1
CAV2	203324_s_at	0,014490124	2,010387735	7	115926680	115935831	1
SSR4	201004_at	0,010790359	1,265329745	X	152713288	152717148	1
NOS1AP	215153_at	0,075565164	0,325286766	1	160306205	160604864	1
RCN2	201485_s_at	0,297155236	0,457439811	15	75011171	75029302	1
APOBEC3C	209584_x_at	0,378765871	0,602230563	22	37740211	37744789	1
CD44	209835_x_at	0,081838846	0,961995378	11	35116993	35210525	1
CHRNA10	220210_at	0,671230761	0,092124595	11	3643393	3649190	-1
LRFN3	219346_at	0,2505164	0,40535793	19	41119862	41127937	1
ABCA10	NA	NA	NA	17	64655743	64752551	-1
SCRN2	NA	NA	NA	17	43270057	43273611	-1
PDXK	202671_s_at	0,207342688	0,603544285	21	43963406	44006616	1
CAMSAP1L1	217196_s_at	0,055655489	1,143099803	1	198975309	199096455	1
KDM1	212348_s_at	0,326483207	-0,231157905	1	23218533	23282771	1
CLTB	216934_at	0,19591212	0,248762258	5	175752062	175776146	-1
SPRED1	NA	NA	NA	15	36331808	36433533	1
IMPDH1	204169_at	0,588773653	0,220770578	7	127819567	127837272	-1
TMEM216	NA	NA	NA	11	60916441	60922899	1
MYST4	211874_s_at	0,370634616	0,314258097	10	76256385	76462645	1
GBP2	202748_at	0,224888155	0,194317545	1	89345898	89364387	-1
ALDOC	202022_at	0,934922862	0,097798891	17	23924260	23928078	-1
KIAA0831	204568_at	0,974657287	0,005125219	14	54902863	54948329	-1

F8A1	NA	NA	NA	X	153767829	153769530	1
TYW3	NA	NA	NA		1 74971428	75003896	1
GBAS	201816_s_at	0,911113301	-0,052389147		7 55999790	56035365	1
SULF2	NA	NA	NA		20 45719559	45848215	-1
UBE4A	202038_at	0,091076488	-0,524693171		11 117735512	117775136	1
ITCH	209743_s_at	0,643013304	0,100651574		20 32414745	32562858	1
MED10	NA	NA	NA		5 6425039	6431639	-1
OR51S1	NA	NA	NA		11 4826043	4827014	-1
TEX19	NA	NA	NA		17 77910409	77914909	1
ATP5D	203926_x_at	0,662502676	-0,193037386		19 1192749	1195824	1
KIAA1024	215081_at	0,539569333	0,098308323		15 77511913	77551697	1
NFE2L3	204702_s_at	0,005258983	1,818748829		7 26158385	26192432	1
RARRES3	204070_at	0,108506012	1,690513914		11 63060849	63070506	1
APBB2	216750_at	0,258893619	0,188962861		4 40510996	40911245	-1
FLNA	200859_x_at	9,06E-05	1,646588878	X	153230091	153252845	-1
NKAP	NA	NA	NA	X	118943051	118961763	-1
NPAS3	220316_at	0,218202963	0,176921743		14 32478200	33340702	1
GPR125	210473_s_at	0,000795844	1,639493948		4 21998097	22126770	-1
IDH3G	214333_x_at	0,20905186	0,329065882	X	152704415	152713161	-1
C5orf30	221823_at	0,009440795	0,934309678		5 102622341	102642260	1
PPP1R9A	221088_s_at	0,544829186	0,086394487		7 94374885	94763663	1
SLC15A4	NA	NA	NA		12 127843713	127874494	-1
OPTN	202074_s_at	0,020804021	1,025535935		10 13182088	13220282	1
FCER1A	211734_s_at	0,672761637	0,038518495		1 157526128	157544638	1
PRR4	204919_at	0,118153506	0,406460407		12 10889715	11215480	-1
IL6R	205945_at	0,028650991	2,526136476		1 152644293	152706812	1
PRH1	NA	NA	NA		12 10924827	11215477	-1
HSDL1	NA	NA	NA		16 82713389	82736265	-1
C19orf26	215325_x_at	0,620902372	0,182158095		19 1180947	1188990	-1
C16orf42	213104_at	0,08491912	0,421317394		16 1339242	1341874	-1
TNPO1	221829_s_at	0,102907552	-0,903345696		5 72148174	72245971	1
SPTBN4	220185_at	0,847421397	0,030791685		19 45664966	45774205	1
TRIM71	NA	NA	NA		3 32834514	32908775	1

DGKH	NA	NA	NA	13	41520889	41701888	1
EREG	205767_at	0,69534719	-0,037307681	4	75449724	75473341	1
RHOBTB3	202976_s_at	0,012063576	1,036717115	5	95092606	95157827	1
CENPE	205046_at	0,548158984	-0,362136982	4	104246412	104339015	-1
ZNF419	58367_s_at	0,234615724	0,176077798	19	62690891	62697860	1
IDS	217432_s_at	0,418051314	0,226049301	X	148368206	148394698	-1
TMEM150	NA	NA	NA	2	85679183	85683293	-1
ABHD11	221927_s_at	0,747403227	0,051777001	7	72788363	72791120	-1
OR52R1	NA	NA	NA	11	4781239	4782423	-1
AASS	214829_at	0,105689146	0,227811378	7	121503423	121561112	-1
PNPLA6	203718_at	0,423343921	-0,409309142	19	7505043	7532652	1
INPP5K	202781_s_at	0,454041122	0,205178061	17	1344621	1366704	-1
ZNF18	NA	NA	NA	17	11821487	11841414	-1
PGBD1	NA	NA	NA	6	28357343	28378305	1
WIPI1	203827_at	0,026794323	1,266857045	17	63929017	63965248	-1
FXR1	201635_s_at	0,220714	0,434364793	3	182113146	182177644	1
FZD8	216587_s_at	0,176964146	0,340193816	10	35967183	35970368	-1
CIAPIN1	208424_s_at	0,132458179	-0,286557263	16	56019587	56038870	-1
FANK1	NA	NA	NA	10	127575098	127688151	1
RAD51L3	37793_r_at	0,282147238	0,306306873	17	30451514	30471001	-1
ABCA3	204343_at	0,026656058	0,811978698	16	2265880	2330748	-1
RHOBTB1	212651_at	0,236942763	0,218448006	10	62299202	62373995	-1
ANKDD1A	NA	NA	NA	15	62991154	63038095	1
TET2	NA	NA	NA	4	106287392	106383377	1
ABHD2	205566_at	0,106377775	0,353827419	15	87432429	87546591	1
ATRX	208861_s_at	0,21932031	-0,278315153	X	76647012	76928375	-1
C4orf31	219747_at	0,002108884	0,781518903	4	122176232	122213123	-1
ENPP4	204160_s_at	0,508695614	0,501203829	6	46205871	46222237	1
COL4A5	213110_s_at	0,211068652	0,390821485	X	107569810	107827431	1
LAYN	NA	NA	NA	11	110916443	110936998	1
FOXD4L6	NA	NA	NA	9	68489300	68492024	-1
CCDC92	218175_at	0,30382469	0,434943046	12	122986908	123023116	-1
ZNF664	NA	NA	NA	12	123023623	123065922	1

SMR3A	214566_at	0,152159821	0,23456965	4	71261082	71267412	1
KCNH4	220802_at	0,064059623	0,333623042	17	37562439	37586822	-1
HCRT	207642_at	0,268412595	0,202999553	17	37589604	37590996	-1
MMGT1	NA	NA	NA X		134871897	134883800	-1
IFIH1	219209_at	0,230280268	0,548807278	2	162831835	162883285	-1
Sep 11	201307_at	0,389098327	0,429619771	4	78089919	78178792	1
IMPG1	207054_at	0,958435081	0,007062375	6	76687782	76839055	-1
DGKE	207518_at	0,592245704	0,069269961	17	52266552	52295922	1
ANO10	218910_at	0,017066909	0,832221251	3	43382822	43638564	-1
LGALS1	201105_at	0,001988297	4,53919952	22	36401559	36405755	1
PIGY	NA	NA	NA	4	89661158	89663978	-1
ADD1	214736_s_at	0,016540802	0,833602572	4	2815382	2901587	1
TMEM9	NA	NA	NA	1	199370523	199390243	-1
OR51A4	NA	NA	NA	11	4923965	4924906	-1
SULT1E1	219934_s_at	0,487189952	0,071006193	4	70741519	70760459	-1
C10orf125	NA	NA	NA	10	135018648	135021519	-1
ZNF75D	214813_at	0,138279151	0,225371833 X		134247385	134305623	-1
EXPH5	214734_at	0,2505164	0,258079997	11	107884886	107969570	-1
C22orf40	NA	NA	NA	22	45018574	45024857	-1
MYH10	212372_at	0,284179164	-0,957554743	17	8318255	8474761	-1
ANP32C	208538_at	0,72283003	0,055880881	4	165337609	165338313	-1
BCOR	219433_at	0,677195753	0,132165037 X		39795561	39846998	-1
DSCC1	219000_s_at	0,567953602	-0,180994458	8	120915397	120937330	-1
NR2F2	209121_x_at	0,046707104	0,358494345	15	94674950	94683048	1
FNDC8	220499_at	0,78391713	0,053136159	17	30472744	30481864	1
ISCA1	209274_s_at	0,203813977	-0,410847783	9	88069281	88087310	-1
KBTBD7	NA	NA	NA	13	40663711	40666702	-1
TTC18	NA	NA	NA	10	74683526	74788618	-1
MAMSTR	NA	NA	NA	19	53908065	53912026	-1
TMEM53	219462_at	0,461083594	-0,092299605	1	44892088	44912686	-1
FBXO16	NA	NA	NA	8	28341848	28403703	-1
PLCD3	NA	NA	NA	17	40544534	40565417	-1
FJX1	219522_at	0,138279151	0,492483774	11	35596631	35598989	1

SIX4	NA	NA	NA	14	60246009	60260545	-1
PPM1H	212686_at	0,170078781	0,600410003	12	61324029	61614932	-1
CCDC44	221069_s_at	0,665776933	0,073738331	17	59031975	59039457	1
FECH	203115_at	0,131252932	0,452200129	18	53366535	53404988	-1
DUSP16	NA	NA	NA	12	12520098	12606584	-1
LIPJ	NA	NA	NA	10	90336499	90356712	1
TTLL11	NA	NA	NA	9	123791010	123895706	-1
Sep 10	214720_x_at	0,052872271	1,111673618	2	109657665	109729072	-1
NACA2	222018_at	0,243987909	-0,196536496	17	57022569	57023345	-1
NEK2	204641_at	0,309431467	-0,641209972	1	209902745	209915590	-1
HNRPLL	NA	NA	NA	2	38644678	38683528	-1
GNS	203676_at	0,005462559	0,951885148	12	63393489	63439479	-1
CREB5	205931_s_at	0,207163486	-0,350699608	7	28441759	28832036	1
POU3F2	207084_at	0,133237068	0,320912711	6	99389301	99393387	1
CNTNAP3	220436_at	0,506945963	0,06120442	9	39062764	39278300	-1
RPIA	212973_at	0,001901387	-0,895377851	2	88772291	88831567	1
IL27RA	222062_at	0,034017138	1,756443326	19	14003262	14025026	1
FAM122C	NA	NA	NA X		133768890	133816282	1
MPPE1	213727_x_at	0,096552366	0,424883011	18	11873470	11898641	-1
EFNA3	210132_at	0,272366214	0,22034221	1	153317972	153326638	1
PLA2G12A	221027_s_at	0,369565949	-0,581281994	4	110854139	110870660	-1
OR52J3	NA	NA	NA	11	5024332	5025267	1
HOXB8	221278_at	0,763723763	0,038625345	17	44044707	44047300	-1
SMARCA2	212257_s_at	0,061755696	0,900165313	9	2005342	2183624	1
GNAS	212273_x_at	0,029763561	0,469848171	20	56899820	56919645	1
KRTAP2-4	220970_s_at	0,528530789	0,082192154	17	36474894	36475657	-1
C7orf53	NA	NA	NA	7	111908282	111918178	1
HOXD10	207373_at	0,502220251	0,173775602	2	176689738	176692916	1
ITGA6	215177_s_at	0,53886305	0,27965421	2	173000560	173079427	1
CXorf56	219805_at	0,867663871	0,081321358 X		118557529	118583392	-1
NKRF	205004_at	0,299820154	0,127905701 X		118606334	118623841	-1
ACTN1	208636_at	0,00091831	3,301615932	14	68410793	68515709	-1
LENG9	NA	NA	NA	19	59664788	59666706	-1

WDR44	219297_at	0,098373951	0,26930832	X	117364070	117467952	1
RREB1	203704_s_at	0,537672411	-0,267739466	6	7084477	7196194	1
TMTC1	NA	NA	NA	12	29545024	29828959	-1
SRPK2	217517_x_at	0,076267343	0,221426646	7	104544059	104816577	-1
KCNJ16	219564_at	0,287412672	0,10662619	17	65583021	65643344	1
ANGPTL1	NA	NA	NA	1	177085293	177106838	-1
CDGAP	NA	NA	NA	3	120495910	120619254	1
SELPLG	209879_at	0,000122683	2,705026299	12	107539800	107551799	-1
DUSP1	201041_s_at	0,152153737	1,051668292	5	172127707	172130809	-1
CDH19	206898_at	0,892937787	-0,014762715	18	62322301	62422196	-1
TFE3	206649_s_at	0,06487509	0,357207077	X	48771186	48787934	-1
SNTG1	NA	NA	NA	8	50987150	51867980	1
COQ9	212228_s_at	0,016536046	0,522727592	16	56038903	56052680	1
NDUFAB1	202077_at	0,477430798	-0,167199166	16	23499836	23515140	-1
BMI1	202265_at	0,01441612	2,420234593	10	22650146	22660194	1
PDLIM5	216804_s_at	0,224720734	0,338027118	4	95592061	95808400	1
FGG	219612_s_at	0,987633448	0,002185466	4	155744736	155753352	-1
C3orf38	NA	NA	NA	3	88281799	88288758	1
ZNF140	204523_at	0,482932909	0,125868721	12	132167110	132194333	1
SCG5	203889_at	0,655731849	0,098568537	15	30721252	30776590	1
PCDHGA2	211879_x_at	0,735593213	0,049990337	5	140698538	140872730	1
PCDHGA3	NA	NA	NA	5	140703785	140872730	1
GRIN3A	NA	NA	NA	9	103371456	103540683	-1
CXADR	203917_at	0,05039523	0,756146645	21	17807201	17861147	1
SQSTM1	201471_s_at	0,015430157	1,09513367	5	179180503	179197684	1
OR1D2	221464_at	0,642768183	0,071731613	17	2942102	2943040	-1
MFF	219137_s_at	0,956127329	0,034345181	2	227900472	227930793	1
FLJ45983	NA	NA	NA	10	8132419	8135453	-1
CSMD1	NA	NA	NA	8	2780282	4839736	-1
TNFRSF21	214581_x_at	0,853097831	-0,279030334	6	47307227	47385639	-1
UBE2D3	200668_s_at	0,475994462	-0,332969815	4	103936217	104009473	-1
SUFU	NA	NA	NA	10	104253754	104383199	1
EXOG	205521_at	0,860988153	0,063250653	3	38512837	38541183	1

TBX3	219682_s_at	0,307048757	0,169039047	12	113592442	113606352	-1
TCIRG1	204158_s_at	0,974262796	0,013227593	11	67563059	67574942	1
KLHL26	219354_at	0,94471095	0,047260605	19	18608838	18642302	1
MYO3B	NA	NA	NA	2	170742901	171219237	1
F2RL2	206795_at	0,803902342	0,022887163	5	75947063	75954996	-1
CDYL	203099_s_at	0,00477386	0,667131793	6	4721682	4900777	1
ADO	212500_at	0,608454248	-0,20411434	10	64234522	64238245	1
SSH1	221753_at	0,607927107	0,141724614	12	107705099	107775480	-1
EPB41	207793_s_at	0,580220631	-0,252215576	1	29086215	29319545	1
IL17RD	NA	NA	NA	3	57099050	57174443	-1
IL7R	205798_at	0,250127461	-0,639995454	5	35892748	35912681	1
WDR42B	NA	NA	NA X		27906031	27909487	-1
PAK1	209615_s_at	0,929726808	0,049259299	11	76710708	76862581	-1
CCL1	207533_at	0,543718793	0,132843895	17	29711512	29714365	-1
HOMER1	213793_s_at	0,191354174	1,481692775	5	78705542	78845456	-1
TNFRSF17	206641_at	0,03172286	2,350311566	16	11966465	11969426	1
MAN1A1	208116_s_at	0,022551155	2,727930321	6	119540965	119712625	-1
PGRMC1	201120_s_at	0,259983372	0,423146108 X		118254291	118262457	1
AGFG1	218091_at	0,263870452	0,372723228	2	228045286	228130548	1
H2AFB1	NA	NA	NA X		153766511	153767027	1
PSMD9	207805_s_at	0,207794058	-0,287139352	12	120811029	120840154	1
GALNT2	217787_s_at	0,016429872	1,765872185	1	228269651	228484569	1
RAB11B	217793_at	0,569288346	0,083586114	19	8361296	8374479	1
PHF21A	203278_s_at	0,507261651	0,139747467	11	45907446	46099561	-1
SGTB	NA	NA	NA	5	64997511	65053697	-1
UBE2A	201899_s_at	0,48474097	0,29966697 X		118592527	118602409	1
GPR175	218855_at	0,078130064	0,533795239	3	128774606	128781970	-1
ZNF449	NA	NA	NA X		134306387	134325004	1
C5orf15	203024_s_at	0,003192971	1,108154255	5	133319100	133332377	-1
ZNF426	205964_at	0,63206539	0,142219211	19	9499667	9510303	-1
FLI1	204236_at	0,401233461	-0,323229736	11	128069199	128187521	1
ANKRD20A5	NA	NA	NA	18	14169096	14175390	1
ATP7A	205198_s_at	0,465905128	-0,085493796 X		77052876	77192208	1

USP18	219211_at	0,632596147	0,076792182	22	17012758	17040164	1
C11orf84	NA	NA	NA	11	63337499	63351766	1
FILIP1	NA	NA	NA	6	76074520	76260216	-1
GATA3	209604_s_at	0,032314373	0,766021949	10	8136673	8157170	1
ABCA5	213353_at	0,19591212	0,234645508	17	64754386	64823369	-1
RBM28	218593_at	0,060550984	-0,714815869	7	127737673	127771198	-1
TOM1	202807_s_at	0,870990444	0,058153276	22	34025861	34073973	1
ATP2B1	212930_at	0,002415226	-1,335255476	12	88505957	88573975	-1
HSFY2	NA	NA	NA Y		19352714	19394989	-1
ADAMTS8	220676_at	0,174779117	0,32935423	11	129780028	129803749	-1
DYNLRB1	217918_at	0,300490163	-0,370141828	20	32567865	32592423	1
ZIC1	206373_at	0,761345982	-0,04095124	3	148609871	148617196	1
ADAMTS5	219935_at	0,928024678	-0,01555765	21	27212112	27260703	-1
CCNJ	219470_x_at	0,169519359	-0,640388225	10	97793141	97810612	1
VBP1	201472_at	0,172189092	0,384521065 X		154097744	154121292	1
OR4D10	NA	NA	NA	11	59001479	59002414	1
B3GNT2	219326_s_at	0,562984887	-0,30432818	2	62276766	62305370	1
DYNLT1	201999_s_at	0,390047279	-0,735377638	6	158977497	158985728	-1
TRIB1	202241_at	0,000801636	3,902162605	8	126511745	126519827	1
NLN	NA	NA	NA	5	65053841	65155149	1
EIF2AK2	204211_x_at	0,448703005	-0,320539103	2	37187203	37237572	-1
S100A11	200660_at	0,205652221	1,480663436	1	150271606	150276135	-1
C5orf40	NA	NA	NA	5	156701185	156705307	-1
IL15RA	207375_s_at	0,018600933	0,671965648	10	6034340	6059543	-1
APOL2	221013_s_at	0,096292016	0,359821597	22	34952201	34965635	-1
DDX47	220890_s_at	0,614513495	-0,292324216	12	12857547	12874182	1
LRFN1	NA	NA	NA	19	44489297	44497816	-1
ZNF821	41397_at	0,315761326	0,236143543	16	70451089	70474913	-1
CDH9	207729_at	0,667264763	0,040156471	5	26916466	27074446	-1
HEATR4	NA	NA	NA	14	73014945	73095404	-1
ARHGEF12	201333_s_at	0,047508376	0,52068038	11	119713156	119865855	1
CISD2	NA	NA	NA	4	104009649	104029164	1
CXCL3	207850_at	0,562984887	0,071212797	4	75121170	75123354	-1

SLCO5A1	220984_s_at	0,182666449	0,378553237	8	70747129	70909762	-1
GGH	203560_at	0,182998689	1,16003537	8	64090192	64113940	-1
RRAGB	205540_s_at	0,321913071	0,157387316	X	55760904	55801932	1
SPAG11B	210884_s_at	0,255883537	0,122571898	8	7295496	7297297	-1
GAA	202812_at	0,018661819	0,7768819	17	75689950	75708274	1
C12orf23	NA	NA	NA	12	105873835	105891892	1
HNF4G	207456_at	0,402886157	0,097217928	8	76614758	76641624	1
FLCN	215645_at	0,955706129	-0,009579147	17	17056251	17081221	-1
IRS1	204686_at	0,135765942	-0,499794812	2	227308182	227372719	-1
COMMD3	218048_at	0,009609634	2,07633837	10	22645305	22649243	1
ITGB8	211488_s_at	0,073621753	0,391269487	7	20337250	20421907	1
FLRT3	219250_s_at	0,079154593	1,34390402	20	14252643	14266260	-1
UBXN8	215983_s_at	0,984946797	0,012049145	8	30721232	30744064	1
CLASP2	212308_at	0,534477061	-0,504907151	3	33512741	33734852	-1
ZNF862	213444_at	0,151694942	0,269416761	7	149166442	149195501	1
MAEL	NA	NA	NA	1	165225143	165258071	1
UBE2D1	211764_s_at	0,367102504	0,111181673	10	59764745	59800515	1
MEX3B	NA	NA	NA	15	80121183	80125416	-1
CHSY1	203044_at	0,006571011	1,101597124	15	99533455	99609649	-1
NEIL3	219502_at	0,803204758	-0,184206457	4	178467985	178521086	1
ACSS1	NA	NA	NA	20	24934873	24987616	-1
TMEM184B	202027_at	0,018122119	1,432177057	22	36945244	36998962	-1
DACT1	219179_at	0,622195525	0,070253107	14	58174510	58184792	1
SYTL3	NA	NA	NA	6	158991034	159105889	1
SERPINH1	207714_s_at	0,000223346	0,927021376	11	74950818	74961494	1
MRPL55	NA	NA	NA	1	226361003	226363627	-1
PTPN21	40524_at	0,195544038	0,129971652	14	88001875	88090876	-1
DPYSL2	200762_at	0,963228704	0,049350414	8	26491338	26571610	1
ITPK1	217710_x_at	0,120619319	0,225098506	14	92475960	92651980	-1
OR4K1	NA	NA	NA	14	19473666	19474601	1
TMEM170A	NA	NA	NA	16	74038418	74056085	-1
MXI1	202364_at	0,267142174	0,936363696	10	111959979	112037113	1
BHLHE40	201169_s_at	0,032845852	0,533399435	3	4996208	5001861	1

MED13L	212208_at	0,006008084	0,99264323	12	114880764	115199526	-1
ADRB2	206170_at	0,059844053	0,582122348	5	148186349	148188381	1
DEPDC6	218858_at	0,277247942	0,688668687	8	120955146	121131939	1
FOSL2	218880_at	0,147798276	0,202485273	2	28469283	28491020	1
NRSN2	218359_at	0,033634947	0,47951188	20	275775	283505	1
ALKBH5	NA	NA	NA	17	18027592	18053993	1
RAB40AL	215782_at	0,085890455	0,235416853	X	102078856	102079884	1
PVRL3	213325_at	0,001003303	1,245357457	3	112273555	112335752	1
NEUROG2	215632_at	0,430722918	0,099791837	4	113654121	113656777	-1
RCCD1	NA	NA	NA	15	89299110	89307359	1
STAG2	209023_s_at	0,37779478	-0,279754104	X	122922156	123064187	1
CFL2	NA	NA	NA	14	34249343	34253657	-1
XBP1	NA	NA	NA	22	27520548	27526560	-1
GRPR	207929_at	0,254680073	0,243713615	X	16051345	16081562	1
PLXNC1	206470_at	0,804119444	0,13121311	12	93066630	93223356	1
PSEN1	207782_s_at	0,090512919	0,637253496	14	72672932	72756862	1
GOT1	208813_at	0,107682444	0,38565997	10	101146618	101180336	-1
GSTM4	210912_x_at	0,245168482	0,262957213	1	110000226	110009648	1
PHF6	NA	NA	NA	X	133335008	133390488	1
C12orf57	NA	NA	NA	12	6923464	6925426	1
C1orf35	219063_at	0,885474974	0,026682684	1	226355051	226357645	-1
ECOP	208091_s_at	0,151598013	1,145700575	7	55505800	55607694	-1
PANX1	204715_at	0,26559528	0,407134429	11	93501742	93554786	1
TRPV2	219282_s_at	0,027440909	1,63857611	17	16259613	16281042	1
PIP4K2C	218942_at	0,259160361	0,218077363	12	56271324	56283298	1
PTPN6	206687_s_at	0,697038597	0,289282041	12	6926001	6940740	1
SREBF1	202308_at	0,050197529	0,908833545	17	17656111	17681050	-1
TXNDC5	221253_s_at	5,92E-05	2,763598901	6	7826749	7856040	-1
HIVEP1	204512_at	0,902417401	-0,036925567	6	12120710	12273218	1
ANKRD37	NA	NA	NA	4	186554834	186558384	1
PHF17	218517_at	0,307048757	0,261713246	4	129950229	130015829	1
SFXN4	NA	NA	NA	10	120890415	120915194	-1
PACS1	220557_s_at	0,085460292	0,339444577	11	65594400	65768789	1

DENND2C	NA	NA	NA	1	114928719	115014255	-1
RFFL	NA	NA	NA	17	30360244	30440407	-1
NQO2	203814_s_at	0,988509605	0,005447777	6	2945066	2964993	1
KIF21B	204411_at	0,13127881	0,733562797	1	199205143	199259451	-1
AMMECR1	204976_s_at	0,363724135	0,674774135	X	109324070	109448036	-1
HOXB9	216417_x_at	0,250582308	0,437944543	17	44053517	44058834	-1
IL2RG	204116_at	0,014422158	2,215884381	X	70243984	70248128	-1
VDAC2	211662_s_at	0,468004996	0,156938521	10	76640569	76661212	1
FAM164A	205308_at	0,061265429	0,384777858	8	79740885	79792490	1
SOX4	201416_at	0,039029219	1,348852212	6	21701951	21706829	1
HTATIP2	207180_s_at	0,420235754	0,88456416	11	20342263	20345777	1
ZMYM2	202778_s_at	0,177249218	-0,670330239	13	19430810	19558939	1
ZC3H14	213064_at	0,022524021	-1,155288204	14	88099444	88149606	1
RAP2C	218669_at	0,754056004	0,079142795	X	131164734	131179870	-1
UROS	203031_s_at	0,142841816	0,636183752	10	127467142	127501757	-1
VDAC3	208846_s_at	0,054815387	0,638454906	8	42368547	42382572	1
MLLT3	204917_s_at	0,004269321	1,755704578	9	20334968	20612514	-1
BTRC	216091_s_at	0,201489504	0,256684928	10	103103815	103307060	1
MIDN	NA	NA	NA	19	1199552	1210142	1
RAB35	221819_at	0,861460699	-0,048525059	12	119017286	119038982	-1
LRRC61	218907_s_at	0,173759731	0,466179874	7	149651538	149666172	1
TFAP4	205688_at	0,878571459	0,040398445	16	4247188	4263002	-1
EXOC6	NA	NA	NA	10	94598222	94809241	1
ZNF827	NA	NA	NA	4	146901324	147079057	-1
BCCIP	218264_at	0,270484184	0,397625527	10	127502105	127532080	1
LRP12	219631_at	0,081052354	1,394786899	8	105570640	105670344	-1
MRFAP1L1	212199_at	0,451049262	0,353385427	4	6760329	6762455	-1
HOMER3	215489_x_at	0,048014016	2,464184589	19	18901012	18912983	-1
PLEKHA7	201406_at	0,048484512	0,28598986	11	16765786	16992535	-1
LIME1	219541_at	0,009827296	1,874006585	20	61838422	61840904	1
AASDH	NA	NA	NA	4	56899213	56948395	-1
TES	202719_s_at	0,035116768	1,734493508	7	115637817	115686073	1
HIST1H3F	NA	NA	NA	6	26358349	26358814	-1

NOL3	221567_at	0,007654231	0,601732004	16	65765371	65767127	1
KLF7	204334_at	0,205908716	0,348582	2	207653774	207738859	-1
NCALD	211685_s_at	0,277740837	0,638106336	8	102767946	103205738	-1
BCL6B	NA	NA	NA	17	6867093	6873685	1
CHD2	203461_at	0,890853681	0,018434504	15	91244555	91372241	1
C7orf29	NA	NA	NA	7	149657871	149660743	1
MAF	206363_at	0,256896223	1,462988761	16	78185732	78192112	-1
C5orf35	NA	NA	NA	5	56240857	56248767	1
MYL1	209888_s_at	0,327052754	0,168684597	2	210863113	210888140	-1
BRPF1	204481_at	0,494244102	-0,230920473	3	9748434	9764699	1
NAT5	NA	NA	NA	20	19946543	19962269	1
FBXL14	213145_at	0,195375694	-0,970382148	12	1545420	1573592	-1
C17orf59	219417_s_at	0,509155765	0,167602165	17	8032376	8034115	-1
WNT10A	NA	NA	NA	2	219453499	219466895	1
GAB1	214987_at	0,08101127	0,326498683	4	144477500	144610729	1
APOBEC3D	NA	NA	NA	22	37747173	37751626	1
DCC	206939_at	0,016980645	0,921855373	18	48120569	49311780	1
GYPC	202947_s_at	0,135355061	1,12970142	2	127130154	127170716	1
RALYL	213967_at	0,247305427	0,605854917	8	85259655	85996634	1
PGDS	206726_at	0,124184338	0,330361358	4	95438730	95483050	-1
HIST1H4G	208551_at	0,845039586	-0,042369308	6	26354818	26355184	-1
C5orf36	NA	NA	NA	5	93880919	93980040	-1
SLC38A10	212890_at	0,021037683	0,542660367	17	76833394	76883691	-1
INTS10	NA	NA	NA	8	19719198	19753869	1
STARD3NL	NA	NA	NA	7	38184458	38236795	1
FAM115C	NA	NA	NA	7	143028667	143053107	1
HIST1H2BH	208546_x_at	0,434852089	0,568254665	6	26359858	26360282	1
LENG1	NA	NA	NA	19	59351189	59355258	-1
GGT1	NA	NA	NA	22	23333655	23354972	1
TERF1	203449_s_at	0,692455435	0,201783758	8	74083661	74122281	1
ZNF510	206053_at	0,670707801	0,04466002	9	98557968	98580149	-1
SLC2A4RG	218494_s_at	0,017311748	1,435792178	20	61841655	61845847	1
ZBTB33	214631_at	0,136430575	0,288323386	X	119268635	119276279	1

LCP2	205270_s_at	0,12254166	0,718012419	5	169607666	169657400	-1
AKT3	212607_at	0,003330164	1,295145894	1	241718158	242073176	-1
PECR	221142_s_at	0,030442975	1,479482667	2	216611377	216654777	-1
PPP1R3D	204554_at	0,051195456	0,384184725	20	57945282	57948747	-1
TBCE	203715_at	0,474370779	0,195738445	1	233597351	233678903	1
MED12	203506_s_at	0,307447987	0,41298376	X	70255131	70279029	1
SLC11A2	203125_x_at	0,054444441	0,39446666	12	49666044	49706409	-1
SLC38A9	NA	NA	NA	5	54957435	55043852	-1
LCORL	NA	NA	NA	4	17453941	17632477	-1
DUSP4	204015_s_at	0,079433964	0,522331115	8	29249530	29262241	-1
PRDM5	220792_at	0,045355499	0,614415954	4	121835379	122063463	-1
PITPNC1	219155_at	0,128778461	1,004419974	17	62804386	63120109	1
C1orf53	NA	NA	NA	1	196138400	196143120	1
SLC25A24	204342_at	0,000933929	1,856855023	1	108478968	108544497	-1
SAMD10	NA	NA	NA	20	62075910	62081439	-1
NCAPD3	212789_at	0,182042778	0,214999454	11	133527547	133599636	-1
ITM2C	221004_s_at	0,020523265	2,170833146	2	231437865	231452207	1
SSTR3	214491_at	0,191159158	0,388351635	22	35932191	35938299	-1
FAM70A	219895_at	0,045302746	2,460069329	X	119276533	119329419	-1
PHACTR1	213638_at	0,019986055	-0,770442413	6	12825819	13395507	1
OTUD5	NA	NA	NA	X	48664432	48699837	-1
NCOA2	205731_s_at	0,353230356	0,276137643	8	71186821	71478574	-1
MPRIIP	214771_x_at	0,113205282	1,002442834	17	16886832	17029599	1
HTATSF1	202601_s_at	0,273694163	0,344522164	X	135407337	135422156	1
GMDS	214106_s_at	0,447282492	-0,549048748	6	1569040	2190845	-1
TMPRSS4	218960_at	0,361927608	0,17345804	11	117452937	117495768	1
CBX4	206724_at	0,840561599	0,081564407	17	75421550	75427808	-1
CNO	NA	NA	NA	4	6768743	6770288	1
LCT	206945_at	0,898359042	0,056547531	2	136261885	136311220	-1
ZBTB39	205256_at	0,792571736	0,035831238	12	55678885	55686497	-1
NME2	NA	NA	NA	17	46598638	46604103	1
MGC16385	NA	NA	NA	16	88563702	88566443	-1
CCDC146	NA	NA	NA	7	76589870	76762457	1

FBXO9	210638_s_at	0,336996945	0,310665556	6	53038216	53073630	1
C10orf26	202808_at	0,964860637	0,026051628	10	104525878	104566011	1
SMAD7	204790_at	0,000560166	2,303753482	18	44700221	44731079	-1
ERAP1	210385_s_at	0,024170247	1,049818262	5	96122270	96169648	-1
SUOX	204067_at	0,01256781	0,731674251	12	54677310	54685576	1
C17orf71	218514_at	0,187411967	0,182261419	17	54642153	54647393	1
C20orf177	NA	NA	NA	20	57948951	57955964	1
CNOT6L	NA	NA	NA	4	78853565	78959568	-1
PPARG	208510_s_at	0,437693965	0,099930167	3	12368001	12450855	1
ASTN2	209693_at	0,374243302	0,148746738	9	118227328	118489334	-1
TCOF1	202384_s_at	0,114641126	-0,482976546	5	149717428	149760064	1
STT3A	202223_at	0,065969617	0,670818911	11	124967967	124996168	1
SP1	214732_at	0,574342353	-0,140897476	12	52060246	52096497	1
PTPRK	203038_at	0,024865783	1,571585123	6	128331625	128883416	-1
C17orf49	NA	NA	NA	17	6858848	6861563	1
SPCS3	221844_x_at	0,13187176	0,507440096	4	177478109	177487348	1
ADAM23	213808_at	0,032692462	1,629702133	2	207016613	207190930	1
STK35	NA	NA	NA	20	2031519	2077201	1
SSBP3	217991_x_at	0,526479522	0,177596639	1	54464783	54644680	-1
ICK	204569_at	0,230763059	0,228381721	6	52974057	53034559	-1
OR6F1	NA	NA	NA	1	245941754	245942680	-1
ZNF205	206416_at	0,17768952	0,819622479	16	3102564	3110519	1
FBXO39	NA	NA	NA	17	6620296	6631689	1
H1FX	204805_s_at	0,351041977	1,432596782	3	130516305	130517807	-1
GK	207387_s_at	0,451556689	0,135259303	X	30581461	30658646	1
ZNF785	NA	NA	NA	16	30499495	30504511	-1
PRPF6	208879_x_at	0,398320467	0,487720695	20	62082875	62134897	1
HLA-C	216526_x_at	0,35854223	1,452548334	6	31344508	31347834	-1
FASTKD5	219016_at	0,380935311	-0,12177053	20	3075165	3088532	-1
ZNF197	205855_at	0,326585206	0,152491963	3	44641515	44664967	1
DHRS4L2	218021_at	0,022876912	0,772534008	14	23527867	23545457	1
MBD2	202485_s_at	0,196102786	0,187050442	18	49934573	50005156	-1
CNTLN	220095_at	0,053466874	0,424018145	9	17125038	17493917	1

RASA1	202677_at	0,721164014	0,078290112	5	86599907	86723489	1
UBOX5	215544_s_at	0,084838073	0,242577852	20	3036219	3088540	-1
NSUN3	219458_s_at	0,738086457	0,088117484	3	95264545	95328320	1
LOC389257	NA	NA	NA	5	244626	248468	1
PROSC	214545_s_at	0,549946812	-0,451812082	8	37738833	37756444	1
CLIP4	219944_at	0,982882766	0,006156052	2	29191822	29260180	1
ZNF263	203707_at	0,324792127	0,18972228	16	3273488	3281461	1
CPEB4	NA	NA	NA	5	173248795	173319917	1
ZNF385D	220117_at	0,863343038	0,020586733	3	21437651	21767820	-1
MTX1	210386_s_at	0,270112912	0,572344049	1	153445114	153450249	1
GTF2B	208066_s_at	0,312970483	-0,531275948	1	89090909	89129889	-1
IL17A	208402_at	0,309651451	0,132914341	6	52159144	52163395	1
TNFAIP3	202643_s_at	0,008536333	2,208083229	6	138230274	138246142	1
WNT10B	206213_at	0,35653229	0,421179411	12	47645390	47651810	-1
GULP1	204237_at	0,065969617	3,092891989	2	188865635	189168898	1
MUC13	218687_s_at	0,449047362	0,079260816	3	126106979	126136270	-1
CALML4	216142_at	0,167324906	0,267975452	15	66270097	66285502	-1
VPS26B	NA	NA	NA	11	133599771	133622896	1
BZW1	200777_s_at	0,023856841	-0,620831609	2	201384892	201396805	1
UGT1A1	NA	NA	NA	2	234333658	234346684	1
TP53I3	210609_s_at	0,312568931	0,30694038	2	24153809	24161232	-1
UEVLD	220775_s_at	0,216929312	0,190810794	11	18509820	18566857	-1
AGAP3	NA	NA	NA	7	150414759	150472456	1
EMP3	203729_at	0,00047841	3,033398137	19	53520454	53525622	1
PPA2	220741_s_at	0,290812614	0,197677122	4	106509683	106614676	-1
PPM2C	218273_s_at	0,049310337	0,481924679	8	94998338	95007472	1
SCAND3	NA	NA	NA	6	28647386	28663091	-1
FASTK	214114_x_at	0,099467188	0,398373702	7	150404641	150408884	-1
BTBD3	202946_s_at	0,307639299	1,351685314	20	11846565	11855243	1
ZNF350	219266_at	0,118623305	0,288971961	19	57159405	57181891	-1
THEM4	NA	NA	NA	1	150112684	150148737	-1
GFM1	NA	NA	NA	3	159845011	159893055	1
TSEN15	NA	NA	NA	1	182287469	182309969	1

DHFRL1	NA	NA	NA	3	95259456	95264350	-1
AMPD2	212360_at	0,330282739	-0,273220524	1	109964799	109976200	1
F8A3	NA	NA	NA	X	154340340	154341455	-1
KIAA1539	211433_x_at	0,010360944	0,52353175	9	35094118	35105893	-1
THBS3	209561_at	0,270937054	0,178552823	1	153432003	153444314	-1
GALNT4	NA	NA	NA	12	88437320	88442666	-1
SAR1B	218254_s_at	0,353048706	0,424310815	5	133970018	133996426	-1
ZNF746	NA	NA	NA	7	148800818	148825727	-1
GIMAP2	NA	NA	NA	7	150013727	150021662	1
ARMCX3	217858_s_at	0,158832408	0,720150753	X	100765007	100769487	1
PTPN13	204201_s_at	0,000896877	1,152554623	4	87734909	87955326	1
ARHGEF11	202913_at	0,006611078	0,518087528	1	155171256	155281786	-1
TEAD1	214600_at	0,399843837	0,21864854	11	12652545	12922875	1
CTHRC1	NA	NA	NA	8	104452962	104464393	1
H2AFB3	NA	NA	NA	X	154342274	154342790	-1
WNT5A	213425_at	0,185931035	0,468293673	3	55474783	55496371	-1
PDE6A	206623_at	0,442389504	0,120268368	5	149220410	149304549	-1
PPARGC1B	217524_x_at	0,974413536	-0,003872549	5	149090057	149207474	1
SLC26A11	NA	NA	NA	17	75808832	75841892	1
STK36	NA	NA	NA	2	219245053	219275682	1
GDF9	221314_at	0,366492511	0,196417279	5	132224777	132228376	-1
LEAP2	NA	NA	NA	5	132237257	132238481	1
EYA1	214608_s_at	0,182444632	0,689602698	8	72272222	72437021	-1
P2RX7	207091_at	0,339026677	0,204776872	12	120055061	120108259	1
SLC9A6	203909_at	0,131551316	0,567780681	X	134895252	134957094	1
FCHO1	213669_at	0,111056544	-0,400422167	19	17723336	17760366	1
GRAMD3	218706_s_at	0,200372206	0,160799751	5	125787000	125857955	1
GJC2	207025_at	0,984235893	0,003762626	1	226404176	226414150	1
CPT1A	203633_at	0,023664224	0,839079078	11	68278664	68365850	-1
CNTN1	211203_s_at	0,070453831	0,337930201	12	39372625	39750361	1
WNT1	208570_at	0,750082614	-0,077453824	12	47658503	47662746	1
SPACA1	220982_s_at	0,104214247	0,168896791	6	88814226	88833269	1
STARD10	NA	NA	NA	11	72143422	72182398	-1

MAGEA1	207325_x_at	0,060664229	3,213760301	X	152134716	152139310	-1
HSPC159	219998_at	0,169119515	0,348390733		2 64534831	64542021	1
SAMD9L	NA	NA	NA		7 92597304	92615616	-1
ZNF615	NA	NA	NA		19 57186400	57203270	-1
KAAG1	NA	NA	NA		6 24465110	24466491	1
PSMB2	200039_s_at	0,420571549	-0,283596744		1 35841326	35879730	-1
FAM55C	217540_at	0,740193204	-0,123692833		3 102980764	103025150	1
TPH1	NA	NA	NA		11 17999114	18018885	-1
NPM1	221923_s_at	0,960442995	0,03050202		5 170747403	170770493	1
ZNF26	219595_at	0,06973612	0,440757461		12 132073129	132099226	1
LHX9	NA	NA	NA		1 196148258	196165896	1
SKIL	217591_at	0,274987277	-0,298807538		3 171558208	171593230	1
HIST1H2BE	NA	NA	NA		6 26292003	26292437	1
TMPRSS3	220177_s_at	0,339477101	0,103933983		21 42665068	42682296	-1
ACCN5	NA	NA	NA		4 156970331	157006875	-1
PFKFB3	202464_s_at	0,032114122	-0,873947901		10 6284901	6317501	1
USP51	NA	NA	NA	X	55529687	55532356	-1
ZNF498	NA	NA	NA		7 99052507	99067976	1
SAMD3	NA	NA	NA		6 130545826	130578187	-1
NDFIP1	217800_s_at	0,035968258	2,389787211		5 141468508	141513128	1
RUSC1	206949_s_at	0,181394452	0,231869953		1 153560842	153567533	1
MAP3K13	206249_at	0,167233736	0,311015817		3 186563664	186683322	1
ASF1B	218115_at	0,324191951	-0,289495607		19 14091321	14108440	-1
ZNF500	213639_s_at	0,168609549	0,142343508		16 4740816	4757167	-1
EIF1AX	201019_s_at	0,267176661	-0,317968169	X	20052557	20069887	-1
FAM127A	201828_x_at	0,00026359	1,746648834	X	133993999	133995242	1
CYBA	203028_s_at	0,869537536	-0,055100284		16 87237198	87244958	-1
SIRPD	NA	NA	NA		20 1462897	1486343	-1
OR8D4	NA	NA	NA		11 123282349	123283293	1
MSMP	NA	NA	NA		9 35742991	35744272	-1
TBC1D25	NA	NA	NA	X	48283019	48305941	1
GLI1	206646_at	0,883476686	-0,038261335		12 56140201	56152312	1
SGSH	35626_at	0,011459725	0,968660764		17 75797685	75808719	-1

SLC6A13	207184_at	0,241424656	0,204797962	12	200052	242263	-1
KLHL21	203068_at	0,844130329	0,113170991	1	6573371	6585516	-1
OR13D1	NA	NA	NA	9	106496524	106497564	1
C1orf104	NA	NA	NA	1	153556875	153560562	-1
COX4NB	218057_x_at	0,961744996	-0,023236734	16	84369736	84390601	-1
ARFRP1	215984_s_at	0,103183937	0,63982363	20	61801253	61809809	-1
BMP8A	207866_at	0,240271665	0,17373473	1	39729905	39768128	1
HAGH	205012_s_at	0,002273423	0,739662293	16	1799105	1817196	-1
CXorf61	NA	NA	NA X		115506877	115508163	-1
GNGT1	207166_at	0,306810891	0,112597243	7	93373756	93378421	1
EPHA6	NA	NA	NA	3	98016115	98950476	1
ERCC8	205162_at	0,038510524	0,535480504	5	60205415	60276648	-1
CLEC6A	NA	NA	NA	12	8499858	8522193	1
LRRC20	218550_s_at	0,38294011	0,328127893	10	71728735	71811420	-1
DNASE1L1	203912_s_at	0,096292016	0,517118732 X		153282773	153293621	-1
FUT4	209892_at	0,022765596	0,391378792	11	93916775	93922712	1
PLSCR1	202430_s_at	0,252902247	0,309626786	3	147715658	147745186	-1
SPA17	205406_s_at	0,369232603	0,150381243	11	124048950	124069900	1
SLC16A13	NA	NA	NA	17	6880426	6884005	1
ZNF610	NA	NA	NA	19	57540494	57561923	1
SULT2A1	206292_s_at	0,429041862	0,109895694	19	53065682	53081405	-1
OXR1	218197_s_at	0,170477599	0,947160553	8	107739270	107834097	1
NDUFAF2	NA	NA	NA	5	60276798	60484609	1
IGFBP2	202718_at	0,321632729	0,13028166	2	217206372	217237404	1
ZNF323	222016_s_at	0,546887053	0,09959896	6	28400709	28411904	-1
HCN1	NA	NA	NA	5	45295109	45731977	-1
OR5AS1	NA	NA	NA	11	55554471	55555445	1
FRG2	NA	NA	NA	4	191182516	191185406	-1
XPR1	NA	NA	NA	1	178867796	179122103	1
VWA5A	210102_at	0,309981648	0,186168273	11	123491321	123522829	1
SCRN3	219234_x_at	0,936971468	0,011987937	2	174968713	175001974	1
TMCO4	NA	NA	NA	1	19881320	19998997	-1
KIR2DS4	NA	NA	NA	19	60035986	60051835	1

ASPN	219087_at	0,890466259	0,016826966	9	94258308	94284609	-1
RNF25	218861_at	0,813967059	-0,0323453	2	219236831	219245025	-1
GUK1	200075_s_at	0,86355344	0,092973327	1	226394605	226403275	1
FGB	204988_at	0,264942166	0,134108595	4	155703596	155711688	1
SLITRK6	NA	NA	NA	13	85264923	85271484	-1
MST150	NA	NA	NA	5	150138060	150156491	1
C1orf51	NA	NA	NA	1	148521853	148526125	1
PDK3	221957_at	0,087553127	-0,63819625	X	24393475	24462463	1
RBM46	NA	NA	NA	4	155921950	155969415	1
OR10T2	NA	NA	NA	1	156634936	156635880	-1
FBXW9	NA	NA	NA	19	12660730	12668455	-1
C22orf31	206839_at	0,09657673	0,294933836	22	27784660	27787907	-1
SAGE1	220793_at	0,19629168	0,334130291	X	134803451	134822886	1
GCC1	218912_at	0,650567503	0,079528479	7	127007918	127012890	-1
SAMSN1	220330_s_at	0,164431115	-1,179765675	21	14779420	14840535	-1
TMEM136	NA	NA	NA	11	119701226	119706557	1
MORC2	203956_at	0,528482062	-0,282098213	22	29652600	29694187	-1
WDR51B	220442_at	0,162520511	0,189651901	12	88337632	88443908	-1
OR6T1	NA	NA	NA	11	123318784	123319755	-1
WFS1	202908_at	0,018103855	0,75183126	4	6322478	6355893	1
TEX9	NA	NA	NA	15	54444936	54525364	1
PPP3CB	209817_at	0,036862088	-0,63408297	10	74866618	74925758	-1
B9D1	210534_s_at	0,026332433	0,898459107	17	19187076	19206639	-1
ANKRD55	220112_at	0,751638446	0,040135745	5	55431264	55564943	-1
IYD	NA	NA	NA	6	150731721	150767457	1
CFHR4	NA	NA	NA	1	195123835	195154386	1
SNAI1	219480_at	0,341974935	0,159141206	20	48032934	48038830	1
CAMK2G	214322_at	0,662217816	0,080193782	10	75242265	75304349	-1
TRHDE	219937_at	0,556159369	0,062972965	12	70952730	71345689	1
EXOSC7	212627_s_at	0,78409022	0,148392574	3	44992768	45027966	1
OLFML3	218162_at	0,236359562	0,220526848	1	114323553	114326398	1
ADA	216705_s_at	0,039205021	2,162504733	20	42681577	42713790	-1
HS3ST5	NA	NA	NA	6	114485114	114490702	-1

LEF1	221557_s_at	0,178156279	0,165639368	4	109188150	109309027	-1
GUCY2F	208053_at	0,42161289	0,096273968	X	108502791	108611941	-1
SLMAP	NA	NA	NA	3	57718214	57889934	1
SLC25A20	203658_at	0,000996542	1,438461719	3	48869368	48911333	-1
PCDH20	NA	NA	NA	13	60881819	60887282	-1
APAF1	204859_s_at	0,071160145	-0,413314331	12	97563209	97653342	1
ZNF649	NA	NA	NA	19	57084300	57100059	-1
RWDD2A	213555_at	0,790275492	-0,076872771	6	83959751	83962975	1
LOC196913	NA	NA	NA	14	49620119	49629111	-1
CAPSL	NA	NA	NA	5	35940154	35974638	-1
DNAJC1	218409_s_at	0,02086632	1,765870095	10	22085483	22332656	-1
ZNF277	218645_at	0,45584686	-0,271992187	7	111633879	111771225	1
ZNF391	215523_at	0,281469752	0,212686142	6	27464503	27477206	1
RHAG	211254_x_at	0,142181452	0,186339993	6	49680847	49712546	-1
FLJ45422	NA	NA	NA	6	30335353	30342707	1
PALLD	200897_s_at	0,046023545	1,461514858	4	169654792	170086183	1
CD5L	206680_at	0,165049826	0,201036948	1	156067330	156078175	-1
CALCOCO1	209002_s_at	0,148489924	0,334258862	12	52391169	52407486	-1
MS4A6E	NA	NA	NA	11	59858931	59865017	1
OR5L2	NA	NA	NA	11	55351271	55352206	1
RNF125	207735_at	0,168465851	0,37223447	18	27852443	27907152	1
TMEM223	220934_s_at	0,310079622	0,303097092	11	62314363	62316062	-1
MAGEA2B	214603_at	0,316482974	0,938042792	X	151634487	151637752	1
RTEL1	206092_x_at	0,891283467	0,027760494	20	61760091	61798045	1
DGKB	216307_at	0,134368824	0,168461916	7	14153770	14847413	-1
SPAG1	210117_at	0,828463602	0,075062127	8	101239832	101323306	1
CCDC83	NA	NA	NA	11	85243792	85308699	1
C1orf150	NA	NA	NA	1	245779072	245806482	1
RFT1	NA	NA	NA	3	53099850	53139503	-1
SLC46A1	NA	NA	NA	17	23745788	23757355	-1
SLC17A1	206872_at	0,810921172	0,044951975	6	25891104	25940266	-1
NCRNA00153	219961_s_at	0,524548747	0,211972105	20	21054646	21175260	1
MDS1	208434_at	0,47432453	0,160921271	3	170349580	170864168	-1

C1orf105	214357_at	0,938289449	0,018824748	1	170656453	170704589	1
PLS1	205190_at	0,945955586	-0,07028068	3	143825034	143915191	1
ARF5	201526_at	0,763156179	-0,091620525	7	127015753	127018988	1
FSCN3	220379_at	0,194697977	0,25426564	7	127020925	127029079	1
HYLS1	NA	NA	NA	11	125258719	125275749	1
CDR1	207276_at	0,428226581	0,159487855	X	139693091	139694389	-1
P4HA2	202733_at	0,554543275	0,235364984	5	131556202	131590834	-1
FKTN	205283_at	0,548733278	0,221458642	9	107360232	107443220	1
ZNF628	NA	NA	NA	19	60679511	60687666	1
TM7SF2	210130_s_at	0,350891628	-0,546488149	11	64635917	64640283	1
NR1D1	31637_s_at	0,12501555	0,242759797	17	35502567	35510499	-1
DNAJC18	NA	NA	NA	5	138775279	138803038	-1
SYNPR	NA	NA	NA	3	63404064	63577637	1
ZYX	215706_x_at	0,76540983	0,103241286	7	142788482	142798326	1
TCEAL8	NA	NA	NA	X	102394579	102396777	-1
ZMIZ2	54970_at	0,323812433	0,265797467	7	44755055	44776005	1
GREB1	210855_at	0,168860774	0,197284203	2	11597531	11645817	1
CPA3	205624_at	0,427577544	0,088217693	3	150065774	150097552	1
MSL3	207551_s_at	0,119009576	-0,520129414	X	11687682	11703793	1
FRAG1	215293_s_at	0,640346889	0,158627556	11	3786360	3804160	1
SLC25A45	NA	NA	NA	11	64899239	64906718	-1
C16orf75	NA	NA	NA	16	11346812	11353118	1
ACOX3	204241_at	0,246437902	-0,224743897	4	8418909	8493352	-1
TNFRSF9	207536_s_at	0,303950527	0,224214615	1	7902494	7923474	-1
RAB39B	NA	NA	NA	X	154140720	154147046	-1
OR4N5	NA	NA	NA	14	19681735	19682661	1
HLA-F	221875_x_at	0,229739119	0,754474176	6	29799096	29803052	1
RASEF	NA	NA	NA	9	84787135	84867863	-1
RPAP2	219504_s_at	0,841022069	0,030897685	1	92537193	92626317	1
POSTN	210809_s_at	0,724908682	-0,038843868	13	37034779	37070874	-1
RPL17P6	NA	NA	NA	1	77366633	77367995	1
ITGA3	NA	NA	NA	17	45488730	45522843	1
USP54	NA	NA	NA	10	74927302	75005439	-1

FAM23A	NA	NA	NA	10	17834257	17882873	1
COLEC10	207420_at	0,723868935	0,045131877	8	120148627	120188388	1
GPSN2	208336_s_at	0,292154614	0,572602518	19	14501382	14537792	1
CSTB	201201_at	0,422785652	0,361913143	21	44018259	44020687	-1
PGM3	210041_s_at	0,249948296	-0,324169871	6	83935347	83959654	-1
SIRT4	220047_at	0,674593365	-0,076427895	12	119224546	119235428	1
FGF23	221166_at	0,288573482	0,205006712	12	4347654	4359155	-1
MET	211599_x_at	0,016374428	0,458005996	7	116099695	116225676	1
LRRC33	NA	NA	NA	3	197851053	197873272	1
STEAP1	205542_at	0,287282812	1,335093757	7	89621625	89632077	1
TRPC5	220552_at	0,678398394	0,039861583	X	110904198	111212660	-1
RPN2	213399_x_at	0,000911	0,948481629	20	35240888	35303440	1
SH3BP5L	NA	NA	NA	1	247071274	247086777	-1
KIF1B	NA	NA	NA	1	10193418	10364242	1
HSF5	NA	NA	NA	17	53852528	53920758	-1
MUCL1	NA	NA	NA	12	53534566	53538444	1
PLOD2	202619_s_at	0,334049315	0,293551705	3	147269917	147361972	-1
SKAP1	205790_at	0,119336479	1,000614766	17	43565801	43862593	-1
HSD17B3	206985_at	0,153146437	0,164538325	9	98037410	98104255	-1
LRRC52	NA	NA	NA	1	163779868	163799822	1
BAMBI	203304_at	0,250582308	0,772218049	10	29006430	29011874	1
UNKL	221064_s_at	0,676363528	0,07047404	16	1388307	1404701	-1
FBXO17	220233_at	0,22665887	0,381954607	19	44123882	44158220	-1
GLUL	200648_s_at	0,252793752	0,74643621	1	180618292	180627131	-1
SERF2	NA	NA	NA	15	41871769	41875579	1
COL9A1	222008_at	0,646685538	0,054214676	6	70982529	71049632	-1
TUBGCP5	214876_s_at	0,484369882	-0,154135613	15	20384836	20425332	1
GPR3	214613_at	0,413592246	0,094844752	1	27591739	27594905	1
FNDC3A	202304_at	0,561341666	-0,418632266	13	48448049	48681916	1
NUDT12	NA	NA	NA	5	102912455	102926389	-1
RAB11FIP1	219681_s_at	0,536979354	-0,84637775	8	37837343	37849954	-1
ZFP37	207068_at	0,37031458	0,120272942	9	114843995	114858817	-1
CYB561D1	NA	NA	NA	1	109838245	109843000	1

CASP5	207500_at	0,454994751	0,07447736	11	104370180	104384909	-1
KLHL32	NA	NA	NA	6	97479217	97695351	1
ERRFI1	NA	NA	NA	1	7994381	8008943	-1
GSG1	221252_s_at	0,220315346	0,207426758	12	13128309	13139976	-1
OR1Q1	NA	NA	NA	9	124416838	124417782	1
OSTC	NA	NA	NA	4	109791190	109808429	1
GRSF1	201520_s_at	0,679826027	0,196197764	4	71900363	71924491	-1
ZNF200	207338_s_at	0,772214061	0,162876205	16	3212343	3225410	-1
XKR4	NA	NA	NA	8	56177571	56601268	1
TBC1D7	NA	NA	NA	6	13413162	13436593	-1
FAM73A	NA	NA	NA	1	78017897	78116680	1
OR5T3	NA	NA	NA	11	55776252	55777274	1
BCAS3	220488_s_at	0,075153206	0,410258139	17	56109954	56824981	1
LOC441956	NA	NA	NA	21	13973492	13975330	-1
ZNF133	216960_s_at	0,238332531	0,387690221	20	18217121	18245640	1
FTMT	NA	NA	NA	5	121215549	121216427	1
RPS6KA4	204632_at	0,199258316	0,191885242	11	63883201	63896263	1
ATP2B4	205410_s_at	0,042310394	0,593731651	1	201862551	201979832	1
TMEM2	218113_at	0,352693393	0,118787186	9	73488103	73573228	-1
COX4I1	202698_x_at	0,709803774	-0,066569126	16	84390697	84398109	1
CFLAR	214486_x_at	0,007987163	0,749137617	2	201689135	201737260	1
RIT2	206984_s_at	0,886343792	0,019359664	18	38577190	38949655	-1
AKR1B1	201272_at	0,894113717	-0,047510698	7	133777647	133794428	-1
EVI5	209717_at	0,416983616	-0,140815388	1	92746841	93030549	-1
MACROD1	219188_s_at	0,315428132	0,540280203	11	63522606	63690094	-1
DRG2	203267_s_at	0,306717123	0,364011253	17	17932008	17952017	1
NDST4	208334_at	0,934579271	0,013756001	4	115968368	116254481	-1
MAGED4	NA	NA	NA X		51944659	51952104	1
NSFL1C	217830_s_at	0,087285786	0,300521531	20	1370811	1396417	-1
ANKRD53	NA	NA	NA	2	71059083	71065979	1
MID1IP1	218251_at	0,644153087	0,784565461 X		38545629	38550729	1
PPP2R2D	221772_s_at	0,703152714	-0,090775929	10	133597950	133620044	1
TIE1	204468_s_at	0,82671362	-0,037640256	1	43539251	43561366	1

TGFB2	209908_s_at	0,489689356	0,094913919	1	216586491	216681596	1
ZFH3	215828_at	0,562643455	0,063764464	16	71374285	71639775	-1
TMEM101	NA	NA	NA	17	39444082	39447871	-1
METTL1	204027_s_at	0,282167849	-0,276455072	12	56448521	56452602	-1
TPM4	209344_at	0,955420718	-0,0385441	19	16048325	16074408	1
C10orf25	NA	NA	NA	10	44813152	44816342	-1
DIO2	211215_x_at	0,118300273	0,215305446	14	79733622	79748278	-1
ADRB1	208214_at	0,877448776	0,01873747	10	115793796	115796657	1
STMN3	218207_s_at	0,33504424	0,140599887	20	61741505	61755224	-1
TIMM13	218188_s_at	0,44386665	0,25920588	19	2376622	2378875	-1
DRD3	211625_s_at	0,653279954	0,058589933	3	115330247	115380589	-1
TRADD	1729_at	0,052995657	0,558396452	16	65745589	65751313	-1
TRIM32	203846_at	0,128355147	-0,366581616	9	118489402	118503400	1
ZC3H12A	218810_at	0,721900378	-0,132502669	1	37712706	37722565	1
NGFRAP1	217963_s_at	0,141782685	1,804934131	X	102517924	102519657	1
CHMP2B	202538_s_at	0,097197549	0,537862701	3	87359287	87387339	1
FOXO4	205451_at	0,405463944	0,108849243	X	70232751	70240109	1
RASSF7	40359_at	0,672243055	0,084820521	11	551450	554018	1
ZNF222	206175_x_at	0,168609549	0,207802396	19	49221356	49229100	1
COL6A3	201438_at	0,202567644	1,519664369	2	237897401	237987559	-1
SYT10	NA	NA	NA	12	33419615	33484021	-1
ZGPAT	221848_at	0,035060205	0,89205371	20	61809835	61837938	1
C19orf60	218958_at	0,273586839	-0,224828295	19	18560495	18564147	1
SOX6	NA	NA	NA	11	15948371	16454494	-1
OPCML	NA	NA	NA	11	131790085	132907613	-1
BBS2	NA	NA	NA	16	55075798	55111696	-1
NUDT17	NA	NA	NA	1	144297848	144300792	-1
UBXN2A	NA	NA	NA	2	24016880	24077200	1
OVCH1	NA	NA	NA	12	29471756	29541886	-1
GLMN	207153_s_at	0,031803867	-0,699916637	1	92484543	92537154	-1
C6orf142	NA	NA	NA	6	53991673	54239037	1
OTOR	221209_s_at	0,358173545	0,203242358	20	16677003	16680809	1
FLJ35220	NA	NA	NA	17	76003562	76026476	1

CALD1	201616_s_at	0,148571022	0,266240939	7	134226699	134306014	1
BTN3A1	207485_x_at	0,007139876	0,60466103	6	26510460	26523421	1
PPP1R3A	211169_s_at	0,973278526	-0,004012361	7	113301622	113346300	-1
GPR37	209631_s_at	0,185393169	0,843307723	7	124173350	124192917	-1
WDR67	214061_at	0,24599818	0,489825201	8	124154101	124233571	1
AVPI1	218631_at	0,28591031	0,262791208	10	99427171	99436960	-1
COL3A1	215076_s_at	0,838000297	-0,02647447	2	189547344	189585717	1
IQGAP3	NA	NA	NA	1	154761821	154809020	-1
ACER3	NA	NA	NA	11	76249601	76411617	1
RAB22A	213405_at	0,210692496	-0,233824891	20	56318177	56375969	1
FAM50A	203262_s_at	0,170031143	0,811505831	X	153325702	153332190	1
MYOCD	NA	NA	NA	17	12510231	12607686	1
NFKBIA	201502_s_at	0,6762078	0,306556874	14	34940468	34943695	-1
AK3L1	204348_s_at	0,825436419	-0,228661945	1	65385820	65465765	1
PLS3	201215_at	0,001363502	5,026590485	X	114701765	114791246	1
TOLLIP	217930_s_at	0,753034845	0,125558044	11	1252177	1287415	-1
FARP2	204511_at	0,101610466	0,327707764	2	241944384	242082928	1
SLC44A1	222364_at	0,099525813	0,220907017	9	107046750	107193503	1
UQCRCQ	201568_at	0,398320467	0,214652909	5	132230218	132232435	1
ABCG1	204567_s_at	0,668011946	-0,391634548	21	42513077	42590423	1
STOM	201061_s_at	0,163775161	0,786137909	9	123141174	123172366	-1
SIAE	NA	NA	NA	11	124010903	124048927	-1
GNAT2	210604_at	0,855782432	-0,020288838	1	109947412	109957228	-1
NDRG1	200632_s_at	0,009288847	0,993511666	8	134318596	134378680	-1
MAP2	210015_s_at	0,950245707	0,013404726	2	209997016	210307079	1
PTPMT1	NA	NA	NA	11	47543705	47549946	1
ZXDC	218639_s_at	0,579732424	0,165272576	3	127639134	127677452	-1
CHD1	204258_at	0,900602116	0,054366411	5	98218808	98290138	-1
CNOT7	218250_s_at	0,47521042	-0,380891022	8	17131111	17148758	-1
SNAP25	202507_s_at	0,15578158	0,183874497	20	10147477	10236065	1
FAHD1	NA	NA	NA	16	1817231	1830173	1
DIP2C	212504_at	0,665559278	0,116908781	10	311432	725606	-1
KRTAP20-2	NA	NA	NA	21	30929454	30929651	1

MRI1	NA	NA	NA	19	13736337	13746096	1
CNTNAP2	219300_s_at	0,129933055	0,236083176	7	145444386	147749019	1
MAP3K1	214786_at	0,627080312	0,094673557	5	56146657	56227736	1
DCTN2	200932_s_at	0,792570652	0,073700276	12	56210361	56227245	-1
MYADM	NA	NA	NA	19	59064593	59071501	1
FAM92A1	NA	NA	NA	8	94781949	94809850	1
CHFR	218803_at	0,878579494	0,195629039	12	131927011	131974257	-1
MAFB	218559_s_at	0,060992078	3,323088797	20	38747929	38751290	-1
PDGFD	219304_s_at	0,23169718	-0,74812373	11	103283124	103540237	-1
ADPRHL1	NA	NA	NA	13	113124585	113155840	-1
ZNF439	NA	NA	NA	19	11837844	11841306	1
FBXL8	220080_at	0,100100206	0,218208497	16	65751392	65755578	1
MYO18B	NA	NA	NA	22	24468120	24757007	1
PLA2G16	209581_at	0,240549231	1,070550042	11	63098825	63138471	-1
CSAG1	NA	NA	NA X		151653884	151660174	1
ANKRD20A4	NA	NA	NA	9	68671801	68714929	1
PRICKLE1	NA	NA	NA	12	41139341	41269745	-1
ZNF280B	215048_at	0,578509895	0,066343797	22	21168767	21193505	-1
KCND2	207103_at	0,153929081	0,176284598	7	119700958	120177623	1
NDP	206022_at	0,595867423	0,08094667 X		43692966	43717788	-1
BRWD3	NA	NA	NA X		79818339	79951889	-1
GNG10	NA	NA	NA	9	113463682	113472347	1
NIACR2	NA	NA	NA	12	121765256	121767392	-1
PPP2R2A	202313_at	0,870299344	-0,130226333	8	26204951	26284563	1
ZNF530	NA	NA	NA	19	62803065	62811444	1
BBS5	NA	NA	NA	2	170044252	170071411	1
EXOC5	218748_s_at	0,865057477	-0,121464869	14	56738947	56805370	-1
ATRN	211852_s_at	0,000144819	0,740206609	20	3399676	3579765	1
ZBTB9	NA	NA	NA	6	33530334	33533299	1
VPS54	218423_x_at	0,311956325	0,521316266	2	63973171	64099718	-1
ACYP2	206833_s_at	0,059036026	-0,962567336	2	54195914	54385941	1
ADAM8	205180_s_at	0,052879835	0,656871739	10	134925911	134940362	-1
USP44	NA	NA	NA	12	94435010	94469394	-1

HIST1H2AA	NA	NA	NA	6	25834270	25834769	-1
ATP6AP2	201444_s_at	0,008626526	0,541144518	X	40325160	40350833	1
ACOXL	220845_at	0,972842718	-0,004811526	2	111206680	111568392	1
MRPL45	NA	NA	NA	17	33706517	33732628	1
PARP10	NA	NA	NA	8	145123308	145132623	-1
STC2	203438_at	0,060435263	0,477215582	5	172674332	172689112	-1
COX8A	201119_s_at	0,01441612	0,495013944	11	63498655	63500591	1
BCL2	208906_at	0,002961732	2,087469689	11	62214323	62231395	-1
WDR63	NA	NA	NA	1	85300595	85371407	1
ZNF557	220444_at	0,56448534	0,186368374	19	7020471	7038979	1
ADAM22	208227_x_at	0,037593211	0,946972151	7	87401638	87664390	1
ARPP-21	220359_s_at	0,615549557	-0,300676078	3	35658853	35810992	1
HLA-A	213932_x_at	0,106501725	0,775469966	6	30018310	30021633	1
LRRC26	NA	NA	NA	9	139183031	139184312	-1
LRRN1	NA	NA	NA	3	3816121	3864387	1
AHSA2	NA	NA	NA	2	61258325	61267562	1
RHOT1	222148_s_at	0,010705089	-0,869962908	17	27493586	27576859	1
CT45A6	NA	NA	NA	X	134790881	134798910	-1
RNF26	NA	NA	NA	11	118710447	118713232	1
MTMR15	203678_at	0,032110953	1,026342878	15	28983421	29022600	1
LMCD1	218574_s_at	0,059565153	0,986482379	3	8518511	8584806	1
TMC3	NA	NA	NA	15	79411815	79453473	-1
FGFBP3	NA	NA	NA	10	93656326	93659220	-1
NEIL2	NA	NA	NA	8	11664666	11682263	1
MYO1D	212338_at	0,009440127	1,487713986	17	27843741	28228015	-1
PLTP	202075_s_at	0,445593847	0,791097006	20	43960804	43974193	-1
ERBB2	216836_s_at	0,663414805	-0,080738823	17	35097919	35138441	1
UPP2	NA	NA	NA	2	158559937	158700724	1
UBA3	209115_at	0,996655394	0,002231133	3	69186571	69212214	-1
MITF	207233_s_at	0,109209403	0,205810811	3	69871323	70100177	1
PARD3	221526_x_at	7,81E-05	2,286821938	10	34440103	35143929	-1
HKDC1	220585_at	0,65264333	0,048359228	10	70650065	70697321	1
STARD5	213820_s_at	0,316916069	0,188953151	15	79392062	79403579	-1

SNX24	218705_s_at	0,088965421	0,656463774	5	122209170	122372799	1
RELA	201783_s_at	0,758149339	0,084586581	11	65178393	65186951	-1
HSPA13	202558_s_at	0,037293605	0,86397738	21	14665307	14677380	-1
NXT2	209629_s_at	0,336402767	0,542095604	X	108665666	108674569	1
PGAP3	55616_at	0,067702202	0,2960569	17	35080901	35097836	-1
FAM109B	NA	NA	NA	22	40800201	40805388	1
APOL6	219716_at	0,015462264	0,638009733	22	34374370	34394402	1
ACACA	212186_at	0,049153224	-0,624433587	17	32516040	32730805	-1
NRAP	207089_at	0,582526636	0,063481126	10	115338573	115413795	-1
ZNF226	219603_s_at	0,46559854	-0,176353367	19	49361579	49371422	1
ZNF773	NA	NA	NA	19	62703121	62711338	1
PAIP1	209063_x_at	0,243149493	-0,31459532	5	43562126	43593244	-1
NENF	218407_x_at	0,470786431	0,255571188	1	210672903	210686344	1
PRDM7	NA	NA	NA	16	88650475	88656234	-1
ERMN	NA	NA	NA	2	157883371	157892392	-1
OTUD7A	NA	NA	NA	15	29562621	29734834	-1
TRIM62	58308_at	0,160503619	-0,238232995	1	33383591	33419854	-1
TUSC1	NA	NA	NA	9	25666387	25668856	-1
TBC1D13	44696_at	0,670007602	0,071370956	9	130589432	130612532	1
MICAL2	212473_s_at	0,032345003	1,09291189	11	12088714	12241908	1
WDFY1	NA	NA	NA	2	224448309	224518296	-1
SUMF1	NA	NA	NA	3	4377830	4483954	-1
PRPF18	221547_at	0,676440544	0,233590239	10	13668945	13712874	1
FAM109A	NA	NA	NA	12	110282866	110291308	-1
NAT2	206797_at	0,177028934	0,243553985	8	18293035	18303003	1
RPS6KA3	203843_at	0,538114789	0,354083219	X	20077950	20194671	-1
ZBED2	219836_at	0,671698241	0,052093143	3	112794437	112796856	-1
PRAF2	203456_at	0,243263329	0,551506784	X	48815762	48818606	-1
NCOA5	NA	NA	NA	20	44123031	44151987	-1
NTNG1	NA	NA	NA	1	107484268	107825998	1
C17orf47	NA	NA	NA	17	53973947	53976682	-1
AGPHD1	NA	NA	NA	15	76586961	76616770	1
C20orf79	NA	NA	NA	20	18742370	18743036	1

ARMC5	NA	NA	NA	16	31377818	31385989	1
NLE1	203867_s_at	0,099521887	-0,559686638	17	30482481	30493435	-1
ISOC2	218893_at	0,81868818	-0,08810512	19	60656168	60664824	-1
CAMK2D	NA	NA	NA	4	114593021	114902177	-1
CDC20B	NA	NA	NA	5	54444580	54504760	-1
POP1	NA	NA	NA	8	99199244	99239816	1
CBARA1	216903_s_at	0,252337876	0,264794737	10	73797104	74055905	-1
MUC1	207847_s_at	0,043185138	0,332348058	1	153424924	153429324	-1
NPVF	221322_at	0,624039148	-0,061764654	7	25230714	25234630	-1
SPERT	NA	NA	NA	13	45174447	45186694	1
HDLBP	221767_x_at	0,084838073	0,316515114	2	241815352	241860974	-1
MYBL2	201710_at	0,177130591	-0,283114276	20	41729123	41778536	1
ATOX1	203454_s_at	0,146762508	0,579998896	5	151102576	151118403	-1
REXO2	218194_at	0,278635337	0,520465809	11	113815387	113826211	1
ENPP2	210839_s_at	0,35704307	0,118643203	8	120638500	120720287	-1
LRRC4C	NA	NA	NA	11	40092329	40272240	-1
C16orf46	NA	NA	NA	16	79644603	79668373	-1
RXFP2	NA	NA	NA	13	31211679	31275009	1
STK3	204068_at	0,352025717	0,706471473	8	99536037	99907085	-1
TK1	202338_at	0,709251349	-0,107090163	17	73681755	73694880	-1
RHOQ	212119_at	0,764290792	-0,196860717	2	46623371	46665331	1
THNSL1	219800_s_at	0,079252072	0,183685012	10	25345514	25355599	1
RSAD2	213797_at	0,243206734	0,185864198	2	6935247	6955814	1
ZNF707	NA	NA	NA	8	144838610	144849543	1
RNF146	221430_s_at	0,447431051	-0,258193484	6	127629713	127651202	1
LAMA5	210150_s_at	0,240198047	0,35989402	20	60317516	60375763	-1
KIF5A	205318_at	0,440025032	0,14229129	12	56230114	56264821	1
POP5	204839_at	0,929905502	0,042862382	12	119501231	119503584	-1
SERTAD4	NA	NA	NA	1	208472818	208483083	1
ENKUR	NA	NA	NA	10	25310923	25345036	-1
FAM36A	NA	NA	NA	1	243065262	243074982	1
VEZF1	202172_at	0,05505296	-1,056440938	17	53403909	53420614	-1
CACNG7	NA	NA	NA	19	59107883	59138080	1

CCDC57	214818_at	0,173729276	0,240098956	17	77652635	77763978	-1
AP3M2	203410_at	0,100211933	0,577834321	8	42129761	42147858	1
LRRC18	NA	NA	NA	10	49787534	49792286	-1
SLITRK3	206732_at	0,175114869	0,213200113	3	166387202	166397163	-1
DEFB112	NA	NA	NA	6	50119247	50124323	-1
SEMG1	206442_at	0,134570195	0,156781411	20	43269088	43271823	1
LIX1	NA	NA	NA	5	96453330	96504195	-1
PET112L	204300_at	0,949697128	0,02446187	4	152811451	152901596	-1
GPR155	NA	NA	NA	2	175004621	175060057	-1
COMMD1	NA	NA	NA	2	61986307	62216709	1
MECR	218664_at	0,585196773	0,107945763	1	29391972	29430041	-1
PCOLCE2	219295_s_at	0,000190954	1,717089314	3	144019401	144090624	-1
ZC3HC1	NA	NA	NA	7	129445362	129478469	-1
TRAF1	205599_at	0,398993672	-0,17028917	9	122704493	122728994	-1
HEPH	203902_at	0,497093605	0,075973616	X	65300834	65403956	1
ZNF721	NA	NA	NA	4	423777	483442	-1
HGSNAT	218017_s_at	0,612976776	0,195076286	8	43114749	43177127	1
ALS2	NA	NA	NA	2	202273522	202353983	-1
OR5D16	NA	NA	NA	11	55362804	55363790	1
DERL3	NA	NA	NA	22	22506690	22511201	-1
XKR9	NA	NA	NA	8	71744154	71810731	1
ZRANB1	NA	NA	NA	10	126620682	126665995	1
FRG2B	NA	NA	NA	10	135288593	135290289	-1
HPCAL1	212552_at	0,003549222	1,079414151	2	10361277	10485194	1
HHAT	219687_at	0,093296916	0,220194674	1	208568920	208916261	1
PCDHB8	221319_at	0,565005328	0,059641468	5	140537614	140540205	1
NT5C	219214_s_at	0,721061131	0,081051708	17	70637918	70639472	-1
RPAP1	218441_s_at	0,759696763	-0,090754771	15	39596666	39623756	-1
GAPT	NA	NA	NA	5	57823087	57827942	1
C19orf12	NA	NA	NA	19	34881633	34898292	-1
ARAP1	212516_at	0,160678583	-0,200686791	11	72073762	72101844	-1
SPTLC3	NA	NA	NA	20	12937627	13095411	1
ODAM	220133_at	0,206584849	0,264852182	4	71096833	71104882	1

LECT2	207409_at	0,584876543	-0,08695918	5	135310499	135318622	-1
NEO1	204321_at	0,801052654	0,087274739	15	71131928	71384599	1
PPP2R5E	203338_at	0,697618679	0,290677958	14	62911108	63079832	-1
DERA	218102_at	0,220450383	-0,663850465	12	15955453	16081582	1
SLC37A3	NA	NA	NA	7	139680021	139744780	-1
ELMOD2	NA	NA	NA	4	141664802	141691297	1
TRPC4	220817_at	0,129930164	0,259717411	13	37108795	37341935	-1
PDGFRA	203131_at	0,926501887	0,013014389	4	54790204	54859169	1
WASH1	NA	NA	NA	9	4517	7479	-1
FBXL17	NA	NA	NA	5	107223348	107745010	-1
PRMT8	207772_s_at	0,924890539	-0,010964805	12	3470686	3573400	1
ALB	211298_s_at	0,950766931	0,006625103	4	74488870	74505996	1
JUB	NA	NA	NA	14	22510249	22521691	-1
KLC2	218906_x_at	0,961916073	-0,010086594	11	65781824	65791907	1
CRYGC	207531_at	0,075713588	0,275991125	2	208701108	208702872	-1
DNAJB14	219237_s_at	0,973635856	-0,012845786	4	101039576	101067271	-1
SCN7A	207864_at	0,875477358	-0,022310962	2	166969785	167051724	-1
ADAMTS4	NA	NA	NA	1	159426162	159435469	-1
KCNG4	NA	NA	NA	16	82813324	82830857	-1
PDCD2L	NA	NA	NA	19	39587143	39608913	1
ACBD4	219413_at	0,009470899	0,528289425	17	40568580	40577324	1
ASF1A	203428_s_at	0,266855376	-0,98176018	6	119263628	119272035	1
ALG10B	NA	NA	NA	12	36996824	37009795	1
DLX2	215685_s_at	0,257015865	0,244963626	2	172672412	172675724	-1
ANKRD1	206029_at	0,748670827	-0,047025455	10	92661837	92671012	-1
C4orf29	219980_at	0,602990581	-0,135632007	4	129105911	129171918	1
TMEM35	219685_at	0,447241778	0,112442387	X	100220519	100238009	1
MEIS2	207480_s_at	0,750249809	-0,399510482	15	34970524	35177795	-1
CANT1	46323_at	0,206972672	0,241696855	17	74499394	74517433	-1
KRTAP24-1	NA	NA	NA	21	30575498	30577147	-1
PZP	207330_at	0,365529467	0,123586474	12	9192703	9252233	-1
FAM129A	217967_s_at	0,001886021	3,286430237	1	183026789	183210305	-1
ATP6V0D2	NA	NA	NA	8	87180255	87235570	1

ASRGL1	218857_s_at	0,287412672	0,852005108	11	61861350	61917463	1
FOS	209189_at	0,992459888	-0,008316029	14	74815284	74818666	1
LARGE	204414_at	0,683581754	0,050216788	22	31999063	32646410	-1
CAMK4	210349_at	0,201469774	0,221450696	5	110587981	110848648	1
CYP27B1	205676_at	0,130857597	0,33085778	12	56442384	56447243	-1
OR9K2	NA	NA	NA	12	53809820	53810827	1
VPS37A	NA	NA	NA	8	17148851	17197418	1
CHST6	NA	NA	NA	16	74064523	74086427	-1
DMWD	33768_at	0,160025533	0,177094583	19	50978104	50987900	-1
NAALAD2	222161_at	0,466563424	0,074587562	11	89507530	89565424	1
OPRK1	207553_at	0,645095684	0,062106627	8	54300829	54326747	-1
ATIC	208758_at	0,651679024	-0,206534643	2	215885081	215922724	1
NDRG2	214279_s_at	0,046317408	0,555839839	14	20554762	20563104	-1
TPPP2	NA	NA	NA	14	20568296	20570167	1
A1CF	220951_s_at	0,084860188	0,247608795	10	52236331	52315441	-1
C11orf35	NA	NA	NA	11	544857	550779	-1
C15orf44	221265_s_at	0,211012113	-0,137702637	15	63658169	63690460	-1
MMP16	207012_at	0,021448295	0,408133333	8	89118576	89408833	-1
STAP2	221610_s_at	0,195906647	0,299184069	19	4275040	4289847	-1
MPND	NA	NA	NA	19	4294570	4311075	1
ST8SIA2	221285_at	0,636607311	0,083850415	15	90738144	90812962	1
OTX1	NA	NA	NA	2	63131469	63137818	1
ITGBL1	205422_s_at	0,407925535	0,086072308	13	100902967	101166795	1
AMAC1L2	NA	NA	NA	8	11225905	11227105	1
UBE3A	213128_s_at	0,064059623	-0,678505163	15	23133489	23204888	-1
PTPN12	216915_s_at	0,62118639	0,064781025	7	77004771	77107322	1
ARHGEF3	218501_at	0,996733076	0,003634148	3	56736486	56810993	-1
PTRH1	NA	NA	NA	9	129516048	129517757	-1
ADSSL1	NA	NA	NA	14	104261579	104284692	1
TOX2	NA	NA	NA	20	41976906	42131670	1
NKX3-1	211498_s_at	0,174280135	0,300132202	8	23592173	23596395	-1
SHISA2	NA	NA	NA	13	25516735	25523198	-1
AKAP7	211172_x_at	0,081879396	0,279793104	6	131613197	131646366	1

CYB5A	215726_s_at	0,071045116	-1,262326356	18	70071507	70110201	-1
SEMA3E	206941_x_at	0,91966985	0,010719683	7	82831158	83116260	-1
TIGD2	NA	NA	NA	4	90252991	90255075	1
AKR1C3	209160_at	0,351716604	0,136315605	10	5126568	5139878	1
OR5M9	NA	NA	NA	11	55986521	55987453	-1
ARIH2	201229_s_at	0,73747077	-0,175457276	3	48931285	48997978	1
OR9Q2	NA	NA	NA	11	57714539	57715483	1
RAPGEF2	203096_s_at	0,618476838	0,289478937	4	160408448	160500752	1
ETV1	206501_x_at	0,180731436	0,281954458	7	13897379	13995289	-1
IGBP1	202105_at	0,499190974	-0,228868521	X	69270043	69302899	1
C20orf74	NA	NA	NA	20	20321411	20641266	-1
ZFPM2	219778_at	0,330224808	0,439232595	8	106400323	106885943	1
MID1	203637_s_at	0,136231779	0,267982194	X	10373596	10548674	-1
HMGB3	203744_at	0,003631191	0,815121833	X	149902421	149909906	1
CAMTA1	213268_at	0,544215106	0,057138975	1	6767971	7752351	1
RALB	202100_at	0,035211901	0,787910723	2	120726884	120768756	1
SUMF2	NA	NA	NA	7	56099411	56115859	1
DOCK4	NA	NA	NA	7	111153400	111633698	-1
GTF3C3	218343_s_at	0,772078178	0,125066974	2	197337345	197372670	-1
PANK4	218771_at	0,604692556	-0,324602679	1	2429835	2447895	-1
AMIGO3	NA	NA	NA	3	49729969	49732127	-1
PAQR3	213372_at	0,464051092	-0,473348236	4	80058118	80079606	-1
CUGBP2	202157_s_at	0,152350025	1,250153196	10	11087265	11418680	1
GFRAL	NA	NA	NA	6	55300226	55375250	1
NAGPA	205090_s_at	0,285432918	0,325208129	16	5014846	5023937	-1
LHFPL1	NA	NA	NA	X	111760535	111810031	-1
DHX38	209178_at	0,797436846	-0,065730385	16	70685116	70704312	1
TTC16	NA	NA	NA	9	129518179	129533700	1
CTSB	213274_s_at	0,001435157	0,702798248	8	11737442	11763055	-1
SLC4A8	207056_s_at	0,943260227	-0,008650438	12	50104861	50189247	1
AMELX	208410_x_at	0,576411672	0,069307407	X	11221454	11228802	1
LYZL4	NA	NA	NA	3	42413579	42427069	-1
TPST2	204079_at	0,613470372	0,341966416	22	25251714	25316089	-1

ZNF25	NA	NA	NA	10	38278801	38305459	-1
FRZB	203698_s_at	0,150755682	0,286284151	2	183406982	183439743	-1
SPIN2A	207841_at	0,982893241	-0,004367182	X	57178808	57180783	-1
BID	211725_s_at	0,326773528	0,635123002	22	16596906	16637258	-1
VDR	204253_s_at	0,071306211	0,262589264	12	46521587	46585081	-1
ZNF577	NA	NA	NA	19	57066350	57083009	-1
OXCT2	220256_s_at	0,047508376	0,401834007	1	40007784	40009607	-1
LRRTM4	220345_at	0,731672267	-0,035515071	2	77597295	77603010	-1
OBSL1	214928_at	0,137766465	0,219533446	2	220123708	220144255	-1
CRELD1	203368_at	0,217164415	0,305037311	3	9950506	9962090	1
TBC1D23	NA	NA	NA	3	101462546	101525205	1
ABCG2	209735_at	0,307052143	1,148303957	4	89230440	89299035	-1
FRK	207178_s_at	0,672398805	-0,046998556	6	116369386	116488614	-1
C7orf69	221172_at	0,729462618	0,050524323	7	47801414	47825970	1
FASLG	211333_s_at	0,493816875	-0,104550864	1	170894808	170902636	1
DYNLRB2	NA	NA	NA	16	79132355	79142042	1
OCEL1	205441_at	0,04034691	0,513602368	19	17198055	17201028	1
SNX7	205573_s_at	0,304202142	-0,150614509	1	98899801	98998642	1
WDYHV1	219060_at	0,829925658	0,095882721	8	124498146	124523441	1
ZNF418	222135_at	0,257899371	0,159999643	19	63125064	63138552	-1
UGT1A5	NA	NA	NA	2	234286377	234346684	1
TTF1	204771_s_at	0,37058797	-0,466565688	9	134240756	134272042	-1
C9orf171	NA	NA	NA	9	134275432	134438496	1
COX6A2	206353_at	0,477194277	0,188344766	16	31346556	31347222	-1
TMLHE	218790_s_at	0,073845196	0,273706293	X	154372967	154495791	-1
KLKB1	206541_at	0,961909672	-0,010828722	4	187385666	187416619	1
AKAP4	207019_s_at	0,613547764	0,052830239	X	49842151	49852404	-1
SHQ1	219083_at	0,623922175	-0,260589109	3	72881118	72980288	-1
GARNL1	213049_at	0,145060635	0,398184749	14	35077309	35348183	-1
KIFC3	209661_at	0,109831568	0,466262482	16	56349630	56393940	-1
RBM17	NA	NA	NA	10	6171013	6198849	1
GZMB	210164_at	0,838242822	0,025748313	14	24170000	24173272	-1
TAZ	37278_at	0,023282448	0,421182908	X	153293071	153303259	1

NAT15	218661_at	0,517650091	0,169644427	16	3447993	3476964	1
APOBEC3B	206632_s_at	0,002670221	4,036996984	22	37708351	37718729	1
BMP10	208292_at	0,151763398	0,206529904	2	68946117	68952153	-1
PDGFB	216061_x_at	0,164632398	0,256875177	22	37949665	37966891	-1
DUB3	NA	NA	NA	8	12032086	12033678	-1
LSM6	205036_at	0,055655489	-0,749362853	4	147316285	147330663	1
BTNL2	221457_s_at	0,91648116	-0,018440841	6	32470491	32482878	-1
SNX16	219793_at	0,724298824	0,086678807	8	82874373	82915233	-1
RGS8	NA	NA	NA	1	180882415	180908690	-1
CCDC36	NA	NA	NA	3	49210865	49270160	1
TSPY2	207918_s_at	0,993706567	0,00120424	Y	6174264	6177053	1
C8A	206305_s_at	0,261833709	0,153311277	1	57093065	57156482	1
CX3CR1	205898_at	0,140345726	0,683417095	3	39279989	39296531	-1
WIPI2	202031_s_at	0,118181498	-0,498680067	7	5196361	5240012	1
CCDC52	215094_at	0,304573896	0,094985916	3	114644260	114716693	-1
ZNF470	NA	NA	NA	19	61770702	61786074	1
CXCL10	204533_at	0,585274555	0,170191196	4	77161295	77163674	-1
DIABLO	219350_s_at	0,753850584	0,084602122	12	121258162	121276552	-1
SPO11	222259_s_at	0,878706535	-0,019557957	20	55338238	55352456	1
HMOX1	203665_at	0,079252072	1,183690969	22	34107087	34120194	1
MFRP	NA	NA	NA	11	118716836	118722580	-1
TAS2R1	221324_at	0,595103544	0,084136763	5	9682109	9683463	-1
SNRPN	201522_x_at	0,561341666	0,910959905	15	22619887	22774822	1
IL1RL1	207526_s_at	0,128313725	0,251982209	2	102320149	102327615	1
GLT25D2	209883_at	0,213487902	0,287692704	1	182171589	182273486	-1
IL1F9	220322_at	0,420754264	0,093727951	2	113452077	113459698	1
SLC25A1	210010_s_at	0,754842781	-0,067324054	22	17543095	17546285	-1
UGT2B10	NA	NA	NA	4	69716318	69731209	1
PPFIA3	215280_s_at	0,008477249	0,613143868	19	54314475	54346095	1
MS4A6A	219666_at	0,245102463	0,175367886	11	59695656	59707250	-1
FAM19A2	NA	NA	NA	12	60388307	60872818	-1
FNDC3B	218618_s_at	0,004426686	2,359879451	3	173312936	173601181	1
SGSM3	203014_x_at	0,5945121	0,166525052	22	39096541	39136239	1

C1QTNF5	NA	NA	NA	11	118714862	118716791	-1
LOC150786	NA	NA	NA	2	131834535	131838201	-1
SLC16A14	NA	NA	NA	2	230607942	230641863	-1
OR7D2	NA	NA	NA	19	9157270	9160493	1
CELSR3	40020_at	0,056361354	0,657336321	3	48648900	48675352	-1
	NA	NA	NA	1	65386679	65464448	1
CORT	210182_at	0,314905202	0,275124455	1	10432558	10434546	1
FRMPD2L2	NA	NA	NA	10	46077145	46096738	-1
PFKP	201037_at	0,28292714	-0,502055923	10	3099752	3168996	1
HYAL2	206855_s_at	0,047657885	0,578009143	3	50330244	50335146	-1
CLIC5	219866_at	0,314700262	0,167093394	6	45974171	46091553	-1
GALNT10	212256_at	0,006008084	0,822672647	5	153550488	153780003	1
RBPM5	207836_s_at	0,216046247	0,241069619	8	30361486	30549276	1
TXNL4B	218794_s_at	0,949776303	-0,015357951	16	70676257	70685015	-1
CSNK1D	207945_s_at	0,459165803	-0,196357545	17	77795527	77824862	-1
PORCN	219483_s_at	0,012130736	0,611257704	X	48253116	48264146	1
MAGEA12	210467_x_at	0,066649473	3,294305854	X	151649949	151653828	-1
DMPK	37996_s_at	0,623065397	-0,11785617	19	50964815	50977655	-1
TUBA1C	209251_x_at	0,145743974	-0,3204753	12	47945132	47953380	1
SPINK5L2	NA	NA	NA	5	147529489	147535154	1
CRYM	205489_at	0,285315687	0,105700378	16	21177343	21197158	-1
C6orf191	NA	NA	NA	6	130194082	130224109	-1
STEAP4	220187_at	0,300773055	0,106387651	7	87743680	87774145	-1
CYP3A5	214234_s_at	0,450530999	0,151833863	7	99083753	99115542	-1
CD58	216942_s_at	0,016536046	2,126611671	1	116858680	116915126	-1
FHDC1	NA	NA	NA	4	154083585	154120298	1
SMPD3	219695_at	0,8937825	-0,022457228	16	66949731	67039905	-1
FAM186B	NA	NA	NA	12	48267555	48285621	-1
PYGB	201481_s_at	0,326773528	0,193994666	20	25176706	25226648	1
SASH1	41644_at	0,090617413	0,269186739	6	148705422	148914877	1
SDR16C5	NA	NA	NA	8	57375122	57395795	-1
SLC15A1	211349_at	0,597273252	0,063385429	13	98134057	98202909	-1
PTTG1IP	200677_at	0,004057025	0,684407262	21	45093941	45118169	-1

KLHL22	221837_at	0,186984034	0,256666368	22	19125806	19180122	-1
C7orf54	NA	NA	NA	7	127424798	127427366	1
ICA1	204002_s_at	0,101811995	0,289718629	7	8119339	8268710	-1
PROS1	207808_s_at	0,463002821	0,084391433	3	95074647	95175395	-1
ARL13B	NA	NA	NA	3	95181672	95256813	1
ARL6IP5	200760_s_at	0,023271064	1,242751485	3	69216780	69237929	1
PP8961	NA	NA	NA	14	91108541	91111136	-1
COL4A4	214602_at	0,575307383	0,138773606	2	227575671	227737519	-1
UCP1	221384_at	0,26520927	0,121198039	4	141700500	141709457	-1
PJA1	218667_at	0,780867115	-0,258820359	X	68297429	68301997	-1
PEMT	207621_s_at	0,091706758	0,838203181	17	17349602	17421504	-1
ZNF251	NA	NA	NA	8	145917103	145951775	-1
ADAMTS3	214913_at	0,144167453	0,178873612	4	73365551	73653380	-1
EDARADD	NA	NA	NA	1	234624303	234714631	1
MUDENG	218139_s_at	0,774744041	0,188449832	14	56805380	56826545	1
GCA	203765_at	0,843436566	-0,20311093	2	162908896	162925875	1
LAGE3	219061_s_at	0,290454175	0,523496496	X	153358435	153360790	-1
LACTB2	218701_at	0,005249147	1,167970649	8	71712045	71743946	-1
OR14C36	NA	NA	NA	1	246578700	246579638	1
	NA	NA	NA	9	97774970	97816674	1
CLSTN2	NA	NA	NA	3	141136897	141769328	1
TXK	206828_at	0,26520927	0,192963319	4	47763167	47831030	-1
STK38L	212565_at	0,116442364	0,348178759	12	27288373	27369795	1
DAB2	210757_x_at	0,028392881	0,393690526	5	39407537	39461092	-1
NUDCD1	NA	NA	NA	8	110322324	110415491	-1
MT1X	208581_x_at	0,964426768	0,02526973	16	55273896	55275609	1
RNF14	201823_s_at	0,88443153	-0,07191315	5	141328917	141348938	1
ABCA4	210082_at	0,8473661	-0,02227593	1	94230981	94359293	-1
KRTAP6-3	NA	NA	NA	21	30886630	30887245	1
CD82	203904_x_at	0,726640049	-0,087337797	11	44543717	44597915	1
ACAA1	214274_s_at	0,90620946	0,071485289	3	38139211	38153619	-1
HSPB3	206375_s_at	0,413310681	0,099906932	5	53787202	53787964	1
WDR40C	NA	NA	NA	X	125126195	125127615	-1

DSG1	206642_at	0,490512027	0,070812883	18	27152050	27191392	1
SPP2	214478_at	0,249585959	0,233498141	2	234624085	234650515	1
NLRP3	216015_s_at	0,661638658	0,057081789	1	245647974	245679033	1
ASB5	NA	NA	NA	4	177371822	177427269	-1
OR5D14	NA	NA	NA	11	55319608	55320552	1
NLGN1	205893_at	0,235455222	0,151425991	3	174598938	175483810	1
RPH3A	205230_at	0,23692983	0,134639538	12	111714125	111819631	1
FBXO27	NA	NA	NA	19	44206501	44215038	-1
SYS1	NA	NA	NA	20	43425115	43431263	1
NEK10	NA	NA	NA	3	27127398	27232970	-1
CNIH4	218728_s_at	0,899953895	0,115823229	1	222611218	222630318	1
NTS	206291_at	0,137069909	0,216494224	12	84792206	84800898	1
KIAA1383	NA	NA	NA	1	231007261	231012715	1
PTHLH	206300_s_at	0,352418952	0,115003799	12	28002284	28014161	-1
CA12	210735_s_at	0,091095591	0,304440807	15	61402783	61461128	-1
GNPNAT1	NA	NA	NA	14	52311661	52328133	-1
CPM	206100_at	0,566136964	-0,069523767	12	67531222	67643287	-1
DCTN1	201082_s_at	0,142268703	-0,597940415	2	74441790	74461472	-1
PLEKHG4	NA	NA	NA	16	65868914	65880884	1
C20orf132	NA	NA	NA	20	35163043	35241388	-1
MYCN	211377_x_at	0,122997792	0,277287352	2	15998134	16004580	1
RBM41	NA	NA	NA X		106197024	106248690	-1
KRTDAP	NA	NA	NA	19	40670068	40673196	-1
GALNTL5	NA	NA	NA	7	151284444	151347945	1
KCNG3	NA	NA	NA	2	42522661	42574741	-1
TH1L	220607_x_at	0,64155787	0,152801138	20	56989706	57003583	1
LIG3	204123_at	0,248288991	0,282371677	17	30331651	30356201	1
SLC18A2	205857_at	0,197657539	0,294026512	10	118990706	119027085	1
RFK	203224_at	0,018355126	-0,934648716	9	78190253	78199264	-1
UNC45B	NA	NA	NA	17	30498949	30540477	1
ANKRD57	219496_at	0,071164921	1,345510804	2	109729200	109733853	1
C12orf71	NA	NA	NA	12	27125257	27126722	-1
TP63	207382_at	0,070382863	0,241455287	3	190831910	191097759	1

FKRP	219853_at	0,900671136	-0,019469141	19	51941143	51953582	1
FLJ40504	NA	NA	NA	17	23627735	23658144	-1
SLC8A1	211805_s_at	0,469936205	0,099970682	2	40192790	40510948	-1
HRSP12	203790_s_at	0,990476243	-0,006659574	8	99183743	99198594	-1
TMEM66	200847_s_at	0,102101815	1,089051009	8	30040173	30060191	-1
GPR61	NA	NA	NA	1	109884017	109889978	1
ID4	209292_at	0,237857013	0,125422032	6	19945596	19948894	1
OR5AR1	NA	NA	NA	11	56187738	56188670	1
C2orf88	NA	NA	NA	2	190753834	190776455	1
UMOD	206716_at	0,86520918	-0,018903916	16	20251874	20271538	-1
PATE2	NA	NA	NA	11	125151235	125153924	-1
CSRNP1	NA	NA	NA	3	39158350	39170105	-1
IRS4	207403_at	0,646302022	0,065671972	X	107862368	107866307	-1
ZDHHC2	NA	NA	NA	8	17058402	17124612	1
IL1RAPL2	221112_at	0,64105152	0,109056559	X	103697652	104898478	1
MRPL37	NA	NA	NA	1	54438428	54456639	1
RAB27B	207017_at	0,192260095	0,121927587	18	50646838	50708210	1
SLCO1B3	206354_at	0,443417913	0,080754597	12	20854905	20960925	1
C15orf17	NA	NA	NA	15	72979381	72986515	-1
GPRC5D	221297_at	0,001363502	1,443068869	12	12984976	12994585	-1
TFPI2	209278_s_at	0,73580159	0,080764906	7	93353678	93358001	-1
C9orf106	NA	NA	NA	9	131123116	131124703	1
UBE2G1	209142_s_at	0,394451671	-0,490317348	17	4119261	4216718	-1
FAM187B	NA	NA	NA	19	40407544	40411468	-1
ZNF193	205181_at	0,042409373	0,430778227	6	28301049	28309239	1
OR1L4	NA	NA	NA	9	124526090	124527025	1
SLC4A4	211494_s_at	0,091885313	0,293788502	4	72271867	72656663	1
C8orf41	219124_at	0,935828504	-0,027860499	8	33475775	33490198	-1
OR5W2	NA	NA	NA	11	55437702	55438634	-1
ATF3	202672_s_at	0,460071664	0,252746594	1	210848617	210860740	1
COL4A6	211473_s_at	0,402349726	0,112489425	X	107285493	107568314	-1
CHRFAM7A	210123_s_at	0,703766754	-0,055004025	15	28440735	28473156	-1
TTLL7	219882_at	0,080575964	0,433794037	1	84107645	84237421	-1

COL4A3	222073_at	0,615800757	-0,271706683	2	227737525	227887751	1
TRAK1	202079_s_at	0,337727115	-0,570925461	3	42107750	42242272	1
GRINA	212090_at	0,049517265	0,719805548	8	145136214	145139571	1
SCUBE3	NA	NA	NA	6	35290168	35326587	1
AFMID	NA	NA	NA	17	73695038	73715377	1
TRIM65	NA	NA	NA	17	71396636	71404649	-1
DUS3L	NA	NA	NA	19	5736151	5742192	-1
MSC	209928_s_at	0,188465226	0,346277496	8	72916331	72919285	-1
TEK	217711_at	0,199746752	0,280628302	9	27099286	27220172	1
FBXL19	NA	NA	NA	16	30843397	30867605	1
TNFRSF25	216042_at	0,261893582	0,184611369	1	6443798	6448842	-1
PHLDB3	NA	NA	NA	19	48671095	48700825	-1
NAT13	217745_s_at	0,325506856	-0,253441727	3	114920531	114947786	-1
PEX16	49878_at	0,129930164	0,351675834	11	45887796	45896182	-1
ABCA1	216066_at	0,050755935	0,245229803	9	106583104	106730257	-1
SEMA4B	NA	NA	NA	15	88529156	88573896	1
SLC22A18	204981_at	0,012631351	0,605065797	11	2880100	2903052	1
SLC25A21	220474_at	0,820814337	0,024722089	14	36218829	36711616	-1
SPATA20	218164_at	0,038021246	0,624929399	17	45979561	45988212	1
NUDT19	NA	NA	NA	19	37874707	37896542	1
SUCNR1	NA	NA	NA	3	153074127	153082340	1
C10orf72	NA	NA	NA	10	49980223	49993560	-1
ASAH2B	NA	NA	NA	10	52169714	52184575	1
KIRREL	220825_s_at	0,225516004	0,166607719	1	156229687	156332465	1
COMMD8	218351_at	0,00346395	-0,813318899	4	47147567	47160433	-1
BTG4	220766_at	0,797728493	0,045149198	11	110843465	110888274	-1
RAVER2	NA	NA	NA	1	64983366	65071500	1
ZNF230	205791_x_at	0,501111134	-0,09295043	19	49198917	49209912	1
DEFB4	207356_at	0,997367053	-0,000450732	8	7789609	7791647	1
NPHS2	220424_at	0,207758751	0,317490367	1	177786299	177811691	-1
PROX1	207401_at	0,896094756	-0,017231082	1	212228483	212276389	1
HNF4A	214832_at	0,209502779	0,225106481	20	42417855	42491725	1
NIPSNAP1	201708_s_at	0,074470803	0,378694017	22	28280800	28307328	-1

ALG1L	NA	NA	NA	3	127130808	127138572	-1
TNIP3	220655_at	0,974221558	0,005510394	4	122272017	122304926	-1
TLR6	207446_at	0,359474575	-0,184736555	4	38504803	38507555	-1
ZNF829	NA	NA	NA	19	42074093	42099030	-1
FLOT1	210142_x_at	0,888673797	-0,08089256	6	30803490	30818432	-1
PAK7	213990_s_at	0,378479057	0,14890181	20	9466037	9767522	-1
LEPROTL1	202595_s_at	0,206770095	1,000742023	8	30072487	30085122	1
LCE2B	207710_at	0,598456288	-0,05150063	1	150925223	150926501	1
COLQ	206073_at	0,584933296	0,105067746	3	15466644	15538262	-1
FBXW5	NA	NA	NA	9	138954708	138958994	-1
C8G	210324_at	0,997214711	0,000726731	9	138959534	138961240	1
LCN12	NA	NA	NA	9	138966589	138969770	1
ANK3	206385_s_at	0,19050782	-1,809706352	10	61458165	61570752	-1
PTMS	NA	NA	NA	12	6745802	6750379	1
LAG3	206486_at	0,827659539	-0,038640742	12	6751931	6757880	1
CCDC117	NA	NA	NA	22	27498707	27515278	1
OXGR1	NA	NA	NA	13	96435974	96444605	-1
EPN2	203463_s_at	0,061587898	0,524201517	17	19081283	19180621	1
FIGN	NA	NA	NA	2	164172364	164300759	-1
OR8S1	NA	NA	NA	12	47205682	47208153	1
ZNF696	220967_s_at	0,629002935	0,137073909	8	144444971	144451539	1
MRPL9	211594_s_at	0,271612161	0,411306456	1	149998747	150002664	-1
FRMD4A	208475_at	0,344139298	0,324901848	10	13725712	14412872	-1
SLC15A2	205316_at	0,339873685	-0,283995696	3	123095977	123143148	1
KLHDC10	210111_s_at	0,618328907	-0,234241435	7	129497585	129560829	1
KLRD1	210606_x_at	0,273932003	0,16680456	12	10351684	10359227	1
	NA	NA	NA X		151627399	151628403	-1
YAP1	213342_at	0,510044493	0,068172875	11	101486541	101609359	1
ZNF177	207417_s_at	0,670999389	-0,094342648	19	9334696	9353866	1
PDC	211496_s_at	0,968944008	0,004905164	1	184679337	184684479	-1
B3GALT1	220829_s_at	0,474259041	0,17974265	2	168383428	168435612	1
DCBLD2	213865_at	0,057019818	0,39454412	3	99997504	100103223	-1
CRYGD	207532_at	0,714146629	0,05222499	2	208694577	208697458	-1

MEOX2	206201_s_at	0,992003165	-0,001210004	7	15617362	15692833	-1
TACSTD2	202285_s_at	0,16612789	0,30932587	1	58813231	58816033	-1
TMEM27	NA	NA	NA X		15555372	15593075	-1
F5	204713_s_at	0,2300037	0,231800833	1	167747816	167822393	-1
GPX2	202831_at	0,03344976	0,330870386	14	64475625	64479284	-1
L3MBTL	206823_at	0,635571139	0,064403076	20	41576467	41603949	1
LGALS3	208949_s_at	0,233326229	1,590599043	14	54665625	54681901	1
IL1B	39402_at	0,365471717	0,128593264	2	113303808	113310827	-1
HRH2	220805_at	0,304278202	0,215364876	5	175042318	175044164	1
ZEB1	212764_at	0,268394455	-0,552257965	10	31648148	31856742	1
CD164L2	NA	NA	NA	1	27578183	27582392	-1
UCN	206072_at	0,539841296	0,129770293	2	27383769	27384634	-1
C9orf68	NA	NA	NA	9	4588316	4656464	-1
KRTAP19-1	NA	NA	NA	21	30774235	30774507	-1
NRF1	204651_at	0,15051216	-0,238495245	7	129057155	129184158	1
SLC25A43	NA	NA	NA X		118417051	118472462	1
GMPPB	219920_s_at	0,539201411	0,16851922	3	49733936	49736388	-1
CRYAB	209283_at	0,271003387	0,129648258	11	111284560	111287683	-1
HSPB2	205824_at	0,519971758	0,0939489	11	111288709	111290027	1
C11orf52	NA	NA	NA	11	111294811	111302805	1
SLITRK4	NA	NA	NA X		142543584	142550685	-1
DTNA	205741_s_at	0,084521831	0,376586756	18	30327279	30725364	1
ATP6V1A	201972_at	0,390016708	-0,253934008	3	114948598	115013593	1
SLC30A5	220181_x_at	0,260245059	0,313114061	5	68425638	68461636	1
DLG2	206253_at	0,598000885	-0,153062666	11	82843701	84312113	-1
SATB1	203408_s_at	0,988509605	-0,010072863	3	18364438	18440344	-1
HS3ST1	205465_x_at	0,225657795	0,132233573	4	11009086	11039635	-1
EPB41L3	206710_s_at	0,173811946	0,172395624	18	5382388	5533986	-1
MLST8	220587_s_at	0,084620793	0,55929736	16	2195451	2199419	1
C19orf73	220151_at	0,085159379	0,364201479	19	54313466	54314209	-1
HIC2	216911_s_at	0,201294735	0,326009036	22	20101693	20135752	1
TMEM38B	218772_x_at	0,215666539	-0,723103523	9	107496646	107577265	1
IFLTD1	NA	NA	NA	12	25520283	25597445	-1

SCN2A	206381_at	0,727846033	-0,047145933	2	165860529	165957066	1
R3HDML	NA	NA	NA	20	42399040	42413289	1
KCNMB3	221125_s_at	0,993798161	-0,00114316	3	180443288	180467532	-1
IGJ	212592_at	0,041177214	0,869332869	4	71740548	71751128	-1
GPR87	219936_s_at	0,654992935	0,053588992	3	152494587	152517326	-1
B4GALNT3	NA	NA	NA	12	439804	541319	1
MAPK8IP2	205050_s_at	0,404700273	0,208065374	22	49385997	49396845	1
SLC22A1	207201_s_at	0,922945592	0,017531735	6	160462853	160499740	1
SH3KBP1	NA	NA	NA X		19463732	19727789	-1
NEGR1	NA	NA	NA	1	71641213	72520865	-1
OR2T2	NA	NA	NA	1	246682722	246683696	1
FAM23B	NA	NA	NA	10	18081224	18129861	1
FLJ21511	220724_at	0,771366442	0,027837482	4	48683022	48758853	1
SPRR2D	208539_x_at	0,19591212	0,229468447	1	151278825	151280218	-1
LRFN4	219491_at	0,270582374	0,41376764	11	66381549	66384522	1
PLOD3	202185_at	0,00091831	1,488319644	7	100635978	100647731	-1
PTER	218967_s_at	0,704403017	-0,205551588	10	16518973	16595742	1
NUAK1	204589_at	0,009371198	0,623479497	12	104981255	105057941	-1
SORBS3	209253_at	0,028215944	0,483916173	8	22465196	22488953	1
FAM84B	NA	NA	NA	8	127633869	127639648	-1
SCN1A	210383_at	0,69146861	0,039521763	2	166553916	166638395	-1
RAB19	NA	NA	NA	7	139753916	139772419	1
KIAA1797	218503_at	0,863343038	0,173685118	9	20648309	20985954	1
HS6ST2	NA	NA	NA X		131587719	131923093	-1
FAM119B	213861_s_at	0,056339295	0,49095543	12	56452650	56462591	1
SLC24A5	NA	NA	NA	15	46200461	46221881	1
CALCR	207887_s_at	0,788534669	0,040946039	7	92891735	93041686	-1
MARK1	221047_s_at	0,386179027	0,123405158	1	218768191	218904422	1
UBE2U	NA	NA	NA	1	64442078	64482615	1
IL12RB2	206999_at	0,73598416	0,053976019	1	67545635	67635171	1
NAT14	NA	NA	NA	19	60688406	60690747	1
KCNB2	208172_s_at	0,651679024	0,059993555	8	73612180	74013138	1
RAI1	NA	NA	NA	17	17525512	17655492	1

BDNF	206382_s_at	0,969478568	0,007481685	11	27633016	27637249	-1
AMIGO2	222108_at	0,503575541	-0,45983846	12	45755757	45759915	-1
EDIL3	207379_at	0,632596147	0,073871656	5	83273882	83716367	-1
KAL1	205206_at	0,340670681	0,19592201	X	8456915	8660227	-1
KALRN	205635_at	0,205808782	0,212662659	3	125786219	125922726	1
ARMCX5	219335_at	0,290478228	0,674128705	X	101740814	101745743	1
FPGS	202945_at	0,864883593	0,050379865	9	129604975	129616377	1
ZNF625	NA	NA	NA	19	12116705	12128529	-1
ZNF136	206240_s_at	0,126018235	0,251407836	19	12134919	12161064	1
CTNNA2	205373_at	0,104553396	1,757306827	2	79593634	80729416	1
COPS3	202078_at	0,814481403	0,107309223	17	17090864	17125316	-1
NUDT16	NA	NA	NA	3	132583397	132587619	1
HELB	NA	NA	NA	12	64982623	65018225	1
FSHR	211201_at	0,324586693	0,161178389	2	49043156	49235134	-1
NRK	NA	NA	NA	X	104953192	105089258	1
DMRTB1	NA	NA	NA	1	53697660	53705746	1
MYLK	202555_s_at	0,164612807	0,403154089	3	124813833	125085839	-1
TTC23L	NA	NA	NA	5	34875026	34935324	1
CAP2	212554_at	0,259680916	0,122184987	6	17501715	17666002	1
CAMK1G	215161_at	0,501385267	0,120588819	1	207823668	207853907	1
PGA5	NA	NA	NA	11	60765245	60775492	1
TBC1D21	NA	NA	NA	15	71953021	71968608	1
CECR6	NA	NA	NA	22	15977190	15982143	-1
OR14K1	NA	NA	NA	1	245968540	245969484	1
C21orf91	220941_s_at	0,271290818	0,581624843	21	18083155	18113574	-1
FMOD	202709_at	0,026947832	0,26707432	1	201576375	201586912	-1
FLT1	210287_s_at	0,56869702	0,05436722	13	27774389	27967265	-1
ZNF132	207402_at	0,567658151	0,099894881	19	63635993	63643401	-1
OSBPL6	NA	NA	NA	2	178893217	178969123	1
GNMT	210328_at	0,132458179	0,299652071	6	43036478	43039596	1
MAP7D2	NA	NA	NA	X	19935150	20044937	-1
GPR141	NA	NA	NA	7	37746521	37747438	1
OR5H6	NA	NA	NA	3	99465819	99466796	1

GPR143	206696_at	0,231737295	0,261250304	X	9653454	9693917	-1	
CCDC14	NA	NA	NA		3 125115257	125158620	-1	
CSNK2A2	203575_at	0,441672776	-0,386573795		16 56749312	56789283	-1	
C4orf16	219023_at	0,954519717	0,041292513		4 113372430	113410655	1	
CCDC102A	NA	NA	NA		16 56103591	56127978	-1	
GPR114	NA	NA	NA		16 56134102	56168602	1	
OR1L6	NA	NA	NA		9 124551840	124552883	1	
ABHD12	NA	NA	NA		20 25223379	25319477	-1	
ALDH1B1	209645_s_at	0,203133926	0,646798257		9 38382702	38388658	1	
OR10G9	NA	NA	NA		11 123398930	123399865	1	
C17orf102	NA	NA	NA		17 29925255	29930501	-1	
TMEM132E	NA	NA	NA		17 29931881	29990450	1	
SSX9	NA	NA	NA	X		48039829	48050558	-1
C19orf10	216483_s_at	0,011870908	1,745986849		19 4608557	4621415	-1	
HS1BP3	219020_at	0,007417305	0,77831132		2 20681045	20714345	-1	
OR8I2	NA	NA	NA		11 55617360	55618292	1	
PPY	210670_at	0,530951807	0,110902584		17 39373698	39375359	-1	
VCX	NA	NA	NA	X		7770303	7772184	1
TP53BP1	203050_at	0,375730642	-0,210716942		15 41486699	41590028	-1	
MTL5	219786_at	0,083627978	0,345923238		11 68231484	68275564	-1	
VWF	202112_at	0,905497743	0,021838214		12 5928301	6104097	-1	
MEPE	221150_at	0,270282481	0,162901716		4 88973164	88986968	1	
TEKT5	NA	NA	NA		16 10628862	10696303	-1	
FAM26D	NA	NA	NA		6 116956888	116986724	1	
TNFSF4	207426_s_at	0,968778271	0,006770635		1 171419493	171443094	-1	
ZNF660	NA	NA	NA		3 44601460	44612561	1	
ADAM28	208269_s_at	0,328788127	-0,190910637		8 24207525	24268671	1	
ESR2	211120_x_at	0,360552604	-0,232744799		14 63763504	63830881	-1	
PGM2L1	NA	NA	NA		11 73719009	73787150	-1	
KRTAP21-1	NA	NA	NA		21 31049328	31049567	-1	
COQ3	221227_x_at	0,371188788	-0,343548858		6 99924069	99948803	-1	
CD274	NA	NA	NA		9 5440559	5458477	1	
C6orf174	NA	NA	NA		6 127813023	127879540	-1	

FAM38B	219602_s_at	0,085890455	0,545099628	18	10660850	10687814	-1
ZNF569	NA	NA	NA	19	42593899	42650179	-1
ZNF570	NA	NA	NA	19	42651822	42668082	1
IL18R1	206618_at	0,878192329	0,022328475	2	102345529	102381650	1
GPR98	NA	NA	NA	5	89890373	90495789	1
SLC17A5	221041_s_at	0,612753383	0,075676762	6	74359823	74420417	-1
FAM123B	NA	NA	NA X		63321722	63342349	-1
RBM24	NA	NA	NA	6	17390911	17402052	1
TMEM14A	218477_at	0,9317809	-0,069802029	6	52643843	52659345	1
IL12B	207901_at	0,458365682	0,092848205	5	158674369	158690059	-1
NPL	221210_s_at	0,883372593	0,087409274	1	181028017	181065211	1
C10orf53	NA	NA	NA	10	50557690	50586962	1
ABRA	NA	NA	NA	8	107842321	107851649	-1
GCLM	203925_at	0,806021779	-0,120991332	1	94125178	94147600	-1
LCE3B	NA	NA	NA	1	150852911	150853198	1
C17orf85	218896_s_at	0,19195445	-0,659214538	17	3661566	3675071	-1
RUNX1T1	216832_at	0,08827737	0,319413793	8	93040328	93157540	-1
ACAT1	205412_at	0,326971495	0,705467533	11	107497468	107523485	1
SLCO1C1	220460_at	0,109091518	0,252452788	12	20739666	20797587	1
FMO2	211726_s_at	0,450926565	0,107129582	1	169421012	169448446	1
DLX4	208216_at	0,055551154	0,332395567	17	45401551	45406958	1
COL8A1	214587_at	0,999751726	-3,90E-05	3	100840144	100997848	1
CTNBL1	221021_s_at	0,058919643	-0,357017197	20	35755848	35933934	1
MACF1	214894_x_at	0,468488329	0,277571016	1	39569397	39725376	1
ELMO2	55692_at	0,666918427	0,277509607	20	44428096	44468678	-1
ODZ3	219523_s_at	0,132621611	0,565724471	4	183482131	183961171	1
PCMTD2	212406_s_at	0,679826027	-0,200074892	20	62357492	62378023	1
OR6N1	NA	NA	NA	1	157002158	157003096	-1
KRT33A	208483_x_at	0,681425308	-0,071957706	17	36755897	36760582	-1
CSPG5	39966_at	0,146349311	0,54349955	3	47578732	47595363	-1
XKRY2	NA	NA	NA Y		18756723	18758303	1
SP7	NA	NA	NA	12	52006626	52015804	-1
ABC11	211224_s_at	0,459385128	0,083003801	2	169487695	169596079	-1

FOXA2	40284_at	0,809419038	0,031432634	20	22509823	22514102	-1
C8orf59	NA	NA	NA	8	86313540	86319895	-1
PIK3C2G	215129_at	0,386872212	0,146706793	12	18305741	18692617	1
SP5	NA	NA	NA	2	171280107	171282743	1
CTLA4	221331_x_at	0,192260095	0,218738407	2	204440754	204446928	1
ZDHHC18	212860_at	0,665776933	0,089026342	1	27025788	27054795	1
ARID3A	205865_at	0,333274374	0,381583446	19	877037	923816	1
C2	203052_at	0,204465572	0,299800521	6	32003473	32021427	1
ST3GAL4	203759_at	0,233361616	0,215176804	11	125731306	125789743	1
DYNC1LI1	217976_s_at	0,644759966	0,195510259	3	32542470	32587346	-1
KRTAP19-5	NA	NA	NA	21	30796061	30796279	-1
SERPINB1	213572_s_at	0,254680073	-1,603522646	6	2778732	2787080	-1
GPR172A	222155_s_at	0,008306337	1,160750885	8	145553033	145555753	1
ICA1L	NA	NA	NA	2	203346118	203444616	-1
PSEN2	204261_s_at	0,065288144	0,490435129	1	225124896	225150427	1
HMX3	NA	NA	NA	10	124885557	124887237	1
TMEM14C	NA	NA	NA	6	10831324	10839348	1
PRKAG2	218292_s_at	0,186573258	0,238826072	7	150884133	151205249	-1
FZD7	203706_s_at	0,074505939	0,51477141	2	202607555	202611405	1
RELN	205923_at	0,220315346	1,523564983	7	102899473	103417198	-1
ATP5G1	208972_s_at	0,547209684	0,182555432	17	44325147	44328232	1
EFNB2	202668_at	0,491116203	-0,12435663	13	105940094	105985338	-1
RIOK1	NA	NA	NA	6	7347879	7363269	1
ADORA3	206171_at	0,392324163	0,143180617	1	111827493	111848266	-1
C4orf19	219450_at	0,764127249	0,047397852	4	37131947	37271527	1
MFGE8	210605_s_at	0,554363115	0,094456323	15	87242920	87257614	-1
VPS45	209268_at	0,836147791	0,139810582	1	148305966	148384129	1
ARSE	205894_at	0,351706734	0,128688957	X	2862673	2892494	-1
RTP3	NA	NA	NA	3	46514489	46517443	1
PLN	204939_s_at	0,266086587	0,156551949	6	118976165	118988280	1
GLYATL2	NA	NA	NA	11	58358114	58368573	-1
TCF7L2	216037_x_at	0,215563515	-0,288730027	10	114700201	114916063	1
PCDHA6	211811_s_at	0,246884835	0,200998955	5	140187834	140372113	1

PCDHA7	NA	NA	NA	5	140194153	140372113	1
VNN3	220528_at	0,559286022	0,111126078	6	133085619	133097596	-1
RP1	NA	NA	NA	8	55691180	55705947	1
OTOA	NA	NA	NA	16	21597336	21679551	1
LDHC	207022_s_at	0,458828408	-0,106912156	11	18390429	18429366	1
ASCL3	221161_at	0,731571416	-0,065267376	11	8915695	8921156	-1
ZNF383	NA	NA	NA	19	42409206	42426414	1
CLRN1	NA	NA	NA	3	152127044	152173476	-1
EDEM1	203279_at	0,298552295	-0,537267289	3	5204433	5236642	1
ADAMTS17	NA	NA	NA	15	98329166	98699706	-1
C18orf62	NA	NA	NA	18	71250815	71268577	-1
RND3	212724_at	0,001112051	1,509444393	2	151032955	151052426	-1
OR2A1	NA	NA	NA	7	143646151	143647083	1
SYT14	NA	NA	NA	1	208178161	208404259	1
TLE1	203220_s_at	0,017771622	0,615598176	9	83388418	83493416	-1
WFDC11	NA	NA	NA	20	43710616	43732292	-1
GRB10	210999_s_at	0,023663975	0,627560633	7	50625259	50767544	-1
PITPNB	202522_at	0,39678282	0,14380315	22	26577657	26645255	-1
OR2C3	NA	NA	NA	1	245760057	245763764	-1
PPP1R7	201213_at	0,401277616	0,174609417	2	241738575	241771112	1
PRDM8	219835_at	0,74105891	0,100320867	4	81325448	81344507	1
CD36	206488_s_at	0,245147057	0,226969574	7	80105893	80144262	1
SSPN	204964_s_at	0,091142492	0,303456333	12	26239789	26277155	1
CYP26A1	206424_at	0,239078627	0,12982559	10	94823222	94827631	1
PAM	202336_s_at	0,00356874	2,110664684	5	102229426	102393316	1
GNG12	212294_at	0,991736835	0,001551903	1	67939737	68071730	-1
ZNF248	213269_at	0,146732106	-0,174188273	10	38157905	38186492	-1
C1RL	218983_at	0,236087176	0,105768765	12	7138291	7153069	-1
GORASP1	215749_s_at	0,028874561	0,447011709	3	39113095	39124134	-1
TTC21A	NA	NA	NA	3	39124156	39155398	1
HTR3E	NA	NA	NA	3	185300661	185307477	1
GZMK	206666_at	0,997359622	-0,000804127	5	54355864	54365717	1
SOSTDC1	213456_at	0,866048696	0,016603348	7	16467631	16471999	-1

ZCCHC16	NA	NA	NA	X	111212909	111587129	1
GTDC1	219770_at	0,060722675	-0,859145905	2	144420053	144768530	-1
SIRPB1	206934_at	0,562486493	0,092907144	20	1493029	1548689	-1
ASB17	NA	NA	NA	1	76157148	76170704	-1
RTP2	NA	NA	NA	3	188898741	188903039	-1
STAB2	220114_s_at	0,167324906	0,231569154	12	102505199	102684632	1
C16orf65	NA	NA	NA	16	21902987	21919929	-1
FLJ20184	221119_at	0,415563726	0,214315319	4	106693226	106772286	1
TCP11	220378_at	0,409789843	0,12976359	6	35193827	35217165	-1
STX17	218666_s_at	0,428575411	0,219884797	9	101708736	101776639	1
DEPDC7	NA	NA	NA	11	32993986	33011704	1
C6orf25	221342_at	0,996733076	0,000668877	6	31799140	31800830	1
UGT2B11	211682_x_at	0,238782423	0,263122851	4	70100624	70115038	-1
FOXP2	NA	NA	NA	7	113842288	114118328	1
OR5AU1	NA	NA	NA	14	20692936	20694024	-1
KIAA0408	205496_at	0,730607808	0,035623962	6	127803428	127838552	-1
TEX13A	221429_x_at	0,234856876	0,164950991	X	104350267	104352014	-1
ZMAT1	NA	NA	NA	X	101023918	101073656	-1
ARL1	201658_at	0,646525032	0,154190731	12	100311045	100325703	-1
KLHDC6	NA	NA	NA	3	129124592	129189204	1
CACNG3	206384_at	0,136505529	0,218949022	16	24174377	24281238	1
UCKL1	218533_s_at	0,685458314	0,128688268	20	62041630	62058212	-1
ZNRF3	NA	NA	NA	22	27609890	27783475	1
KIF23	204709_s_at	0,045718009	-0,684526849	15	67493742	67527818	1
DTD1	NA	NA	NA	20	18516556	18692561	1
OR2J2	208508_s_at	0,816819049	-0,031022885	6	29249290	29250330	1
SIM1	206876_at	0,725120898	-0,059903505	6	100943471	101018272	-1
TFEC	206715_at	0,826110437	-0,041668696	7	115362438	115458034	-1
SSBP2	210829_s_at	0,678282086	0,208442234	5	80751428	81082828	-1
OR56B4	NA	NA	NA	11	6085585	6086544	1
DNAH3	215266_at	0,162904353	0,147352867	16	20851977	21078263	-1
TMEM159	213272_s_at	0,469417465	-0,216643463	16	21077501	21099431	1
FHL1	201540_at	0,033690623	3,036635997	X	135057346	135121176	1

FAM53A	NA	NA	NA	4	1611605	1655516	-1
RAB11FIP2	203884_s_at	0,21632887	-0,400672016	10	119754419	119796104	-1
VWA3B	NA	NA	NA	2	98070027	98295842	1
PRTFDC1	NA	NA	NA	10	25177560	25281539	-1
FGF13	205110_s_at	0,15269217	0,536620102	X	137541401	137621493	-1
MIOX	NA	NA	NA	22	49272079	49275616	1
CHCHD4	NA	NA	NA	3	14128578	14141372	-1
TMEM43	217795_s_at	0,01174513	0,808076641	3	14141546	14160180	1
SYCP3	NA	NA	NA	12	100646557	100657378	-1
SERPINB11	NA	NA	NA	18	59521174	59542103	1
NAPB	NA	NA	NA	20	23303165	23350081	-1
CCK	205827_at	0,270961047	0,195463906	3	42274322	42281399	-1
VEPH1	NA	NA	NA	3	158461392	158700037	-1
LOC152118	NA	NA	NA	3	154684974	154703176	1
WBSCR22	207628_s_at	0,201294735	0,546966284	7	72735834	72750478	1
KLHL24	221985_at	0,205786729	0,427485593	3	184836105	184885001	1
TRIOBP	202795_x_at	0,431235129	0,135946332	22	36472187	36502509	1
APOBEC2	206160_at	0,568869888	0,104919322	6	41128991	41140233	1
RNF170	220985_s_at	0,018150642	0,791169794	8	42829548	42870939	-1
PFTK2	NA	NA	NA	2	202379443	202466511	1
SLC24A3	57588_at	0,100211933	0,186391681	20	19141290	19651541	1
PAX9	207059_at	0,368001423	0,203759715	14	36196533	36216763	1
TFAP2A	204654_s_at	0,300907745	0,161478716	6	10504902	10523456	-1
DLG5	201681_s_at	0,00013868	0,986785606	10	79220555	79356354	-1
C12orf36	NA	NA	NA	12	13415290	13420912	-1
RFC5	203209_at	0,103616094	-0,435323671	12	116938893	116954422	1
KCTD6	NA	NA	NA	3	58459132	58463119	1
OR10K2	NA	NA	NA	1	156656342	156657280	-1
C16orf3	207615_s_at	0,77381509	0,03923689	16	88622817	88623810	-1
APRT	213892_s_at	0,052699385	0,733254126	16	87403378	87405843	-1
TNFRSF11A	207037_at	0,099931729	0,334692813	18	58143528	58204484	1
EPHX1	202017_at	0,063730221	1,297440634	1	224079599	224099884	1
ACE2	219962_at	0,797664716	0,029355345	X	15489077	15529058	-1

FAM160B1	NA	NA	NA	10	116571773	116614257	1
SLC9A5	220650_s_at	0,12062067	0,285733245	16	65840356	65863595	1
NRP1	210615_at	0,229066152	0,139579206	10	33506432	33663839	-1
OR5D13	NA	NA	NA	11	55297490	55298434	1
NAV3	204823_at	0,267176661	0,2362234	12	76749200	77130921	1
SEMA6D	220574_at	0,122383296	0,332982958	15	45797978	45853712	1
SERPINE2	212190_at	0,222479638	0,529938923	2	224548118	224612237	-1
PCBP3	205663_at	0,339026677	0,176210975	21	46094303	46186795	1
CDO1	204154_at	0,23636977	0,153230135	5	115168329	115180304	-1
STARD4	NA	NA	NA	5	110861921	110876056	-1
SLC34A2	204124_at	0,089423297	0,209490319	4	25266533	25289468	1
GALNT5	NA	NA	NA	2	157822586	157876159	1
IRX3	NA	NA	NA	16	52874713	52877879	-1
TGIF2LX	NA	NA	NA X		89063596	89064538	1
PTPRR	206084_at	0,616441889	0,055052205	12	69318129	69600853	-1
CYP2A7	NA	NA	NA	19	46073184	46080497	-1
PROZ	208034_s_at	0,861783963	-0,040431044	13	112860969	112874695	1
REG1B	205886_at	0,475288206	0,115578979	2	79165659	79168627	-1
MOBK12B	219265_at	0,955706129	-0,010887448	9	27315207	27519850	-1
KCTD15	218553_s_at	0,258329355	0,322386254	19	38979607	38996988	1
ROPN1B	NA	NA	NA	3	127170718	127184987	1
KCNU1	NA	NA	NA	8	36761000	36912801	1
MAGEC3	216592_at	0,688594973	0,062777658 X		140753768	140813284	1
ADCY4	NA	NA	NA	14	23857410	23873704	-1
RIPK3	NA	NA	NA	14	23875067	23879082	-1
GPR139	NA	NA	NA	16	19950544	19992601	-1
PLA2G1B	206311_s_at	0,391596817	0,114746968	12	119244297	119249975	-1
PRELID2	NA	NA	NA	5	145118775	145195092	-1
C7orf31	NA	NA	NA	7	25140841	25186342	-1
RBP4	219140_s_at	0,355058222	0,163813891	10	95341583	95350983	-1
KIAA0774	214961_at	0,292630702	0,126160471	13	28496748	28978084	1
HRH4	221169_s_at	0,535514366	0,095792117	18	20294591	20313919	1
UQCRFS1	208909_at	0,880757671	-0,022342743	19	34390007	34395954	-1

EHD3	218935_at	0,565939758	-0,324017422	2	31310707	31344764	1
ANGPT2	211148_s_at	0,388298273	0,097790744	8	6347601	6408170	-1
MBNL3	219814_at	0,644234103	-0,169070781	X	131339858	131401399	-1
OR4C15	NA	NA	NA	11	55078359	55079471	1
KLHL5	NA	NA	NA	4	38740455	38800224	1
FCHO2	NA	NA	NA	5	72287655	72422105	1
ABCB5	NA	NA	NA	7	20653741	20761821	1
TAL2	NA	NA	NA	9	107464599	107464925	1
ST20	210242_x_at	0,034064103	-0,516053896	15	77978237	78003132	-1
STRN4	217903_at	0,134936239	-0,428311084	19	51914608	51941560	-1
RPE65	207107_at	0,681426646	0,037429629	1	68667095	68688230	-1
CLDN8	214598_at	0,962010527	0,007797398	21	30508201	30510189	-1
EPHA3	206070_s_at	0,145307477	0,336833904	3	89239364	89613974	1
DKK2	219908_at	0,562984887	0,062071726	4	108062408	108176902	-1
RNF133	NA	NA	NA	7	122125002	122126444	-1
MIPOL1	NA	NA	NA	14	36736907	37090215	1
MSI1	206333_at	0,942332039	0,012157323	12	119263516	119291341	-1
FBXO40	220164_s_at	0,359474575	0,139814626	3	122794860	122831829	1
GNA14	220108_at	0,80792415	0,023653583	9	79228368	79453043	-1
NPY	206001_at	0,26965685	0,142153476	7	24290334	24298002	1
HAS2	206432_at	0,485113238	0,065230518	8	122694719	122722811	-1
GZMH	210321_at	0,287111254	0,116505723	14	24145533	24148704	-1
DGKD	208072_s_at	0,279025284	-0,251853318	2	233961539	234045482	1
ACTA2	200974_at	0,480265139	0,065174768	10	90684811	90702491	-1
OR51V1	NA	NA	NA	11	5177541	5178506	-1
FOLH1	217487_x_at	0,220714	0,197806135	11	49124763	49186798	-1
PRPSAP1	202529_at	0,938715299	-0,022366535	17	71818610	71861526	-1
CYHR1	213072_at	0,528399702	-0,154981626	8	145660016	145661657	-1
SGK493	NA	NA	NA	2	42129257	42139144	1
S100B	209686_at	0,154639623	0,2524105	21	46842959	46849463	-1
SOX5	207336_at	0,687263724	-0,122331033	12	23576498	24606647	-1
ACOT9	221641_s_at	0,845442858	0,204883214	X	23631698	23671328	-1
ARMS2	NA	NA	NA	10	124204169	124206858	1

HTRA1	201185_at	0,131252932	0,226420074	10	124211047	124264413	1
AP3D1	210974_s_at	0,753113872	0,196486756	19	2051993	2102556	-1
TUBA3C	NA	NA	NA	13	18645916	18653936	-1
CHST5	221164_x_at	0,997659335	0,000485787	16	74119929	74126569	-1
AKR1D1	207102_at	0,505316205	0,070126695	7	137411736	137453590	1
OR2W1	221451_s_at	0,939162195	0,0149451	6	29119969	29120951	-1
ASCC1	219336_s_at	0,886974642	-0,063156974	10	73526284	73645700	-1
TRIM11	NA	NA	NA	1	226648000	226661140	-1
CH25H	206932_at	0,352316508	0,134312356	10	90955674	90957051	-1
JUNB	201473_at	0,852364902	-0,163305026	19	12763310	12765125	1
GTSF1	NA	NA	NA	12	53136011	53151328	-1
IMPG2	220830_at	0,4561913	0,072136844	3	102427978	102522109	-1
STX1A	204729_s_at	0,468478726	0,106043487	7	72751476	72771924	-1
MINK1	215909_x_at	0,698613037	-0,090053295	17	4683351	4742135	1
CHGB	204260_at	0,568200874	0,068158326	20	5840168	5854003	1
IGSF11	NA	NA	NA	3	120102167	120236366	-1
SMAD6	207069_s_at	0,352025717	0,109272404	15	64781688	64861380	1
SVOPL	NA	NA	NA	7	137929570	137999509	-1
FANCL	218397_at	0,015581561	-1,270415635	2	58239882	58322018	-1
HOXD9	205604_at	0,328545563	0,14588741	2	176695334	176697770	1
GADL1	NA	NA	NA	3	30742696	30867341	-1
GPR39	208600_s_at	0,751638446	-0,052060083	2	132890617	133120639	1
HEBP2	203430_at	0,66449829	-0,210314654	6	138767029	138776275	1
OR2T12	NA	NA	NA	1	246524541	246525503	-1
CRISPLD1	NA	NA	NA	8	76059531	76109348	1
C20orf94	NA	NA	NA	20	10363951	10552027	1
SERPIND1	205576_at	0,289066061	0,174404234	22	19458383	19472008	1
CPA2	206212_at	0,385234639	0,1638114	7	129693960	129716871	1
EHMT1	219339_s_at	0,209869224	-0,401741183	9	139725238	139850400	1
PTPN20A	215172_at	0,625694349	0,048943627	10	45970129	46040064	-1
PTPN20B	NA	NA	NA	10	48357048	48426991	-1
FAM71D	NA	NA	NA	14	66725899	66765020	1
SRI	208920_at	0,539881799	-0,361657793	7	87672368	87694244	-1

MCHR2	NA	NA	NA	6	100474507	100548835	-1
FBXL6	219189_at	0,890881201	-0,033889507	8	145549899	145552940	-1
TFG	217839_at	0,254001081	0,50774907	3	101910850	101950501	1
NINL	207705_s_at	0,133401593	0,300064807	20	25381337	25514153	-1
CCDC29	NA	NA	NA	9	68715488	68738681	1
C1orf210	NA	NA	NA	1	43520141	43523837	-1
NUP210L	NA	NA	NA	1	152231790	152394216	-1
RNASE9	NA	NA	NA	14	20094092	20098930	-1
SMYD2	212922_s_at	0,79334505	-0,146650952	1	212521199	212577097	1
NR3C2	205259_at	0,231952032	0,209653012	4	149219370	149582973	-1
GPR148	NA	NA	NA	2	131203193	131204379	1
CTDSPL	201906_s_at	0,024926046	0,352957058	3	37878673	38000964	1
ENPEP	204844_at	0,646697809	0,044097665	4	111616678	111703942	1
TGFBI	201506_at	0,242520614	0,13106894	5	135392597	135427406	1
CLCN5	206704_at	0,404105566	0,133538343	X	49718955	49750632	1
IL15	205992_s_at	0,121212702	0,237077158	4	142777204	142874062	1
C5orf49	NA	NA	NA	5	7884511	7904264	-1
PCDHAC1	NA	NA	NA	5	140286486	140372113	1
XK	206698_at	0,000128814	3,415835707	X	37430052	37476322	1
LACRT	NA	NA	NA	12	53310890	53314930	-1
COL25A1	NA	NA	NA	4	109954421	110443248	-1
LPPR4	213496_at	0,693278376	0,036371136	1	99502488	99547728	1
TMEM63A	202699_s_at	0,232831664	0,295745988	1	224099863	224136671	-1
MKRN3	206585_at	0,361077314	0,084833092	15	21361547	21364653	1
SLC13A2	207567_at	0,500785969	0,122889969	17	23824791	23848514	1
BDH2	218285_s_at	0,591965692	0,180539677	4	104218231	104240473	-1
LRRC8C	NA	NA	NA	1	89871350	89953169	1
PHOX2A	214609_at	0,167247099	0,182537081	11	71627769	71632852	-1
ACAN	217161_x_at	0,108931675	0,241786646	15	87147678	87219589	1
KRT40	NA	NA	NA	17	36387494	36396116	-1
KRTAP3-3	NA	NA	NA	17	36403208	36403911	-1
BIRC8	NA	NA	NA	19	58484666	58486687	-1
LOX	215446_s_at	0,346986238	0,116026751	5	121429918	121441853	-1

RIPPLY2	NA	NA	NA	6	84619704	84623953	1
OPRM1	207994_s_at	0,292922223	0,125066773	6	154402136	154609693	1
IGFBP3	210095_s_at	0,079045898	0,261758162	7	45918369	45927396	-1
PALM2-AKAP2	202760_s_at	0,401886115	-0,833416349	9	111582398	111974613	1
CD40LG	207892_at	0,979643929	0,004672322	X	135558002	135570215	1
BTBD11	NA	NA	NA	12	106236327	106577549	1
CLDN10	205328_at	0,358739345	0,129550488	13	95002961	95029907	1
DLGAP1	210750_s_at	0,129638837	0,184066748	18	3488837	3870135	-1
BAHD1	203051_at	0,284682586	0,179867235	15	38520703	38547733	1
C17orf28	NA	NA	NA	17	70458434	70480411	-1
CDR2L	213230_at	0,07590114	0,280196414	17	70495322	70513490	1
TRIM55	NA	NA	NA	8	67201832	67250274	1
CTAG1A	215733_x_at	0,064486668	2,847056074	X	153466610	153468269	1
FSHB	214489_at	0,758908821	0,065782547	11	30209139	30213400	1
ZNF441	NA	NA	NA	19	11738907	11754301	1
CSMD3	NA	NA	NA	8	113304333	114518418	-1
ARAF	201895_at	0,202940735	0,338365012	X	47305522	47316264	1
LGR4	218326_s_at	0,917883499	0,08172441	11	27344084	27450910	-1
VAPA	208780_x_at	0,590365203	-0,2489037	18	9903955	9950018	1
FAM172A	212936_at	0,402836911	-0,224373915	5	92979531	93436221	-1
EID3	NA	NA	NA	12	103221679	103223113	1
CCDC68	220180_at	0,444527897	0,083293541	18	50719791	50777635	-1
TTC24	NA	NA	NA	1	154818481	154823526	1
RPL10L	217559_at	0,273759441	0,261855073	14	46189966	46190778	-1
TUBB1	208601_s_at	0,202566081	0,134342623	20	57027704	57035104	1
CNKS2	NA	NA	NA	X	21302901	21580700	1
ATL3	NA	NA	NA	11	63153013	63195659	-1
ZFPM1	NA	NA	NA	16	87047515	87129075	1
C16orf79	NA	NA	NA	16	2199255	2201012	-1
PGP	218410_s_at	0,447275491	0,143667885	16	2201604	2204823	-1
MMP26	220541_at	0,187701382	0,172776892	11	4966000	4970235	1
C10orf104	NA	NA	NA	10	73645812	73665624	1
EPX	214627_at	0,388019755	0,094698503	17	53625088	53636783	1

DSG3	205595_at	0,661085176	0,044089032	18	27281730	27312663	1
EMILIN1	204163_at	0,752966724	-0,038854513	2	27155438	27162767	1
SLC25A31	221037_s_at	0,937273706	0,007853937	4	128871024	128914897	1
FOXD1	NA	NA	NA	5	72777839	72780108	-1
TPD52	201688_s_at	0,030028084	-0,510645277	8	81109658	81155565	-1
LANCL3	NA	NA	NA X		37315741	37421668	1
OR4D5	NA	NA	NA	11	123315534	123316490	1
AIG1	216179_x_at	0,759305427	-0,05354325	6	143423716	143703134	1
FAM3A	38043_at	0,005405666	0,639022832 X		153387700	153397567	-1
C8orf45	NA	NA	NA	8	67948884	67976570	1
CACNB4	207693_at	0,220315346	0,371068754	2	152402382	152538700	-1
PHACTR3	NA	NA	NA	20	57612998	57856161	1
EPHX2	209368_at	0,056570657	0,772406121	8	27404562	27458403	1
FIGF	206742_at	0,45981026	0,125610377 X		15273639	15312498	-1
TBX10	207689_at	0,164018019	-0,174601052	11	67155350	67163607	-1
RTN1	210222_s_at	0,441669225	0,080296598	14	59132447	59167273	-1
CECR1	219505_at	0,199746752	0,745300733	22	16040192	16060545	-1
BMP6	206176_at	0,007927385	2,048065593	6	7672010	7826960	1
MTMR11	205076_s_at	0,147197127	0,33576447	1	148167168	148174867	-1
EXOSC10	207541_s_at	0,163307562	-0,644268092	1	11049262	11082525	-1
KLHL4	214591_at	0,776271991	0,069976947 X		86659465	86811706	1
CCNJL	219227_at	0,184117896	0,254859775	5	159611249	159672151	-1
PTPRU	211320_s_at	0,395215566	0,181343182	1	29435634	29525903	1
OR2M4	NA	NA	NA	1	246468854	246469789	1
SIX3	206634_at	0,306717123	0,142308496	2	45022541	45025894	1
C1orf69	NA	NA	NA	1	226420139	226436581	1
MYOT	219728_at	0,916768245	0,012833472	5	137231473	137251440	1
FER	206412_at	0,201740556	0,326938559	5	108111422	108551272	1
PTPN1	202716_at	0,959842458	0,028370347	20	48560298	48634495	1
CCNYL1	NA	NA	NA	2	208284509	208327434	1
PTPRM	203329_at	0,061329004	0,676632475	18	7557314	8396859	1
GPR12	214558_at	0,34652464	0,214793301	13	26230960	26231964	-1
PCDH10	NA	NA	NA	4	134289920	134332182	1

ANKLE2	212201_at	0,131938566	-0,283184478	12	131812327	131848524	-1
BCAR1	NA	NA	NA	16	73820429	73843004	-1
OR2B2	216408_at	0,901527895	-0,016280127	6	27987003	27988076	-1
TBL1X	201869_s_at	0,188209437	-0,480181888	X	9393048	9647778	1
RCAN1	208370_s_at	0,020740642	0,759029761	21	34810652	34821131	-1
CYSLTR1	216288_at	0,326483207	0,095288185	X	77414786	77469743	-1
KCNH8	NA	NA	NA	3	19165021	19552139	1
SERPINB4	211906_s_at	0,055911814	0,366296039	18	59455473	59462482	-1
VCY1B	206922_at	0,186921435	0,187902563	Y	14607046	14607782	-1
ABCA6	217504_at	0,216010518	-0,164193897	17	64586442	64649610	-1
HPX	210013_at	0,38489304	0,116198732	11	6409017	6418769	-1
WDR64	NA	NA	NA	1	239913505	240031580	1
HOXB7	204779_s_at	0,022876912	-0,628168162	17	44039593	44043382	-1
BMP5	205431_s_at	0,552144296	0,055940376	6	55728195	55848334	-1
AKR1CL2	NA	NA	NA	10	4858402	4880254	1
OR4M2	NA	NA	NA	15	19869940	19870881	1
CDH11	215608_at	0,056117807	0,399560809	16	63538184	63713420	-1
RHBDL3	NA	NA	NA	17	27617308	27675793	1
TBC1D3G	NA	NA	NA	17	31871287	31882216	-1
EVI5L	NA	NA	NA	19	7801243	7835862	1
ALPPL2	216377_x_at	0,316294974	0,16724438	2	232979796	232983668	1
TSHZ2	220213_at	0,379860256	0,17687179	20	51022284	51537372	1
C4orf3	NA	NA	NA	4	120437022	120441416	-1
OR13C5	NA	NA	NA	9	106400559	106401515	-1
OR13C2	NA	NA	NA	9	106406773	106407729	-1
RPA4	221143_at	0,783336519	0,065685652	X	96025563	96027122	1
PPAP2B	209355_s_at	0,119656925	0,314700427	1	56733021	56817845	-1
OPN5	NA	NA	NA	6	47857757	47902076	1
SHH	207586_at	0,152163884	0,23834477	7	155288319	155297728	-1
ANKRD5	220144_s_at	0,011870908	0,558617267	20	9963697	9985407	1
C3orf17	NA	NA	NA	3	114203981	114221245	-1
CHPT1	221675_s_at	0,534335812	0,428967284	12	100615548	100646977	1
ASXL2	218659_at	0,527666902	-0,206943775	2	25815757	25954816	-1

SOX11	204914_s_at	0,453165693	0,13233195	2	5750250	5758968	1
RBMS1	209868_s_at	0,710273955	0,461746198	2	160838758	161058551	-1
CYP3A7	211843_x_at	0,318557788	0,151096154	7	99140596	99170757	-1
SORCS3	215522_at	0,476836199	0,066889269	10	106390849	107014983	1
NFE2	209930_s_at	0,782934873	0,041748915	12	52972162	52975811	-1
RNF17	220270_at	0,596850782	0,087196899	13	24236301	24352059	1
UGT2B4	206505_at	0,937727619	0,010517344	4	70380472	70396215	-1
ALPK1	NA	NA	NA	4	113437948	113583223	1
LAMA4	210990_s_at	0,188209437	0,214523272	6	112535827	112682521	-1
PPP3R2	NA	NA	NA	9	103393718	103397104	-1
TLR4	221060_s_at	0,562797484	-0,093059011	9	119506431	119519589	1
DUSP23	NA	NA	NA	1	158017383	158018957	1
MGAT5	206720_at	0,078105388	0,204101144	2	134728300	134922938	1
KRTAP22-1	NA	NA	NA	21	30895311	30895457	1
ISCA1L	NA	NA	NA	5	62106953	62108926	-1
COL12A1	NA	NA	NA	6	75850762	75972343	-1
TBX22	NA	NA	NA X		79164398	79173924	1
KLHL35	215748_at	0,404911695	0,162494446	11	74811086	74818881	-1
SMAD9	206320_s_at	0,985955295	0,001965638	13	36320321	36351966	-1
OR4K2	NA	NA	NA	14	19414267	19415211	1
IL1F6	221404_at	0,323124622	0,155657467	2	113479920	113482092	1
FN1	212464_s_at	0,08408781	0,231476942	2	215933422	216009036	-1
DUSP15	NA	NA	NA	20	29912531	29921462	-1
TTLL9	NA	NA	NA	20	29922166	29994519	1
HTRA4	NA	NA	NA	8	38950854	38964801	1
EFCAB1	220156_at	0,724509346	0,045205258	8	49798520	49810344	-1
ASB11	NA	NA	NA X		15211548	15243648	-1
PPIL1	NA	NA	NA	6	36930583	36950747	-1
VCAM1	203868_s_at	0,634977396	-0,047246766	1	100957885	100977189	1
OR51E2	221424_s_at	0,181978755	0,156593961	11	4657977	4675648	-1
NEUROD4	221318_at	0,115581954	0,267516671	12	53699996	53710068	1
NRN1L	NA	NA	NA	16	66476282	66477772	1
ZNF227	217403_s_at	0,278979767	-0,436598732	19	49408531	49433260	1

KCNS3	205968_at	0,165507568	0,519317162	2	17923426	17977706	1
GHSR	221360_s_at	0,414406722	0,105609169	3	173645645	173648897	-1
HHIP	NA	NA	NA	4	145786623	145879331	1
MDGA1	NA	NA	NA	6	37708262	37773744	-1
CTTNBP2	NA	NA	NA	7	117137941	117300797	-1
B3GNT9	NA	NA	NA	16	65739506	65742403	-1
HSF4	210977_s_at	0,056570657	0,274412965	16	65754858	65761349	1
PFN2	204992_s_at	0,135154593	-1,431116093	3	151165381	151171431	-1
CNTN5	207452_s_at	0,189758784	0,126958152	11	98397081	99732683	1
KIAA0427	204303_s_at	0,090053138	0,410505985	18	44319425	44643582	1
IL1R2	211372_s_at	0,140351209	0,2454592	2	101981891	102011317	1
HYAL1	210619_s_at	0,743547026	0,040026931	3	50312324	50324816	-1
KCNQ2	211486_s_at	0,5954731	0,107189602	20	61507986	61574437	-1
OR6V1	NA	NA	NA	7	142459560	142460501	1
OR52N4	NA	NA	NA	11	5732547	5733512	1
ARNTL2	220658_s_at	0,434439466	0,362748915	12	27377255	27464733	1
MGAT4C	207447_s_at	0,448371032	0,105345922	12	84896655	85756776	-1
SLC7A8	216092_s_at	0,035255446	0,343339995	14	22664344	22693450	-1
ACOT12	NA	NA	NA	5	80661839	80725712	-1
COQ2	213379_at	0,422552712	-0,09654669	4	84404001	84424988	-1
CCL8	214038_at	0,825526365	0,023240788	17	29670179	29672534	1
SHC3	217130_at	0,227695742	0,267469001	9	90817880	90983502	-1
GABRG3	216895_at	0,426949911	0,088507198	15	24799263	25168899	1
CASKIN1	NA	NA	NA	16	2167185	2186466	-1
ETV4	211603_s_at	0,107045992	0,414129178	17	38960737	38979288	-1
MFS8	NA	NA	NA	4	129061027	129106554	-1
PAK3	214607_at	0,344933405	0,180337687	X	110226256	110350816	1
CLRN3	NA	NA	NA	10	129566104	129581201	-1
PHLDB1	212134_at	0,303312008	0,16423031	11	117982423	118033951	1
PRPS1L1	215486_at	0,62479101	0,098777025	7	18032922	18034011	-1
CCRK	205271_s_at	0,281165001	0,163880368	9	89771176	89779487	-1
GATA6	210002_at	0,788735251	-0,0270704	18	18003414	18036225	1
ST3GAL5	203217_s_at	0,014451733	0,745933219	2	85919783	85948304	-1

FAM18B	218446_s_at	0,01470733	0,815937395	17	18625307	18650751	1
OR1A2	221445_at	0,63638995	0,068217648	17	3047563	3048492	1
HTR2B	206638_at	0,977754076	0,004677695	2	231681199	231698068	-1
GOLGA7	217819_at	0,195795485	0,289779696	8	41467330	41487656	1
GATA2	209710_at	0,181142482	0,337976026	3	129680960	129694718	-1
TMEM182	NA	NA	NA	2	102744967	102800302	1
IL3	207906_at	0,463960476	0,087956938	5	131424246	131426795	1
FRS2	221308_at	0,902029864	0,018571702	12	68150396	68259829	1
OR8U1	NA	NA	NA	11	55899676	55900635	1
HNF1B	205313_at	0,13763401	0,259848353	17	33120547	33179209	-1
FAM47A	NA	NA	NA X		34057794	34060349	-1
FAM171A1	212771_at	0,205073326	1,32434517	10	15293648	15453064	-1
DGCR6L	NA	NA	NA	22	18681799	18687608	-1
ASA1	213902_at	0,142594021	0,480356696	8	17958214	17986787	-1
HERC1	218306_s_at	0,063099123	-0,638963468	15	61687870	61913200	-1
DYRK2	202969_at	0,142489975	-1,343878556	12	66328779	66342711	1
RGS4	204339_s_at	0,12941735	0,250583996	1	161305285	161313216	1
SIRT5	221010_s_at	0,301233442	0,191680594	6	13682854	13720500	1
LCN1	207930_at	0,76540983	-0,080932219	9	137553107	137558199	1
HEXIM1	202814_s_at	0,217711151	0,381444362	17	40580467	40585251	1
OPN3	219032_x_at	0,615430737	0,699905398	1	239823075	239870324	-1
CHRND	207024_at	0,638925142	0,053612241	2	233099166	233108449	1
SLC25A38	217961_at	0,976476536	-0,014006544	3	39399819	39413823	1
DMRT2	NA	NA	NA	9	1040601	1047552	1
OR8J1	NA	NA	NA	11	55884299	55885249	1
CFDP1	203166_at	0,536298097	-0,260264675	16	73885109	74024888	-1
FAM82A2	218126_at	0,252732818	0,178062283	15	38815378	38834750	-1
SEMA6A	220454_s_at	0,083162101	0,309259496	5	115807150	115938450	-1
IL7	206693_at	0,917197058	-0,015361868	8	79807560	79880313	-1
THSD1	219477_s_at	0,959842458	-0,013122816	13	51849303	51878321	-1
RASSF10	NA	NA	NA	11	12987272	12989223	1
FAT4	219427_at	0,306717123	0,131429816	4	126457017	126632373	1
SLC26A2	205097_at	0,914715665	0,054083605	5	149320493	149347156	1

ECM2	206101_at	0,94528675	0,012704885	9	94297420	94338073	-1
FAM47B	NA	NA	NA	X	34870852	34872955	1
CTNNA3	220530_at	0,712128016	0,037817999	10	67349937	69125933	-1
TLR2	204924_at	0,625026973	-0,058037268	4	154824891	154846693	1
CYB5RL	NA	NA	NA	1	54410597	54438334	-1
TSPAN18	NA	NA	NA	11	44837628	44909459	1
FAM181B	NA	NA	NA	11	82120694	82122554	-1
B4GALT6	206233_at	0,262725049	-0,590538166	18	27457131	27518626	-1
YPEL5	217783_s_at	0,823850546	-0,135642435	2	30223332	30236903	1
IL1RL2	208038_at	0,727223599	0,049448073	2	102169865	102222243	1
WWTR1	202132_at	0,135050989	0,266035375	3	150720722	150858472	-1
PF4	206390_x_at	0,272150749	0,218002141	4	75065660	75066541	-1
PPBP	214146_s_at	0,341974935	0,088342812	4	75071619	75072764	-1
C6orf136	NA	NA	NA	6	30722780	30728963	1
ANXA13	208323_s_at	0,710240497	0,069862218	8	124762215	124818828	-1
BEX5	NA	NA	NA	X	101295340	101297685	-1
TCEAL3	NA	NA	NA	X	102749490	102751511	1
CLDN1	218182_s_at	0,450360565	0,069937995	3	191506187	191522909	-1
COL8A2	221900_at	0,601300033	0,115544224	1	36333433	36338437	-1
C1orf116	219476_at	0,187941198	0,193217924	1	205258489	205272724	-1
PVRL1	211845_at	0,083477962	0,275165492	11	119014018	119104645	-1
DBX2	NA	NA	NA	12	43694806	43731149	-1
GOLGA2L1	219876_s_at	0,333526532	0,129649288	12	99074321	99091202	-1
ARG2	203946_s_at	0,469937214	-0,189325475	14	67156332	67188190	1
DHRS7C	NA	NA	NA	17	9615480	9635326	-1
VN1R4	NA	NA	NA	19	58461825	58462730	-1
TMEM17	NA	NA	NA	2	62581252	62586980	-1
HOXD11	NA	NA	NA	2	176680330	176682562	1
RAMP1	204916_at	0,23774152	0,29538933	2	238432926	238485495	1
NEU4	NA	NA	NA	2	242400746	242407407	1
BPI	205557_at	0,331219979	0,091229554	20	36365966	36399319	1
ATP13A4	NA	NA	NA	3	194602560	194755390	-1
LGI2	219699_at	0,243359187	0,170512067	4	24612488	24641413	-1

TRPC3	206425_s_at	0,312826685	0,100150084	4	123019882	123074061	-1
PDZD2	209493_at	0,788792026	0,026155481	5	31834788	32146795	1
ANKRD43	NA	NA	NA	5	132176932	132180388	1
OR10C1	221339_at	0,681181176	0,0744446518	6	29515772	29516710	1
TDRD6	NA	NA	NA	6	46763825	46778109	1
NPTX2	213479_at	0,887945776	-0,023107786	7	98084545	98097116	1
FGL1	205305_at	0,213396389	0,140474597	8	17766180	17797327	-1
PRRX2	219729_at	0,231862888	0,106888556	9	131467741	131524774	1
PPP2R3B	219264_s_at	0,829020674	-0,18665127	X	214970	267627	-1
CSN2	207951_at	0,647055376	0,058038418	4	70855564	70861315	-1
NMI	203964_at	0,7356967	-0,540015567	2	151835231	151854620	-1
PASK	216945_x_at	0,436886254	-0,151867513	2	241694188	241737551	-1
GNAI1	209576_at	0,223144954	0,432645043	7	79602076	79686661	1
TMCO2	NA	NA	NA	1	40486160	40489950	1
MRC1	204438_at	0,086277594	0,233913561	10	18138358	18240097	1
ANKRD30A	NA	NA	NA	10	37454791	37561501	1
FAM13C	214914_at	0,879752329	0,0213184	10	60675899	60792358	-1
MYOZ1	219509_at	0,155735103	0,254258714	10	75061418	75071521	-1
SHOC2	202777_at	0,010211411	-1,125212591	10	112713903	112763413	1
HMX2	NA	NA	NA	10	124897628	124900178	1
FIBIN	NA	NA	NA	11	26972204	26975210	1
BLID	NA	NA	NA	11	121491272	121492133	-1
C13orf30	NA	NA	NA	13	42253751	42263683	1
ENOX1	219501_at	0,598456288	-0,078174186	13	42685704	43139655	-1
MRPL28	204599_s_at	0,834055751	0,061586559	16	357397	360541	-1
KRT24	220267_at	0,750912626	0,059421045	17	36107769	36113528	-1
OR7A5	208285_at	0,486537837	0,106573361	19	14798139	14800276	-1
HPN	204934_s_at	0,443943097	0,092825434	19	40223250	40249315	1
SEMA4C	219039_at	0,042540933	0,321410336	2	96889200	96899462	-1
RAB6C	NA	NA	NA	2	130453705	130456781	1
MBD5	NA	NA	NA	2	148932508	148987516	1
KIF5C	203129_s_at	0,544641608	0,08966141	2	149349289	149396266	1
HOXD1	205975_s_at	0,756753698	0,034897301	2	176761553	176763881	1

CST11	NA	NA	NA	20	23379041	23381482	-1
NRIP1	202600_s_at	0,234039924	0,514555412	21	15255427	15262718	-1
KRTAP13-3	NA	NA	NA	21	30719582	30720101	-1
KRTAP15-1	NA	NA	NA	21	30734517	30734969	1
WNT7A	210248_at	0,175773737	0,182964455	3	13835083	13896619	-1
ZBBX	220269_at	0,969282421	-0,006664371	3	168440769	168580765	-1
CSN3	207803_s_at	0,570681912	0,120880321	4	71142922	71151734	1
CTGF	209101_at	0,202779013	0,1522327	6	132311009	132314211	-1
AKAP12	210517_s_at	0,339026677	0,139115658	6	151688516	151719601	1
CFTR	205043_at	0,535429377	0,084689693	7	116907253	117095955	1
ST18	206135_at	0,833484041	0,021375464	8	53185952	53484856	-1
ANGPT1	205608_s_at	0,060435851	0,290389801	8	108330886	108579430	-1
GPR21	221294_at	0,928236889	0,013665781	9	124836667	124837716	1
PIR	207469_s_at	0,276090279	1,094076954	X	15312842	15421385	-1
BMX	206464_at	0,788623598	0,044233256	X	15428821	15484573	1
ZDHC3	218077_s_at	0,776307558	0,055825484	3	44941663	44992618	-1
GRIK3	207454_at	0,597723681	0,089624098	1	37039201	37272431	-1
OR52B2	NA	NA	NA	11	6147161	6148132	-1
FZD4	218665_at	0,223144954	0,189234773	11	86334369	86344081	-1
TTC36	NA	NA	NA	11	117903420	117906950	1
TMEM25	NA	NA	NA	11	117907134	117911760	1
SLC12A1	220281_at	0,396533757	0,076799041	15	46285790	46383567	1
HLF	204755_x_at	0,205097485	0,140557934	17	50697320	50757425	1
TNNT1	213201_s_at	0,257564077	0,165141883	19	60336009	60352386	-1
TNNI3	205742_at	0,820479745	0,0308737	19	60354947	60360912	-1
TFAP2C	205287_s_at	0,789588589	0,037733272	20	54637765	54647746	1
ADAMTS19	NA	NA	NA	5	128824002	129102275	1
TAS2R16	221444_at	0,607361204	0,12590829	7	122421995	122422990	-1
PRUNE2	212805_at	0,772032901	-0,068641991	9	78627991	78710823	-1
SUSD1	NA	NA	NA	9	113842882	113977377	-1
PAGE1	206897_at	0,338183844	0,343978561	X	49339007	49347307	-1
PCDH11X	208366_at	0,2724796	0,119468415	X	90920960	91025662	1
ENOX2	204644_at	0,387627395	0,125872915	X	129585036	129864889	-1

GYLTL1B	NA	NA	NA	11	45899772	45907223	1
DCST2	NA	NA	NA	1	153257627	153272881	-1
DCST1	NA	NA	NA	1	153272924	153290030	1
HS6ST3	NA	NA	NA	13	95541094	96289813	1
OR4N2	NA	NA	NA	14	19365448	19366371	1
CEACAM6	203757_s_at	0,81873129	-0,025163781	19	46951341	46967953	1
ZNF621	NA	NA	NA	3	40541380	40556047	1
FGFBP2	NA	NA	NA	4	15570964	15573926	-1
FAM149A	214889_at	0,188547307	0,550213893	4	187302989	187330811	1
DDO	207418_s_at	0,39933035	0,198511629	6	110820076	110843446	-1
TSPAN15	218693_at	0,924901031	0,016850548	10	70881232	70937429	1
ZNF536	206403_at	0,31747477	0,204537019	19	35555168	35740805	1
LOC153328	NA	NA	NA	5	135198264	135236335	1
MAPK9	210570_x_at	0,039095369	0,29146729	5	179595390	179640216	-1
OAT	201599_at	0,394100628	0,180287766	10	126075862	126097441	-1
SCNN1B	205464_at	0,164847639	0,528713234	16	23221092	23300121	1
XYLB	208318_s_at	0,225516004	0,158671355	3	38363244	38431471	1
KBTBD10	219106_s_at	0,734575123	0,031956048	2	170074458	170091018	1
CHRNA9	221107_at	0,589272971	-0,081585842	4	40032226	40051730	1
CTNND2	209617_s_at	0,640346889	0,041434313	5	11024952	11957110	-1
SULF1	212344_at	0,143453458	0,234900189	8	70541427	70735701	1
MS4A7	NA	NA	NA	11	59902534	59920003	1
DUSP18	NA	NA	NA	22	29388039	29393872	-1
COL24A1	NA	NA	NA	1	85967504	86394709	-1
LOC646498	NA	NA	NA	3	49190073	49204114	-1
KLF3	219657_s_at	0,0078371	1,03525325	4	38342185	38379524	1
NPSR1	NA	NA	NA	7	34664422	34884469	1
LCE1D	NA	NA	NA	1	151035851	151037281	1
NTHL1	209731_at	0,774442817	-0,072649012	16	2029817	2037868	-1
HOXD4	NA	NA	NA	2	176724359	176726197	1
ACMSD	NA	NA	NA	2	135312656	135376074	1
OR51T1	NA	NA	NA	11	4859625	4860689	1
SCGB2A2	206378_at	0,88882805	0,018262297	11	61794206	61797204	1

HIP1R	38340_at	0,333043632	-0,285408169	12	121885992	121913460	1
ZNF654	219239_s_at	0,973815948	-0,00655284	3	88270952	88276504	1
CHEK2	210416_s_at	0,069038381	-0,356048994	22	27413731	27467822	-1
UGT2A2	NA	NA	NA	4	70489679	70539923	-1
XKR6	NA	NA	NA	8	10791064	11096285	-1
OR10G8	NA	NA	NA	11	123405540	123406475	1
PIM2	204269_at	0,004818921	1,561377704	X	48655403	48661228	-1
GNPDA1	202382_s_at	0,200288562	1,155579806	5	141360420	141372776	-1
RAD54B	220549_at	0,447241778	0,107593856	8	95453364	95556486	-1
TMEM87B	NA	NA	NA	2	112529285	112591101	1
RPL31	200962_at	0,08009993	-0,52843039	2	100985123	101002587	1
FAM127C	NA	NA	NA	X	133982200	133984232	-1
TSC2	215735_s_at	0,535223219	0,155928805	16	2037991	2078714	1
LRP6	205606_at	0,122569478	0,163002639	12	12160226	12311078	-1
CPOX	204172_at	0,047868848	1,036154508	3	99780980	99795131	-1
AIFM2	NA	NA	NA	10	71542036	71562696	-1
CNTD1	NA	NA	NA	17	38204464	38216179	1
SMAD1	210993_s_at	0,936565752	0,213046616	4	146623407	146699778	1
FZD5	206136_at	0,644620754	0,064747856	2	208335555	208342388	-1
C11orf72	NA	NA	NA	11	67126927	67130753	-1
HMGCL	202772_at	0,509157044	0,236530727	1	24000954	24024536	-1
CHD5	217250_s_at	0,386872212	0,148539862	1	6084440	6162770	-1
CELA2B	207077_at	0,648593451	0,084013891	1	15675183	15690482	1
RSC1A1	NA	NA	NA	1	15858951	15860804	1
AGBL4	219670_at	0,147307844	0,258900863	1	48825047	49283906	-1
HOOK1	219976_at	0,257015865	0,153806434	1	60053121	60114638	1
CHIA	220630_s_at	0,207794058	0,234991579	1	111635007	111664708	1
TCHHL1	NA	NA	NA	1	150323244	150328164	-1
IVL	214599_at	0,51442461	0,068429019	1	151147663	151150986	1
TBX19	206838_at	0,393746292	0,133610176	1	166516902	166550288	1
DPT	207977_s_at	0,273919242	0,170171384	1	166931330	166965052	-1
DNM3	209839_at	0,724298824	0,082780258	1	170077261	170648480	1
ABL2	206411_s_at	0,115271962	0,195371876	1	177335085	177378834	-1

FAM5C	217562_at	0,868321801	0,016097971	1	188333420	188713382	-1
IGFN1	NA	NA	NA	1	199448393	199464697	1
LAD1	203287_at	0,26998763	0,153797084	1	199616589	199635292	-1
TNNI1	205177_at	0,704595731	-0,081104186	1	199639518	199657497	-1
GPR37L1	207055_at	0,337838135	0,186865534	1	200358652	200365257	1
IL20	NA	NA	NA	1	205105777	205109191	1
MOSC1	218865_at	0,335429989	0,199470448	1	219026894	219054353	1
CAPN2	208683_at	4,58E-05	2,969429015	1	221966742	222030343	1
RHOA	NA	NA	NA	1	226937492	226949034	1
DISC1	206090_s_at	0,277793807	0,211474678	1	229829184	230243641	1
VN1R5	NA	NA	NA	1	245485997	245487070	1
OR2G3	NA	NA	NA	1	245835511	245836440	1
OR1C1	NA	NA	NA	1	245987387	245988331	-1
LARP4B	208954_s_at	0,263573473	-0,371292179	10	845484	921702	-1
CXCL12	203666_at	0,425362142	0,109842182	10	44185611	44200548	-1
MARCH8	NA	NA	NA	10	45272823	45350825	-1
SYNPO2L	219804_at	0,796685128	0,03131296	10	75075296	75080793	-1
PLAU	205479_s_at	0,145507227	0,233208731	10	75340896	75347261	1
SFTPD	214199_at	0,992982079	0,001528679	10	81687476	81698841	-1
TLL2	215843_s_at	0,405101125	0,153850516	10	98114356	98263658	-1
SORCS1	NA	NA	NA	10	108323411	108914282	-1
TECTB	NA	NA	NA	10	114033483	114053060	1
CPXM2	NA	NA	NA	10	125495142	125641490	-1
OR51D1	NA	NA	NA	11	4617597	4618571	1
SLC5A12	214389_at	0,874040828	-0,016572001	11	26645142	26700150	-1
KCNA4	207248_at	0,17768952	0,321958517	11	29988341	29995064	-1
CRY2	212695_at	0,822817684	0,034768078	11	45825605	45861372	1
OR8H1	NA	NA	NA	11	55814179	55815114	-1
OR5M8	NA	NA	NA	11	56014487	56015422	-1
TCN1	205513_at	0,211340575	0,26856517	11	59376857	59390617	-1
SLC22A12	NA	NA	NA	11	64114858	64126396	1
LRP5	209468_at	0,188597775	0,424867614	11	67836684	67973319	1
KRTAP5-10	NA	NA	NA	11	70954257	70955314	1

ODZ4	213273_at	0,419378159	0,176946319	11	78041976	78200833	-1
ME3	204663_at	0,910097177	0,019162852	11	85829798	86061075	-1
UBTFL2	NA	NA	NA	11	89125601	89126791	-1
GPR83	NA	NA	NA	11	93750131	93774066	-1
MMP1	204475_at	0,847884073	-0,020963066	11	102165861	102174104	-1
ATM	212672_at	0,050454859	-0,657334764	11	107663329	107745036	1
KDELC2	NA	NA	NA	11	107848043	107874369	-1
C11orf87	NA	NA	NA	11	108798085	108801533	1
C11orf53	NA	NA	NA	11	110631917	110662183	1
ROBO4	220758_s_at	0,44799286	0,091174812	11	124259324	124272950	-1
B3GAT1	219521_at	0,371664272	0,182537819	11	133753608	133787022	-1
TSPAN9	220968_s_at	0,116010946	0,336086431	12	3056818	3265991	1
NTF3	206706_at	0,415970508	0,170432277	12	5473559	5474726	1
PHC1	218338_at	0,311099633	-0,504316517	12	8958583	8985330	1
TAS2R10	221397_at	0,200372206	0,13712438	12	10869212	10870135	-1
PLCZ1	NA	NA	NA	12	18727383	18782185	-1
AQP5	213611_at	0,606644576	0,073290304	12	48641546	48645227	1
KRT1	205900_at	0,129638837	0,192959319	12	51354787	51360458	-1
OR6C1	NA	NA	NA	12	54000651	54001589	1
PTPRB	217177_s_at	0,537672411	0,072770249	12	69196897	69317486	-1
RASSF9	210335_at	0,60815619	0,076284108	12	84722462	84754449	-1
PLEKHG7	NA	NA	NA	12	91654442	91689999	1
LHX5	208333_at	0,747968555	0,056982885	12	112385077	112394260	-1
WSB2	201760_s_at	0,780202128	-0,468973884	12	116954875	116983334	-1
CDX2	206387_at	0,972842718	0,011471535	13	27434278	27441317	-1
CCNA1	205899_at	0,921696775	-0,033342425	13	35904633	35915008	1
MLNR	221365_at	0,914715665	-0,023714322	13	48692475	48694514	1
RNASE2	206111_at	0,100447429	0,26436895	14	20493470	20494434	1
SSTR1	208482_at	0,400005424	-0,110875702	14	37746955	37752019	1
RDH12	NA	NA	NA	14	67258943	67270921	1
VASH1	203940_s_at	0,248214327	0,253448454	14	76298285	76319111	1
NRXN3	215021_s_at	0,427210813	0,138057554	14	78815407	79400515	1
GSC	NA	NA	NA	14	94304313	94306252	-1

C14orf129	NA	NA	NA	14	95915775	95923321	1
DUOX1	219597_s_at	0,248288991	0,176749425	15	43209484	43245066	1
PYGO1	215517_at	0,616406662	0,083569542	15	53625513	53668342	-1
RASGRF1	214905_at	0,423875153	0,118517131	15	77041341	77169895	-1
ZSCAN2	220516_at	0,207163486	0,279925502	15	82945253	82967951	1
OR4F4	NA	NA	NA	15	100279868	100280785	-1
MKL2	218259_at	0,640895088	0,212697658	16	14072697	14268131	1
MYH11	201497_x_at	0,407378323	-0,394767954	16	15704493	15858388	-1
CES7	NA	NA	NA	16	54437629	54466783	-1
MT1B	NA	NA	NA	16	55243312	55244617	1
MT1F	210524_x_at	0,568558485	0,100844176	16	55249356	55250713	1
FOXF1	205935_at	0,051896457	0,255443491	16	85101634	85105571	1
TEKT1	NA	NA	NA	17	6644024	6675784	-1
TBC1D28	NA	NA	NA	17	18479567	18488465	-1
CCL13	206407_s_at	0,445461749	0,079557468	17	29707584	29709742	1
TBC1D3F	NA	NA	NA	17	33591517	33602396	-1
GJD3	NA	NA	NA	17	35770430	35774471	-1
IGFBP4	201508_at	0,300838323	0,197642301	17	35853202	35867508	1
KIAA1267	NA	NA	NA	17	41463127	41605371	-1
PRAC	NA	NA	NA	17	44154080	44154881	-1
KCNH6	221023_s_at	0,243127836	0,164577379	17	58954427	58980070	1
KIAA0195	202650_s_at	0,486644503	0,170393653	17	70964259	71008128	1
DCXR	217973_at	0,743187815	-0,20210169	17	77587046	77588862	-1
SLMO1	206273_at	0,154320763	-0,209238527	18	12397928	12422234	1
ANKRD29	NA	NA	NA	18	19433975	19496849	-1
ST8SIA5	206258_at	0,952565889	-0,015192529	18	42513079	42591037	-1
CPLX4	NA	NA	NA	18	55113634	55136861	-1
RNF152	NA	NA	NA	18	57633284	57711284	-1
SERPINB2	204614_at	0,89727351	0,016154573	18	59705922	59722100	1
MYO1F	213733_at	0,079120101	0,602167704	19	8491996	8548307	-1
MAP1S	218522_s_at	0,08150249	-0,442503997	19	17691303	17706324	1
ZNF85	206572_x_at	0,387500444	-0,234426188	19	20897934	20925343	1
SBSN	NA	NA	NA	19	40706109	40711093	-1

GAPDHS	207116_s_at	0,717248595	0,068093221	19	40716154	40728061	1
C19orf47	NA	NA	NA	19	45518810	45546133	-1
PLD3	201050_at	0,007150686	0,818841677	19	45557389	45576230	1
ZNF582	NA	NA	NA	19	61586460	61596701	-1
ZIM2	209242_at	0,083627978	0,351282171	19	61977732	62043887	-1
PEG3	209243_s_at	0,57428737	0,074888868	19	62015615	62043876	-1
ZNF772	NA	NA	NA	19	62672766	62680750	-1
ZSCAN4	NA	NA	NA	19	62872115	62882317	1
C19orf18	NA	NA	NA	19	63161617	63177716	-1
ZSCAN1	NA	NA	NA	19	63237246	63257811	1
RDH14	222203_s_at	0,188702354	-0,556266303	2	18599473	18605381	-1
C2orf16	NA	NA	NA	2	27652893	27659093	1
CYP1B1	202436_s_at	0,136046793	0,231652573	2	38148250	38156796	-1
C2orf61	NA	NA	NA	2	47209091	47235930	-1
SLC4A5	221723_s_at	0,95533696	0,008748806	2	74296877	74424042	-1
DPP10	NA	NA	NA	2	115636202	116318406	1
NXP2	NA	NA	NA	2	139144921	139254281	-1
ACVR2A	205327_s_at	0,164018019	0,330188098	2	148319040	148404863	1
COBLL1	211032_at	0,49052125	0,068208946	2	165249502	165406174	-1
G6PC2	221453_at	0,290715112	0,174389108	2	169465996	169474756	1
PDE11A	221110_x_at	0,278979767	0,164052742	2	178196223	178645728	-1
PDE1A	208396_s_at	0,456029398	0,095631421	2	182715428	183095498	-1
DIRC1	NA	NA	NA	2	189306710	189363076	-1
C2orf66	NA	NA	NA	2	197378254	197383245	-1
ACADL	206069_s_at	0,482443485	0,109143501	2	210760959	210798392	-1
UGT1A4	NA	NA	NA	2	234292177	234346684	1
KLHL30	NA	NA	NA	2	238714156	238726286	1
TRAF3IP1	214458_at	0,168860774	0,248771181	2	238893821	238972536	1
PRNT	NA	NA	NA	20	4659928	4669314	-1
NCRNA00176	NA	NA	NA	20	62139937	62141575	1
PRSS7	217269_s_at	0,339930868	0,177803841	21	18563561	18697841	-1
KRTAP19-4	NA	NA	NA	21	30791045	30791299	-1
C21orf62	220543_at	0,883430947	0,020059572	21	33084855	33107876	-1

KCNJ15	211806_s_at	0,245935515	0,200588139	21	38550534	38595618	1
DSCAM	211484_s_at	0,536673347	0,069385216	21	40306213	41140909	-1
SUSD2	NA	NA	NA	22	22907444	22915074	1
SGSM1	NA	NA	NA	22	23532136	23652813	1
SEZ6L	207873_x_at	0,114804437	0,389651171	22	24895480	25106437	1
OXTR	206825_at	0,529380884	0,097394695	3	8767094	8786300	-1
FGD5	NA	NA	NA	3	14835810	14950899	1
SCN10A	208578_at	0,767521997	0,04874319	3	38713841	38810505	-1
C3orf62	202682_s_at	0,399095038	-0,565964809	3	49281223	49289456	-1
CISH	221223_x_at	0,303380936	0,148700098	3	50618924	50624207	-1
MAPKAPK3	202788_at	0,192023604	0,520892851	3	50629605	50661723	1
ITIH4	37201_at	0,721503131	0,047062168	3	52822046	52839734	-1
MUSTN1	NA	NA	NA	3	52842177	52844260	-1
FILIP1L	204135_at	0,65050246	0,049729185	3	101049462	101077736	-1
ZPLD1	NA	NA	NA	3	103636549	103681375	1
CD200R1	NA	NA	NA	3	114124222	114176627	-1
C3orf30	NA	NA	NA	3	120347687	120352992	1
AADA2L2	NA	NA	NA	3	152934405	152958242	1
SERPINI2	207636_at	0,392925646	0,155954666	3	168642417	168674512	-1
LPP	202822_at	0,011447008	-1,642368229	3	189413415	190080135	1
GP5	207926_at	0,407189195	0,103875888	3	195596839	195601284	-1
PDE6B	210304_at	0,869058518	-0,042735399	4	609373	654571	1
C4orf23	NA	NA	NA	4	8507043	8529181	1
RELL1	NA	NA	NA	4	37268817	37364394	-1
DCUN1D4	212851_at	0,344669387	-0,288390437	4	52404033	52477760	1
RPL21P44	NA	NA	NA	4	54546410	54548202	-1
KDR	203934_at	0,153899683	0,156702349	4	55639406	55686519	-1
NMU	206023_at	0,596358869	-0,088069676	4	56156155	56197222	-1
C4orf40	NA	NA	NA	4	71054493	71066915	1
MUC7	217059_at	0,289559732	0,102139016	4	71372525	71383303	1
CXCL1	204470_at	0,817266898	0,021718596	4	74953973	74955817	1
CXCL13	205242_at	0,717132164	0,038451712	4	78651931	78752010	1
GK2	215430_at	0,413699993	0,137588713	4	80546531	80548396	-1

HERC5	219863_at	0,011115703	0,71359022	4	89597291	89646337	1
PITX2	207558_s_at	0,892822042	-0,017672431	4	111758028	111763703	-1
ANKRD50	NA	NA	NA	4	125804916	125851382	-1
CLGN	205830_at	0,878419227	0,241680297	4	141529057	141568232	-1
MAP9	220145_at	0,367102504	-0,228472751	4	156483260	156517572	-1
GRIA2	205358_at	0,372410415	0,081712044	4	158361186	158506677	1
FSTL5	NA	NA	NA	4	162524499	163304636	-1
TLL1	206415_at	0,600046934	0,053986116	4	167013860	167244443	1
SPOCK3	206434_at	0,730607808	-0,035730865	4	167891110	168392316	-1
F2R	203989_x_at	0,010891934	1,97252373	5	76047542	76067054	1
VCAN	211571_s_at	0,343016963	0,128097879	5	82803339	82912737	1
SLCO6A1	NA	NA	NA	5	101735550	101862619	-1
PDLIM4	214175_x_at	0,117182455	0,29894783	5	131621286	131637046	1
SHROOM1	NA	NA	NA	5	132185911	132189901	-1
C5orf53	NA	NA	NA	5	139485705	139488575	1
PCDHB16	NA	NA	NA	5	140541164	140545980	1
POU4F3	208554_at	0,969955725	-0,006606693	5	145698869	145700200	1
SPINK7	NA	NA	NA	5	147672183	147675675	1
HTR4	207578_s_at	0,159265141	0,272282665	5	147810788	148013934	-1
PWWP2A	217533_x_at	0,213610549	0,176948186	5	159435467	159479030	-1
GABRA6	207182_at	0,620902372	0,052969075	5	161045236	161062176	1
GABRA1	206678_at	0,292190374	0,18358795	5	161206983	161258992	1
GABRG2	206849_at	0,000790316	0,763990842	5	161427295	161515106	1
FOXI1	208006_at	0,544873639	0,074005328	5	169465495	169469307	1
RANBP17	219661_at	0,427841733	0,09616224	5	170221600	170659624	1
COL23A1	NA	NA	NA	5	177597225	177950162	-1
F13A1	203305_at	0,645734591	-0,103135898	6	6089310	6265923	-1
SNRNP48	NA	NA	NA	6	7535431	7557199	1
UBD	205890_s_at	0,323524234	0,096377551	6	29631387	29635681	-1
GABBR1	203146_s_at	0,619744725	0,08923447	6	29677984	29708839	-1
BRPF3	NA	NA	NA	6	36272528	36308545	1
BTBD9	NA	NA	NA	6	38244205	38671821	-1
RCAN2	203498_at	0,925492221	-0,059003841	6	46296428	46401490	-1

MEP1A	206000_at	0,877773057	0,036218807	6	46869053	46915478	1
EPHA7	206852_at	0,592040422	0,048398666	6	94007860	94185993	-1
TRDN	222287_at	0,806929796	0,028012119	6	123579182	123999641	-1
EPB41L2	201719_s_at	0,750082614	-0,374450764	6	131202180	131319333	-1
TAAR9	NA	NA	NA	6	132901120	132902168	1
MAP7	215471_s_at	0,317624424	0,140517665	6	136705565	136913485	-1
GRM1	207299_s_at	0,430021447	0,176193182	6	146392112	146800427	1
MAFK	206750_at	0,281383772	0,250475505	7	1536894	1549205	1
HOXA10	213150_at	0,233885098	0,186549693	7	27176735	27186368	-1
JAZF1	NA	NA	NA	7	27836717	28186962	-1
POM121L12	NA	NA	NA	7	53070843	53072112	1
VSTM2A	NA	NA	NA	7	54577513	54604442	1
FZD9	207639_at	0,231952032	0,191056102	7	72486045	72488386	1
GNG11	204115_at	0,887594626	0,022756283	7	93388952	93393762	1
ASB4	217228_s_at	0,608036889	0,051064649	7	94953220	95005007	1
RABL5	218785_s_at	0,537579227	0,082116936	7	100743369	100751750	-1
GPR22	221288_at	0,32459554	0,161341811	7	106897738	106903361	1
FEZF1	NA	NA	NA	7	121729287	121731835	-1
OPN1SW	208036_at	0,621257552	0,066080771	7	128199783	128203087	-1
TAS2R60	NA	NA	NA	7	142850668	142851624	1
KIAA1967	NA	NA	NA	8	22518496	22533929	1
KIF13B	202962_at	0,092482724	0,465891172	8	28980714	29176529	-1
SNAI2	213139_at	0,48186659	-0,549964293	8	49992789	49996541	-1
PMP2	206826_at	0,37031458	0,113713289	8	82515116	82522274	-1
MATN2	202350_s_at	0,603135699	-0,051830962	8	98950487	99118124	1
C8orf47	NA	NA	NA	8	99145926	99175014	1
GRHL2	219388_at	0,699054606	0,051973569	8	102574162	102750995	1
ADFP	209122_at	0,456030743	-0,851771079	9	19105759	19117573	-1
IFNB1	208173_at	0,511950179	0,115134078	9	21067104	21067943	-1
IFNA7	208259_x_at	0,689331237	0,056399047	9	21191468	21192204	-1
IFNA16	NA	NA	NA	9	21206372	21207310	-1
IFNA17	NA	NA	NA	9	21217242	21218221	-1
IFNA8	207932_at	0,704835244	0,034852657	9	21399146	21400184	1

PRSS3	213421_x_at	0,190996977	0,197743407	9	33785559	33789228	1
PGM5	208491_s_at	0,848895562	0,026182237	9	70161635	70335797	1
PTCH1	208522_s_at	0,2982987	0,127583827	9	97245085	97319068	-1
HEMGN	NA	NA	NA	9	99728894	99746955	-1
KLHL34	NA	NA	NA X		21583530	21586369	-1
PTCHD1	NA	NA	NA X		23262906	23324839	1
MAGEB4	207581_s_at	0,06803239	0,289376178 X		30170090	30172231	1
MAGEB1	207534_at	0,99268911	0,001307292 X		30171769	30180076	1
FOXP3	221334_s_at	0,435669257	0,188553499 X		48994354	49008232	-1
PPP1R3F	NA	NA	NA X		49013261	49031021	1
SPANXN5	NA	NA	NA X		52841911	52843113	-1
XAGE5	NA	NA	NA X		52857953	52864047	1
ZC4H2	220040_x_at	0,743630251	0,123929005 X		64052986	64113061	-1
LPAR4	206960_at	0,973221047	0,00384402 X		77896957	77899249	1
GLRA4	NA	NA	NA X		102848928	102866560	-1
TBC1D8B	219771_at	0,237307579	0,125598523 X		105932575	106006036	1
MID2	208384_s_at	0,035293013	0,430760982 X		106956116	107057077	1
CHRDL1	209763_at	0,281993623	0,410787942 X		109805129	109925649	-1
TFDP3	207385_at	0,209713088	-0,188900098 X		132178363	132180042	-1
SPANXN4	NA	NA	NA X		141941370	141949732	1
CXorf1	206711_at	0,684659425	-0,039696683 X		144716620	144719066	1
DAZ1	208281_x_at	0,576928565	-0,130523483 Y		23684896	23754545	-1
DAZ3	NA	NA	NA Y		25318610	25368908	-1
RFPL1	207934_at	0,617796233	-0,064620317	22	28164572	28168444	1
LRRC67	NA	NA	NA	8	68062920	68103340	-1
FCGR3B	204007_at	0,738922725	-0,034481739	1	159859610	159867782	-1
PRPH	213847_at	0,213610549	0,271821634	12	47975176	47978748	1
NPHP3	NA	NA	NA	3	133882144	133923966	-1
PIGG	218652_s_at	0,066244574	0,667060847	4	483010	523312	1
NHLRC1	NA	NA	NA	6	18228697	18230830	-1
MAP4K2	204936_at	0,003711805	-1,025400979	11	64313185	64327289	-1
MEN1	202645_s_at	0,015593687	-0,795997847	11	64327564	64335342	-1
ATMIN	201855_s_at	0,332933047	-0,562858054	16	79626959	79638452	1

POU2F1	206789_s_at	0,017372861	-0,523503711	1	165456767	165651966	1
HOOK2	218780_at	0,483719475	0,210813755	19	12734817	12747434	-1
NBAS	207478_at	0,340436781	0,127355226	2	15224483	15618905	-1
FRMD8	NA	NA	NA	11	64910617	64937572	1
TXN	208864_s_at	0,105423953	0,814101704	9	112046131	112058599	-1
KRTAP13-4	NA	NA	NA	21	30724465	30724947	1
POLR3H	NA	NA	NA	22	40251749	40270410	-1
MBLAC2	NA	NA	NA	5	89789776	89806341	-1
SFRS11	200686_s_at	0,003638768	-1,229776903	1	70443953	70490272	1
C18orf19	NA	NA	NA	18	13653346	13716591	-1
RAB9A	221808_at	0,921696775	0,1150231 X		13617262	13637685	1
C5orf32	NA	NA	NA	5	139534837	139603558	1
IL1A	210118_s_at	0,520513765	0,080741528	2	113247963	113259442	-1
USP14	201672_s_at	0,797393972	0,134498471	18	148483	203739	1
CEACAM3	208052_x_at	0,145270925	0,3344802	19	46992374	47007431	1
NDUFS4	209303_at	0,395144247	0,483549589	5	52892242	53014925	1
HECW1	210331_at	0,338054418	0,133463112	7	43118723	43569463	1
TMEM106A	NA	NA	NA	17	38719420	38727115	1
TMSB10	217733_s_at	0,222533207	0,697430576	2	84986274	84987310	1
NDUFV1	208714_at	0,616385169	0,121601118	11	67130983	67136582	1
ZNF547	NA	NA	NA	19	62566703	62582739	1
HSCB	NA	NA	NA	22	27468043	27483498	1
BIN3	207287_at	0,362610963	0,099530389	8	22533876	22582606	-1
SLC26A6	221572_s_at	0,494591166	0,283022638	3	48638160	48646283	-1
NUP93	202188_at	0,012130736	-0,492393662	16	55321608	55436178	1
SH3BP2	211250_s_at	0,115944126	0,256145532	4	2790339	2810712	1
ACTR1A	200721_s_at	0,806841713	0,065140572	10	104228976	104252452	-1
KIAA0556	213185_at	0,086634608	0,341501634	16	27468971	27699190	1
MS4A2	207497_s_at	0,339514342	0,089710906	11	59612713	59622593	1
RCN1	201063_at	0,005187961	2,387975871	11	32069267	32083653	1
SOD2	216841_s_at	0,061459596	-0,33176123	6	160020138	160034343	-1
ATG10	NA	NA	NA	5	81303630	81586528	1
PYY	NA	NA	NA	17	39385632	39437363	-1

GTF3C1	202320_at	0,407682842	0,127590753	16	27379436	27468752	-1
WDR6	217734_s_at	0,608764657	0,277861811	3	49019830	49028390	1
MKKS	218138_at	0,035391078	0,674515564	20	10333832	10360570	-1
GPT2	NA	NA	NA	16	45475809	45522699	1
GLT8D3	NA	NA	NA	12	40761914	40824940	-1
CDC7	204510_at	0,118834364	-0,72543409	1	91739032	91763902	1
ZNF271	NA	NA	NA	18	31124298	31142072	1
COX16	217645_at	0,453308782	0,188039625	14	69862534	69896147	-1
DNAJC30	NA	NA	NA	7	72733184	72735717	-1
RNMT	202684_s_at	0,589532632	-0,15528312	18	13716704	13754554	1
PCDHB9	NA	NA	NA	5	140547077	140551295	1
CHML	206079_at	0,151182074	0,21634939	1	239858789	239865855	-1
PWWP2B	NA	NA	NA	10	134060692	134081353	1
HDHD2	NA	NA	NA	18	42887779	42930869	-1
GCHFR	204867_at	0,004814463	-2,269281404	15	38843577	38847203	1
GABRA2	207014_at	0,86303594	-0,017514686	4	45946463	46086702	-1
TMED1	203679_at	0,031287706	0,498050263	19	10804114	10807983	-1
YTHDC2	205836_s_at	0,296814436	-0,479409543	5	112877309	112958880	1
ANXA6	200982_s_at	0,941343429	0,079019631	5	150460461	150517560	-1
GLRX	209276_s_at	0,808098559	-0,195488414	5	95175431	95184137	-1
ADCY3	209321_s_at	0,742305462	-0,08934686	2	24895542	24995559	-1
E4F1	218524_at	0,333121378	-0,247205746	16	2213568	2225744	1
C11orf24	218299_at	0,285031351	0,230962825	11	67785383	67795997	-1
ZNF624	NA	NA	NA	17	16464776	16497883	-1
ANO5	NA	NA	NA	11	22171298	22257975	1
SCML1	218793_s_at	0,28903094	0,740807633	X	17665513	17683026	1
COPZ2	219561_at	0,024651099	0,432331865	17	43458532	43470151	-1
RAPH1	NA	NA	NA	2	204006783	204108303	-1
SIAH3	NA	NA	NA	13	45252406	45323847	-1
MRPS21	NA	NA	NA	1	148532893	148547443	1
MRPL3	208787_at	0,578000423	-0,234338667	3	132663735	132704519	-1
PSMB4	202243_s_at	0,121212702	0,673377366	1	149638665	149641036	1
RABGAP1L	213982_s_at	0,008334749	-1,459932218	1	172395257	173193950	1

PIGS	NA	NA	NA	17	23904532	23922655	-1
HARS2	209252_at	0,706387636	0,249775351	5	140051202	140059074	1
FRAT2	209864_at	0,119504457	0,599911273	10	99082244	99084448	-1
CPSF1	33132_at	0,042448805	-0,606948678	8	145589254	145605541	-1
SLC44A5	NA	NA	NA	1	75444868	75849359	-1
FBXO32	NA	NA	NA	8	124584539	124613564	-1
OR1J4	NA	NA	NA	9	124321241	124322182	1
SLC19A2	209681_at	0,198462164	0,927947912	1	167699791	167721865	-1
PPP3CC	32541_at	0,76553832	-0,234697939	8	22354541	22454583	1
MAP1A	215384_s_at	0,134759791	0,535009461	15	41597098	41611110	1
B3GALNT2	NA	NA	NA	1	233679867	233734404	-1
SPG11	203513_at	0,2982987	-0,551338272	15	42642186	42743168	-1
MTMR4	214268_s_at	0,107791377	-0,190088802	17	53921897	53950211	-1
PPP3CA	202429_s_at	0,290133856	0,782956145	4	102163610	102487376	-1
CXorf57	219355_at	0,303998116	0,858801829	X	105741909	105809328	1
PHACTR2	204047_s_at	0,355873172	0,124699234	6	143971010	144194015	1
NYX	221684_s_at	0,23691303	0,208424905	X	41191631	41219907	1
B4GALT3	210243_s_at	0,008624014	1,482770671	1	159407725	159413938	-1
PNMA1	218224_at	0,676341282	0,448686292	14	73248239	73250881	-1
MAGOH	210093_s_at	0,221926007	-0,498109043	1	53465152	53476795	-1
CLOCK	204980_at	0,300858955	0,271690816	4	55993417	56107754	-1
SPAG6	210033_s_at	0,01028785	0,507537278	10	22674405	22746545	1
ZFP30	207090_x_at	0,705314922	-0,089014433	19	42815229	42838153	-1
OAZ3	222075_s_at	0,798584067	0,054037582	1	150005755	150010429	1
ZNF462	NA	NA	NA	9	108665199	108813628	1
OR2AG2	NA	NA	NA	11	6745814	6746764	-1
PRLHR	NA	NA	NA	10	120342906	120345150	-1
CTNNA1	210844_x_at	0,037870921	1,63795183	5	138117006	138298622	1
PRH2	205272_s_at	0,204618539	0,366645397	12	10973101	10977668	1
TPP1	200742_s_at	0,123054192	1,029409168	11	6590573	6597268	-1
TCP11L2	NA	NA	NA	12	105220711	105264923	1
LY6G6D	207457_s_at	0,898937118	0,02520788	6	31791112	31793560	1
PERP	217744_s_at	0,017781829	2,956235362	6	138453619	138470280	-1

GIPR	208105_at	0,278477658	0,147997605	19	50863342	50877557	1
CLEC18A	NA	NA	NA	16	68542311	68555390	1
PGRMC2	201701_s_at	0,049181886	0,531444729	4	129410745	129428400	-1
C6orf27	221301_at	0,681181176	0,055784393	6	31841350	31853087	-1
ST3GAL1	208322_s_at	0,006850122	0,853175676	8	134540312	134653344	-1
GREM2	220794_at	0,453165693	0,103834589	1	238719496	238842085	-1
RNASEL	221287_at	0,036368116	0,292353397	1	180809395	180822731	-1
ATP6AP1	207809_s_at	0,001513819	1,425476519	X	153310172	153318056	1
GDI1	201864_at	0,13055526	0,358781133	X	153318715	153325008	1
RPGR	207624_s_at	0,493093736	-0,073048264	X	38013367	38071732	-1
ARHGEF17	203756_at	0,699423497	-0,05289304	11	72697317	72757784	1
SLC25A15	NA	NA	NA	13	40261597	40282246	1
TLR3	206271_at	0,414709713	0,100573913	4	187227303	187243246	1
MAGEF1	218176_at	0,206111398	0,399415788	3	185910849	185912530	-1
CCDC56	218026_at	0,18355581	0,574101874	17	38203178	38204230	-1
MYOZ2	207148_x_at	0,297842101	0,11595009	4	120276469	120328385	1
PPP4R1	201594_s_at	0,240768118	-0,603522135	18	9536792	9604600	-1
UBE2O	218141_at	0,942874716	-0,019621017	17	71897491	71960883	-1
BCL2L11	208536_s_at	0,432608365	-0,316574842	2	111594962	111642493	1
ZNF444	218707_at	0,258464507	0,174146154	19	61344368	61364074	1
EPS8L1	221655_x_at	0,07968247	0,490806326	19	60283572	60291103	1
SOCS6	214462_at	0,060722675	0,478155363	18	66107117	66148414	1
RHCE	215819_s_at	0,150892369	0,294381442	1	25561327	25619950	-1
VEGFC	209946_at	0,502720891	0,105321078	4	177841685	177950889	-1
SEC24C	202361_at	0,304221889	0,438940277	10	75174138	75201925	1
ANXA5	200782_at	0,108473493	0,897204606	4	122808598	122837626	-1
ACVR1C	NA	NA	NA	2	158097150	158193645	-1
ETV5	203349_s_at	0,028516703	0,883127072	3	187246804	187309571	-1
MGC24975	NA	NA	NA	19	5733971	5735610	-1
FLII	212025_s_at	0,300907745	0,310958602	17	18088875	18102780	-1
SMCR7	NA	NA	NA	17	18104594	18109818	1
SNRPC	201342_at	0,401981784	-0,268482569	6	34833293	34849549	1
ZNF41	NA	NA	NA	X	47191347	47227289	-1

SERPIN8	206034_at	0,929857902	0,020163204	18	59788243	59807588	1
SNAPC4	205658_s_at	0,09769272	-0,39228386	9	138389850	138412710	-1
CGGBP1	206861_s_at	0,056583295	0,691820707	3	88183790	88190836	-1
HDAC10	NA	NA	NA	22	49025739	49031941	-1
C3orf18	219114_at	0,892908033	0,018031774	3	50570466	50580186	-1
ZNF264	205917_at	0,316171997	0,263643836	19	62394681	62426026	1
EYS	NA	NA	NA	6	66101527	66346418	-1
ZNF280D	221213_s_at	0,872435279	0,030559676	15	54709666	54813079	-1
MALL	209373_at	0,930361437	0,018629663	2	110198736	110230937	-1
ZNF215	220214_at	0,978422172	0,007824882	11	6904230	6935854	1
FCF1	212499_s_at	0,317624424	-0,500758947	14	74249603	74273147	1
PDGFC	218718_at	0,152018277	0,842711922	4	157902214	158111996	-1
LMTK2	206223_at	0,365325814	0,10550335	7	97574133	97673537	1
DDX3Y	205000_at	0,437409788	-1,347768443	Y	13526171	13541784	1
LRRC40	218577_at	0,03009954	-0,976259331	1	70383085	70443863	-1
IER3	201631_s_at	0,990948103	0,008096245	6	30818955	30820306	-1
RPU3D3	NA	NA	NA	3	9854533	9860676	-1
METTL10	NA	NA	NA	10	126437396	126470429	-1
TMEM106B	218930_s_at	0,806023546	-0,139257359	7	12217451	12243411	1
POLI	219317_at	0,67773047	0,070618343	18	50049847	50078602	1
BRP44L	218024_at	0,753034845	0,148601825	6	166698397	166716476	-1
HDAC5	202455_at	0,458828408	0,363391815	17	39509647	39556540	-1
FZD6	203987_at	0,047582843	1,889083159	8	104380276	104414270	1
GLB1L3	NA	NA	NA	11	133652266	133694667	1
ARSG	NA	NA	NA	17	63815191	63928595	1
ZZEF1	207189_s_at	0,175026264	0,166702346	17	3854488	3993002	-1
CYB5D2	NA	NA	NA	17	3993299	4007740	1
KDM3A	212689_s_at	0,9932557	0,008974793	2	86521865	86573350	1
RASSF4	221578_at	0,036955775	0,460511976	10	44775225	44810178	1
LRRC8D	218684_at	0,490588439	-0,236266874	1	90060101	90174148	1
CCDC108	NA	NA	NA	2	219575820	219614489	-1
PSMD6	202753_at	0,518232274	0,178794944	3	63971271	63984160	-1
PKP2	207717_s_at	1,28E-05	3,271432881	12	32834947	32941047	-1

ZNF619	NA	NA	NA	3	40493641	40504881	1
KCNJ2	206765_at	0,848050115	-0,081097307	17	65677271	65687780	1
SRP54	203605_at	0,193946987	-0,530835257	14	34521982	34568519	1
RPL39L	210115_at	0,069680042	0,537607783	3	188321435	188339957	-1
DHRS4	NA	NA	NA	14	23492805	23508328	1
ZNF407	220835_s_at	0,60178246	-0,082424104	18	70471907	70906616	1
USP40	NA	NA	NA	2	234048904	234134606	-1
MAFG	204970_s_at	0,12941612	0,602279478	17	77469438	77474701	-1
SEMA4G	219194_at	0,203819571	0,155864979	10	102722276	102735362	1
ANKRD20A2	NA	NA	NA	9	42358299	42401406	1
PIK3R1	212239_at	0,053759657	-0,527798563	5	67620008	67633405	1
PDYN	206803_at	0,502699556	0,140165086	20	1907402	1922702	-1
WDFY3	212602_at	0,142617227	0,324266835	4	85809719	86106568	-1
PDIA5	203857_s_at	0,002362948	1,243177843	3	124268655	124363567	1
DTX3	49049_at	0,017311748	0,349905785	12	56284871	56289850	1
GEFT	NA	NA	NA	12	56291485	56297293	1
DSCR3	203635_at	0,453579152	-0,174848121	21	37517596	37561703	-1
BBS12	NA	NA	NA	4	123873307	123885548	1
TYSND1	NA	NA	NA	10	71567739	71576502	-1
PHF20L1	222133_s_at	0,494546069	-0,119170821	8	133856786	133930234	1
OAF	NA	NA	NA	11	119586957	119605860	1
BSDC1	218004_at	0,046317408	0,502746464	1	32603359	32632614	-1
TMEM188	NA	NA	NA	16	48616690	48628500	1
CDKN3	209714_s_at	0,201752716	-0,966197444	14	53933476	53956682	1
NBEA	221207_s_at	0,208767996	0,350450235	13	34414456	35144873	1
LRRC14	32062_at	0,383643857	-0,098465192	8	145714199	145721365	1
RARB	208530_s_at	0,348429652	0,149766991	3	25444758	25614424	1
ANXA3	209369_at	0,25512882	0,458784763	4	79691766	79750629	1
LMBR1	NA	NA	NA	7	156166331	156378663	-1
TSPAN3	200973_s_at	0,256758525	0,995903018	15	75125386	75150568	-1
NAT12	NA	NA	NA	14	56927024	56947636	1
TP53RK	NA	NA	NA	20	44746411	44751683	-1
HSD17B13	NA	NA	NA	4	88443965	88463062	-1

HSPBAP1	219284_at	0,717076241	-0,049331641	3	123941536	123995340	-1
TMEM214	217899_at	0,00830437	0,815161844	2	27109278	27118069	1
NEK4	204634_at	0,997264567	-0,0022648	3	52719840	52779991	-1
UBE2E3	210024_s_at	0,687263724	-0,131541426	2	181553587	181636395	1
DUSP22	218845_at	0,213356744	0,871061644	6	237101	296355	1
TAS2R5	NA	NA	NA	7	141136486	141137635	1
ALPK2	NA	NA	NA	18	54299459	54447169	-1
NLRP10	NA	NA	NA	11	7937732	7941635	-1
FHOD1	218530_at	0,080388948	0,485758647	16	65820793	65838926	-1
RAB18	NA	NA	NA	10	27833255	27869105	1
KRTAP19-3	NA	NA	NA	21	30785653	30786146	-1
MAP4K3	218311_at	0,587650842	0,090494286	2	39329926	39517723	-1
PMM1	203467_at	0,448706238	0,218696409	22	40302858	40315759	-1
GLRA3	216021_s_at	0,524783293	-0,080761404	4	175799773	175987040	-1
MIA2	221177_at	0,559388367	0,068168811	14	38772876	38792326	1
RNASEK	NA	NA	NA	17	6856522	6858575	1
STOX2	NA	NA	NA	4	185063503	185175869	1
SESN2	NA	NA	NA	1	28458593	28481589	1
HOXD3	206602_s_at	0,191421079	0,193980638	2	176737051	176746072	1
KCTD16	NA	NA	NA	5	143530630	143837137	1
C2orf83	208265_at	0,493097356	0,094002472	2	228183050	228206132	-1
GPR15	208524_at	0,741766921	-0,053798473	3	99733568	99734650	1
RBM9	212104_s_at	0,051581397	-1,002734277	22	34464729	34754531	-1
SURF6	NA	NA	NA	9	135187373	135192868	-1
CP	214282_at	0,779424597	0,024450603	3	150373220	150422519	-1
CYB5R2	220230_s_at	0,656870187	-0,062999321	11	7642902	7651397	-1
ZNF76	207494_s_at	0,436883086	-0,344238938	6	35335488	35371738	1
PDE8B	213228_at	0,699054606	0,068632225	5	76542462	76758999	1
MYO1C	32811_at	0,683198011	0,055203213	17	1314230	1341722	-1
ROBO1	213194_at	0,497792755	0,83493438	3	78729080	79151264	-1
C11orf88	NA	NA	NA	11	110890720	110912966	1
DCDC2	NA	NA	NA	6	24279962	24466259	-1
FBXW10	NA	NA	NA	17	18588051	18623387	1

ZBTB7A	222082_at	0,1263961	0,289547094	19	3996216	4017816	-1
TMEM167A	NA	NA	NA	5	82387742	82408935	-1
CAT	211922_s_at	0,088147625	-0,778602992	11	34417054	34450183	1
IL18	206295_at	0,85986394	-0,0166725	11	111519186	111540050	-1
MFSD3	NA	NA	NA	8	145705360	145707397	1
C17orf98	NA	NA	NA	17	34244867	34251168	-1
C2orf84	NA	NA	NA	2	24251476	24268071	1
YIPF5	221423_s_at	0,029910079	0,501402886	5	143517919	143530387	-1
ST7	207524_at	0,488910706	0,159114433	7	116380617	116657313	1
DIP2A	NA	NA	NA	21	46703318	46813028	1
FAM24B	NA	NA	NA	10	124598600	124629147	-1
CRMP1	202517_at	0,495130106	0,110016484	4	5873392	5945686	-1
RPL26L1	218830_at	0,829043912	0,079126688	5	172319045	172329380	1
C2orf52	NA	NA	NA	2	232081381	232087294	-1
PCNP	217816_s_at	0,445704549	-0,318642842	3	102775732	102795971	1
C19orf57	206901_at	0,09885043	0,281373845	19	13854168	13877909	-1
UTP14A	221514_at	0,754140233	0,104588199	X	128867840	128891409	1
DLAT	213149_at	0,551834704	-0,280684501	11	111401381	111439799	1
SLC13A3	205244_s_at	0,145743974	0,310740863	20	44619870	44746514	-1
EVX2	NA	NA	NA	2	176653081	176656936	-1
HOXD13	207398_at	0,701773096	0,105676938	2	176665778	176668912	1
CLDND1	208925_at	0,362933018	0,529024982	3	99717007	99724600	-1
ITIH1	210888_s_at	0,254349454	0,209160294	3	52786648	52801117	1
MAGED4B	221261_x_at	0,594650136	0,376492388	X	51821663	51829108	-1
NANP	NA	NA	NA	20	25543001	25552614	-1
TNMD	220065_at	0,374953824	0,152462104	X	99726446	99741538	1
XRCC4	210813_s_at	0,653733105	-0,178442083	5	82409073	82685335	1
SLC16A7	210807_s_at	0,614691871	-0,321418309	12	58369393	58461675	1
PPAPDC2	NA	NA	NA	9	4652298	4655262	1
ATXN10	208833_s_at	0,00220068	-0,746737137	22	44446351	44619493	1
TLE4	216997_x_at	0,588019286	0,269547416	9	81376698	81531478	1
AHSG	204551_s_at	0,480068373	0,112862158	3	187813544	187821801	1
CPXCR1	NA	NA	NA	X	87888882	87896442	1

TSPYL1	221493_at	0,057299665	-1,219432181	6	116704437	116707973	-1
ANGPTL5	NA	NA	NA	11	101266615	101292465	-1
RBMS3	206767_at	0,752604939	-0,051075341	3	29297947	30021624	1
C9orf16	222165_x_at	0,551390826	0,121908766	9	129962360	129966028	1
ZNF567	NA	NA	NA	19	41872142	41904066	1
AK3	NA	NA	NA	9	4701158	4731227	-1
MSL1	NA	NA	NA	17	35532316	35546568	1
UGDH	203343_at	0,109360843	0,577016672	4	39176770	39205606	-1
LHX2	211219_s_at	0,074830732	0,465633936	9	125813710	125835263	1
BCORL1	219444_at	0,28424709	0,282904726	X	128944350	129019282	1
RRAGD	221524_s_at	0,23992791	0,859722061	6	90134313	90178497	-1
UHRF1BP1L	213118_at	0,656958344	0,262370832	12	98954994	99060773	-1
FABP9	NA	NA	NA	8	82533173	82536313	-1
PM20D2	NA	NA	NA	6	89912488	89932003	1
SEMA3D	215324_at	0,673601404	0,067818076	7	84462805	84589183	-1
OR13C3	NA	NA	NA	9	106337872	106338915	-1
SLC35A2	207440_at	0,183131542	0,247900923	X	48645403	48653861	-1
C18orf26	NA	NA	NA	18	50409388	50417722	1
SETD4	219482_at	0,211535368	0,257230386	21	36328709	36358576	-1
GAN	220124_at	0,85177419	-0,028218517	16	79906076	79971441	1
DENND3	212975_at	0,188547307	0,376998666	8	142207902	142275083	1
CXCR7	212977_at	0,551310654	-0,537402473	2	237143119	237155736	1
ARL4C	202208_s_at	0,133440365	1,046722512	2	235066424	235070432	-1
C3orf23	NA	NA	NA	3	44354615	44376298	1
BBC3	211692_s_at	0,945534811	0,041256963	19	52415924	52426291	-1
POLR3G	206653_at	0,022497448	-1,428809436	5	89806437	89846125	1
ATG3	220237_at	0,95786375	0,008224837	3	113734049	113763175	-1
C19orf42	219097_x_at	0,914715665	-0,032209727	19	16617959	16631968	-1
BDP1	NA	NA	NA	5	70787198	70899405	1
PKIA	204612_at	0,538137089	-0,285612021	8	79590891	79678040	1
FAM161B	NA	NA	NA	14	73470458	73486588	-1
COQ6	218760_at	0,904331594	-0,046394849	14	73486396	73499568	1
SLC35A5	218519_at	0,867441207	0,119318206	3	113763585	113785693	1

CSGALNACT2	218871_x_at	0,48534121	-0,154113111	10	42953940	43000756	1
CC2D1A	58994_at	0,681327903	0,197179747	19	13878052	13902692	1
RAB43	NA	NA	NA	3	130289108	130323309	-1
TBC1D12	221858_at	0,117649218	0,678513693	10	96152176	96286079	1
RIMBP3	NA	NA	NA	22	18835991	18841786	-1
OR11A1	221343_at	0,35722611	-0,108016938	6	29501260	29503488	-1
EFCAB2	207572_at	0,429872775	0,08246282	1	243200315	243317761	1
GNRH1	207987_s_at	0,521862288	0,066602448	8	25332691	25338473	-1
UGCGL1	218257_s_at	0,640733757	-0,12812337	2	128565255	128665465	1
SV2A	203069_at	0,049695007	1,191092911	1	148141859	148156054	-1
CACNG6	NA	NA	NA	19	59187354	59207732	1
C2orf21	NA	NA	NA	2	210344962	210369516	1
C10orf88	219240_s_at	0,77414583	0,092113087	10	124680409	124703909	-1
TDRD3	214028_x_at	0,311956325	0,101724309	13	59911823	60046012	1
JMJD7-PLA2G	219095_at	0,084526891	0,298323634	15	39907581	39927633	1
OTC	207200_at	0,226841483	0,134386984	X	38096680	38165647	1
MYB	204798_at	0,487801809	0,589940354	6	135544146	135582003	1
CNTN6	207195_at	0,884666887	0,015382548	3	1109629	1420278	1
CRYGS	NA	NA	NA	3	187738926	187744861	-1
MAS1L	NA	NA	NA	6	29562522	29563658	-1
OSBPL3	209626_s_at	0,001561949	-2,527896664	7	24802684	24986285	-1
RPS6KA1	203379_at	0,131016703	-0,914170218	1	26728836	26774107	1
SACM1L	202797_at	0,933388439	0,072190234	3	45705947	45761905	1
LGALS8	208935_s_at	0,370241946	-0,116888114	1	234748188	234779619	1
ZXDA	215263_at	0,91372088	-0,017988211	X	57950922	57953792	-1
SATB2	213435_at	0,434163005	0,500950488	2	199842469	200033446	-1
SLC16A2	204462_s_at	0,606246388	0,079908127	X	73557810	73670475	1
C15orf37	NA	NA	NA	15	78002168	78004249	1
BUB3	209974_s_at	0,22719027	-0,370916277	10	124903860	124914871	1
ABL1	202123_s_at	0,642836494	-0,37834428	9	132579089	132752883	1
LRRC57	NA	NA	NA	15	40622014	40628292	-1
OR4C6	NA	NA	NA	11	55189219	55190148	1
ZNF268	209989_at	0,938289449	0,023379656	12	132268068	132289534	1

HIPK1	212293_at	0,064186181	-0,660880584	1	114273519	114321945	1
OR8K1	NA	NA	NA	11	55870091	55871050	1
GSTO2	NA	NA	NA	10	106018621	106049166	1
SUV420H1	218242_s_at	0,937863596	0,041734759	11	67680083	67737360	-1
PFN3	NA	NA	NA	5	176759770	176760183	-1
DIRC2	NA	NA	NA	3	123996597	124081451	1
SH2D3C	215639_at	0,788057928	0,035461412	9	129540846	129573375	-1
BMPR2	210214_s_at	0,315342728	0,271936014	2	202949916	203140719	1
HIRA	217427_s_at	0,945534811	-0,047705971	22	17698224	17799219	-1
DDX60L	NA	NA	NA	4	169514461	169638213	-1
PLXNA2	213030_s_at	0,049451346	0,373860429	1	206262210	206484288	-1
SGK196	NA	NA	NA	8	43067818	43097480	1
MRPL40	203152_at	0,01256781	0,857163338	22	17800036	17803598	1
ESRP2	219395_at	0,45592171	0,139401626	16	66819951	66827637	-1
OR52K1	NA	NA	NA	11	4466707	4467651	1
OR9G1	NA	NA	NA	11	56224440	56225357	1
C17orf97	NA	NA	NA	17	260434	264713	1
GRHL1	NA	NA	NA	2	10018745	10059856	1
HEMK1	218620_s_at	0,404105566	0,231778347	3	50581913	50597426	1
FAM75B	NA	NA	NA	9	83865480	83866824	-1
PTS	209694_at	0,070593467	-0,514237359	11	111602309	111609903	1
C14orf43	NA	NA	NA	14	73251578	73323649	-1
OR8G1	NA	NA	NA	11	123625633	123640973	1
KIAA0947	209654_at	0,393796472	-0,212894777	5	5475807	5543338	1
HYOU1	200825_s_at	0,007987163	0,863783634	11	118420110	118433122	-1
C11orf51	204218_at	0,704403017	-0,04635501	11	71498281	71501470	-1
KCTD10	NA	NA	NA	12	108370843	108399538	-1
OR51L1	NA	NA	NA	11	4976789	4977736	1
CTSD	200766_at	0,003579308	0,60598232	11	1730561	1741798	-1
CCT2	201947_s_at	0,056661961	-0,526973252	12	68265475	68281624	1
STX2	213434_at	0,446410584	0,145692538	12	129840098	129889764	-1
EXTL3	209202_s_at	0,085512631	0,335408302	8	28615072	28667121	1
SENP7	220735_s_at	0,415379826	0,136749427	3	102525807	102714775	-1

PKD2	213724_s_at	0,031066224	0,464740784	17	45527695	45543422	1
MXD1	206877_at	0,206111398	0,195992669	2	69995707	70023581	1
DIXDC1	NA	NA	NA	11	111353243	111398518	1
UBE3B	212404_s_at	0,657627671	0,092391963	12	108399822	108458890	1
ARIH1	201878_at	0,537672411	-0,277008284	15	70553721	70662877	1
CBS	212816_s_at	0,570681912	0,518579794	21	43346370	43369490	-1
TRERF1	216749_at	0,716279473	0,044789625	6	42303842	42527761	-1
RNPC3	NA	NA	NA	1	103895086	103899384	1
AMY2B	208498_s_at	0,339680111	0,095228852	1	103898845	103923674	1
FOXK2	203064_s_at	0,423435624	-0,144431843	17	78070883	78155772	1
HOOK3	NA	NA	NA	8	42871190	42994084	1
CCDC140	NA	NA	NA	2	222871110	222878180	1
CDT1	209832_s_at	0,290454175	-0,349402486	16	87397687	87403167	1
KRTAP6-2	NA	NA	NA	21	30892876	30893064	-1
FMNL1	204789_at	0,078918106	0,642246297	17	40655075	40680468	1
ESSPL	NA	NA	NA	4	152417775	152432055	1
SLC23A1	NA	NA	NA	5	138730787	138746900	-1
MAGEA6	209942_x_at	0,056689604	3,765875037	X	151617901	151621470	1
SETD7	NA	NA	NA	4	140646642	140697027	-1
GLRX2	219933_at	0,146698344	0,4963104	1	191332224	191341867	-1
MEF2C	207968_s_at	0,177576943	1,42123874	5	88051922	88214780	-1
C9orf23	NA	NA	NA	9	34600492	34602101	-1
SEPHS1	208941_s_at	0,310866147	-0,432966068	10	13400086	13430286	-1
FAM63A	221856_s_at	0,029935133	0,513074384	1	149234173	149245897	-1
JAK1	201648_at	0,707885792	0,281119447	1	65071494	65204775	-1
PCGF1	210022_at	0,325506856	0,099425575	2	74585678	74588329	-1
COX8C	NA	NA	NA	14	92883290	92884453	1
PDIK1L	NA	NA	NA	1	26310913	26324628	1
PTBP1	211270_x_at	0,161063882	-0,270142447	19	748411	763327	1
OBFC2A	219334_s_at	0,502680788	0,067146703	2	192251503	192259906	1
LIN54	NA	NA	NA	4	84065151	84151006	-1
ZNF134	206182_at	0,967830415	0,023994048	19	62817642	62825448	1
SLC9A11	NA	NA	NA	1	171736234	171838803	-1

OR8K5	NA	NA	NA	11	55683446	55684369	-1
OR5J2	NA	NA	NA	11	55700670	55701608	1
TMEM57	218562_s_at	0,827478241	-0,046389989	1	25630006	25698516	1
EMILIN3	NA	NA	NA	20	39422020	39428912	-1
LOC129293	NA	NA	NA	2	84902305	84961763	-1
C21orf56	NA	NA	NA	21	46405498	46428729	-1
MLL4	203419_at	0,53886305	-0,118253201	19	40900761	40921619	1
ZP1	NA	NA	NA	11	60391591	60399740	1
TRMT5	221952_x_at	0,000448252	-0,742448381	14	60507912	60517535	-1
OR5P3	NA	NA	NA	11	7803160	7804095	-1
PML	211012_s_at	0,065170657	0,307033842	15	72074067	72127213	1
ZSCAN22	NA	NA	NA	19	63530197	63545510	1
C14orf4	NA	NA	NA	14	76560639	76564787	-1
TEX12	221438_s_at	0,48460573	-0,083152051	11	111543305	111548489	1
LRRC16A	219573_at	0,933648368	-0,064013818	6	25387627	25728737	1
KRTAP19-2	NA	NA	NA	21	30781380	30781538	-1
OR11H1	NA	NA	NA	22	14828824	14829804	-1
PROK2	NA	NA	NA	3	71903497	71916902	-1
OFCC1	NA	NA	NA	6	10004930	10168908	-1
TEX2	218099_at	0,018338129	0,810591752	17	59578527	59694385	-1
HIST1H2BI	NA	NA	NA	6	26381183	26381619	1
TMEM38A	NA	NA	NA	19	16632938	16660830	1
HPRT1	202854_at	0,713759707	0,162001127	X	133421923	133462362	1
KIAA0802	213358_at	0,321478168	0,827408531	18	8707369	8822074	1
NRBP1	217765_at	0,314905202	0,219786634	2	27504977	27518630	1
PABPC5	NA	NA	NA	X	90576253	90580239	1
SCOC	NA	NA	NA	4	141397890	141523154	1
NPC2	200701_at	0,044159957	1,346271905	14	74016396	74029837	-1
ISCA2	NA	NA	NA	14	74030221	74031923	1
PACRGL	NA	NA	NA	4	20311387	20339072	1
ODF2	210415_s_at	0,020523265	-0,495728389	9	130259108	130296936	1
UBASH3A	220418_at	0,908654789	-0,018327369	21	42697088	42740843	1
GPR110	220907_at	0,336058508	0,185280683	6	47075772	47118041	-1

TCHH	213780_at	0,521781506	0,256033646	1	150345417	150353180	-1
HCP5	NA	NA	NA	6	31538938	31541461	1
BAT2	212081_x_at	0,274813056	-0,23748929	6	31696429	31713533	1
RNF19A	220483_s_at	0,129135647	0,678909504	8	101338464	101391503	-1
RAP2B	213923_at	0,340670681	0,336443133	3	154362719	154368955	1
OR4A47	NA	NA	NA	11	48466921	48467850	1
C16orf57	218060_s_at	0,761577308	0,101317798	16	56592806	56613023	1
CCDC136	NA	NA	NA	7	128219335	128249419	1
HIST1H3G	NA	NA	NA	6	26379125	26379591	-1
RPN1	201011_at	0,028575217	0,931650814	3	129821503	129852409	-1
EEA1	213705_at	0,298558441	-0,337101233	12	91690416	91847238	-1
DENR	221509_at	0,094418506	-0,642151126	12	121803324	121821906	1
KCTD9	218823_s_at	0,232794926	-0,822863334	8	25341280	25371837	-1
GABRG1	NA	NA	NA	4	45732543	45820839	-1
GAS1	204457_s_at	0,067983653	0,441819008	9	88749098	88751924	-1
EVI1	221884_at	0,176817975	0,229625961	3	170283981	170346761	-1
C17orf57	NA	NA	NA	17	42756346	42873677	1
OVCH2	NA	NA	NA	11	7669020	7684517	-1
CERKL	NA	NA	NA	2	182109650	182229996	-1
CDKN1B	209112_at	0,004338206	2,483186317	12	12761576	12766570	1
HESX1	211267_at	0,77228987	0,040916646	3	57207265	57209320	-1
SLC36A1	213119_at	0,583185472	-0,070213501	5	150807356	150852133	1
IRF5	205469_s_at	0,054315054	0,763961896	7	128368008	128377325	1
HOXD12	221411_at	0,119009576	0,236643333	2	176672776	176673734	1
ENSA	202596_at	0,058742262	0,642623598	1	148861223	148868722	-1
IL21	221271_at	0,145694058	0,188309855	4	123739272	123761662	-1
TSPAN17	NA	NA	NA	5	176006994	176018665	1
COL11A1	204320_at	0,134935545	0,190253988	1	103114611	103346640	-1
STK32A	NA	NA	NA	5	146594862	146708586	1
C14orf37	NA	NA	NA	14	57540561	57688600	-1
ANKRD20A1	NA	NA	NA	9	67516581	67559660	1
NOTCH2	210756_s_at	0,020360823	1,189175235	1	120255699	120413799	-1
BBS1	218471_s_at	0,03718017	0,403148496	11	66034695	66057660	1

AFAP1	203563_at	0,631304427	-0,042087664	4	7811340	7992553	-1
TSPAN7	202242_at	0,511060274	0,203404939	X	38305683	38433116	1
HSPA1A	200799_at	0,098351185	2,602613308	6	31891316	31893698	1
THAP7	218492_s_at	0,207163486	0,265064036	22	19684061	19686404	-1
FOXO3	204131_s_at	0,000250478	1,278061937	6	108988762	109112664	1
ACTR8	218658_s_at	0,857752187	-0,056548533	3	53876195	53891227	-1
HAUS2	220071_x_at	0,19301887	-0,286145832	15	40628345	40647334	1
MARCKS	201668_x_at	0,407655406	0,343005117	6	114285220	114291345	1
NFYB	218127_at	0,737735397	0,138287136	12	103034988	103056170	-1
ASB9	205673_s_at	0,292019078	0,132720394	X	15172030	15203654	-1
LNP1	NA	NA	NA	3	101602727	101657860	1
TNFSF13	NA	NA	NA	17	7402340	7405642	1
OR52A5	NA	NA	NA	11	5109498	5110448	-1
ZNF512B	55872_at	0,007096482	1,103194826	20	62058499	62071662	-1
GEMIN8	219252_s_at	0,37890119	0,106978131	X	13934766	13957956	-1
NDUFS2	201966_at	0,080488327	0,626041569	1	159435729	159450809	1
ARHGAP27	NA	NA	NA	17	40827058	40858780	-1
OR7G3	NA	NA	NA	19	9097688	9098626	-1
HNRNPAB	201277_s_at	0,848576402	-0,062784659	5	177564114	177570790	1
PRC1	218009_s_at	0,027470492	-0,562856736	15	89310272	89338808	-1
AGR2	209173_at	0,695951048	0,049399817	7	16797960	16811133	-1
IQGAP2	203474_at	0,235443517	1,21784069	5	75734905	76039713	1
H2AFB2	214412_at	0,266344975	0,196464707	X	154263630	154263977	1
LBX2	210023_s_at	0,138154202	-0,290388174	2	74578152	74583951	-1
TLX2	211049_at	0,23169718	0,253525067	2	74595119	74597398	1
FST	207345_at	0,441390524	0,098407849	5	52812352	52817680	1
KRTAP11-1	NA	NA	NA	21	31174834	31175745	-1
DGCR14	216285_at	0,308542297	0,148034261	22	17497792	17512190	-1
STUB1	217934_x_at	0,917000862	-0,021630033	16	670116	672769	1
PRUNE	209599_s_at	0,424313751	0,426174482	1	149247597	149274813	1
ARD1A	203025_at	0,132192041	0,365452983	X	152848571	152853662	-1
PURA	204021_s_at	0,172492165	0,496959273	5	139473892	139476505	1
PAX3	207679_at	0,312449573	0,149576437	2	222772851	222871944	-1

CCAR1	NA	NA	NA	10	70150977	70221315	1
ZNF322B	NA	NA	NA	9	98999358	99001731	-1
ACADSB	205355_at	0,862764687	0,02139338	10	124758419	124807796	1
KIF9	NA	NA	NA	3	47244891	47299044	-1
KLHL18	212882_at	0,367350628	-0,290692857	3	47299444	47363310	1
TBX18	NA	NA	NA	6	85500876	85530618	-1
BAT2D1	214055_x_at	0,42974201	-0,496638862	1	169721290	169829273	1
KIAA1310	220950_s_at	0,833444807	0,037389328	2	96622638	96667810	-1
NT5M	219708_at	0,778679665	-0,088753872	17	17147405	17191702	1
COMMD4	206441_s_at	0,287412672	0,337302456	15	73415427	73419667	1
ATP5I	209492_x_at	0,926951849	-0,046760355	4	656225	658122	-1
ARL8A	NA	NA	NA	1	200368600	200380489	-1
IKZF5	220086_at	0,992003165	0,006023344	10	124743187	124758301	-1
CLYBL	NA	NA	NA	13	99056937	99342825	1
GMPPA	218070_s_at	0,354497906	0,373756642	2	220071857	220079955	1
BAZ2A	201355_s_at	0,237643067	0,159163941	12	55275647	55316430	-1
EIF2B2	202461_at	0,819899877	-0,121492618	14	74539365	74546045	1
DAPK3	203891_s_at	0,467680603	0,192510223	19	3909452	3920826	-1
MGC29506	221286_s_at	0,005405666	1,620488031	5	138751156	138753504	-1
UBB	200633_at	0,00506351	0,605070278	17	16225092	16226779	1
RABL4	205037_at	0,15406795	0,302946107	22	35484201	35502060	-1
SMN2	203852_s_at	0,838742333	0,148456811	5	69381106	69409175	1
NFKB2	207535_s_at	0,110354554	0,878011861	10	104144219	104152271	1
SCYL1	NA	NA	NA	11	65049124	65062758	1
CEBPB	212501_at	0,779359523	0,188604975	20	48240783	48242619	1
STOML1	204701_s_at	0,016756063	0,36472133	15	72062613	72071688	-1
MAN2A1	205105_at	0,001685711	2,115847459	5	109053055	109231328	1
ARHGAP4	204425_at	0,050824472	0,946142611	X	152826025	152844892	-1
OR10A6	NA	NA	NA	11	7905841	7906785	-1
TOMM70A	201519_at	0,201241975	0,415640947	3	101564997	101602915	-1
CLPTM1L	NA	NA	NA	5	1370999	1398002	-1
CLCN7	221961_at	0,085028603	0,370220469	16	1435345	1465013	-1
SLC27A6	219932_at	0,240549231	0,138615262	5	128329109	128397234	1

MRPL33	203781_at	0,783109229	0,068500037	2	27848088	27856112	1
TRAM1	201398_s_at	0,030769743	1,063043218	8	71648227	71683158	-1
CRIM1	202551_s_at	0,07993162	0,412731362	2	36436901	36631782	1
ENTPD7	220153_at	0,835071917	0,030771396	10	101409253	101455454	1
AKR1C2	217626_at	0,158054042	0,33669205	10	5021965	5050207	-1
MYL5	205145_s_at	0,862367006	0,096685124	4	661711	665817	1
PURB	NA	NA	NA	7	44882417	44891485	-1
C15orf33	NA	NA	NA	15	47407882	47700410	-1
UBL7	NA	NA	NA	15	72525371	72540563	-1
ZNF224	220019_s_at	0,380014315	0,107001189	19	49290337	49304317	1
SLC10A3	204928_s_at	0,021993534	0,667956349	X	153368842	153372189	-1
RASSF1	205714_s_at	0,541888232	0,120656115	3	50342221	50353371	-1
UBAP1	46270_at	0,06560723	-0,404710892	9	34169011	34242521	1
RNASEN	218269_at	0,058124017	-0,665446946	5	31436358	31568039	-1
POP4	202868_s_at	0,986909332	0,003688472	19	34789041	34798547	1
C19orf53	217926_at	0,939596267	0,035661965	19	13746257	13750587	1
FBXO7	201178_at	0,915958345	0,024396459	22	31201224	31224818	1
RCC2	NA	NA	NA	1	17605866	17638807	-1
ITGAV	202351_at	0,553559482	0,388618965	2	187163045	187253873	1
ZNF75A	NA	NA	NA	16	3295485	3308575	1
TIGD7	NA	NA	NA	16	3288833	3291401	-1
ABCC6	214033_at	0,083267038	0,275633134	16	16150923	16224815	-1
PCDH12	219656_at	0,168275166	0,1342942	5	141304714	141318811	-1
RPS21	200834_s_at	0,250130433	-0,183581377	20	60395516	60396971	1
PUS1	218670_at	0,315400584	-0,302322953	12	130979742	130994357	1
HEY1	218839_at	0,419975873	0,372714312	8	80838800	80842653	-1
HIST1H4D	NA	NA	NA	6	26296917	26297283	-1
KLF6	208961_s_at	0,003708556	1,401021796	10	3811234	3817455	-1
ARL4A	205020_s_at	0,786620222	0,191716226	7	12693486	12697084	1
SMN1	NA	NA	NA	5	70256524	70284593	1
USP22	220862_s_at	0,237215572	0,249341908	17	20843498	20886944	-1
ZFP64	218968_s_at	0,015957621	0,643245105	20	50133957	50241931	-1
PPM1B	213225_at	0,286577921	-0,61312827	2	44249504	44315246	1

CBY1	203450_at	0,040902513	0,324685623	22	37382604	37399801	1
UBL4A	221746_at	0,223828657	0,441182808	X	153365250	153368126	-1
PBX1	205253_at	0,144740395	0,39216828	1	162795561	163082934	1
ORAI1	NA	NA	NA	12	120548858	120564322	1
DTWD1	219291_at	0,625026973	-0,117256338	15	47700575	47723154	1
S1PR3	NA	NA	NA	9	90796182	90809745	1
DPM2	209391_at	0,005249147	0,516209948	9	129737203	129739956	-1
H3F3A	209069_s_at	0,735593213	-0,153419332	1	224317044	224326326	1
HIST1H1E	208553_at	0,620755638	-0,074538125	6	26264538	26265322	1
WDR1	210935_s_at	0,388252412	0,565530558	4	9685061	9727671	-1
GFPT1	202721_s_at	0,04235452	0,739064178	2	69405911	69467829	-1
ZBTB10	219312_s_at	0,6897225	-0,207375021	8	81561003	81597165	1
ZBTB7B	205853_at	0,15712135	0,222494232	1	153241736	153257623	1
CAMKK2	213812_s_at	0,146698344	0,512431798	12	120159878	120218888	-1
CDK9	203198_at	0,666118937	-0,140553663	9	129588152	129592184	1
CCDC111	NA	NA	NA	4	185807896	185853106	1
LYPLA2	202292_x_at	0,195232794	0,234320407	1	23990233	23994616	1
KRT33B	207787_at	0,339990961	0,221102098	17	36773272	36779573	-1
BRF2	218955_at	0,636617716	0,111202118	8	37820558	37826569	-1
SYCP2	206546_at	0,611903281	0,050539448	20	57872013	57940604	-1
UPF3B	218757_s_at	0,634805098	-0,264235439	X	118852017	118870996	-1
C9orf66	NA	NA	NA	9	203462	205741	-1
UBQLN4	NA	NA	NA	1	154271716	154290140	-1
SFRS5	212266_s_at	0,854726151	0,079731336	14	69303587	69308475	1
MIA	206560_s_at	0,181865013	0,193127042	19	45973140	45975235	1
GLRX3	209080_x_at	0,204855786	-0,384107602	10	131824653	131867860	1
PIP5K1B	205632_s_at	0,563954805	0,42577883	9	70510436	70813911	1
PTMA	211921_x_at	0,119039271	-0,371855215	2	232281479	232286495	1
STAU2	204226_at	0,342301894	-0,479917465	8	74624394	74821611	-1
F8A2	203274_at	0,100211933	1,109259984	X	154264958	154266073	1
RCSD1	NA	NA	NA	1	165865954	165942110	1
SPEN	201997_s_at	0,026658322	-0,770128787	1	16046946	16139537	1
CCT8L2	220508_at	0,233391707	0,140341079	22	15451648	15453700	-1

TNRC18	214964_at	0,312449573	0,29956432	7	5314263	5418305	-1
CUL4B	202214_s_at	0,846609307	0,054121304	X	119542472	119578845	-1
ZKSCAN1	214900_at	0,241818	0,188287581	7	99451155	99473339	1
PPP1R2	202166_s_at	0,107555308	0,79545831	3	196722513	196751362	-1
SNX27	221498_at	0,445812319	0,150645138	1	149851286	149938183	1
COPG	217749_at	0,257015865	0,32740452	3	130451143	130479306	1
MARCH6	201736_s_at	0,143453458	0,504280224	5	10406828	10488491	1
HIST1H2BO	214540_at	0,912326874	0,016376933	6	27969182	27969648	1
XRCC5	208643_s_at	0,279294989	0,408301923	2	216682378	216779248	1
ATAD3A	219068_x_at	0,395464228	-0,212574449	1	1437418	1459927	1
BMP2K	59644_at	0,680376369	-0,302984569	4	79916556	80052365	1
NDUFAF3	209177_at	0,256463848	0,407262015	3	49032912	49035932	1
APP	211277_x_at	0,117687791	0,381392514	21	26174732	26465003	-1
MAP2K6	205698_s_at	0,512593515	0,154039702	17	64922433	65050065	1
GALNT7	218313_s_at	0,49961823	-0,651499732	4	174326479	174481693	1
AFF2	206105_at	0,150955488	-0,389604392	X	147389831	147889899	1
RAB25	218186_at	0,487867558	0,102835369	1	154297590	154306919	1
SLC35E1	79005_at	0,621525246	0,110774386	19	16523564	16544193	-1
HIST1H4K	NA	NA	NA	6	27906931	27907284	-1
MIS12	221559_s_at	0,3210101	-0,538107618	17	5330971	5334855	1
IRF2	203275_at	0,342011908	1,011163934	4	185545870	185632720	-1
SESN3	NA	NA	NA	11	94545781	94603894	-1
TGFBR2	208944_at	0,575157836	-0,494386064	3	30622998	30710638	1
C6orf48	220755_s_at	0,107791377	-0,965068862	6	31910672	31915520	1
QSK	204156_at	0,655218805	-0,164502524	11	116219328	116474203	-1
RNF40	206845_s_at	0,936971468	0,015219984	16	30681131	30694040	1
RBBP6	212781_at	0,021513203	-0,750088013	16	24458409	24491685	1
TIMM8A	205217_at	0,382733631	0,246439134	X	100487306	100490343	-1
DEDD	211255_x_at	0,407378323	0,425897337	1	159357391	159369102	-1
HIST1H2AM	NA	NA	NA	6	27968456	27968942	-1
TMX4	201580_s_at	0,391062797	0,536945618	20	7909713	7948393	-1
C4orf42	NA	NA	NA	4	1234177	1236616	1
IVNS1ABP	206245_s_at	0,753327164	0,255807261	1	183532143	183553084	-1

RNF44	203286_at	0,737637062	-0,195535744	5	175886306	175897027	-1
BMS1	203082_at	0,829043912	0,071043861	10	42598265	42646856	1
CRLS1	NA	NA	NA	20	5934879	5966039	1
JUN	201464_x_at	0,095386232	1,648039884	1	59019051	59022373	-1
GPAM	NA	NA	NA	10	113899612	113933508	-1
RAP2A	214487_s_at	0,409627769	-0,447825323	13	96884475	96918245	1
EHBP1L1	91703_at	0,133440365	0,939204139	11	65100085	65116692	1
C5orf22	203738_at	0,818642956	-0,104169983	5	31568158	31590043	1
SBNO2	204166_at	0,218392761	0,157107117	19	1058633	1125282	-1
HLA-B	208729_x_at	0,314045485	1,276768096	6	31429628	31432914	-1
UCK2	209825_s_at	0,333044895	0,403439038	1	164063514	164143967	1
ETV3	214480_at	0,136250958	0,177228868	1	155369600	155374801	-1
ATP6V0A2	205704_s_at	0,061950093	-0,713692699	12	122762818	122810394	1
TP53INP1	NA	NA	NA	8	96007377	96030767	-1
NOMO3	217225_x_at	0,000107524	1,168456029	16	16233890	16296168	1
RHOF	219045_at	0,002502507	-1,250881673	12	120700043	120715977	-1
C16orf48	NA	NA	NA	16	66254351	66258129	-1
TRIM25	206911_at	0,130857597	0,417716414	17	52320269	52346408	-1
QRICH1	209174_s_at	0,374577991	-0,226579746	3	49042146	49106508	-1
PPOX	204788_s_at	0,17932218	0,629099556	1	159402818	159407634	1
SIDT2	218765_at	0,462452817	-0,096751421	11	116555149	116573371	1
KLHL3	221221_s_at	0,062016355	0,477656759	5	136981088	137099362	-1
PABPC4	201064_s_at	0,137923469	0,557696556	1	39799075	39815003	-1
SELK	NA	NA	NA	3	53894266	53901029	-1
HIST1H3J	NA	NA	NA	6	27966072	27966549	-1
EXO1	204603_at	0,547158516	-0,281855606	1	240078158	240119671	1
INTS6	218819_at	0,074229872	-0,891312978	13	50833702	50925276	-1
TGIF1	203313_s_at	0,587295346	0,471290232	18	3440172	3448409	1
C16orf93	NA	NA	NA	16	30676253	30681043	-1
CHEK1	205393_s_at	0,468993015	-0,36140252	11	125001547	125030847	1
HPS1	210112_at	0,388096653	-0,325112345	10	100165946	100196694	-1
RPL39	208695_s_at	0,275293057	0,142058087	X	118804497	118809634	-1
HBXIP	202299_s_at	0,086190421	-0,889760192	1	110745398	110752069	-1

CCL3	205114_s_at	0,83838339	-0,441179846	17	31439715	31441619	-1
HIST2H2AC	NA	NA	NA	1	148125149	148125585	1
ACY3	NA	NA	NA	11	67166602	67174706	-1
HIST2H2BE	202708_s_at	0,233130818	0,706389238	1	148122634	148124856	-1
WDR81	NA	NA	NA	17	1566580	1588629	1
TBC1D1	212350_at	0,014451733	-1,821320772	4	37569115	37817189	1
ARHGEF9	203263_s_at	0,740941979	0,095086276	X	62771573	62891718	-1
ZNF304	207753_at	0,217050165	0,373334996	19	62554487	62563078	1
HEXB	201944_at	0,006801531	2,178540718	5	74016767	74052869	1
CPEB2	NA	NA	NA	4	14614620	14680872	1
RPRD2	212553_at	0,755600502	-0,084201034	1	148603211	148712674	1
IFRD2	209100_at	0,124779041	0,727156084	3	50300124	50304923	-1
C1orf9	203429_s_at	0,840674197	-0,100007572	1	170768112	170847594	1
VRK3	218022_at	0,37031458	0,217716714	19	55171536	55220617	-1
Sep 06	212413_at	0,385418452	0,595110375	X	118633715	118711361	-1
PLCB3	213384_x_at	0,418241159	0,216581413	11	63775698	63791604	1
HIST2H2AB	NA	NA	NA	1	148125643	148126090	-1
ARID3B	218964_at	0,000212182	1,071867857	15	72620601	72677525	1
HIST1H2BN	207226_at	0,242454891	0,175447894	6	27914419	27914867	1
TEX264	218548_x_at	0,324721046	0,470996902	3	51680330	51713377	1
VEGFA	211527_x_at	0,026604002	0,353900811	6	43845931	43862202	1
UTP15	NA	NA	NA	5	72897354	72913550	1
PSKH1	213141_at	0,080971146	0,246440306	16	66484716	66521082	1
CCDC72	221791_s_at	0,466337019	-0,222864429	3	48456690	48460541	1
HIST1H2AB	NA	NA	NA	6	26141299	26141775	-1
CCNG1	208796_s_at	0,173244578	0,67153157	5	162797155	162804600	1
SIRT6	219613_s_at	0,318425395	0,15277884	19	4125106	4133596	-1
CC2D1B	NA	NA	NA	1	52588855	52604452	-1
CCNE1	213523_at	0,81873129	0,054156706	19	34995401	35007059	1
ABHD14A	210006_at	0,008226896	1,306773435	3	51984124	51990252	1
CLIC4	201560_at	0,020901272	-0,931866619	1	24944435	25043346	1
MIB1	NA	NA	NA	18	17575543	17704912	1
CDK6	207143_at	0,264449263	0,563850454	7	92072171	92301148	-1

SRD5A3	218800_at	0,025611067	0,366918378	4	55907166	55932235	1
ANKRA2	218769_s_at	0,415015611	0,250972142	5	72883919	72897254	-1
SLC25A46	212833_at	0,975701517	0,020973888	5	110102653	110126383	1
VPS13A	214785_at	0,074802908	-1,021286242	9	78982181	79222219	1
ARHGEF2	207629_s_at	0,22423424	0,53659692	1	154183269	154214575	-1
LITAF	200704_at	0,244854651	1,491628296	16	11549357	11587730	-1
ERCC1	203720_s_at	0,324442782	-0,377502979	19	50608532	50618642	-1
STXBP3	203310_at	0,168287796	-0,523308904	1	109090808	109153671	1
WDR90	NA	NA	NA	16	639364	657830	1
CTBP1	213980_s_at	0,530227083	-0,221994966	4	1195228	1232908	-1
HIST2H4B	NA	NA	NA	1	148098954	148099349	-1
BTN2A3	NA	NA	NA	6	26530326	26539822	1
CXorf40A	NA	NA	NA X		148430463	148436760	1
SMARCA5	202303_x_at	0,30274716	-0,598014131	4	144654066	144694017	1
PRKD3	211084_x_at	0,19629168	0,818707686	2	37331149	37397726	-1
NARG1	219158_s_at	0,357433071	-0,982488867	4	140442126	140531385	1
MPZL1	210594_x_at	0,328788127	0,718574953	1	165957832	166026684	1
BRI3	NA	NA	NA	7	97748923	97758775	1
EID1	NA	NA	NA	15	46957582	46959672	1
C1orf26	NA	NA	NA	1	183392815	183527536	1
GPN2	218799_at	0,226841483	-0,371965097	1	27078460	27089456	-1
CD40	205153_s_at	0,019171161	-1,551851949	20	44180313	44191791	1
DUS2L	47105_at	0,506453751	-0,085939642	16	66614705	66670685	1
TMEM117	NA	NA	NA	12	42516229	43069808	1
C7orf28A	NA	NA	NA	7	5904867	5932131	1
DOK1	211121_s_at	0,34618714	0,121431946	2	74635368	74638171	1
UBE3C	201817_at	0,92373519	0,045110026	7	156624425	156754823	1
C6orf165	NA	NA	NA	6	88174440	88230901	1
PLA2G6	204691_x_at	0,413843797	0,115756553	22	36837448	36907707	-1
PRRT2	NA	NA	NA	16	29730910	29734703	1
AHCYL1	200848_at	0,692076603	-0,275473264	1	110328831	110367887	1
C1orf25	220992_s_at	0,972842718	0,026390322	1	183353856	183392706	-1
BTN2A2	205298_s_at	0,009113951	1,496272741	6	26491333	26503081	1

FAM89B	32209_at	0,036929682	0,869812187	11	65096396	65098245	1
TRIB3	218145_at	0,315415297	0,402850559	20	309308	326203	1
ERLIN2	221542_s_at	0,168232234	0,62147009	8	37713357	37723229	1
SYNE2	202761_s_at	0,01142179	-2,798904931	14	63389436	63762920	1
DALRD3	221934_s_at	0,019732107	0,683071501	3	49027439	49031021	-1
TSHZ1	NA	NA	NA	18	71051719	71130889	1
CBWD6	NA	NA	NA	9	68494358	68552413	-1
HIST1H2AG	NA	NA	NA	6	27208800	27211050	1
FEM1B	212374_at	0,327628522	0,228519675	15	66357195	66370694	1
LTB4R2	NA	NA	NA	14	23848001	23850798	1
HIST1H2BF	NA	NA	NA	6	26307766	26308195	1
RBM42	205740_s_at	0,681742364	-0,075886214	19	40811820	40820427	1
E2F2	207042_at	0,965899679	-0,03393507	1	23705509	23730300	-1
PRL	205445_at	0,94528831	0,013536367	6	22395459	22405709	-1
FAM62B	NA	NA	NA	7	158216450	158315080	-1
SAP30	204899_s_at	0,322831506	0,230379889	4	174528668	174535258	1
DHRS1	213279_at	0,898159479	0,061231606	14	23829646	23838506	-1
FABP4	203980_at	0,745863726	0,04134625	8	82553481	82558004	-1
PLA2G15	204458_at	0,254001081	-0,303439488	16	66836748	66852462	1
CNNM3	220739_s_at	0,206557876	-0,229344404	2	96845718	96864848	1
INTS3	202809_s_at	0,819964898	-0,08128864	1	151967191	152013179	1
H2AFZ	213911_s_at	0,560116916	-0,156746923	4	101088267	101090535	-1
PRR12	NA	NA	NA	19	54786724	54821508	1
C8orf33	218187_s_at	0,375795111	0,350659989	8	146248630	146252220	1
RPL10	200725_x_at	0,025713151	0,328041166	X	153279912	153283874	1
HIST1H2BD	209911_x_at	0,323944082	0,788026039	6	26266328	26279556	1
MLLT6	NA	NA	NA	17	34115399	34139582	1
GOLGB1	201057_s_at	0,035018731	0,60587574	3	122864738	122951292	-1
IER2	202081_at	0,528726171	-0,247168658	19	13122282	13126722	1
CSPP1	221925_s_at	0,592334236	0,119637829	8	68139157	68271052	1
NECAB3	210720_s_at	0,768253015	-0,153723829	20	31708554	31725925	-1
TECPR1	NA	NA	NA	7	97683972	97719404	-1
ZBTB41	NA	NA	NA	1	195389437	195436295	-1

TTC21B	NA	NA	NA	2	166438699	166518594	-1
C9orf86	NA	NA	NA	9	138822195	138855460	1
USP21	218367_x_at	0,666118937	0,195649901	1	159395878	159402140	1
ZC3HAV1	213051_at	0,079958158	-0,397242684	7	138378806	138445005	-1
LASS2	222212_s_at	0,026735704	0,956990081	1	149204273	149214064	-1
ANXA9	211712_s_at	0,207032835	0,140329128	1	149221123	149234738	1
TAOK2	204986_s_at	0,20425715	0,162724578	16	29892723	29911082	1
NDUFC1	203478_at	0,895003	-0,062873672	4	140430541	140436407	-1
HDGF	216484_x_at	0,45592171	0,151480572	1	154978526	154988160	-1
ORAI3	221864_at	0,928193799	-0,045732868	16	30867916	30873760	1
SLC37A4	217289_s_at	0,007654231	0,655682123	11	118400274	118406800	-1
FAHD2A	218504_at	0,797728493	-0,073707519	2	95432175	95442606	1
NUDT4	212182_at	0,598909583	-0,320277742	12	92295832	92321155	1
MYO5A	204527_at	0,458031323	0,487945481	15	50386770	50608539	-1
SMARCD1	NA	NA	NA	4	95348217	95431466	1
HIST1H2BJ	NA	NA	NA	6	27208074	27208554	-1
UBQLN1	NA	NA	NA	9	85464699	85512773	-1
PTBP2	218683_at	0,006584456	-1,290954698	1	96959966	97052937	1
SLC38A2	218041_x_at	0,638341246	0,365158421	12	45038238	45052814	-1
CATSPER2	NA	NA	NA	15	41710064	41728331	-1
C14orf21	220130_x_at	0,126122118	0,36184327	14	23838938	23844214	1
GPR179	NA	NA	NA	17	33735019	33753219	-1
RASAL3	NA	NA	NA	19	15423438	15436382	-1
FAM100B	NA	NA	NA	17	71773043	71778970	1
SLC33A1	203164_at	0,061296284	0,734526294	3	157028065	157054861	-1
C11orf61	221208_s_at	0,181865013	-0,385534328	11	124141604	124175509	-1
MYL6B	204173_at	0,362498912	-0,325983827	12	54832602	54838038	1
CSE1L	210766_s_at	0,132068161	-0,421211538	20	47096245	47146893	1
C9orf96	NA	NA	NA	9	135233105	135261041	1
CASP3	202763_at	0,050545706	0,912981538	4	185785844	185807623	-1
EIF1B	201738_at	0,099525813	-0,599176433	3	40326177	40328919	1
PCBP4	209361_s_at	0,001628759	0,983287871	3	51966514	51976509	-1
SURF4	NA	NA	NA	9	135218161	135232791	-1

LYSMD3	NA	NA	NA	5	89847200	89861157	-1
ZNF131	214741_at	0,011459725	-1,081395818	5	43157399	43211593	1
RB1CC1	202033_s_at	0,625026973	0,211498228	8	53697571	53789579	-1
PCM1	209996_x_at	0,220932264	0,402653278	8	17824646	17931737	1
LEMD3	218604_at	0,160853367	-0,408366298	12	63849638	63928374	1
NDUFV2	202941_at	0,282759273	0,732803125	18	9092725	9124336	1
CTDSP2	203445_s_at	0,060699466	0,978025113	12	56499977	56527014	-1
YIPF4	209551_at	0,619396952	-0,088551793	2	32356535	32385145	1
POLR1D	218258_at	0,449622878	-0,428227093	13	27094029	27095586	1
EXOC2	219349_s_at	0,976045596	-0,024385332	6	430138	638109	-1
SGMS1	220691_at	0,245168482	0,227099534	10	51735351	52053743	-1
HIST1H3E	NA	NA	NA	6	26333362	26333823	1
CASK	200639_s_at	0,571135707	-0,132347151	X	41264287	41667212	-1
ATG4A	213115_at	0,005412359	0,665344168	X	107221590	107284552	1
ARL4D	203586_s_at	0,232464121	0,23546285	17	38831879	38834030	1
MIF	217871_s_at	0,534921607	0,174058634	22	22566565	22567409	1
ZNF219	219314_s_at	0,135116038	0,39094615	14	20628045	20637013	-1
CRADD	209833_at	0,285701756	0,32153545	12	92595282	92768663	1
ID2	201565_s_at	0,017044498	2,232554848	2	8739564	8742034	1
C20orf111	209020_at	0,596045198	-0,162744361	20	42258550	42272845	-1
ILVBL	202993_at	0,275527183	0,407270164	19	15086785	15097577	-1
ZMYND10	203246_s_at	0,393402614	0,48518527	3	50353541	50358160	-1
CNN2	201605_x_at	0,250725495	-0,607703082	19	977298	990064	1
MAZ	212064_x_at	0,59423402	-0,111096452	16	29725356	29730005	1
HIST1H2AH	NA	NA	NA	6	27222887	27223325	1
DOLPP1	221817_at	0,160342882	0,236973461	9	130883227	130892538	1
PHF12	NA	NA	NA	17	24256397	24302634	-1
ANKRD24	NA	NA	NA	19	4134351	4175811	1
LSM2	209449_at	0,418294195	-0,460747307	6	31873152	31882722	-1
BSG	208677_s_at	0,828028857	0,169263441	19	522325	534493	1
TMEM175	NA	NA	NA	4	916262	942444	1
FANCD2	NA	NA	NA	3	10043113	10118614	1
C19orf6	212575_at	0,311745767	0,815663592	19	960650	972141	-1

HIST1H2BG	214455_at	0,259160361	0,395778407	6	26324407	26324851	-1
NDUFB8	201227_s_at	0,254125823	-0,232959173	10	102273487	102279626	-1
APH1A	218389_s_at	0,101478014	0,568177611	1	148504423	148508156	-1
ZNF775	NA	NA	NA	7	149707339	149726652	1
HIST1H2BK	209806_at	0,134935545	1,299361474	6	27214052	27222598	-1
C17orf91	NA	NA	NA	17	1561553	1566255	-1
HIST1H3B	NA	NA	NA	6	26139796	26140267	-1
RBAK	NA	NA	NA	7	5052079	5075645	1
MAPKAPK5	212871_at	0,858983715	-0,03792364	12	110764662	110815611	1
FAM63B	214691_x_at	0,164612807	0,455035137	15	56850685	56937046	1
TTC32	NA	NA	NA	2	19959995	19965228	-1
ACTR1B	202135_s_at	0,421794484	-0,227984986	2	97638863	97646816	-1
LOXL3	NA	NA	NA	2	74613454	74634570	-1
NRAS	202647_s_at	0,221399329	0,687097042	1	115051108	115061038	-1
C16orf72	NA	NA	NA	16	9093038	9121056	1
MAT2B	217993_s_at	0,524848222	-0,136314339	5	162865163	162878906	1
HIST1H2AI	NA	NA	NA	6	27883956	27884424	1
C14orf101	219757_s_at	0,66566098	-0,203106184	14	56116264	56185986	1
NLGN2	NA	NA	NA	17	7252226	7263903	1
DERL2	218333_at	0,423522184	0,259157535	17	5318337	5330221	-1
CPEB3	205773_at	0,008341798	0,725904226	10	93798379	94040824	-1
PBX3	204082_at	0,094654809	-0,851796706	9	127549487	127769477	1
NEDD1	NA	NA	NA	12	95825375	95870172	1
TRAK2	202125_s_at	0,161272704	0,461222753	2	201950175	202024499	-1
FXYD5	218084_x_at	0,928832182	0,137019474	19	40337467	40352625	1
IPO9	217885_at	0,292146316	-0,330642848	1	200064911	200120045	1
CYTIP	209606_at	0,33831404	0,48435644	2	157979377	158008850	-1
UBN1	209088_s_at	0,762161028	-0,173176614	16	4837913	4872364	1
RBMX	213762_x_at	0,169341365	-0,343783837	X	135783285	135790605	-1
SNRPE	203316_s_at	0,37031458	0,143447498	1	202097363	202106903	1
TMUB1	NA	NA	NA	7	150409105	150411021	-1
COPS8	202141_s_at	0,461160334	-0,229422297	2	237658823	237672228	1
ADIPOR1	217748_at	0,036338496	0,621153002	1	201176576	201194034	-1

TUBD1	210389_x_at	0,276540082	-0,200621711	17	55291633	55325078	-1
POLDIP3	212100_s_at	0,15674496	-0,364767753	22	41309671	41340906	-1
NKAPL	NA	NA	NA	6	28335077	28336715	1
AKAP10	213396_s_at	0,288049491	0,118858398	17	19749341	19821721	-1
SH3BGRL3	221269_s_at	0,205097485	-0,402680739	1	26478800	26480600	1
STAG3L3	NA	NA	NA	7	72106949	72114391	-1
CENPN	222118_at	0,1539393	-0,236307057	16	79597604	79624213	1
UBC	208980_s_at	0,563356411	-0,1520494	12	123962145	123965530	-1
TXNDC15	220495_s_at	0,046516749	1,475367098	5	134237359	134265222	1
HIST1H2BB	208547_at	0,464722077	-0,087535571	6	26151434	26151864	-1
COP5	201652_at	0,717377361	-0,080847098	8	68117868	68137116	-1
C16orf13	NA	NA	NA	16	624430	626348	-1
ADPRHL2	NA	NA	NA	1	36327073	36332120	1
ARRDC3	NA	NA	NA	5	90700297	90714877	-1
CAPN10	219333_s_at	0,076280576	0,310314459	2	241174825	241205795	1
HIST2H2BF	NA	NA	NA	1	148048739	148050535	-1
KTELC1	218587_s_at	0,198654421	0,652833544	3	120670489	120696245	1
RASA4	208534_s_at	0,341016815	-0,31313941	7	102007168	102044425	-1
GTF2E1	205930_at	0,170078781	-0,278165692	3	121944248	121984606	1
STRADB	NA	NA	NA	2	202024637	202053819	1
DNAJC16	217358_at	0,477626444	0,088160893	1	15725939	15770814	1
VAMP7	202829_s_at	0,358016598	0,264430086	X	154764207	154826614	1
HIST1H4I	NA	NA	NA	6	27215067	27215436	1
SOCS7	214015_at	0,937592415	0,019410765	17	33761531	33809545	1
NEK11	219542_at	0,257372991	0,13226207	3	132228417	132551993	1
HIST2H4A	NA	NA	NA	1	148070845	148071240	1
RING1	208371_s_at	0,940589739	-0,030504824	6	33284264	33288477	1
XRCC6BP1	NA	NA	NA	12	56621712	56637319	1
HIST1H2AC	215071_s_at	0,228657101	0,759447982	6	26232352	26232897	1
MCART1	NA	NA	NA	9	37877601	37894350	-1
C4orf34	222336_at	0,49463858	-0,094312675	4	39228930	39316876	-1
IQCB1	211707_s_at	0,022006086	-0,442807059	3	122971531	123036616	-1
FAF2	219551_at	0,132643307	-1,31789441	3	123036724	123088063	1

ZRSR2	213876_x_at	0,244907866	-0,252598327	X	15718495	15751304	1
SELS	NA	NA	NA		15 99628737	99635223	-1
ZNF473	213124_at	0,088531675	-0,312898562		19 55221024	55243845	1
PTPRC	212588_at	1,05E-05	-5,425355255		1 196874760	196993168	1
RPP38	205562_at	0,736699618	0,05541816		10 15179188	15186262	1
GAK	202281_at	0,256674727	0,17969763		4 833065	916174	-1
NPR1	32625_at	0,22775731	0,166742956		1 151917737	151933088	1
P4HA1	207543_s_at	0,840854873	0,123348197		10 74436981	74526630	-1
C5orf45	220341_s_at	0,419161989	-0,118639523		5 179196872	179218446	-1
MRPS30	222275_at	0,085890455	-0,373212935		5 44844784	44851373	1
BBS9	37547_at	0,492239468	0,092570079		7 33135677	33612205	1
RPS10	200817_x_at	0,360352847	-0,203010907		6 34493209	34501854	-1
SP3	213168_at	0,122868498	-0,590790613		2 174481505	174538309	-1
HIF1AN	59999_at	0,447428111	-0,136370973		10 102285631	102303671	1
LGMM	201212_at	0,126658191	1,522683184		14 92239907	92284765	-1
PHF19	NA	NA	NA		9 122657752	122679427	-1
SLC39A6	202089_s_at	0,656956046	-0,207411883		18 31942492	31963355	-1
GHITM	209249_s_at	0,040286449	0,356549149		10 85889165	85903291	1
RBBP5	205169_at	0,192298171	-0,465086609		1 203322602	203357754	-1
GSTZ1	209531_at	0,29184733	-0,655100189		14 76857107	76867693	1
PLEKHB2	201410_at	0,034600172	-1,13935158		2 131578890	131623895	1
GNG3	222005_s_at	0,697603807	0,054145869		11 62231706	62233249	1
PARP16	219034_at	0,193789335	0,188518183		15 63337490	63366071	-1
MOBKL1A	NA	NA	NA		4 71986928	72072755	1
USP38	NA	NA	NA		4 144325548	144362090	1
NAMPT	217738_at	0,227838746	0,836005315		7 105675967	105712874	-1
C12orf61	NA	NA	NA		12 61281798	61283481	-1
EI24	216396_s_at	0,996733076	0,002959941		11 124944508	124959785	1
L3MBTL2	NA	NA	NA		22 39931259	39957221	1
MPZ	210280_at	0,056898658	0,289996528		1 159541151	159546377	-1
HMGB2	208808_s_at	0,179388309	-0,468700892		4 174489362	174492167	-1
ZNF706	218059_at	0,498008341	0,18190288		8 102278442	102287166	-1
COG7	213190_at	0,555467449	0,19275407		16 23307449	23372000	-1

SH2D3A	219513_s_at	0,715893586	0,213140897	19	6703171	6718480	-1
SLC30A1	212907_at	0,100100206	1,004500363	1	209815004	209818722	-1
EXT1	201995_at	0,031301254	1,028292873	8	118880783	119193239	-1
FAM91A1	NA	NA	NA	8	124850063	124896873	1
RTCD1	203594_at	0,074018834	-1,063806971	1	100504351	100529915	1
RNF2	205215_at	0,665684642	0,092716538	1	183281174	183338363	1
MYD88	209124_at	0,398424996	-0,278345042	3	38155009	38159517	1
MTCH2	217772_s_at	0,674196153	-0,090919626	11	47595446	47620640	-1
HIST1H2BC	NA	NA	NA	6	26231674	26232111	-1
KIAA0319	206017_at	0,433628385	0,085087564	6	24652311	24754362	-1
CSRNP3	220462_at	0,424400074	-0,335102795	2	166137136	166245458	1
PLSCR3	56197_at	0,503596482	0,241208057	17	7233779	7238567	-1
MAP2K2	213490_s_at	0,89727351	-0,128562372	19	4041319	4075126	-1
LMBRD1	218191_s_at	0,243805387	0,338502028	6	70442470	70563609	-1
ITSN1	209298_s_at	0,007288965	0,509893733	21	33936654	34183479	1
C16orf14	NA	NA	NA	16	631850	638475	1
YTHDF2	217812_at	0,178384227	-0,414030687	1	28935723	28968874	1
GMFG	204220_at	0,277076322	1,33798991	19	44510839	44518460	-1
SAMD4B	220457_at	0,063260836	0,235797661	19	44524948	44567382	1
RAB28	207495_at	0,528530789	0,149330189	4	12979269	13094872	-1
ACADV1	200710_at	0,285315687	0,386060439	17	7063877	7069309	1
FAM60A	220147_s_at	0,074639271	-0,842469644	12	31324785	31370340	-1
PHF16	204866_at	0,697038597	-0,331953466	X	46656812	46805585	1
SOAT1	221561_at	0,970565774	0,017891837	1	177529640	177591076	1
UCHL5	219960_s_at	0,688299697	0,161133406	1	191251522	191295144	-1
ACTR5	222147_s_at	0,627194573	0,126807521	20	36810511	36834503	1
TRIT1	218617_at	0,907900942	-0,047156561	1	40079315	40121764	-1
USE1	221706_s_at	0,309412556	0,395688477	19	17187155	17191638	1
DPY19L4	213391_at	0,810448013	0,090026087	8	95801327	95873245	1
GLCCI1	NA	NA	NA	7	7974948	8095235	1
HIST1H2AJ	NA	NA	NA	6	27890059	27890497	-1
ATP5G3	207508_at	0,383209171	-0,303736404	2	175749232	175754736	-1
LPCAT1	201818_at	0,203907844	0,393873777	5	1514542	1577076	-1

CNFN	NA	NA	NA	19	47583011	47586279	-1
IVD	203682_s_at	0,084883388	0,327241556	15	38484978	38498355	1
MAS1	208210_at	0,470318397	0,108063884	6	160247964	160249098	1
SRRM2	207435_s_at	0,063770637	-0,49623744	16	2742331	2761414	1
HIST1H2AE	214469_at	0,529118345	0,107611047	6	26325127	26325690	1
ELP2	NA	NA	NA	18	31963885	32008605	1
PTP4A1	200733_s_at	0,131252932	-0,417013008	6	64339879	64351448	1
POGZ	215281_x_at	0,877448776	-0,033239086	1	149641824	149698556	-1
ACTG1	212988_x_at	0,500143363	-0,152383611	17	77091594	77094422	-1
PINX1	NA	NA	NA	8	10660294	10734709	-1
C1orf54	219506_at	0,936175994	0,013124226	1	148511822	148519951	1
SPG7	214494_s_at	0,404226652	0,208421448	16	88102306	88151675	1
TMEM110	213851_at	0,48455709	0,202701174	3	52848938	52906587	-1
INPP5F	203607_at	0,632054357	-0,17095621	10	121475599	121578649	1
AP3B1	203141_s_at	0,546596663	0,262692541	5	77333906	77626284	-1
INTS8	218905_at	0,570681912	-0,146497435	8	95904710	95961897	1
METTL13	206468_s_at	0,220743863	0,539760172	1	170017384	170033479	1
ANKRD40	211717_at	0,39592183	0,12661079	17	46127682	46140262	-1
PCDH24	220186_s_at	0,357644624	0,147180019	5	175908971	175955375	1
C9orf40	218904_s_at	0,00405892	-1,044894179	9	76751319	76757622	-1
PFN1	200634_at	0,068907485	-0,8816229	17	4789692	4792570	-1
ORAI2	218812_s_at	0,449904392	-0,274873325	7	101861028	101876168	1
GPD2	211613_s_at	0,34618714	-0,285594425	2	157000211	157151161	1
N-PAC	218506_x_at	0,357379979	-0,31660603	16	4793205	4837285	-1
RHOJ	NA	NA	NA	14	62740898	62828312	1
C10orf137	213410_at	0,125876784	-0,84584478	10	127398074	127442702	1
ZNF335	78330_at	0,551073741	0,055784778	20	44010699	44034240	-1
DLG4	204592_at	0,753021349	0,062334943	17	7033933	7063781	-1
IL4I1	202153_s_at	0,588787676	-0,193003627	19	55084723	55124574	-1
ATP6V1D	208898_at	0,69148977	-0,214194353	14	66874342	66896344	-1
NUP62	NA	NA	NA	19	55101894	55124598	-1
PPP6C	206174_s_at	0,167904408	-0,373219794	9	126951228	126991886	-1
TSPYL2	218012_at	0,34169137	-0,229313713	X	53128290	53134447	1

C17orf61	NA	NA	NA	17	7247018	7248142	-1
SIX5	217661_x_at	0,37890119	0,270841776	19	50959884	50964152	-1
LZTS2	NA	NA	NA	10	102746955	102757580	1
IFI35	209417_s_at	0,004362086	1,717779346	17	38412351	38419999	1
STXBP2	209367_at	0,586000058	-0,202346018	19	7608011	7618707	1
PSMC3IP	205956_x_at	0,050461777	0,228865828	17	37977859	37983273	-1
MAP2K1	202670_at	0,396366541	-0,415583385	15	64466679	64570936	1
ASTE1	221135_s_at	0,888710253	-0,040189774	3	132215411	132228336	-1
CHCHD1	NA	NA	NA	10	75211834	75213137	1
MAVS	NA	NA	NA	20	3775484	3795973	1
KCTD7	213474_at	0,473636015	-0,187035293	7	65731380	65743252	1
TULP2	206733_at	0,72458362	0,088901469	19	54076034	54093750	-1
LEPROT	202377_at	0,076472643	0,780338732	1	65658907	65670852	1
LEPR	207255_at	0,162828778	0,177808456	1	65658906	65875410	1
C1orf43	NA	NA	NA	1	152445807	152459897	-1
FADS1	208962_s_at	0,573621126	0,615588821	11	61323679	61340886	-1
ANKRD22	NA	NA	NA	10	90569636	90601712	-1
NUCKS1	217802_s_at	0,183837571	-0,307540067	1	203953732	203985916	-1
ZNF460	216279_at	0,386428127	0,109964746	19	62483665	62497248	1
TMEM120B	219154_at	0,004936081	0,619359017	12	120635163	120698088	1
GIN1	219467_at	0,323682814	-0,169259179	5	102449603	102483741	-1
ZNF575	NA	NA	NA	19	48729169	48732130	1
MAPK6	207121_s_at	0,556025562	-0,171111598	15	50098739	50145754	1
TOMM40L	NA	NA	NA	1	159462457	159467032	1
DNAJC27	NA	NA	NA	2	25020009	25048328	-1
RABL3	213970_at	0,061459596	-0,467013369	3	121888218	121944074	-1
IDH1	201193_at	0,373998516	-0,271620318	2	208809198	208828051	-1
SLC35C1	218485_s_at	0,054009894	0,494096486	11	45783912	45791143	1
ENY2	218482_at	0,993495739	0,003803916	8	110415812	110425087	1
RLF	204243_at	0,049451346	-0,71083376	1	40399628	40479180	1
ILF2	200052_s_at	0,947740779	0,031146737	1	151901138	151910103	-1
ACBD7	NA	NA	NA	10	15157480	15170781	-1
LZTR1	203412_at	0,137913513	0,256541698	22	19666558	19683326	1

TIFA	NA	NA	NA	4	113416231	113426508	-1
CKS1B	201897_s_at	0,978602324	-0,016545669	1	153213838	153218346	1
ZNHIT1	201541_s_at	0,691399399	-0,162350948	7	100647705	100654191	1
SMPDL3B	205309_at	0,633792741	0,135212852	1	28134091	28158250	1
MRPL10	NA	NA	NA	17	43255637	43263902	-1
AKAP8	203848_at	0,742258386	-0,068431767	19	15325335	15351603	-1
MAP7D1	217943_s_at	0,862918526	-0,070467837	1	36394390	36419028	1
ERC1	215606_s_at	0,566596758	0,281910753	12	970665	1472958	1
TMEM39A	218615_s_at	0,677195753	0,081035964	3	120632391	120665161	-1
RPS15A	200781_s_at	0,085773827	-0,20754863	16	18701778	18709157	-1
SSSCA1	203114_at	0,521654443	0,268638182	11	65094519	65095815	1
MRFAP1	NA	NA	NA	4	6693346	6695350	1
MTMR10	220286_at	0,826249318	0,021959082	15	29018436	29071099	-1
DEF6	221293_s_at	0,490849912	0,25659185	6	35373573	35397526	1
UTP3	209486_at	0,270484184	0,608129362	4	71773098	71775132	1
DDX28	203784_s_at	0,026794323	0,451373956	16	66612675	66615460	-1
TMEM208	221597_s_at	0,004005578	0,871521931	16	65818517	65820683	1
OBFC1	219100_at	0,126437718	0,2113161	10	105632290	105667956	-1
RGL1	209568_s_at	0,183456302	0,866193941	1	181871831	182164289	1
HIST1H2AK	NA	NA	NA	6	27913637	27914096	-1
PSMC6	201699_at	0,448651146	-0,377278845	14	52243668	52264466	1
LYRM2	NA	NA	NA	6	90398664	90405195	-1
NKTR	215338_s_at	0,423121481	-0,606961651	3	42617151	42665237	1
C5orf54	220770_s_at	0,200372206	0,244157594	5	159752733	159759638	-1
ZNF680	NA	NA	NA	7	63617697	63660923	-1
CHD9	212615_at	0,016288333	-0,842312287	16	51646446	51918915	1
LRIG1	211596_s_at	0,566612605	-0,942468588	3	66511911	66633535	-1
LTV1	NA	NA	NA	6	144206201	144226636	1
P4HB	200656_s_at	0,001668157	1,475269778	17	77394323	77411833	-1
CBWD2	NA	NA	NA	2	113911853	113970216	1
HIST1H2BL	207611_at	0,480751315	0,121727844	6	27883236	27883688	-1
NETO2	218888_s_at	0,872724433	-0,260603896	16	45672943	45735409	-1
ROBLD3	218291_at	0,983189701	-0,009817561	1	154291229	154294923	1

GOLGA4	201567_s_at	0,855856975	0,073748942	3	37259742	37383246	1
SLC25A3	200030_s_at	0,551429765	0,098738671	12	97511534	97519909	1
USO1	201832_s_at	0,147746587	0,716467674	4	76868853	76954390	1
RAB5A	206113_s_at	0,584347543	0,335335982	3	19963760	20001647	1
CPSF4	206688_s_at	0,704346337	0,058047671	7	98874499	98892932	1
DDX25	219945_at	0,502769094	0,09160144	11	125279613	125298215	1
SEC14L1	202083_s_at	0,512657511	-0,491359836	17	72648647	72724778	1
HSPD1	200807_s_at	0,65798141	-0,07059552	2	198059553	198073243	-1
SPCS2	201240_s_at	0,023330833	0,471760497	11	74337981	74366427	1
ZIK1	NA	NA	NA	19	62787440	62795570	1
ZBTB20	222357_at	0,376314159	0,112169162	3	115540207	116348817	-1
GDAP2	219473_at	0,234254029	0,223409645	1	118213560	118273729	-1
PSMD10	219485_s_at	0,233144739	0,315043514	X	107214093	107221504	-1
HIST2H3C	NA	NA	NA	1	148078883	148079389	-1
NME1-NME2	201268_at	0,66517226	0,062257283	17	46585919	46604104	1
NME1	201577_at	0,339873685	-0,384253267	17	46585919	46594449	1
HIST1H2BM	208515_at	0,973550079	0,007582997	6	27890801	27891246	1
ANKRD17	212211_at	0,192652017	-0,82141474	4	74159366	74343366	-1
HIST1H4B	NA	NA	NA	6	26135103	26135459	-1
TIPARP	212665_at	0,358272418	-0,928443349	3	157875073	157907228	1
NOMO1	NA	NA	NA	16	14835144	14897515	1
MED26	216423_at	0,64838427	-0,046012042	19	16546718	16600015	-1
MEX3C	218247_s_at	0,058468166	-1,384252143	18	46954918	46977688	-1
SCAND1	218206_x_at	0,398840299	0,414270928	20	34004960	34005842	-1
RECQL4	213520_at	0,257429844	-0,350985586	8	145707479	145714008	-1
JMJD6	215233_at	0,377044566	0,111233761	17	72220509	72234476	-1
CDIPT	201253_s_at	0,086357801	0,59048646	16	29777179	29782079	-1
MCCC1	218440_at	0,536314384	-0,284873947	3	184215700	184300059	-1
MEF2A	214684_at	0,150176858	-0,830593449	15	97956185	98071524	1
CRYZL1	219767_s_at	0,952609628	-0,023358542	21	33883517	33936030	-1
BOD1	NA	NA	NA	5	172967146	172976262	-1
TMEM187	204340_at	0,012393017	0,911901503	X	152891185	152901840	1
CA9	205199_at	0,434401165	0,085405175	9	35663915	35671152	1

CDCA7L	NA	NA	NA	7	21907044	21952031	-1
TLE3	212770_at	0,634080014	-0,201497554	15	68127597	68177310	-1
C11orf65	NA	NA	NA	11	107758937	107843468	-1
CCDC9	206257_at	0,691154597	0,068384656	19	52451632	52467050	1
ANKRD46	212731_at	0,401886115	-0,314391549	8	101602176	101641188	-1
SRRT	201680_x_at	0,003178115	-0,774880648	7	100310671	100324221	1
PSMA3	201532_at	0,956902236	0,025004962	14	57781346	57808479	1
TULP3	205854_at	0,259775791	-0,398709853	12	2870294	2920565	1
RXRB	209148_at	0,333274374	-0,314354745	6	33269343	33276410	-1
CARD6	NA	NA	NA	5	40877167	40891213	1
CDKN2AIPNL	NA	NA	NA	5	133765696	133775488	-1
RBMX2	204097_s_at	0,076345897	0,381036931	X	129363624	129374998	1
RALY	201271_s_at	0,31857561	0,326068485	20	32045393	32131728	1
TACC1	217437_s_at	0,727139283	-0,174314687	8	38763938	38829703	1
CASP9	203984_s_at	0,287412672	-0,347653069	1	15691378	15723377	-1
PRICKLE2	NA	NA	NA	3	64054587	64186171	-1
ATP2C1	209934_s_at	0,180029968	0,461024095	3	132096124	132218246	1
BOLA3	NA	NA	NA	2	74216036	74228547	-1
TBL3	209820_s_at	0,840483508	-0,048909125	16	1962065	1968752	1
TROVE2	212839_s_at	0,175758265	0,252516632	1	191295580	191327530	1
C20orf135	NA	NA	NA	20	61963010	61964785	1
AVEN	219366_at	0,056970869	0,884460158	15	31945720	32118595	-1
RMND5A	212482_at	0,169119515	-0,590060283	2	86801204	86855943	1
C14orf138	218940_at	0,235323482	-1,135990503	14	49645100	49653047	-1
APOO	221620_s_at	0,140335175	0,4428085	X	23761391	23835958	-1
KDSR	202419_at	0,683085959	0,110999005	18	59145951	59185486	-1
SEC24A	212900_at	0,222372414	0,32494695	5	134012378	134091500	1
NUAK2	220987_s_at	0,87973064	0,036327561	1	203537814	203557506	-1
PIGO	214991_s_at	0,056898658	0,42933158	9	35078688	35086579	-1
KIF16B	219570_at	0,201195255	-0,410152872	20	16200749	16502078	-1
NLRX1	219680_at	0,238659311	0,288403901	11	118544650	118559935	1
GCDH	203500_at	0,15406795	0,410385803	19	12862974	12871783	1
PPP1R14B	212680_x_at	0,285315687	0,294468004	11	63768527	63770989	-1

CYCS	208905_at	0,973264442	-0,015091672	7	25124800	25131480	-1
RPL29	213969_x_at	0,602460188	0,221019731	3	52002684	52004998	-1
CKAP2	218252_at	0,083477962	-0,815588176	13	51927496	51948764	1
ZKSCAN4	213625_at	0,30864999	-0,396125292	6	28320469	28327981	-1
TRAPPC3	203512_at	0,172277807	-0,126161899	1	36374760	36387654	-1
PTCD1	218956_s_at	0,444574505	0,162455599	7	98854681	98874355	-1
KIF27	NA	NA	NA	9	85641433	85726162	-1
POLR3D	208361_s_at	0,400815497	0,330087588	8	22158564	22164625	1
HIST1H4E	NA	NA	NA	6	26312852	26313228	1
SLC35E2	215169_at	0,259243435	0,206278618	1	1653541	1667291	-1
S100A6	217728_at	0,256923633	0,178355413	1	151773700	151775341	-1
S100A5	207763_at	0,123881311	0,422320868	1	151776247	151780865	-1
S100A10	200872_at	0,67333172	0,793121293	1	150222010	150233338	-1
NF2	211091_s_at	0,22665887	-0,182384403	22	28329565	28424587	1
COX7C	201134_x_at	0,128545532	0,213689877	5	85949540	85952339	1
HYPK	218680_x_at	0,081343783	-0,482981314	15	41879913	41882079	1
C9orf128	NA	NA	NA	9	35808429	35818744	-1
C9orf127	207839_s_at	0,269744106	0,186700664	9	35819222	35837232	1
MFSD11	NA	NA	NA	17	72245378	72286951	1
NKIRAS1	NA	NA	NA	3	23908576	23933541	-1
PAK4	203154_s_at	0,444166995	0,122226065	19	44308260	44361886	1
IMP3	221688_s_at	0,334880005	0,207469316	15	73718491	73719650	-1
RNF207	NA	NA	NA	1	6188776	6203946	1
FNTB	204764_at	0,340670681	0,179428825	14	64523260	64599123	1
CUTA	221488_s_at	0,38062272	0,361349732	6	33492297	33494043	-1
C19orf66	218429_s_at	0,323883511	0,178224129	19	10057806	10064928	1
IDE	217496_s_at	0,764101895	0,06346549	10	94203580	94323832	-1
ZNF187	213218_at	0,667519591	0,051868829	6	28342872	28353960	1
TM2D2	NA	NA	NA	8	38965484	38973198	-1
CNNM2	209874_x_at	0,300742523	0,132017124	10	104668104	104828231	1
SRF	202401_s_at	0,161992544	-0,424660337	6	43246898	43257222	1
STX10	212625_at	0,191223523	-0,434834067	19	13116224	13121987	-1
EIF2S1	201144_s_at	0,774866968	0,155753994	14	66896787	66922986	1

RNF4	212696_s_at	0,00790548	-0,498907524	4	2440605	2487382	1
LNX2	NA	NA	NA	13	27018050	27092720	-1
THAP11	212910_at	0,279286436	-0,286705452	16	66433714	66435599	1
SNTB1	215431_at	0,318162298	-0,104887747	8	121619226	121893910	-1
HIST2H3A	NA	NA	NA	1	148090805	148091311	1
C1orf124	NA	NA	NA	1	229540305	229556612	1
ADAM9	202381_at	0,426016445	0,300749105	8	38973662	39081937	1
MYLIP	220319_s_at	0,749949222	-0,246107858	6	16237296	16256458	1
ANKZF1	218274_s_at	0,314269513	0,225170908	2	219802854	219809635	1
BARD1	205345_at	0,413287394	-0,262873529	2	215301507	215382673	-1
SPATS2	218324_s_at	0,89756256	0,094584776	12	48046955	48207474	1
BCL10	205263_at	0,229066152	-0,362245958	1	85504047	85516171	-1
ZNF416	NA	NA	NA	19	62774746	62782055	-1
HIST1H3C	NA	NA	NA	6	26153618	26154076	1
C1orf103	220235_s_at	0,446676741	-0,584757611	1	111291335	111308089	-1
RPL15	221475_s_at	0,779359523	-0,117177875	3	23933643	23937338	1
HIST2H2AA3	218280_x_at	0,28903094	0,781652003	1	148080409	148080942	-1
XIAP	206536_s_at	0,324442782	0,191485568	X	122821729	122875503	1
STAMBPL1	NA	NA	NA	10	90630006	90673224	1
RGS18	NA	NA	NA	1	190394215	190421568	1
TIRAP	NA	NA	NA	11	125658192	125670038	1
PITRM1	205273_s_at	0,301169453	0,353315983	10	3169920	3205003	-1
UBAP2L	209947_at	0,695290189	-0,059322653	1	152460067	152509953	1
BCL9	204129_at	0,319745225	0,291096727	1	145479806	145564641	1
KCTD13	221889_at	0,310397448	0,1582081	16	29825164	29845046	-1
C20orf3	206656_s_at	0,003178115	1,184738974	20	24891580	24921425	-1
MYL6	212082_s_at	0,324191951	-0,259108961	12	54838367	54841633	1
KIAA1683	NA	NA	NA	19	18228908	18246235	-1
PSENN	218302_at	0,203128004	0,373296903	19	40928334	40929743	1
RPS6KB1	204171_at	0,392925646	-0,27032219	17	55325225	55382569	1
SNX2	202113_s_at	0,487566168	-0,445223681	5	122138649	122193702	1
RAD9A	204828_at	0,798598746	0,072400917	11	66915999	66922459	1
CAPG	201850_at	0,740476334	0,125508995	2	85475382	85491187	-1

MTAP	216685_s_at	0,042492383	-0,544700069	9	21792635	21855970	1
TRMT12	219299_at	0,092618362	0,402345012	8	125532229	125534448	1
PPP1R3B	NA	NA	NA	8	9031175	9045630	-1
STARD3	202991_at	0,593321942	0,134203159	17	35046938	35073263	1
TMEM70	219448_at	0,123033218	-0,278607995	8	75050984	75057570	1
P2RY12	NA	NA	NA	3	152538066	152585234	-1
C3orf1	NA	NA	NA	3	120700058	120725818	1
TBCC	202495_at	0,443089416	-0,153621828	6	42820212	42821862	-1
ATG9A	202492_at	0,097919968	0,379397045	2	219792346	219802605	-1
PPIE	210502_s_at	0,027516286	0,514876661	1	39977117	40002173	1
FXC1	217981_s_at	0,352025717	-0,132494966	11	6459253	6462487	1
BET1	202710_at	0,184760145	-0,490620098	7	93458936	93471626	-1
PRKAA1	209799_at	0,211072072	-0,396374774	5	40795238	40834054	-1
RAD23A	201039_s_at	0,345257807	0,342779814	19	12917654	12925455	1
C4orf37	NA	NA	NA	4	98699058	99283414	-1
RNF126	215031_x_at	0,527893479	0,2026203	19	598526	614227	-1
DDX39	201584_s_at	0,160883608	-0,452989103	19	14380631	14391171	-1
Sep 09	208657_s_at	0,02366504	-1,914538348	17	72827197	73008273	1
CAPNS1	200001_at	0,073621753	0,370473849	19	41322758	41333095	1
RHEB	201452_at	0,733990069	-0,070270697	7	150794031	150847943	-1
ZADH2	NA	NA	NA	18	71039464	71050105	-1
SUZ12	212287_at	0,020879425	-0,55934968	17	27288185	27352162	1
ATP5H	210149_s_at	0,363532438	0,179927839	17	70546550	70554669	-1
PPP2R5B	204611_s_at	0,280645889	0,214802447	11	64448756	64458523	1
DVL3	201908_at	0,276241208	0,481979967	3	185355978	185374008	1
HIST2H2AA4	NA	NA	NA	1	148089252	148089785	1
C15orf39	204495_s_at	0,430208957	0,370926845	15	73281274	73291563	1
NFRKB	213028_at	0,479954028	-0,135008852	11	129239568	129268114	-1
RBM3	208319_s_at	0,97947224	0,014122023	X	48317780	48321748	1
EIF2C1	218287_s_at	0,306717123	-0,230440897	1	36121397	36162486	1
SPCS1	217927_at	0,001221041	1,274914274	3	52714897	52717249	1
GBA2	NA	NA	NA	9	35726863	35739225	-1
C10orf119	217905_at	0,472208467	-0,263326762	10	121578962	121622384	-1

CXorf15	219969_at	0,534692167	-0,326617862	X	16714481	16770217	1
C6orf182	NA	NA	NA	6	109523049	109591808	1
KIFAP3	203333_at	0,083399347	1,022774816	1	168157094	168310503	-1
ARNT	210828_s_at	0,268866493	0,399320606	1	149048810	149115810	-1
RPL5	213080_x_at	0,416882957	-0,163665952	1	93070182	93080069	1
ATP6V1F	201527_at	0,934091268	-0,031449913	7	128290134	128293138	1
SLC25A13	203775_at	0,42347636	-0,50940069	7	95587468	95789341	-1
RPL24	214143_x_at	0,899364223	-0,051431192	3	102882624	102888253	-1
C10orf111	NA	NA	NA	10	15177390	15179324	-1
WDR3	218882_s_at	0,203907844	-0,337486232	1	118273914	118304572	1
LAMB4	215516_at	0,845866931	0,023814609	7	107451232	107558037	-1
ZNF302	218490_s_at	0,839317849	-0,093578131	19	39860407	39869142	1
SAP30L	219129_s_at	0,780720556	-0,149569036	5	153805776	153816067	1
RPL22	221726_at	0,389315283	0,640192274	1	6167667	6182266	-1
CCNB1	214710_s_at	0,149154065	-0,428689971	5	68498669	68509828	1
TRDMT1	206308_at	0,537760248	-0,124147857	10	17224988	17283687	-1
WDR17	NA	NA	NA	4	177224126	177340960	1
MRPL24	218270_at	0,09814532	0,526012014	1	154973718	154977547	-1
IPP	219843_at	0,422970273	-0,230975003	1	45936977	45984720	-1
C6orf138	NA	NA	NA	6	47953998	48144384	-1
POLL	221049_s_at	0,129516514	0,339247299	10	103328629	103337963	-1
KLF1	210504_at	0,937638885	-0,010606492	19	12856236	12859017	-1
TFIP11	202750_s_at	0,470480942	-0,166184908	22	25217893	25238437	-1
MTBP	NA	NA	NA	8	121526847	121605056	1
IFT20	210312_s_at	0,558405987	0,170226327	17	23679480	23686622	-1
LRRFIP1	201862_s_at	0,552346451	0,34762963	2	238265668	238338645	1
XAB2	218110_at	0,525114101	-0,21400939	19	7590411	7600439	-1
NUP54	218256_s_at	0,574624833	-0,205278803	4	77254841	77288679	-1
GLIPR1L1	NA	NA	NA	12	74014730	74050437	1
PGAP1	213469_at	0,846292744	0,031732037	2	197405973	197499699	-1
ZNF267	219540_at	0,758891345	-0,140470249	16	31792655	31836128	1
HSPE1	205133_s_at	0,404758439	-0,192736719	2	198073365	198076416	1
APLF	NA	NA	NA	2	68548246	68660798	1

CCDC66	NA	NA	NA	3	56566231	56630876	1
MRPS18B	217408_at	0,702926376	-0,210533859	6	30693585	30702148	1
MMADHC	217883_at	0,005956519	-0,675622159	2	150134397	150152523	-1
ASPSR1	NA	NA	NA	17	77528715	77568571	1
HCFC1	202473_x_at	0,423899787	0,12308823	X	152866202	152890013	-1
MESDC2	NA	NA	NA	15	79055150	79069260	-1
UBE2W	218521_s_at	0,994746497	0,003281091	8	74865394	74953664	-1
TSEN34	218132_s_at	0,117830643	-0,497447355	19	59386009	59389338	1
HNRNPA0	201054_at	0,05789759	-0,593048915	5	137114972	137117938	-1
TPR	215220_s_at	0,453922457	0,353503897	1	184547407	184611080	-1
RABL2A	219151_s_at	0,506453751	-0,128054926	2	114101352	114117436	1
PCBD2	NA	NA	NA	5	134268709	134326235	1
NOSIP	217950_at	0,555602741	-0,21564957	19	54750780	54775615	-1
ZNF512	NA	NA	NA	2	27659397	27699467	1
GDF6	NA	NA	NA	8	97223734	97242196	-1
MTDH	212250_at	0,010180262	0,620433362	8	98725583	98807714	1
CYP11A1	204309_at	0,179645258	0,250075495	15	72417156	72447134	-1
ATPBD4	NA	NA	NA	15	33450375	33625656	-1
HSD17B8	213540_at	0,042846844	0,88802494	6	33280397	33282585	1
FBXO48	NA	NA	NA	2	68543002	68547894	-1
PCGF3	212753_at	0,013174004	-0,573217162	4	689573	754428	1
PHF13	217658_at	0,51715943	0,124478886	1	6596332	6606643	1
FITM2	NA	NA	NA	20	42368611	42373303	-1
ZNF576	219089_s_at	0,663162324	0,087167908	19	48792384	48795996	1
C17orf95	NA	NA	NA	17	72234545	72241557	1
ORMDL3	NA	NA	NA	17	35330822	35337380	-1
IQGAP1	200791_s_at	0,032920263	-0,796806593	15	88732477	88846479	1
PPT1	200975_at	0,075343138	0,48746459	1	40310969	40335555	-1
C10orf32	NA	NA	NA	10	104604009	104613960	1
C19orf22	55705_at	0,843203766	0,055174549	19	847503	864200	-1
KISS1R	NA	NA	NA	19	868358	872013	1
C20orf4	218089_at	0,368813038	0,26482668	20	34287861	34308267	1
CD55	201926_s_at	0,55608258	-0,454298637	1	205561488	205600470	1

SNHG3-RCC1	NA	NA	NA	1	28705083	28738194	1
CDK10	203469_s_at	0,357228451	0,233792867	16	88280577	88290263	1
ZNF585A	NA	NA	NA	19	42332830	42355455	-1
GLB1	201576_s_at	0,0791368	1,053586933	3	33013104	33113318	-1
TMPPE	NA	NA	NA	3	33106921	33113297	-1
C1orf27	218721_s_at	0,06470581	0,72304355	1	184611624	184657126	1
SFMBT2	NA	NA	NA	10	7244255	7493456	-1
HIST1H1C	209398_at	0,201294735	1,131076167	6	26163947	26164678	-1
HECTD2	NA	NA	NA	10	93160081	93213401	1
PPP4R2	NA	NA	NA	3	73128809	73197701	1
C1orf2	203550_s_at	0,311353777	0,303864571	1	153483620	153491898	-1
CES2	209668_x_at	0,27839904	0,280960445	16	65525848	65536500	1
STYK1	220030_at	0,660636177	-0,038573994	12	10662805	10717906	-1
RRAD	204803_s_at	0,196102786	0,449575428	16	65513089	65516920	-1
TRRAP	202642_s_at	0,217813895	-0,484280478	7	98314049	98448775	1
C10orf46	NA	NA	NA	10	120430484	120504748	-1
ZBTB48	205025_at	0,22037771	-0,538197412	1	6562698	6571926	1
C9orf37	NA	NA	NA	9	139629610	139633070	-1
POMZP3	204148_s_at	0,224720734	1,153356501	7	76077239	76094556	-1
RNF103	202636_at	0,067041889	0,699580363	2	86684027	86704489	-1
ZNF143	221873_at	0,129638837	-0,305122402	11	9439089	9506647	1
COL11A2	216993_s_at	0,102330743	0,244648878	6	33238447	33268223	-1
GNL3	217850_at	0,498729195	0,259976517	3	52694976	52703553	1
SRCAP	212275_s_at	0,74972709	-0,066205316	16	30617963	30658951	1
FAM134C	212697_at	0,009471397	0,75416833	17	37985059	38014928	-1
UBR5	208882_s_at	0,756120068	-0,268014118	8	103334745	103493671	-1
RP11-529I10.4	NA	NA	NA	10	103338079	103359400	1
MGEA5	214972_at	0,137766465	0,249832854	10	103534199	103568165	-1
LMNB1	203276_at	0,230970243	-0,639134922	5	126140732	126200608	1
ATP6V1B2	201089_at	0,91998603	-0,099176492	8	20098984	20123487	1
CBWD5	NA	NA	NA	9	69671824	69729991	-1
PUS3	221277_s_at	0,970574787	-0,019353114	11	125268590	125278315	-1
CCDC25	218125_s_at	0,896734364	-0,076319322	8	27646752	27686089	-1

MCM10	220651_s_at	0,768502169	-0,076055925	10	13243587	13293110	1
MTMR2	214649_s_at	0,467687411	0,303694872	11	95205694	95296920	-1
CHAC1	219270_at	0,902417401	0,043121826	15	39032983	39036002	1
TUBG1	201714_at	0,09942519	0,54193313	17	38015220	38020778	1
SP4	206663_at	0,442389504	0,12325687	7	21434214	21520687	1
RUFY2	NA	NA	NA	10	69773281	69836952	-1
DNAJC2	213097_s_at	0,220583731	-0,417054113	7	102740157	102772556	-1
PPP2R1B	222351_at	0,565556815	0,174597046	11	111102842	111142379	-1
TRIM38	203610_s_at	0,104227642	-0,496887186	6	26071050	26093337	1
C1orf63	209006_s_at	0,082423025	-0,439669156	1	25441327	25446572	-1
UFC1	217797_at	0,041510675	0,578678947	1	159390158	159395270	1
UQCRB	209066_x_at	0,121639982	0,489536522	8	97311910	97316987	-1
SLK	206875_s_at	0,739676108	-0,113234517	10	105717460	105777332	1
DAG1	205417_s_at	0,065552883	0,396100949	3	49482569	49548052	1
C16orf89	NA	NA	NA	16	5034124	5056112	-1
TMEM149	219690_at	0,642836494	-0,141575034	19	40921991	40925191	-1
BNIP3L	221478_at	0,759700164	-0,336771827	8	26296440	26326561	1
RNF168	NA	NA	NA	3	197683025	197714979	-1
C7orf25	NA	NA	NA	7	42915397	42918214	-1
C20orf24	217835_x_at	0,042409373	0,331468797	20	34667581	34674374	1
FAM96B	218074_at	0,61370547	0,090661649	16	65523467	65525804	-1
PBRM1	220355_s_at	0,625295889	-0,173415392	3	52554423	52694892	-1
ETHE1	204034_at	0,018659375	0,602529684	19	48702711	48723236	-1
KIF2B	NA	NA	NA	17	49255238	49257572	1
FBXO33	NA	NA	NA	14	38936710	38971371	-1
TNFAIP1	201208_s_at	0,170966892	0,206398432	17	23686913	23698160	1
HIST1H3D	NA	NA	NA	6	26304991	26307443	-1
EIF4G2	200004_at	0,237004922	-0,202462073	11	10775169	10787158	-1
IQWD1	217908_s_at	0,979643929	-0,018019944	1	166172532	166311705	1
HIST1H2AD	214522_x_at	0,798319472	-0,076320322	6	26306991	26307450	-1
MINA	213188_s_at	0,017311748	0,900160389	3	99143351	99173914	-1
MAP3K7IP1	203901_at	0,340670681	0,091791393	22	38125705	38163078	1
GDPD1	NA	NA	NA	17	54652616	54706655	1

C17orf79	NA	NA	NA	17	27203009	27210369	-1
B4GALT4	210540_s_at	0,274730783	0,17401332	3	120413279	120442442	-1
COX6C	201754_at	0,135154593	0,33257379	8	100959548	100975071	-1
HELLS	NA	NA	NA	10	96295564	96351846	1
ZNF643	207219_at	0,173279913	-0,482572108	1	40688366	40701939	1
ADRM1	201281_at	0,283353553	0,238793034	20	60311422	60317313	1
PSMC2	201067_at	0,552926146	0,412238784	7	102775325	102795892	1
NCKIPSD	218697_at	0,9340585	-0,049242109	3	48686281	48698338	-1
TMCO1	211098_x_at	0,016702318	1,027981034	1	163963131	164004712	-1
CCDC61	NA	NA	NA	19	51190179	51213714	1
ALG1	NA	NA	NA	16	5061821	5075589	1
EXOC8	NA	NA	NA	1	229535103	229540201	-1
DECR2	219664_s_at	0,767260467	0,082406402	16	391859	402488	1
C6orf115	NA	NA	NA	6	139391512	139406132	1
NDEL1	208093_s_at	0,276624953	-0,384400381	17	8279904	8312206	1
C16orf53	218300_at	0,146698344	-0,320499277	16	29735029	29741317	1
EIF2B5	212351_at	0,684939737	0,048864827	3	185335504	185345793	1
HIP1	205425_at	0,745817846	-0,171406378	7	75001345	75206215	-1
PPP2CA	208652_at	0,357496405	-0,235250711	5	133560047	133589849	-1
EFHC1	219833_s_at	0,781199488	0,101696015	6	52392953	52468542	1
CCL27	207955_at	0,157016808	0,350212883	9	34651893	34652689	-1
SLC25A23	NA	NA	NA	19	6391075	6410781	-1
MPI	202472_at	0,917678076	0,064013266	15	72969463	72977618	1
RPL37	200092_s_at	0,387976336	-0,165409454	5	40867187	40871144	-1
RPLP1	200763_s_at	0,453750853	0,125130873	15	67532213	67534938	1
LAX1	207734_at	0,430208957	0,316132308	1	202000960	202012123	1
SELT	217811_at	0,734002032	0,136329914	3	151803756	151830924	1
HIST1H4J	NA	NA	NA	6	27899882	27900237	1
C1orf77	202559_x_at	0,671640977	-0,107617239	1	151873149	151884603	1
INPP5A	203006_at	0,817575008	0,160847397	10	134201343	134446974	1
TUSC2	203273_s_at	0,587348734	0,196085247	3	50337345	50340672	-1
C16orf61	218447_at	0,844172496	-0,060180667	16	79567200	79597991	-1
PDCD7	NA	NA	NA	15	63196770	63213227	-1

RPL30	200062_s_at	0,543718793	0,117511594	8	99123118	99126949	-1
U2AF1L4	NA	NA	NA	19	40925268	40928176	-1
CNTF	NA	NA	NA	11	58146721	58149778	1
GLT8D1	218146_at	0,001657639	1,036355874	3	52703544	52712662	-1
CUL5	203531_at	0,049192018	-0,69238337	11	107384618	107483698	1
ZFAND2B	NA	NA	NA	2	219779782	219782617	1
POMT2	220632_s_at	0,972925078	0,011281029	14	76811052	76856970	-1
C9orf85	NA	NA	NA	9	73716243	73778193	1
FAM108B1	220285_at	0,951364213	-0,042021811	9	73667188	73715968	-1
CASC4	NA	NA	NA	15	42368221	42495247	1
EEF2	200094_s_at	0,271882491	-0,350281931	19	3927054	3936461	-1
STK39	202786_at	0,165954078	-1,073019464	2	168518776	168812351	-1
NCAPG2	219588_s_at	0,222756956	-0,367664606	7	158116764	158190281	-1
RDH10	NA	NA	NA	8	74369891	74399347	1
HIST1H3H	NA	NA	NA	6	27885821	27886293	1
KDM6A	203991_s_at	0,11705891	-0,333763185	X	44617725	44856791	1
CKB	NA	NA	NA	14	103055749	103058923	-1
TBL2	212685_s_at	0,070132528	0,539856322	7	72621210	72630949	-1
SHMT1	209980_s_at	0,37031458	0,442681037	17	18171912	18207581	-1
STX3	209238_at	0,769690311	0,113492039	11	59279465	59326755	1
ARPC5	211963_s_at	0,780159928	0,109807995	1	181861955	181871608	-1
HDAC4	204225_at	0,022581472	0,520080018	2	239634801	239987580	-1
ARHGAP17	218076_s_at	0,119406761	-0,795866477	16	24838211	24934176	-1
TMEM130	NA	NA	NA	7	98282047	98305579	-1
WBSCR16	221247_s_at	0,13994427	0,331984148	7	74094219	74127635	-1
SLC25A28	221432_s_at	0,945732827	0,017382598	10	101360265	101370211	-1
MBOAT7	211037_s_at	0,666628541	0,075864926	19	59368921	59385478	-1
CLK2	203229_s_at	0,985049486	0,006375154	1	153499283	153509905	-1
USP19	214674_at	0,954968701	0,017481258	3	49121112	49133217	-1
C17orf45	NA	NA	NA	17	16283081	16286067	1
VAV1	206219_s_at	0,754981154	0,17430832	19	6723722	6808371	1
RPL7L1	NA	NA	NA	6	42955649	42962709	1
CCDC51	218722_s_at	0,813967059	-0,101033124	3	48448584	48456533	-1

TMEM146	NA	NA	NA	19	5671688	5729742	1
CARS	212971_at	0,678565818	-0,227394855	11	2978735	3035247	-1
STOML2	215416_s_at	0,870978559	0,083082339	9	35089888	35093154	-1
CACNB1	210967_x_at	0,528726171	0,095987866	17	34583235	34607427	-1
ZNF800	NA	NA	NA	7	126797589	126820003	-1
MBD3	202463_s_at	0,290715112	-0,296284064	19	1527678	1543652	-1
C15orf42	NA	NA	NA	15	87919822	87972258	1
MAP2K5	204756_at	0,466471327	0,094722518	15	65622075	65886506	1
PDIA6	208638_at	0,000588676	0,96249775	2	10840968	10870411	-1
ISG20L2	212766_s_at	0,683806767	-0,148017262	1	154959037	154964329	-1
ATG2A	213300_at	0,797728493	-0,040533264	11	64418595	64441239	-1
BANK1	219667_s_at	0,066666873	-2,337952027	4	102930787	103214992	1
HBS1L	209315_at	0,101101187	0,252144503	6	135323209	135417715	-1
BZRAP1	205839_s_at	0,663162324	-0,087410251	17	53733591	53760477	-1
LIPA	201847_at	0,904037085	0,029788049	10	90963309	91001640	-1
CRYBA1	206982_at	0,630267728	0,07964367	17	24598001	24605638	1
GPATCH4	NA	NA	NA	1	154830903	154837894	-1
SNRK	209481_at	0,080430756	0,462998146	3	43303008	43367639	1
BRP44	202427_s_at	0,966284553	-0,033017526	1	166153934	166171857	-1
KRCC1	218303_x_at	0,107563042	-1,080960107	2	88107839	88136363	-1
HIST1H4H	NA	NA	NA	6	26393333	26393706	-1
SFRS2	200754_x_at	0,119336479	-0,242605257	17	72241792	72245007	-1
UCHL1	201387_s_at	0,633106172	-1,277713951	4	40953686	40965203	1
TDRKH	221052_at	0,581178604	0,13964657	1	150010664	150029634	-1
LIN37	213526_s_at	0,792780122	-0,073810118	19	40931352	40937260	1
CHCHD2	217720_at	0,480751315	-0,249402523	7	56136760	56141681	-1
MSN	200600_at	0,112006175	0,366665836	X	64804236	64878518	1
LONP1	209017_s_at	0,060819033	-0,606061887	19	5642845	5671176	-1
ATP5G2	208764_s_at	0,821990109	-0,070193498	12	52345211	52356376	-1
SEC61G	203484_at	0,580220631	0,200469605	7	54787434	54794433	-1
CDV3	213548_s_at	0,325506856	1,072897908	3	134775264	134791795	1
PCYT1A	204209_at	0,039109592	0,49970976	3	197449650	197498981	-1
FAM156A	NA	NA	NA	X	52993187	53002901	-1

DCUN1D3	NA	NA	NA	16	20776897	20819161	-1
CARHSP1	218384_at	0,202252153	-0,31188275	16	8854303	8869749	-1
P4HTM	222125_s_at	0,170795327	0,726174084	3	49002345	49019586	1
HIST1H2AL	207156_at	0,301019628	0,460411334	6	27941086	27941555	1
RASSF3	NA	NA	NA	12	63290560	63375459	1
DDX59	NA	NA	NA	1	198859647	198905658	-1
MLL2	211790_s_at	0,41787637	-0,249284793	12	47699025	47735374	-1
SEC31B	209889_at	0,701963989	0,108771111	10	102236393	102269585	-1
SFT2D2	214838_at	0,945651405	-0,018019381	1	166461870	166479002	1
DEPDC1	220295_x_at	0,651906234	-0,229474974	1	68713526	68735295	-1
C8orf76	NA	NA	NA	8	124301412	124322798	-1
ACSL4	202422_s_at	0,740193204	-0,062899065	X	108771220	108863277	-1
C9orf41	NA	NA	NA	9	76787693	76833130	-1
SCAMP3	201771_at	0,014008185	1,057101773	1	153492394	153498819	-1
MCEE	NA	NA	NA	2	71190327	71210867	-1
CAMK1	204392_at	0,640895088	-0,433270623	3	9774031	9786661	-1
VCP	208648_at	0,407378323	-0,217299993	9	35046560	35062564	-1
RRP12	216913_s_at	0,277181962	-0,201409306	10	99106448	99151055	-1
RPL7	200717_x_at	0,470419706	0,130742925	8	74365428	74368423	-1
AP1G1	203350_at	0,130857597	-0,487526536	16	70320404	70400477	-1
ADH5	208848_at	0,713806512	-0,239733672	4	100211152	100228954	-1
YWHAG	NA	NA	NA	7	75794052	75826252	-1
VPS52	214585_s_at	0,525890996	-0,242706069	6	33326027	33347640	-1
EXOC4	NA	NA	NA	7	132588363	133401054	1
GALR2	211226_at	0,972706478	0,008467867	17	71582487	71585168	1
ZACN	NA	NA	NA	17	71586904	71590342	1
TM2D3	221702_s_at	0,314269513	0,315257666	15	99999572	100010117	-1
MARCH9	NA	NA	NA	12	56435167	56439956	1
MPV17	NA	NA	NA	2	27385864	27399473	-1
HSPA8	208687_x_at	0,206972672	-0,403865561	11	122433410	122438054	-1
C2orf37	220172_at	0,076651294	-0,61978648	2	171999105	172049808	1
TRMT61A	221907_at	0,692895905	-0,104215577	14	103065262	103073163	1
ARPP19	221482_s_at	0,714172049	0,195404565	15	50626724	50648505	-1

C2orf78	NA	NA	NA	2	73864824	73897782	1
LRRC29	NA	NA	NA	16	65798543	65818402	-1
PARP9	NA	NA	NA	3	123729461	123766114	-1
RTKN2	NA	NA	NA	10	63622959	63698472	-1
ZNF337	37860_at	0,043067947	0,259565006	20	25602851	25625469	-1
B3GALT4	210205_at	0,634968331	-0,161204751	6	33352895	33354580	1
PRKG2	207505_at	0,902987011	0,021460774	4	82228861	82345239	-1
ZNF687	NA	NA	NA	1	149521415	149531005	1
KRIT1	216713_at	0,106420868	-0,809061505	7	91666219	91713148	-1
GSTO1	201470_at	0,249138244	1,207219808	10	106004668	106017203	1
KCMF1	217938_s_at	0,14734085	0,238957734	2	85051742	85140106	1
PLXDC1	219700_at	0,268559508	0,253664474	17	34473082	34561298	-1
SLC17A7	204229_at	0,094654809	0,242197176	19	54624470	54636596	-1
TSEN2	219581_at	0,316956106	0,183554489	3	12501028	12549812	1
ZNF7	205089_at	0,556025562	0,092444078	8	146023707	146039410	1
ZW10	204812_at	0,573621126	0,086192041	11	113109119	113149635	-1
EIF3G	208887_at	0,590677061	-0,160426486	19	10086690	10091599	-1
TICAM2	209404_s_at	0,522192772	0,142934476	5	114942247	114989610	-1
ZNF425	NA	NA	NA	7	148430809	148454311	-1
PPTC7	NA	NA	NA	12	109456620	109505447	-1
CRELD2	218358_at	0,197742754	0,802500841	22	48698348	48707180	1
NPHP1	206285_at	0,97713209	-0,003726814	2	110237177	110319883	-1
PRRG2	205617_at	0,976045596	0,007690671	19	54778280	54786008	1
REEP4	218777_at	0,802764967	-0,052477558	8	22051478	22055393	-1
POU2AF1	205267_at	0,258343194	-0,535913783	11	110728190	110755626	-1
USP45	NA	NA	NA	6	99986903	100069973	-1
TMED7	NA	NA	NA	5	114977102	114989595	-1
EBP	202735_at	0,332933047	0,64920184	X	48265201	48272048	1
MRPS24	NA	NA	NA	7	43872682	43875670	-1
MYCBPAP	NA	NA	NA	17	45940811	45963861	1
SF3B4	209044_x_at	0,400005424	0,286935023	1	148161835	148166326	-1
SNAP23	209130_at	0,009230388	-1,281611742	15	40575127	40612548	1
SBF1	212393_at	0,035391078	-1,313091996	22	49232101	49260320	-1

ADM2	220538_at	0,164612807	0,217163927	22	49266878	49271732	1
RPUSD2	221940_at	0,944165053	0,010319369	15	38648829	38653953	1
MECP2	202618_s_at	0,151806082	0,415305861	X	152940458	153016323	-1
ZDHC24	205634_x_at	0,114294702	0,183542981	11	66063311	66070247	-1
ACTN3	NA	NA	NA	11	66070967	66087373	1
SUDS3	NA	NA	NA	12	117298741	117340223	1
ITGA10	206766_at	0,44993742	-0,08847449	1	144236347	144255225	1
ZNF398	NA	NA	NA	7	148454441	148511052	1
CHORDC1	218566_s_at	0,09947135	-0,917638072	11	89574265	89595854	-1
C2orf67	215046_at	0,562115213	0,082880198	2	210593680	210744296	-1
PPWD1	213483_at	0,720497094	-0,058725291	5	64894891	64919129	1
THAP5	NA	NA	NA	7	107991766	107997133	-1
DNAJB9	202842_s_at	0,097785266	1,179089124	7	107997592	108002530	1
CCDC96	NA	NA	NA	4	7093477	7095629	-1
TADA2B	NA	NA	NA	4	7096057	7110580	1
PCBP1	208620_at	0,797865178	0,062294657	2	70168203	70169836	1
MAP2K3	215499_at	0,621820708	0,112610604	17	21128561	21159145	1
CRB3	NA	NA	NA	19	6415260	6418232	1
ALG12	218444_at	0,821569918	-0,045734049	22	48682856	48698110	-1
TWISTNB	214729_at	0,646115768	0,20068705	7	19701610	19715185	-1
RPS2	212433_x_at	0,34900086	-0,148795834	16	1952063	1954828	-1
ZNF225	207125_at	0,460410727	0,095726082	19	49309388	49329095	1
RPS17P16	NA	NA	NA	22	30765435	30765974	1
TRIM4	NA	NA	NA	7	99325972	99355090	-1
ENO1	201231_s_at	0,212292932	-0,453354778	1	8843650	8861367	-1
TMEM140	218999_at	0,92381222	0,013447339	7	134483364	134501190	1
PRKAR2A	213052_at	0,262236616	0,439417223	3	48763097	48860274	-1
JUND	214326_x_at	0,612776716	-0,198371919	19	18251570	18253432	-1
DNAJC24	213853_at	0,283082122	0,104978486	11	31347953	31410958	1
PDE6G	210060_at	0,378324474	0,14086832	17	77227894	77234038	-1
ANKIB1	NA	NA	NA	7	91713484	91868634	1
PMS2L5	NA	NA	NA	7	73944837	73959790	1
PFKFB2	207931_s_at	0,29059096	0,124570721	1	205293243	205320991	1

SFPQ	201586_s_at	0,157728238	-0,381105116	1	35421788	35431322	-1
ARL17	221740_x_at	0,021226179	-0,884720165	17	41732690	41794876	-1
S100A13	202598_at	0,974262796	-0,011118197	1	151857899	151867339	-1
CEP120	NA	NA	NA	5	122708478	122787151	-1
C9orf100	NA	NA	NA	9	35649341	35655278	-1
LIMA1	217892_s_at	0,027349221	-2,008167957	12	48855838	48963539	-1
C13orf27	213346_at	0,01171059	-1,0320793	13	102216461	102224143	-1
TSSK2	214371_at	0,243731202	0,199833649	22	17498790	17500136	1
RNF113A	209565_at	0,083368138	0,692565343	X	118888466	118889818	-1
BCL2	203685_at	0,028215944	2,275519457	18	58941559	59137593	-1
MSRA	219281_at	0,672014052	0,123571653	8	9949236	10323805	1
C7orf63	219455_at	0,123668987	0,252609742	7	89712461	89777624	1
CACYBP	211761_s_at	0,254751706	0,58542191	1	173235515	173247786	1
UBA5	218289_s_at	0,190203203	0,615758951	3	133861836	133879312	1
KCTD2	212564_at	0,132053386	0,222430708	17	70554874	70573576	1
ATRIP	NA	NA	NA	3	48463222	48482058	1
PDCD6IP	217746_s_at	0,84573506	0,08381256	3	33814561	33886198	1
ZDHHC9	NA	NA	NA	X	128766593	128805554	-1
STAG3L2	NA	NA	NA	7	73937203	73944667	-1
FSIP1	NA	NA	NA	15	37679524	37862331	-1
C16orf58	222190_s_at	0,046258024	0,632038876	16	31408316	31427207	-1
RAD21	200608_s_at	0,084838073	-0,451728967	8	117927355	117956182	-1
MRPL17	222216_s_at	0,43639945	-0,31217409	11	6659456	6661150	-1
SNX19	202358_s_at	0,107827365	0,344777416	11	130250976	130291592	-1
MRPS14	203801_at	0,526357686	0,46182888	1	173249751	173259184	-1
TCEB1	202824_s_at	0,817118425	-0,067910453	8	75021188	75046900	-1
PGBD4	NA	NA	NA	15	32181566	32183883	1
LAMP2	203041_s_at	0,033188745	1,717732279	X	119448709	119487189	-1
GPBP1	NA	NA	NA	5	56505701	56594666	1
MAP2K7	209951_s_at	0,262815468	0,324654231	19	7874765	7885363	1
ARID1A	210649_s_at	0,116215078	-0,455760018	1	26895109	26981188	1
APOA2	219465_at	0,2300037	0,229375416	1	159458707	159460042	-1
METTL2B	221079_s_at	0,879091404	0,079578943	7	127904019	127930214	1

ZFAND1	218919_at	0,060722675	0,548469068	8	82776513	82796085	-1
ATF6	203952_at	0,015556446	0,689308615	1	160002708	160195476	1
DAP3	208822_s_at	0,660151426	0,2087133	1	153925498	153974944	1
UHMK1	NA	NA	NA	1	160734279	160760468	1
DDX17	208719_s_at	0,395966985	-1,368211531	22	37209389	37232291	-1
ZNF652	205594_at	0,88866718	0,133336204	17	44727485	44794834	-1
YARS2	218470_at	0,128604812	-0,333112612	12	32790726	32800141	-1
PIK3R4	216752_at	0,715375141	-0,040249075	3	131880468	131948386	-1
NUDT9	218375_at	0,959672789	0,018789702	4	88562759	88598523	1
CHRN2	206635_at	0,130669381	0,258329823	1	152806881	152818978	1
HERPUD1	217168_s_at	0,952742105	-0,039861793	16	55523249	55535294	1
C1orf93	NA	NA	NA	1	2508109	2512762	1
CCDC138	NA	NA	NA	2	108769651	108859279	1
ZBTB1	213376_at	0,341517577	-0,644144121	14	64041174	64070161	1
TBL1XR1	221428_s_at	0,100896134	-0,989891298	3	178221867	178397734	-1
INCENP	219769_at	0,482443485	-0,238255484	11	61648021	61677211	1
SSR2	200652_at	0,004718694	1,496272916	1	154245463	154257382	-1
hCG_1646420	NA	NA	NA	11	113155728	113156417	1
SERTAD3	219382_at	0,688386462	-0,128939991	19	45638591	45642122	-1
NDUFA7	202785_at	0,945404886	-0,025629502	19	8282234	8292280	-1
RPS28	208904_s_at	0,629782471	-0,062935528	19	8292384	8293280	1
NR2F6	209262_s_at	0,886126837	-0,118884644	19	17203694	17217151	-1
MRPL13	218049_s_at	0,986780692	-0,006552284	8	121477264	121526828	-1
ZNRF2	NA	NA	NA	7	30290448	30373833	1
PMS2L3	NA	NA	NA	7	74975005	74995330	-1
XRRA1	NA	NA	NA	11	74229604	74337880	-1
MTA2	203444_s_at	0,221084461	-0,302302863	11	62117251	62125879	-1
RNF13	201779_s_at	0,384464442	0,262187447	3	151013165	151162616	1
GNE	205042_at	0,992464383	-0,008313839	9	36204438	36248401	-1
RAC2	213603_s_at	0,653056868	-0,197851912	22	35951256	35970251	-1
PKD1	202327_s_at	0,480126854	0,128809514	16	2078712	2125900	-1
RGS14	211021_s_at	0,37533905	0,229463105	5	176717450	176732205	1
C12orf42	NA	NA	NA	12	102219863	102413879	-1

DPYD	204646_at	0,475188103	0,410265094	1	97315887	98159203	-1
UBE2Q1	217978_s_at	0,473172456	0,295732887	1	152787675	152797744	-1
DUSP11	202703_at	0,106658217	-0,428007451	2	73842837	73860732	-1
DMXL2	215761_at	0,560063244	-0,133786955	15	49527229	49702259	-1
INSR	207851_s_at	0,258697415	0,372151515	19	7063266	7245011	-1
TMED10	200929_at	0,003894546	0,99770485	14	74667924	74713102	-1
RPS27L	218007_s_at	0,164330858	0,440339208	15	61232592	61236794	-1
KIAA1826	NA	NA	NA	11	105383839	105398164	-1
JUP	201015_s_at	0,920875539	0,118225475	17	37164390	37196475	-1
PURG	220860_at	0,810294625	0,036973041	8	31007899	31009859	-1
WRN	205667_at	0,476691694	-0,354572446	8	31010320	31150818	1
LRRC32	203835_at	0,647143701	-0,20320228	11	76046222	76058543	-1
SKP1	200711_s_at	0,22645988	-0,418902346	5	133520468	133540583	-1
MSTO1	218296_x_at	0,19195445	0,432525918	1	153846631	153851382	1
ALDH3A2	210544_s_at	0,000490613	0,703197057	17	19492656	19521500	1
EIF3H	201592_at	0,986497735	-0,008500981	8	117726236	117837243	-1
HEXIM2	NA	NA	NA	17	40594047	40603189	1
MPHOSPH10	212885_at	0,666032696	0,090647929	2	71210952	71230738	1
PTGES3	200627_at	0,374608629	-0,300635084	12	55343649	55368156	-1
CREBL2	201988_s_at	0,135154593	0,37129942	12	12656098	12689308	1
LMNB2	216952_s_at	0,148552595	-0,458350997	19	2379164	2407958	-1
DDHD2	NA	NA	NA	8	38208264	38238143	1
C18orf55	NA	NA	NA	18	69966726	69977184	1
TMEM218	NA	NA	NA	11	124471608	124478415	-1
VPS33B	44111_at	0,140955403	0,25767309	15	89342778	89366837	-1
SLC39A7	202667_s_at	0,324310347	0,429852641	6	33276581	33280192	1
RANBP9	202582_s_at	0,231325296	-0,584586186	6	13729709	13819775	-1
EIF2A	NA	NA	NA	3	151747264	151786493	1
SNX33	NA	NA	NA	15	73728403	73738023	1
WDR7	212880_at	0,987969735	-0,010517231	18	52469614	52848034	1
BOLA2B	NA	NA	NA	16	30111757	30113128	-1
NMD3	218036_x_at	0,546287924	-0,227474634	3	162421793	162452489	1
DAZAP2	200794_x_at	0,046372156	-0,664704045	12	49918893	49923834	1

IRGQ	221877_at	0,57362564	0,111332454	19	48787866	48791516	-1
CITED2	207980_s_at	0,771080742	0,113278213	6	139735089	139737478	-1
SH2B2	205367_at	0,638465489	0,373235459	7	101715166	101748898	1
C11orf10	218213_s_at	0,018510748	0,534102945	11	61313181	61316661	-1
FEN1	204768_s_at	0,166614806	-0,407546565	11	61316726	61321286	1
KIAA1712	NA	NA	NA	4	175441435	175478057	1
COX18	NA	NA	NA	4	74139280	74154336	-1
YTHDC1	212455_at	0,152292933	-0,41455564	4	68858700	68898419	-1
MKLN1	204423_at	0,317780496	-0,324673856	7	130663175	130831931	1
SIGLEC10	NA	NA	NA	19	56605087	56613263	-1
TMEM194A	212621_at	0,413233147	-0,412754653	12	55735693	55758813	-1
ACAD11	NA	NA	NA	3	133759672	133861665	-1
FARS2	204283_at	0,752966724	-0,148254291	6	5206583	5716815	1
YY1AP1	217836_s_at	0,449758072	0,320819951	1	153895857	153925189	-1
GPATCH3	218895_at	0,514593044	0,100544924	1	27089567	27099544	-1
SNAPIN	NA	NA	NA	1	151897824	151900930	1
MTPAP	218947_s_at	0,058914713	-0,441964022	10	30641765	30678254	-1
C1orf101	NA	NA	NA	1	242691313	242870285	1
NUP85	218014_at	0,029759731	-0,741812579	17	70713192	70743449	1
ZBTB11	204847_at	0,491636924	-0,276138225	3	102850978	102878607	-1
C7orf44	206497_at	0,028650991	-0,386017584	7	43645384	43735608	-1
HNRNPU	200594_x_at	0,214631176	-0,211672139	1	243080225	243094450	-1
SRBD1	219055_at	0,395759864	0,687450726	2	45469324	45691907	-1
TOP3A	214300_s_at	0,264636062	0,275831949	17	18117960	18159046	-1
PRMT7	219408_at	0,173629934	-0,47841932	16	66902446	66948663	1
C3orf26	NA	NA	NA	3	101019371	101380137	1
BRD1	204520_x_at	0,96168564	0,01759381	22	48552941	48604456	-1
SLC5A1	206628_at	0,298832915	0,127791095	22	30769259	30836645	1
GSR	205770_at	0,585274555	-0,426851464	8	30655977	30704985	-1
TOB1	202704_at	0,436210794	-0,414539184	17	46294583	46296412	-1
ATP5B	201322_at	0,999186941	-0,000446088	12	55318226	55326119	-1
BAG1	202387_at	0,628900265	-0,24438751	9	33242469	33254761	-1
GNB5	207124_s_at	0,036468058	-0,700588214	15	50200415	50259454	-1

SLC1A2	208389_s_at	0,568841652	0,062653422	11	35229328	35397681	-1
TOP1	208901_s_at	0,361941329	-0,400042864	20	39090876	39186541	1
FOXM1	202580_x_at	0,237414585	-0,478018672	12	2837110	2856564	-1
OAZ1	215952_s_at	0,699661363	-0,116187627	19	2220520	2224487	1
ENAH	217820_s_at	0,554195235	-0,585215619	1	223741157	223907468	-1
ZC3H8	NA	NA	NA	2	112689910	112729121	-1
CALM2	NA	NA	NA	2	47240809	47257154	-1
MRPL32	NA	NA	NA	7	42938464	42943981	1
TLK2	212997_s_at	0,15406795	-0,365024692	17	57910136	58044759	1
ARFIP2	202109_at	0,516629946	-0,23693441	11	6453486	6459171	-1
HCFC2	219484_at	0,285090323	0,259976808	12	102982457	103021373	1
MDM4	205655_at	0,847126539	0,053892457	1	202752134	202786349	1
RRP15	214764_at	0,022392577	-0,970394928	1	216525252	216577948	1
N4BP2L2	214748_at	0,249138244	0,187324177	13	31904930	32010936	-1
BST2	201641_at	0,37031458	0,42604463	19	17374755	17377384	-1
FDPS	201275_at	0,946476869	-0,040313897	1	153545374	153557080	1
THUMPD1	206555_s_at	0,173514092	-0,505202378	16	20652487	20660700	-1
CHMP5	219356_s_at	0,130857597	-0,43711557	9	33255000	33271510	1
PPP1R10	201703_s_at	0,533298689	-0,133694685	6	30676161	30692999	-1
TINF2	220052_s_at	0,917473251	-0,044425888	14	23778689	23781720	-1
PPP1R15B	NA	NA	NA	1	202639143	202647542	-1
PSMB7	200786_at	0,879145326	0,070416845	9	126155565	126217542	-1
PRKAR2B	203680_at	0,870299344	-0,484363673	7	106472414	106589492	1
OGFRL1	219582_at	0,232464121	-0,333365079	6	72055198	72068694	1
CDR2	209501_at	0,571915777	-0,148522426	16	22264758	22293439	-1
TMF1	215855_s_at	0,75445946	0,089218765	3	69151668	69184174	-1
LENEP	221115_s_at	0,642836494	0,043187859	1	153232686	153233415	1
C5orf51	NA	NA	NA	5	41940227	41957495	1
NSMCE2	NA	NA	NA	8	126173277	126448544	1
ASH1L	218554_s_at	0,266855376	0,108172831	1	153571676	153798948	-1
PUS7L	221025_x_at	0,386478032	-0,150249647	12	42408677	42438863	-1
IRAK4	219618_at	0,512162353	-0,167293539	12	42439047	42468166	1
IMMP2L	NA	NA	NA	7	110090346	110989583	-1

NDUFA4	217773_s_at	0,028731793	-0,673035463	7	10939340	10946338	-1
C4orf43	218513_at	0,144807608	-0,627656192	4	164635123	164661141	1
TARS2	221189_s_at	0,467168147	0,235224913	1	148726544	148746380	1
C1orf66	218914_at	0,078918106	0,71536406	1	154964902	154973365	1
KIAA1370	NA	NA	NA	15	50660810	50758112	-1
LYRM4	218561_s_at	0,000355216	-1,406730233	6	5053652	5206167	-1
POLD2	216175_at	0,717377361	0,052650786	7	44120812	44129655	-1
DNAJB6	209015_s_at	0,006498849	-1,72763592	7	156822471	156871779	1
GABPB1	204618_s_at	0,059438003	-0,29777229	15	48356681	48434687	-1
PRCC	208938_at	0,670732805	0,232735818	1	155003898	155037233	1
EIF3A	200597_at	0,381415202	-0,331862267	10	120784531	120830324	-1
FBXO38	221257_x_at	0,537672411	-0,170190782	5	147743739	147802592	1
LRRC41	215765_at	0,217034442	0,287389869	1	46516659	46541625	-1
PSMA2	201317_s_at	0,351078262	-0,285642195	7	42922985	42938330	-1
POLR2J	212782_x_at	0,949697128	-0,021589923	7	101900552	101906386	-1
CLPX	204809_at	0,473775148	-0,19329574	15	63229837	63264616	-1
RAB3IP	NA	NA	NA	12	68418898	68503251	1
DGCR2	202099_s_at	0,242078424	0,191083904	22	17403795	17489967	-1
RAP1GDS1	209444_at	0,642836494	-0,376872002	4	99401550	99584035	1
TSR2	213079_at	0,524709825	0,106931615	X	54483578	54488455	1
BCL7B	202518_at	0,299345176	-0,343994892	7	72588622	72609960	-1
AFTPH	217939_s_at	0,642428341	0,136218893	2	64604969	64673643	1
ZNF710	39891_at	0,520818327	0,077430146	15	88345756	88425029	1
FLNB	208613_s_at	0,58164181	-0,147808763	3	57969167	58133018	1
PRRC1	221734_at	0,251750302	0,337718528	5	126881247	126918672	1
SIN3A	NA	NA	NA	15	73450328	73530979	-1
PHF7	221611_s_at	0,200372206	0,329853122	3	52419567	52432697	1
ARL5B	NA	NA	NA	10	18988319	19006946	1
MEF2D	203003_at	0,103617997	0,345327045	1	154700143	154737153	-1
ABCC5	209380_s_at	0,987969735	-0,005439772	3	185120416	185218421	-1
RAF1	201244_s_at	0,150755682	0,48079123	3	12600108	12680678	-1
ARHGAP12	207606_s_at	0,603519453	0,151458931	10	32135231	32257776	-1
TMEM85	NA	NA	NA	15	32304537	32309649	1

FNIP1	NA	NA	NA	5	131005306	131160655	-1
INPPL1	201598_s_at	0,56981041	-0,097230172	11	71613473	71627797	1
CROT	204573_at	0,456076015	0,163931132	7	86812947	86867045	1
DUSP12	218576_s_at	0,37031458	0,432261581	1	159986205	159993576	1
TRA2B	200892_s_at	0,239000475	-0,170365455	3	187117226	187138450	-1
NOP56	200875_s_at	0,062016355	-0,428569183	20	2581254	2587039	1
ATF5	204998_s_at	0,039482974	-0,919678765	19	55124272	55129003	1
PKLR	222078_at	0,086277594	0,438033007	1	153526254	153537835	-1
NFIB	211466_at	0,52905307	0,068919003	9	14071847	14303945	-1
ZNF184	213452_at	0,198654421	-0,837269602	6	27526506	27548858	-1
HADH	201035_s_at	0,007654231	-0,498587538	4	109130389	109175780	1
ZNF642	NA	NA	NA	1	40715889	40734602	1
ANXA7	209860_s_at	0,039917957	0,658171827	10	74805210	74843809	-1
PDK1	206686_at	0,242985995	0,331608939	2	173129025	173172108	1
WDR19	220917_s_at	0,171327502	-0,45545898	4	38860419	38963825	1
ASL	204608_at	0,434706873	0,345857407	7	65178211	65195765	1
ZNF202	204327_s_at	0,069613065	-0,263323096	11	123100207	123117573	-1
HCN3	NA	NA	NA	1	153513998	153526262	1
EEF1A1	213583_x_at	0,777630983	0,042623312	6	74282194	74287476	-1
ARID4B	221230_s_at	0,929267909	0,156738417	1	233396833	233558155	-1
SMEK2	222270_at	0,181695222	-0,227282629	2	55629018	55698253	-1
IAH1	NA	NA	NA	2	9532121	9546042	1
SETDB1	214197_s_at	0,454930469	0,18213648	1	149165512	149203837	1
HMG3	209377_s_at	0,218632642	-0,569435148	6	79967681	80001174	-1
GRK6	202849_x_at	0,87147408	0,047498167	5	176786293	176802456	1
DNMT1	201697_s_at	0,003674388	-0,67048813	19	10105022	10166811	-1
MYST1	221820_s_at	0,263734294	-0,44110505	16	31036488	31050206	1
C19orf43	NA	NA	NA	19	12702454	12706529	-1
VPS36	NA	NA	NA	13	51884738	51922764	-1
CAP1	200625_s_at	0,002108884	-1,003581555	1	40278842	40310908	1
MGAT2	211061_s_at	0,12424434	0,63362161	14	49157239	49159949	1
ZYG11B	NA	NA	NA	1	52964769	53063913	1
IKBKAP	202491_s_at	0,212873037	-0,349257042	9	110669621	110736217	-1

GATAD2B	NA	NA	NA	1	152043825	152162075	-1
ZNF672	218068_s_at	0,786461218	0,158939116	1	247099153	247110337	1
ST6GALNAC4	220937_s_at	0,905651377	0,108420416	9	129709986	129719126	-1
IP6K2	218192_at	0,767051804	-0,116920365	3	48700440	48729710	-1
PIGP	221689_s_at	0,043048111	0,873647741	21	37359534	37367328	-1
TRAPPC4	217958_at	0,894120051	-0,030526507	11	118394451	118399592	1
FGFR1	222164_at	0,184673126	-0,226675802	8	38387813	38445509	-1
SDF2	203090_at	0,323365854	0,266838384	17	23999734	24013060	-1
SUPT6H	208830_s_at	0,256116021	-0,138401984	17	24013429	24053376	1
CLASP1	212752_at	0,013881412	-0,614851081	2	121811825	122123522	-1
RPS27	200741_s_at	0,353764306	0,171095858	1	152229853	152231250	1
C22orf25	NA	NA	NA	22	18388631	18433447	1
TNRC6B	213254_at	0,532154627	0,089584248	22	38770767	39061758	1
VMA21	NA	NA	NA X		150316363	150328494	1
SUCLG2	212459_x_at	0,367313193	0,51442896	3	67507833	67787728	-1
AURKA	208079_s_at	0,161708463	-0,564469216	20	54377852	54400758	-1
CDC37	209953_s_at	0,776920379	-0,120487952	19	10362809	10375271	-1
ATP11B	212536_at	0,780384401	0,127265031	3	183993985	184122117	1
SLC39A14	212110_at	0,678544996	0,216289537	8	22280737	22336143	1
MLF2	200948_at	0,250725495	-0,400808223	12	6727423	6732530	-1
BUB1	216277_at	0,380990589	0,098623997	2	111111881	111152135	-1
SFRS12IP1	217608_at	0,64105152	-0,162488607	5	64049731	64100252	-1
CKS2	204170_s_at	0,117734811	-1,180134534	9	91115933	91121438	1
KIAA1377	NA	NA	NA	11	101290956	101377003	1
PAPSS1	209043_at	0,766291309	0,283086569	4	108754271	108860868	-1
PRKACB	202741_at	0,001277091	-2,733012753	1	84382540	84476769	1
MITD1	NA	NA	NA	2	99152158	99163924	-1
ABCF3	202394_s_at	0,077565122	0,471242017	3	185386557	185394489	1
EBAG9	204278_s_at	0,44476391	-0,426773267	8	110621105	110646568	1
DNAJA3	205963_s_at	0,345868619	-0,183040673	16	4415883	4446777	1
CENPK	NA	NA	NA	5	64849350	64894751	-1
HBP1	209102_s_at	0,183837571	0,596162537	7	106596696	106630210	1
SRP14	200007_at	0,059036026	-0,275729527	15	38115183	38118681	-1

PIK3IP1	221757_at	0,633702108	0,070358821	22	30007579	30018474	-1
GNB1L	220762_s_at	0,479401732	-0,152723346	22	18155934	18222462	-1
FAM108C1	NA	NA	NA	15	78774707	78835017	1
RCE1	205333_s_at	0,940012319	-0,01611602	11	66367459	66370579	1
SERP1	200971_s_at	0,283375377	0,233672455	3	151742470	151747118	-1
PFKFB1	207537_at	0,442116514	0,07336658	X	54976315	55037236	-1
C11orf59	NA	NA	NA	11	71485986	71491970	-1
SPHK2	40273_at	0,582526636	-0,107867999	19	53814360	53825474	1
GTF2H2C	221540_x_at	0,760622095	0,116825381	5	68891807	68924486	1
CEBPG	204203_at	0,924661147	-0,029488048	19	38556449	38565432	1
UQCRH	202233_s_at	0,69148977	-0,141533292	1	46541967	46555035	1
TARBP1	202813_at	0,494546069	-0,203347218	1	232593682	232681472	-1
DOCK10	219279_at	0,462281886	0,65781508	2	225338051	225615574	-1
SRP68	NA	NA	NA	17	71546786	71580202	-1
SENP2	218122_s_at	0,195010142	0,591929549	3	186786725	186831583	1
DHX30	204355_at	0,59868961	0,218486862	3	47819655	47866687	1
OS9	200714_x_at	0,009138713	0,743944603	12	56374153	56401607	1
ASNA1	202024_at	0,444531404	0,318703315	19	12709306	12720137	1
PI4K2B	NA	NA	NA	4	24844773	24889808	1
RIN1	205211_s_at	0,28699398	0,250781505	11	65856118	65860576	-1
MED22	206593_s_at	0,660994293	-0,062276406	9	135197565	135204793	-1
ISCU	209075_s_at	0,131271621	0,458135712	12	107480512	107487273	1
WIPF1	202663_at	0,010657524	-1,640397797	2	175132548	175207553	-1
RHBDD3	217622_at	0,160883608	0,219417609	22	27985844	27993914	-1
FRG1	204145_at	0,133130634	-0,455761959	4	191098968	191121353	1
ORMDL2	218556_at	0,114606703	0,406474325	12	54498073	54501226	1
KLRK1	205821_at	0,200136058	-0,404152594	12	10416219	10451632	-1
BRAP	209922_at	0,22020152	-0,241857147	12	110566280	110608122	-1
NUP160	212709_at	0,037043965	-0,989045518	11	47756246	47826633	-1
EWSR1	209214_s_at	0,001647844	-0,719880729	22	27994017	28026515	1
CSNK2A1	212072_s_at	0,657908138	-0,135001	20	411338	472482	-1
KIAA0922	209760_at	0,001199613	-3,345745926	4	154607002	154777313	1
GBE1	203282_at	0,753302383	0,18331025	3	81621541	81893640	-1

CTNNAL1	202468_s_at	0,386898885	-0,528469778	9	110744672	110815585	-1
BTG2	201236_s_at	0,164382218	-0,855321464	1	201541287	201545353	1
TMOD3	220800_s_at	0,747959235	0,29066725	15	49909181	49989142	1
TRIB2	202479_s_at	0,042409373	-0,862091724	2	12774659	12800311	1
SLC7A6OS	NA	NA	NA	16	66892021	66902349	-1
DRG1	202810_at	0,193946987	-0,274525406	22	30125539	30160172	1
STAG3L1	NA	NA	NA	7	74826383	74834926	1
ZHX1	NA	NA	NA	8	124329877	124355728	-1
S100A4	203186_s_at	0,310468379	-0,938181821	1	151782719	151784906	-1
ZNF780A	215570_s_at	0,797183968	0,046194031	19	45272263	45280891	-1
SHC1	214853_s_at	0,007141327	0,745536257	1	153201398	153213464	-1
ADAM10	202604_x_at	0,076193233	1,194447775	15	56675802	56829469	-1
CA8	220234_at	0,948166064	0,0542075	8	61263977	61356508	-1
ARID4A	205062_x_at	0,207040787	-0,448467834	14	57834975	57910204	1
FANCF	218689_at	0,157151402	0,67786434	11	22600655	22603963	-1
HSPA2	211538_s_at	0,439416556	-0,502004708	14	64076939	64079708	1
ACP6	218795_at	0,432709603	0,523101726	1	145585792	145609258	-1
TUBB	211714_x_at	0,019425165	-0,361183033	6	30796136	30801178	1
GSPT2	205541_s_at	0,318156828	-1,160832992	X	51503267	51505769	1
ZNF286A	220250_at	0,610923357	0,061062832	17	15544054	15561963	1
PPT2	209490_s_at	0,6328754	0,146994523	6	32229279	32239430	1
RMI1	218979_at	0,015472499	-0,588848463	9	85785457	85808809	1
CYB561D2	209665_at	0,115246925	0,555247656	3	50363301	50366504	1
BAP1	201419_at	0,187739585	0,355845408	3	52410064	52419049	-1
SETDB2	NA	NA	NA	13	48916511	48964299	1
NR2C1	204791_at	0,006633824	-0,676642392	12	93939802	93991339	-1
IFRD1	202146_at	0,140650428	-0,957789835	7	111877751	111903483	1
LRSAM1	NA	NA	NA	9	129254355	129305599	1
PRR14	218714_at	0,398583242	-0,202527739	16	30569742	30575235	1
HISPPD1	203253_s_at	0,011512513	-0,813686506	5	102493156	102566809	1
PCTK1	208823_s_at	0,391402595	0,165623085	X	46962576	46974340	1
PTEN	211711_s_at	0,235455222	-0,549636886	10	89613175	89718512	1
SLC25A32	221020_s_at	0,121789061	-0,403045237	8	104480042	104496447	-1

AZIN1	201772_at	0,410505679	-0,286606772	8	103907712	103945573	-1
DDAH2	215537_x_at	0,277761543	0,519110706	6	31802796	31806018	-1
ZNF740	NA	NA	NA	12	51860802	51870921	1
CD46	211574_s_at	0,078329772	0,734641273	1	205992025	206035481	1
MTMR3	211507_s_at	0,220881019	0,185446869	22	28609158	28756857	1
C15orf24	217898_at	0,00054641	1,409473183	15	32163515	32181345	-1
MSH5	210410_s_at	0,606693907	-0,349579649	6	31815753	31838432	1
FOSB	202768_at	0,17215469	0,217729846	19	50663093	50670276	1
ZBTB25	214482_at	0,352418952	-0,366419581	14	64023308	64040307	-1
AARS	201000_at	0,646975826	0,279637614	16	68843798	68880913	-1
ASNS	205047_s_at	0,266855376	-0,480137205	7	97319376	97339732	-1
HEY2	219743_at	0,846561034	0,048165334	6	126112425	126124108	1
RBM38	212430_at	0,05355319	-1,208963665	20	55399870	55417795	1
PIK3CG	206370_at	0,598283519	-0,12783152	7	106293160	106334828	1
TRIM69	NA	NA	NA	15	42815852	42847317	1
SDCCAG10	NA	NA	NA	5	64100511	64350346	1
C14orf169	NA	NA	NA	14	73027397	73029858	1
C2orf43	219008_at	0,06188065	-0,568283583	2	20748299	20886308	-1
RPL10A	200036_s_at	0,393114214	-0,13033082	6	35544156	35546536	1
RAB33B	221014_s_at	0,487455832	-0,099390497	4	140594411	140616520	1
FAM86B1	65585_at	0,733690666	0,123861499	8	12077022	12089033	-1
ZNF280C	NA	NA	NA X		129164366	129230554	-1
PCTK2	221918_at	0,086357801	-0,462947817	12	95196171	95318354	-1
SARNP	NA	NA	NA	12	54437325	54497773	-1
SMU1	218393_s_at	0,499159724	-0,195780638	9	33031850	33066714	-1
TCTA	203054_s_at	0,120799267	0,662721	3	49424643	49428913	1
HNRNPD	209330_s_at	0,03172286	-0,566948783	4	83493491	83514173	-1
CTRL	214377_s_at	0,480023701	-0,080064887	16	66520974	66523266	-1
ATE1	NA	NA	NA	10	123492615	123677536	-1
SCYL2	221220_s_at	0,702205505	0,217431998	12	99185680	99258048	1
TSTA3	201644_at	0,813967059	0,077706336	8	144765933	144770038	-1
ZBTB43	204181_s_at	0,063371816	0,300343744	9	128607182	128637318	1
TSC22D2	204094_s_at	0,083987816	-0,907124222	3	151609478	151660321	1

STARD7	200028_s_at	0,008536333	-0,932991894	2	96214324	96238300	-1
OPA3	206357_at	0,23340333	0,295089153	19	50722865	50779962	-1
DDX5	200033_at	0,153099647	-0,189331446	17	59926200	59932869	-1
CCDC90A	220094_s_at	0,413134529	-0,40472142	6	13898999	13922768	-1
GTF2H2	215470_at	0,634188945	0,059628761	5	70366707	70399253	-1
CEND1	219591_at	0,16363277	0,507143286	11	777110	780126	-1
ZC3H11A	205787_x_at	0,414788048	0,313840911	1	202031374	202089879	1
MYO6	210480_s_at	0,323682814	0,283117454	6	76515629	76685974	1
PSMD5	203447_at	0,09746503	-0,413143727	9	122618152	122645027	-1
FBXW4	221519_at	0,174738128	-0,220570134	10	103360411	103444733	-1
MRPL38	NA	NA	NA	17	71406319	71413069	-1
ACAP2	212476_at	0,102491505	-1,042838342	3	196476768	196645041	-1
CCDC150	NA	NA	NA	2	197212601	197305775	1
POLR2J3	214740_at	0,140139953	0,242384515	7	101965371	102000173	-1
SRPR	200918_s_at	0,125720593	1,012458095	11	125638043	125643960	-1
CMC1	NA	NA	NA	3	28258128	28336268	1
MCM6	201930_at	0,094807252	-0,573690708	2	136313666	136350481	-1
SNRPB	208821_at	0,041614023	-0,688376887	20	2390281	2399499	-1
DKC1	201479_at	0,91966985	-0,028826302	X	153644344	153659154	1
SEC23B	201582_at	0,083645721	0,463993211	20	18436188	18490050	1
ZFPL1	209428_s_at	0,024036715	0,384404744	11	64608270	64612450	1
CNBP	206158_s_at	0,443061681	0,133892614	3	130371122	130385392	-1
CDKL3	219831_at	0,915349506	-0,014600048	5	133671591	133730113	-1
PARL	218271_s_at	0,404599454	0,250774569	3	185029867	185085387	-1
WIPF2	212050_at	0,345915343	-0,271643405	17	35629100	35691965	1
CHID1	NA	NA	NA	11	858396	900823	-1
STK10	40420_at	0,59868961	-0,319896105	5	171401679	171547951	-1
RSBN1L	NA	NA	NA	7	77163696	77246944	1
GRN	211284_s_at	0,197203477	-0,694898847	17	39778017	39785996	1
TXNRD2	211177_s_at	0,094663015	0,384733192	22	18243040	18309359	-1
ARHGAP11B	NA	NA	NA	15	28706171	28718305	1
ASPM	219918_s_at	0,412273125	-0,416579798	1	195319997	195382287	-1
PPP3R1	NA	NA	NA	2	68259493	68333155	-1

RPSA	213801_x_at	0,927627964	-0,029983608	3	39423208	39429037	1
CORO7	219040_at	0,814751673	0,108520448	16	4344546	4406572	-1
NSF	202395_at	0,028516703	-0,589877939	17	42023354	42190000	1
LMAN2	200805_at	0,015127255	0,966777634	5	176691357	176711254	-1
MLH1	202520_s_at	0,828782344	-0,119009648	3	37009983	37067341	1
KIAA0226	212733_at	0,135154593	-0,925528901	3	198882656	198948170	-1
KBTBD4	218570_at	0,127769236	-0,514708744	11	47550326	47557078	-1
SPAG7	200053_at	0,278429206	0,30407275	17	4803244	4811856	-1
TOMM40	202264_s_at	0,910827471	-0,041169812	19	50086334	50098783	1
ATR	209903_s_at	0,0794422	-0,790644863	3	143650767	143780358	-1
RPS18	201049_s_at	0,208694307	-0,163105347	6	33347830	33352259	1
C15orf57	NA	NA	NA	15	38632590	38644544	-1
PKN2	212628_at	0,064430794	-0,66344073	1	88922510	89074526	1
ABCB10	NA	NA	NA	1	227718953	227761065	-1
FOXA3	NA	NA	NA	19	51059358	51068895	1
TYW1	218347_at	0,064305378	0,303578833	7	66099252	66341934	1
MGST1	NA	NA	NA	12	16391979	16408611	1
COG4	212189_s_at	0,638825701	-0,138079646	16	69071973	69114958	-1
ZNF613	NA	NA	NA	19	57122500	57140817	1
B4GALT1	211631_x_at	0,547209684	-0,146447949	9	33100642	33157236	-1
PEX11B	202658_at	0,094626485	0,827183601	1	144227740	144235088	1
RAB13	202252_at	0,949776303	-0,016370471	1	152220751	152225430	-1
C5orf25	NA	NA	NA	5	175597969	175705598	1
FOXRED1	NA	NA	NA	11	125644265	125653237	1
WBP11	217822_at	0,14548753	-0,452136091	12	14830679	14847668	-1
TRIM3	213884_s_at	0,290654508	0,133750496	11	6426419	6451781	-1
DDN	214788_x_at	0,798584067	-0,129342088	12	47675200	47679355	-1
MRPS16	218046_s_at	0,468993015	0,414357756	10	74678607	74682457	-1
ALDH16A1	NA	NA	NA	19	54648325	54665658	1
RHOA	200059_s_at	0,984279063	0,005821198	3	49371582	49424530	-1
ALAS1	205633_s_at	0,923319004	-0,061850609	3	52207156	52223383	1
KNTC1	206316_s_at	0,996733076	-0,001613911	12	121577762	121676900	1
YME1L1	201351_s_at	0,101770109	-0,323562084	10	27439389	27483327	-1

ABCB6	203192_at	0,007411046	1,232724385	2	219782738	219791916	-1
DEPDC4	NA	NA	NA	12	99170172	99184988	-1
TGS1	219231_at	0,005237136	-0,671334089	8	56848345	56900559	1
FDXR	207813_s_at	0,205770407	-0,305415827	17	70370214	70380751	-1
RABIF	204478_s_at	0,162987743	0,341579764	1	201114708	201124886	-1
CCT4	200877_at	0,049069787	-0,474318673	2	61948766	61969295	-1
C7orf28B	201973_s_at	0,002709451	-0,819227031	7	6805097	6832386	-1
GTPBP8	221046_s_at	0,322103332	-0,396965952	3	114192490	114202911	1
MKNK2	218205_s_at	0,029703591	-1,334128243	19	1988470	2002243	-1
MASTL	NA	NA	NA	10	27484298	27515854	1
ABCF1	200045_at	0,525736525	-0,352590166	6	30647149	30667288	1
SLC35B4	NA	NA	NA	7	133624629	133652343	-1
RPL7A	217740_x_at	0,523720692	-0,064128991	9	135204890	135208101	1
XRN1	NA	NA	NA	3	143508139	143649543	-1
ARL6	NA	NA	NA	3	98966285	99000063	1
WDR42A	216885_s_at	0,062220194	0,583655022	1	158452129	158498603	-1
TAF1D	218750_at	0,04409934	-0,643857381	11	93108743	93114310	-1
RAG1AP1	219125_s_at	0,207794058	0,557615809	1	153374950	153377951	1
RPL36AL	207585_s_at	0,862507362	-0,121659938	14	49155156	49157099	-1
TUT1	203443_at	0,15133118	0,226038808	11	62099096	62115592	-1
ACO2	200793_s_at	0,562955075	0,223717618	22	40195075	40254939	1
CSAD	221139_s_at	0,94528675	0,016900958	12	51837714	51860647	-1
WDSOF1	NA	NA	NA	8	104496118	104524376	1
C22orf29	219560_at	0,942375392	0,01094565	22	18213661	18222371	-1
ST3GAL3	NA	NA	NA	1	43945805	44169418	1
C3orf31	NA	NA	NA	3	11806919	11863352	-1
CLTC	200614_at	0,393783979	-0,127437583	17	55051832	55129099	1
ZNF524	NA	NA	NA	19	60803542	60806316	1
UBE2J1	NA	NA	NA	6	90093063	90119338	-1
CNOT4	210867_at	0,124393706	0,252215634	7	134697089	134845391	-1
OSTF1	204479_at	0,618476838	0,143542466	9	76893279	76951583	1
DCP1B	NA	NA	NA	12	1925475	1983938	-1
EPM2AIP1	202909_at	0,697174614	0,103624087	3	37004233	37009799	-1

APPBP2	202630_at	0,482443485	-0,159725739	17	55875302	55958362	-1
FBXO8	NA	NA	NA	4	175394384	175441977	-1
NDUFB9	NA	NA	NA	8	125620524	125631408	1
RUNDC2A	NA	NA	NA	16	11978103	12054642	1
GPX1	200736_s_at	0,257564077	0,566097942	3	49369613	49370795	-1
RPL13A	200716_x_at	0,039917957	-0,357075521	19	54682677	54687377	1
CCNL1	220046_s_at	0,617884299	-0,204296514	3	158348279	158361176	-1
MAP3K9	214969_at	0,46745141	-0,188607079	14	70264605	70345641	-1
SPRYD4	NA	NA	NA	12	55148629	55150067	1
RPL3L	206768_at	0,738567705	0,03611293	16	1934581	1944680	-1
HACL1	NA	NA	NA	3	15577243	15618134	-1
SUPT3H	206506_s_at	0,351115547	0,939465317	6	44905428	45453553	-1
NSUN6	NA	NA	NA	10	18874496	18980556	-1
CORO1C	221676_s_at	0,681744704	-0,368400956	12	107563014	107649424	-1
PFDN1	201507_at	0,541566644	-0,127728298	5	139604819	139662873	-1
NUBP2	NA	NA	NA	16	1772960	1779187	1
CLIC1	208659_at	0,218632642	0,388291198	6	31806337	31812320	-1
FNTA	200090_at	0,116537696	-0,442727666	8	43030599	43060088	1
LYRM1	203897_at	0,038021246	-1,009299214	16	20819927	20843829	1
SPSB3	221769_at	0,147916132	0,357312942	16	1766714	1772582	-1
LSM4	202737_s_at	0,137254417	-0,69970469	19	18278717	18294962	-1
PHF5A	NA	NA	NA	22	40185667	40194654	-1
MLL5	NA	NA	NA	7	104441873	104541768	1
LRP10	201412_at	0,034517883	0,466279278	14	22410800	22417133	1
TYMS	202589_at	0,80635038	0,081868926	18	647651	663492	1
PRRG4	207291_at	0,690915259	0,059552768	11	32808065	32832700	1
USF1	NA	NA	NA	1	159275665	159282381	-1
C9orf95	219147_s_at	0,12728618	0,981423533	9	76865936	76892918	-1
KIAA0913	210593_at	0,546596663	0,074336743	10	75215611	75231557	1
SBDS	NA	NA	NA	7	66090125	66098023	-1
BRMS1	215631_s_at	0,369716092	0,230397426	11	65861380	65869158	-1
PIP5KL1	NA	NA	NA	9	129723629	129729591	-1
ILF3	211375_s_at	0,004766743	-0,931430288	19	10625988	10664095	1

SF3B3	200687_s_at	0,019507227	-0,821842988	16	69115202	69163702	1
SLC38A5	NA	NA	NA	X	48201871	48213509	-1
DDX27	219108_x_at	0,139747716	-0,44596648	20	47269291	47294021	1
TAF10	200055_at	0,495662769	-0,335646917	11	6588649	6590021	-1
NUP205	212247_at	0,138685842	-0,427960713	7	134893228	134984037	1
STX11	210190_at	0,311353777	0,199037011	6	144513362	144551196	1
RNF141	219104_at	0,021092793	0,617284466	11	10489801	10519350	-1
RGP1	203169_at	0,644373663	-0,120718734	9	35739203	35742871	1
PPIB	200968_s_at	0,02043523	1,292879423	15	62235067	62242407	-1
C2orf7	NA	NA	NA	2	73308642	73313864	-1
HSD17B7	220081_x_at	0,430807823	-0,226281807	1	161027120	161049232	1
DUSP13	219963_at	0,941263715	0,011288315	10	76524196	76538976	-1
CCDC86	203119_at	0,154872647	0,54753829	11	60366005	60375137	1
DAAM1	216060_s_at	0,098351185	-2,193286972	14	58725152	58906224	1
GPX4	201106_at	0,493665815	0,225861971	19	1054936	1057787	1
FADD	202535_at	0,415131444	-0,184312128	11	69726917	69731144	1
VTI1B	209452_s_at	0,724576021	-0,165598064	14	67187619	67211301	-1
RBM12B	51228_at	0,896383351	0,032230714	8	94812904	94822400	-1
RBM39	208720_s_at	0,11852145	-0,36865462	20	33754945	33793607	-1
UBE2H	217799_x_at	0,507985626	0,295161949	7	129260231	129380025	-1
CDK4	202246_s_at	0,559221175	-0,136233264	12	56428270	56432431	-1
H2AFJ	NA	NA	NA	12	14818537	14822203	1
BRCC3	221196_x_at	0,689326987	0,161406958	X	153952904	154004543	1
CS	208660_at	0,148552595	-0,601590363	12	54951750	54980442	-1
HSBP1	200941_at	0,148572488	-0,393431068	16	82399094	82404095	1
APEX2	204408_at	0,733990069	-0,103489005	X	55043505	55050937	1
SLC39A8	219869_s_at	0,352898955	0,549452348	4	103401844	103485371	-1
SURF2	205224_at	0,18489644	-0,272513378	9	135213249	135217855	1
UBE2B	202333_s_at	0,207789967	-0,343083447	5	133734769	133755698	1
ZNF804A	215767_at	0,813560383	-0,418818593	2	185171338	185512459	1
ST3GAL2	205346_at	0,502370378	0,106730902	16	68970839	69030492	-1
TTLL5	214672_at	0,715043949	-0,18440188	14	75197374	75491175	1
WDR82	201934_at	0,952714145	-0,032866389	3	52263478	52287699	-1

DTX3L	NA	NA	NA	3	123765956	123775973	1
GALK2	205219_s_at	0,484870258	0,324945365	15	47235268	47409294	1
E2F8	219990_at	0,037971854	-0,735561679	11	19202186	19219083	-1
USP13	205356_at	0,914735852	-0,048694101	3	180853635	180984675	1
DNTTIP2	202776_at	0,549090054	-0,200797012	1	94107924	94117330	-1
SLC46A3	214719_at	0,318072731	-0,409944041	13	28172217	28190962	-1
RPL19	200029_at	0,033414961	-0,268323134	17	34610062	34614506	1
RPS29	201094_at	0,400005424	-0,308119273	14	49113789	49122844	-1
TAPT1	216373_at	0,68858864	-0,044979942	4	15771226	15837259	-1
EEF1B2	200705_s_at	0,491635666	0,14597118	2	206732563	206735898	1
KLRC4	210690_at	0,329366023	-0,320379422	12	10451250	10453623	-1
SLC1A5	208916_at	0,033064149	0,566406165	19	51969980	51983653	-1
DNAJB2	202500_at	0,326483207	-0,271755911	2	219852284	219859866	1
LRRN3	209840_s_at	0,465148136	-1,061008696	7	110518298	110552746	1
TMEM9B	218065_s_at	0,801531528	-0,091370201	11	8925416	8942565	-1
TMEM59	200620_at	0,065969617	0,914489461	1	54269937	54291699	-1
DLG1	202514_at	0,123668987	-0,920822399	3	198253828	198509844	-1
TRIM24	204391_x_at	0,67773047	-0,105580803	7	137795619	137920873	1
ZMYND8	209049_s_at	0,055655489	-0,887228918	20	45271788	45418881	-1
MAP4	200836_s_at	0,741629941	0,090912781	3	47867189	48105715	-1
RPS8	200858_s_at	0,18510128	-0,182594934	1	45013833	45016999	1
SYMPK	32402_s_at	0,09743229	-0,415387581	19	51010540	51058388	-1
PIH1D1	217872_at	0,854052892	0,058731332	19	54641368	54646879	-1
PLCXD2	NA	NA	NA	3	112876213	113047984	1
FAM173B	NA	NA	NA	5	10279438	10303014	-1
CALU	200756_x_at	0,082860069	0,664254043	7	128166672	128198764	1
TOR1A	202349_at	0,714913057	-0,081329155	9	131615042	131626262	-1
TAF6L	213210_at	0,43024443	0,169476895	11	62295451	62311390	1
C11orf54	NA	NA	NA	11	93114441	93135895	1
MRPL54	NA	NA	NA	19	3713665	3718563	1
C1orf96	NA	NA	NA	1	227523382	227545358	-1
NDUFB11	218320_s_at	0,926777132	0,030619078	X	46886563	46889381	-1
HNRNPUL1	208713_at	0,001408444	-0,585266787	19	46462076	46505438	1

ATP6V1E1	208678_at	0,284984736	0,326817529	22	16454902	16491588	-1
CDC25B	201853_s_at	0,928354591	0,056071414	20	3724401	3734762	1
ZNF597	NA	NA	NA	16	3426111	3433491	-1
RIT1	209882_at	0,341997282	-0,533254953	1	154134225	154147801	-1
ZNF417	NA	NA	NA	19	63108954	63119790	-1
RFC4	204023_at	0,643991717	-0,171890887	3	187990375	188006984	-1
CDC73	218578_at	0,607435666	0,207717919	1	191357784	191487679	1
RIPK2	209545_s_at	0,046805682	-0,67076207	8	90839110	90872433	1
ORC5L	211213_at	0,316075655	-0,086816127	7	103554024	103635699	-1
POLDIP2	NA	NA	NA	17	23697786	23708730	-1
STAG1	202294_at	0,083375411	0,267039212	3	137538689	137953935	-1
GAR1	219110_at	0,834960317	0,124019826	4	110956115	110965342	1
RPS25	200091_s_at	0,131528993	-0,335659681	11	118391632	118394267	-1
BOD1L	NA	NA	NA	4	13179464	13238426	-1
TAF12	209463_s_at	0,035288714	-0,991622443	1	28802200	28842172	-1
COX17	203880_at	0,835846194	0,057157677	3	120871062	120878933	-1
EEF1B4	NA	NA	NA X		24716369	24717149	-1
FAM49B	217916_s_at	0,027231586	-0,662825172	8	130922898	131021182	-1
CCDC15	220466_at	0,997577697	-0,001074061	11	124329227	124416595	1
LTA4H	208771_s_at	0,200743041	-0,291374826	12	94918742	94953496	-1
CAPZA1	208374_s_at	0,047582843	-0,836578427	1	112963598	113015764	1
INO80	NA	NA	NA	15	39058370	39195632	-1
RNF151	NA	NA	NA	16	1956876	1958977	1
GTF2F1	202354_s_at	0,389028873	0,309809913	19	6330580	6344291	-1
C6orf1	NA	NA	NA	6	34322135	34324882	-1
SEC61A1	217716_s_at	0,001359065	1,115299625	3	129253902	129273216	1
SMARCC2	201321_s_at	0,077195656	-0,731818603	12	54843379	54869544	-1
TTLL12	216251_s_at	0,441307094	-0,266951091	22	41892572	41913051	-1
LAMC1	200771_at	0,62943355	-0,578373705	1	181259218	181381350	1
ERGIC2	218135_at	0,744740483	0,130894333	12	29384846	29425410	-1
ATP5L	207573_x_at	0,095039216	-0,254813509	11	117777314	117785772	1
GAL3ST3	NA	NA	NA	11	65564812	65573227	-1
C1orf151	NA	NA	NA	1	19796054	19827761	1

TRAF3	208315_x_at	0,928271151	-0,028555818	14	102313569	102442381	1
C14orf1	202563_at	0,341489974	0,159811357	14	75185884	75196912	-1
RHOG	203175_at	0,003708556	-0,825584517	11	3804784	3818789	-1
RSRC2	202301_s_at	0,037122675	-0,50686524	12	121555226	121577499	-1
CUEDC2	218097_s_at	0,081879396	0,516634483	10	104172992	104182413	-1
SECISBP2	218265_at	0,89977052	0,021542409	9	91123232	91164381	1
HSPA9	200692_s_at	0,563966456	-0,238236001	5	137918923	137939014	-1
POLR2J2	NA	NA	NA	7	102064710	102099418	-1
PARG	NA	NA	NA	10	51293430	51377668	1
STK38	202951_at	0,266849353	-0,474547512	6	36569647	36623225	-1
SNX25	NA	NA	NA	4	186368278	186522114	1
NACA	NA	NA	NA	12	55392486	55405318	-1
MRPS22	219220_x_at	0,514211665	-0,118179675	3	140545551	140558578	1
ABCC10	213485_s_at	0,496139964	-0,304983587	6	43507467	43526141	1
C9orf50	NA	NA	NA	9	131414325	131422876	-1
WDR27	NA	NA	NA	6	169599232	169844084	-1
MAB21L1	206163_at	0,306717123	-0,870434099	13	34946340	34948788	-1
CALCOCO2	210817_s_at	0,28408887	0,549966053	17	44263371	44297228	1
CCDC151	NA	NA	NA	19	11392272	11406980	-1
C12orf32	NA	NA	NA	12	2856650	2868887	1
SND1	201622_at	0,220714	0,300214378	7	127079438	127519895	1
TIMM23	218118_s_at	0,436440458	-0,196936402	10	51262094	51293342	-1
ZNF770	NA	NA	NA	15	33057836	33067746	-1
MCM2	202107_s_at	0,721503131	0,081182851	3	128799943	128823969	1
COX5A	203663_s_at	0,115589606	-0,245656335	15	72999672	73017425	-1
CCT5	208696_at	0,058862882	-0,595808436	5	10303282	10319501	1
TFRC	207332_s_at	0,405108347	0,458155448	3	197260744	197293338	-1
ALG3	207396_s_at	0,010701895	1,289102522	3	185442811	185449440	-1
C15orf29	218791_s_at	0,63485948	-0,068021491	15	32220167	32289515	-1
KAZALD1	217511_at	0,315937087	0,225610882	10	102811588	102815339	1
FAM175B	212835_at	0,953679397	0,020727665	10	126480344	126515229	1
KLHL20	210635_s_at	0,196965806	0,317578186	1	171950703	172022463	1
PLEKHG2	NA	NA	NA	19	44595590	44607994	1

RETSAT	218124_at	0,00594171	0,874428428	2	85422733	85435166	-1
CDCA5	NA	NA	NA	11	64601503	64608100	-1
PPM1E	205938_at	0,135117874	-0,735855113	17	54188231	54417319	1
ELMOD3	NA	NA	NA	2	85435447	85472382	1
TBCA	203667_at	0,148423144	-0,393083437	5	77022751	77107941	-1
RBM5	201395_at	0,267176661	-0,310723461	3	50101372	50131397	1
ST7L	219964_at	0,207736055	0,232650417	1	112867663	112963563	-1
RAB6A	201045_s_at	0,337491336	0,340965616	11	73064331	73149849	-1
C9orf6	218998_at	0,672398805	-0,108614226	9	110736282	110743059	1
AP4S1	210278_s_at	0,213823927	-0,194221632	14	30564644	30624759	1
C1orf83	NA	NA	NA	1	54291862	54338004	1
RPL27A	203034_s_at	0,101101187	-0,272522447	11	8660571	8667995	1
KIAA1530	NA	NA	NA	4	1331104	1371732	1
SAMD8	NA	NA	NA	10	76541471	76606455	1
NPIPL2	NA	NA	NA	16	72969373	72983514	1
RNF10	207801_s_at	0,132209694	-0,334590696	12	119456515	119499780	1
DHODH	213632_at	0,371609864	0,154099077	16	70600144	70616456	1
CSNK1A1	208866_at	0,0452417	-0,232481877	5	148855038	148911200	-1
ZFP36L1	211965_at	0,191857145	-0,687205178	14	68324128	68329538	-1
HEATR1	218595_s_at	0,296936673	-0,635477483	1	234780594	234834437	-1
GIYD2	218317_x_at	0,857689752	-0,125216276	16	29373376	29377041	1
AKT1S1	NA	NA	NA	19	55064108	55072456	-1
NDC80	204162_at	0,007745296	-1,619212424	18	2561605	2606629	1
ACAD10	219986_s_at	0,198445914	0,262332347	12	110608285	110679284	1
MTERFD1	219363_s_at	0,228058548	-0,558289428	8	97320821	97342972	-1
PPM1K	NA	NA	NA	4	89402041	89424771	-1
NUP88	202900_s_at	0,040477525	-1,419881379	17	5230144	5263720	-1
RPS19	202649_x_at	0,085512631	-0,458521316	19	47055828	47067324	1
POLR1C	209317_at	0,0794422	-0,604813638	6	43592769	43605092	1
RPL32	200674_s_at	0,950653446	0,019420357	3	12851444	12858081	-1
C12orf60	NA	NA	NA	12	14847773	14868059	1
SMCR8	NA	NA	NA	17	18159319	18172095	1
SLC29A1	201801_s_at	0,956902236	-0,022564364	6	44299341	44309866	1

RDBP	209219_at	0,824324565	0,120602628	6	32027843	32034843	-1
WDR22	NA	NA	NA	14	68587395	68689502	-1
NDUFA1	202298_at	0,051670779	0,708901813	X	118889762	118894646	1
ACBD6	NA	NA	NA	1	178523988	178738102	-1
SNX17	200991_s_at	0,469937214	0,179397789	2	27446893	27453498	1
TBC1D17	218466_at	0,346986238	0,264179402	19	55072641	55083813	1
SUMO2	213881_x_at	0,073709238	-0,301704969	17	70675420	70690693	-1
ZNF548	215766_at	0,558732329	0,076592672	19	62593030	62604598	1
PTDSS1	201433_s_at	0,50402201	0,19777852	8	97343343	97415950	1
DDX46	202462_s_at	0,71190986	0,059042373	5	134122360	134194710	1
UBE2CBP	NA	NA	NA	6	83658905	83832264	-1
NCLN	222206_s_at	0,51420771	0,334572092	19	3136875	3160573	1
TMEM93	221255_s_at	0,778470575	-0,105786278	17	3518839	3519711	1
TRNAU1AP	218977_s_at	0,147727355	-0,42997311	1	28752116	28777644	1
IRX5	210239_at	0,114608191	0,382373268	16	53522612	53525898	1
EIF3E	208697_s_at	0,945534811	-0,020526094	8	109283148	109330135	-1
COX7A2L	201256_at	0,798018295	0,066454442	2	42431146	42441860	-1
NARG2	218713_at	0,091095591	-0,388858396	15	58499100	58558636	-1
INHBC	207687_at	0,559221175	0,131957623	12	56114810	56130876	1
FBXO45	NA	NA	NA	3	197780122	197800327	1
RAE1	201558_at	0,177257338	-0,463203907	20	55359552	55386926	1
RUNDC1	NA	NA	NA	17	38386108	38399233	1
ARMC7	219096_at	0,733990069	0,050518879	17	70617677	70637955	1
ISY1	NA	NA	NA	3	130330925	130362719	-1
PRKCSH	214080_x_at	0,052699385	0,505947299	19	11407269	11422783	1
POLR2E	217854_s_at	0,496607023	-0,308575052	19	1039163	1046336	-1
NDUFS3	201740_at	0,63485948	-0,100677921	11	47557208	47562690	1
TRAF6	205558_at	0,229885863	0,213953759	11	36467302	36488398	-1
MCART6	NA	NA	NA	X	103230554	103288364	-1
FIZ1	NA	NA	NA	19	60794558	60802705	-1
CCNG2	202769_at	0,013731886	-2,084911765	4	78297551	78306970	1
CCDC137	NA	NA	NA	17	77244166	77251342	1
MARCH7	202653_s_at	0,028260044	-0,783991463	2	160277256	160333330	1

CD14	201743_at	0,618597426	0,059898344	5	139991501	139993439	-1
BTD	214117_s_at	0,147335226	0,474203972	3	15618259	15662329	1
TOR1AIP1	212409_s_at	0,006600814	1,422807604	1	178118043	178155834	1
KIAA1430	NA	NA	NA	4	186317813	186362176	-1
ARVCF	217516_x_at	0,230058901	0,245938463	22	18337419	18384309	-1
MAGEH1	218573_at	0,0097515	1,303567839	X	55495263	55496724	1
HMG2	208668_x_at	0,001204697	-0,610791762	1	26671489	26675720	1
MDC1	203061_s_at	0,149713063	-0,287437872	6	30775563	30793437	-1
BRCA1	204531_s_at	0,042310394	-0,465044478	17	38449840	38530994	-1
SART3	200069_at	0,040705694	-0,501068359	12	107440121	107479295	-1
BCL2L13	217955_at	0,47521042	0,313736186	22	16501485	16591991	1
ZNF317	NA	NA	NA	19	9112073	9135084	1
TRAF7	NA	NA	NA	16	2145800	2168131	1
SPATA21	NA	NA	NA	1	16597725	16636506	-1
EXOC3L	NA	NA	NA	16	65775783	65781608	-1
ELMO3	219411_at	0,268412595	-0,2249914	16	65790529	65795428	1
FBXO28	202271_at	0,406939556	-0,37360929	1	222368436	222413869	1
HNRNPA2B1	205292_s_at	0,029446835	-0,366283245	7	26196081	26206938	-1
PTPN23	NA	NA	NA	3	47397495	47429935	1
MRPL43	NA	NA	NA	10	102727569	102737262	-1
SF3B2	200619_at	0,01143895	0,727602463	11	65576392	65592958	1
VDAC1	217140_s_at	0,728206573	0,205235221	5	133335506	133368332	-1
CBLL1	220018_at	0,370701721	-0,451255146	7	107171822	107187265	1
RPL3	215963_x_at	0,54806813	0,115069468	22	38038833	38045616	-1
RBM10	217221_x_at	0,035758195	-0,490070086	X	46889575	46931156	1
CDC42EP3	209288_s_at	0,195627264	-1,264663866	2	37724247	37752830	-1
STK16	209622_at	0,023270981	0,493308872	2	219818468	219821873	1
TTC9C	NA	NA	NA	11	62252528	62262684	1
NOTCH2NL	214722_at	0,233373988	0,848892414	1	143920468	143997269	1
HELQ	NA	NA	NA	4	84547523	84596049	-1
SMAD4	202527_s_at	0,156247119	-1,228678375	18	46810611	46860145	1
LRCH3	NA	NA	NA	3	199002542	199082853	1
CSTF1	32723_at	0,174091205	-0,175217245	20	54400834	54412989	1

TRNT1	NA	NA	NA	3	3143600	3165707	1
SYNGAP1	NA	NA	NA	6	33495825	33529444	1
RAG2	215117_at	0,650127605	-0,14870701	11	36570069	36576388	-1
CBX8	219755_at	0,893237571	-0,021214057	17	75382771	75385485	-1
AP3S2	213215_at	0,370683954	0,12589823	15	88177792	88238206	-1
MED30	NA	NA	NA	8	118602211	118621682	1
C14orf149	NA	NA	NA	14	59009159	59020826	-1
SMAD5	205187_at	0,316995789	-0,472993865	5	135496435	135546321	1
CHD4	201184_s_at	0,091478088	-0,349466858	12	6549509	6586812	-1
FKBP4	200894_s_at	0,301709598	-0,682012495	12	2774414	2783385	1
SLC39A1	217778_at	0,493264118	0,209089466	1	152198212	152206812	-1
RBPJ	207785_s_at	0,148552595	-0,658989377	4	25931546	26042376	1
NFE2L1	200758_s_at	0,030442975	0,678651204	17	43480745	43493841	1
FTSJ1	213937_s_at	0,066639013	0,373407497	X	48221324	48229696	1
SORD	201563_at	0,712490896	0,25361886	15	43102633	43154331	1
RPS3	208692_at	0,64675781	0,055616868	11	74788210	74794381	1
UBXN4	212008_at	0,36873753	0,398154739	2	136215659	136259103	1
IMPDH2	201892_s_at	0,504460931	0,36816664	3	49036762	49041879	-1
MALT1	210018_x_at	0,803351858	0,105126312	18	54489598	54568350	1
KBTBD11	204301_at	0,627442307	-0,185099974	8	1909451	1942509	1
EXTL2	209537_at	0,824828932	0,108897709	1	101110529	101133006	-1
SMURF2	205596_s_at	0,186765636	-0,523614003	17	59971197	60088848	-1
RPS11	200031_s_at	0,243716127	-0,167038016	19	54691446	54694756	1
ZAK	218833_at	0,934351824	0,020515375	2	173648811	173840983	1
GABPB2	NA	NA	NA	1	149309704	149359035	1
ZFP36L2	201368_at	0,076957679	-0,828820855	2	43304210	43307249	-1
HNRNPK	200097_s_at	0,052196888	-0,36070647	9	85772912	85785339	-1
MTCP1	205106_at	0,093447001	0,278209975	X	153943091	153952829	-1
DNM2	202253_s_at	0,973815948	-0,016748765	19	10689755	10803579	1
HADHA	208629_s_at	0,501352515	0,167129989	2	26267008	26321098	-1
C7orf55	NA	NA	NA	7	138676615	138681605	1
RAD51	205024_s_at	0,030028084	-0,531781685	15	38774651	38811648	1
PDCD11	212422_at	0,224205648	-0,404931448	10	105146402	105196009	1

GEM	204472_at	0,892901957	0,027275939	8	95330657	95343733	-1
LYSMD1	NA	NA	NA	1	149398848	149404960	-1
IARS	204744_s_at	0,245199552	-0,215465055	9	94012446	94095793	-1
CCDC41	219644_at	0,127722343	-0,980089077	12	93226187	93377895	-1
VAMP2	201557_at	0,794039468	-0,088892026	17	8003189	8007017	-1
DNAJC19	NA	NA	NA	3	182184197	182190224	-1
IGF2BP1	NA	NA	NA	17	44429773	44488506	1
C20orf43	217737_x_at	0,478828701	0,19647536	20	54477092	54527345	1
RDX	212398_at	0,305698255	0,678852218	11	109605376	109672647	-1
WDR53	NA	NA	NA	3	197765456	197779810	-1
CD47	213055_at	0,315855852	0,252540179	3	109244631	109292625	-1
ANKRD11	219437_s_at	0,969158755	0,015442756	16	87861536	88084470	-1
RBM33	NA	NA	NA	7	155129964	155266940	1
NDUFB4	218226_s_at	0,313095704	0,188523175	3	121797818	121803865	1
ACAD8	221669_s_at	0,101113041	0,589871007	11	133628644	133640959	1
GGA3	209411_s_at	0,242305701	0,147647106	17	70744290	70769272	-1
MRPS7	217932_at	0,943260227	-0,026261961	17	70769385	70774049	1
TATDN1	NA	NA	NA	8	125569930	125620492	-1
MRPL30	NA	NA	NA	2	99164010	99180521	1
CAMLG	203538_at	0,441600847	-0,480096118	5	134102105	134115746	1
FAM83E	220312_at	0,154855362	0,240447101	19	53795669	53808506	-1
NSUN5C	213460_x_at	0,759114979	-0,075143235	7	72056768	72063222	-1
ZBED4	204799_at	0,816819049	-0,098163716	22	48633501	48669730	1
SLC7A5	201195_s_at	0,939596267	-0,022790876	16	86421130	86460601	-1
KCTD5	218474_s_at	0,417766178	0,271724563	16	2672499	2699032	1
MRPS18A	218385_at	0,362969882	-0,45633056	6	43747020	43763506	-1
TCEB2	200085_s_at	0,417747498	-0,182902282	16	2761416	2767298	-1
PXMP4	219428_s_at	0,621085906	0,27675438	20	31754211	31771797	-1
FAM49A	209683_at	0,45981026	-0,775189545	2	16597382	16710580	-1
VPS13B	220400_at	0,60046228	0,066446816	8	100094670	100958984	1
RABL2B	NA	NA	NA	22	49552786	49568953	-1
ADHFE1	NA	NA	NA	8	67507272	67543598	1
UIMC1	220746_s_at	0,149489457	-0,532584198	5	176264612	176366049	-1

FCRL1	NA	NA	NA	1	156031275	156056515	-1
C19orf23	NA	NA	NA	19	1218470	1221259	-1
METTL4	219698_s_at	0,086660716	-0,667968065	18	2527524	2561489	-1
NOL12	219324_at	0,126658191	-0,531628056	22	36412290	36419431	1
SMG1	210057_at	0,499032117	-0,456890206	16	18723676	18844887	-1
TNPO3	214550_s_at	0,848263507	-0,062012453	7	128382184	128482434	-1
TTBK2	213922_at	0,909582171	-0,02486549	15	40823828	41000299	-1
EYA3	206379_at	0,706891184	-0,056736473	1	28173406	28287718	-1
USP2	207213_s_at	0,97482512	0,016724281	11	118732163	118757575	-1
GSS	211630_s_at	0,275095391	0,284337036	20	32979897	33007262	-1
SKIV2L	203727_at	0,834898593	-0,095822139	6	32034560	32045511	1
FAM119A	NA	NA	NA	2	208185071	208197953	-1
C1orf57	NA	NA	NA	1	231152993	231180842	1
FEM1C	213341_at	0,227198454	0,490425335	5	114884507	114908490	-1
LIN28B	NA	NA	NA	6	105511616	105637899	1
CHIC2	219492_at	0,035498392	-1,040791591	4	54570713	54625545	-1
MPV17L2	NA	NA	NA	19	18165040	18168552	1
ZFP36	201531_at	0,131528993	0,470893135	19	44589327	44591885	1
YIPF3	216338_s_at	0,262725049	0,524050564	6	43587543	43592680	-1
TAX1BP3	215464_s_at	0,399041817	0,249064402	17	3512938	3518722	-1
ZNF689	NA	NA	NA	16	30522187	30529183	-1
ZNF142	204474_at	0,253723906	-0,157731589	2	219210883	219232505	-1
ZNF711	207781_s_at	0,123452963	-0,667405163	X	84385653	84415024	1
C12orf30	NA	NA	NA	12	110948876	111030980	-1
ZNF282	212892_at	0,726299312	-0,122147757	7	148523510	148554272	1
C6orf154	NA	NA	NA	6	43582685	43586402	-1
IFT57	218100_s_at	0,547209684	-0,55458536	3	109362349	109423938	-1
YWHAZ	214848_at	0,094807252	-0,230125102	8	102000090	102034745	-1
INTS4	NA	NA	NA	11	77267414	77383365	-1
SIP1	205063_at	0,193480435	-0,979099506	14	38653239	38675928	1
C7orf45	NA	NA	NA	7	129634954	129644733	1
PRR3	204795_at	0,299820154	0,279556877	6	30632735	30640159	1
ATP1B3	208836_at	0,494244102	0,198545492	3	143078160	143128072	1

SESN1	218346_s_at	0,896898983	0,10006748	6	109414338	109521970	-1
DNAJB11	NA	NA	NA	3	187771161	187786283	1
PPPDE2	212527_at	0,136430575	-0,539110402	22	40326882	40346862	-1
MSL2	218733_at	0,959526109	0,023786055	3	137350450	137397378	-1
SLC10A7	NA	NA	NA	4	147582267	147662486	-1
ADCK1	NA	NA	NA	14	77336227	77470047	1
C19orf24	221587_s_at	0,071256108	0,678529101	19	1226551	1230227	1
BRAF	206044_s_at	0,547209684	0,146195116	7	140080751	140271033	-1
CCT7	200812_at	0,202501364	-0,266350103	2	73314913	73333655	1
XRCC6	200792_at	0,045997775	-0,469921951	22	40347241	40389998	1
GNG7	206896_s_at	0,375787858	0,745301152	19	2462218	2653746	-1
CANX	200068_s_at	0,009471397	0,673203785	5	179058536	179091248	1
AARSD1	222064_s_at	0,295252408	-0,196428813	17	38356069	38385546	-1
SLC35B2	NA	NA	NA	6	44329821	44333250	-1
RPL18A	200869_at	0,173919402	-0,328776575	19	17831731	17835124	1
AK2	212173_at	0,094654809	-0,370759589	1	33246173	33275079	-1
POLR3K	218866_s_at	0,307021765	-0,285767101	16	37000	43625	-1
GNL1	203307_at	0,787974705	-0,136089437	6	30621673	30632987	-1
RPS5	200024_at	0,203363711	-0,308086912	19	63590448	63597983	1
DDX21	208152_s_at	0,128427427	-0,41901289	10	70385898	70414285	1
WASL	216094_at	0,509702198	-0,076401217	7	123109233	123176352	-1
GABRB2	207352_s_at	0,752977441	0,055744477	5	160648014	160907708	-1
FUT10	NA	NA	NA	8	33347884	33450206	-1
BTN2A1	211256_x_at	0,274606812	0,24568768	6	26566168	26577844	1
FLAD1	205661_s_at	0,106501725	0,587241763	1	153222441	153232211	1
ERP44	208958_at	0,130082632	-0,154571733	9	101781282	101901151	-1
C19orf20	NA	NA	NA	19	458497	470654	1
C17orf90	50374_at	0,439383124	0,375447353	17	77242471	77244023	-1
RPL23AP82	NA	NA	NA	22	49569091	49584800	1
SMPD4	207856_s_at	0,031593574	-0,773634361	2	130625450	130656164	-1
C2orf69	NA	NA	NA	2	200484274	200501241	1
USMG5	NA	NA	NA	10	105138804	105146213	-1
NUSAP1	218039_at	0,007324783	-0,878894756	15	39412361	39460538	1

ECE2	206728_at	0,039482974	0,322212179	3	185450139	185493513	1
SLC3A2	200924_s_at	0,648898286	-0,147587277	11	62404863	62412929	1
DNAJB12	214338_at	0,203363711	0,199527009	10	73762594	73784875	-1
TMEM209	222267_at	0,721093411	0,065238735	7	129591791	129632574	-1
GNB2L1	200651_at	0,41362187	-0,152173319	5	180596534	180603512	-1
TMPO	209754_s_at	0,866789953	0,149112985	12	97433573	97452452	1
WDR70	219193_at	0,124735747	-0,451565451	5	37415169	37788531	1
MAK16	211686_s_at	0,972350066	-0,029167441	8	33462259	33478318	1
TXNIP	201008_s_at	0,400005424	0,328411056	1	144149939	144153882	1
DHX16	203694_s_at	0,701116078	-0,130620654	6	30728886	30748736	-1
RRS1	209567_at	0,828493123	-0,078390874	8	67503817	67505522	1
RINT1	218598_at	0,211649625	-0,39778472	7	104959768	104995360	1
BRD8	210352_at	0,192030259	0,233377267	5	137503358	137542257	-1
UQCRC2	200883_at	0,710895629	0,09063768	16	21872110	21902169	1
PSMA8	NA	NA	NA	18	21967814	22027317	1
TC2N	NA	NA	NA	14	91316279	91372436	-1
RRM2	209773_s_at	0,015436304	-0,482292477	2	10180184	10188074	1
GIGYF2	212261_at	0,482519985	0,095791499	2	233270259	233433531	1
RIC8A	221647_s_at	0,565556815	-0,187099827	11	198530	205113	1
HDAC9	205659_at	0,808949192	0,156822226	7	18501894	19003518	1
PNKP	218961_s_at	0,835602742	0,107663301	19	55056273	55062630	-1
CALR	214315_x_at	0,755783603	-0,119838544	19	12910423	12916303	1
TMEM39B	218770_s_at	0,213212334	-0,220511214	1	32311116	32341052	1
EZH2	203358_s_at	0,004426686	-1,100747937	7	148135408	148212347	-1
RGS2	202388_at	0,409588782	-1,3307481	1	191044794	191048026	1
CDKAL1	214877_at	0,777279181	0,219266602	6	20642667	21339743	1
NOL7	213838_at	0,073588407	-0,566308193	6	13723538	13729106	1
COPS2	209838_at	0,079120101	-0,40740537	15	47206834	47235077	-1
C12orf41	221821_s_at	0,06128575	-0,50226039	12	47333261	47362302	-1
LMAN1	203293_s_at	0,432995605	0,493839654	18	55148088	55177463	-1
YEATS2	221203_s_at	0,074835026	-0,604247771	3	184898300	185013102	1
GNAI2	201040_at	0,305698255	-0,380620705	3	50248651	50271790	1
ARPC2	213513_x_at	0,009609634	-0,869928656	2	218790365	218827316	1

WHSC1	209054_s_at	0,071270837	-0,486842382	4	1842921	1953728	1
RPS13	200018_at	0,288049491	-0,164537096	11	17052515	17055796	-1
SDHB	202675_at	0,172907348	-0,529716153	1	17217804	17253252	-1
ANKRD39	NA	NA	NA	2	96877449	96887483	-1
NBPF3	212854_x_at	0,467680603	0,414816325	1	21639218	21683980	1
RAB4B	219807_x_at	0,219547471	-0,312278863	19	45976011	45994687	1
C16orf86	NA	NA	NA	16	66258218	66260162	1
FAM128B	212995_x_at	0,345747217	-0,209991224	2	130656173	130664770	1
CBX3	200037_s_at	0,360010281	-0,259992756	7	26207849	26219501	1
TBCCD1	206451_at	0,881464314	0,053662388	3	187746824	187767806	-1
JTB	210434_x_at	0,172277807	0,177468849	1	152213369	152217075	-1
ABT1	218405_at	0,974732028	0,008489805	6	26705159	26708257	1
CENPL	NA	NA	NA	1	172035628	172060082	-1
VPS39	212156_at	0,678107256	0,095573739	15	40238191	40287794	-1
ZSCAN16	219676_at	0,467534728	-0,312187616	6	28200366	28205836	1
KIAA0174	200851_s_at	0,176545143	-0,409359199	16	70486947	70520407	1
TRAP1	201391_at	0,753113872	0,092589407	16	3648039	3707599	-1
IPO8	205701_at	0,696406423	-0,167635321	12	30673189	30740018	-1
RPP30	203436_at	0,911185727	-0,04416269	10	92621689	92658292	1
C18orf56	NA	NA	NA	18	639620	648340	-1
ADNP	201773_at	0,173514092	-0,900626766	20	48940290	48980934	-1
ETFDH	205530_at	0,871675557	-0,088601913	4	159812727	159849292	1
BECN1	208945_s_at	0,410285514	-0,107804954	17	38215678	38229807	-1
CBWD3	220175_s_at	0,882311433	-0,071385041	9	70046659	70104752	1
NOMO2	221852_at	0,2505164	0,199269289	16	18418683	18480935	-1
VMAC	NA	NA	NA	19	5855894	5861263	1
ATF4	200779_at	0,046842516	-0,325405939	22	38246515	38248637	1
ANP32A	201038_s_at	0,157013672	-0,525617033	15	66859259	66900277	-1
CIRBP	200811_at	0,277347383	0,192437353	19	1220345	1224169	1
OIP5	213599_at	0,49683639	-0,214655208	15	39388758	39412111	-1
KIAA0319L	217929_s_at	0,398424996	0,1322924	1	35671678	35795591	-1
NCDN	209557_s_at	0,607435666	0,08684461	1	35795980	35804967	1
C3orf21	NA	NA	NA	3	196270302	196473166	-1

C14orf143	214264_s_at	0,529243256	-0,230609745	14	89333222	89490842	-1
PTRH2	218732_at	0,515112843	0,133119076	17	55129449	55139638	-1
WRNIP1	NA	NA	NA	6	2710665	2730978	1
INVS	210114_at	0,466729729	-0,356973163	9	101901332	102103247	1
AP1S2	203299_s_at	0,261904304	0,156191306	X	15753850	15783021	-1
C4orf14	NA	NA	NA	4	57524273	57538583	-1
ZSCAN29	NA	NA	NA	15	41437662	41449550	-1
FKBP2	203391_at	0,021889088	0,854007818	11	63764989	63768262	1
SLC25A4	202825_at	0,006826704	0,867385743	4	186301392	186305419	1
PRDX4	201923_at	0,087609125	0,900651444	X	23595566	23614435	1
ERAL1	212087_s_at	0,558452801	-0,145865179	17	24206169	24212198	1
TBC1D22A	33778_at	0,116207529	-0,527532112	22	45537213	45948390	1
THOC1	204064_at	0,905407103	-0,031896186	18	204520	258059	-1
FYTTD1	NA	NA	NA	3	198961080	198995584	1
RPS14	217298_at	0,129468404	0,329035656	5	149803985	149809512	-1
MRPL49	201717_at	0,907848396	-0,040869478	11	64646304	64651417	1
HARBI1	NA	NA	NA	11	46580987	46595353	-1
KIAA0652	203364_s_at	0,20780938	0,289113603	11	46595703	46652644	1
SF3B1	211185_s_at	0,022602557	-0,616770048	2	197964943	198008016	-1
C19orf25	NA	NA	NA	19	1424200	1430228	-1
FAM86A	222013_x_at	0,02071745	0,362375869	16	5075236	5087782	-1
ERLIN1	202441_at	0,375497615	-0,209329525	10	101899837	101935804	-1
PSME1	200814_at	0,554704965	0,344927351	14	23675218	23678016	1
CBWD1	NA	NA	NA	9	111038	169075	-1
FAM136A	215947_s_at	0,545924358	0,168327879	2	70376613	70382705	-1
NLGN4X	221933_at	0,428458413	-0,913130362	X	5818083	6156706	-1
PMVK	203515_s_at	0,007081075	1,335745958	1	153163832	153176108	-1
GNB2	200852_x_at	0,939643893	-0,020378107	7	100109311	100114728	1
TDP1	219715_s_at	0,128391878	-0,549734913	14	89491999	89580861	1
CLK1	214683_s_at	0,148080033	-0,52987002	2	201425978	201437667	-1
ZNF17	NA	NA	NA	19	62614341	62625119	1
METTL11A	NA	NA	NA	9	131428256	131437700	1
FAS	204781_s_at	0,134935545	0,649946031	10	90740268	90765522	1

TTYH2	NA	NA	NA	17	69721291	69769754	1
LPIN1	212276_at	0,72248773	-0,352748448	2	11804191	11884986	1
CCDC134	220077_at	0,185621723	0,264113871	22	40526624	40552249	1
GON4L	218873_at	0,173194146	-0,385817035	1	153986134	154093596	-1
UMODL1	NA	NA	NA	21	42364495	42436174	1
MTIF2	203095_at	0,601300033	-0,184375366	2	55317260	55349888	-1
HNRNPA1	213356_x_at	0,934168097	-0,01815655	12	52960755	52965297	1
QSOX1	201482_at	0,080687894	0,512395642	1	178390591	178433792	1
CRKRS	219226_at	0,187913325	-0,415436382	17	34871265	34944326	1
DLD	209095_at	0,026853432	-0,356747412	7	107318822	107348879	1
MANEA	219003_s_at	0,039114178	1,27955528	6	96132134	96164047	1
TTPAL	219633_at	0,750912626	0,092189282	20	42537961	42556658	1
VAMP3	201336_at	0,77820652	-0,216430517	1	7753916	7764079	1
XRCC2	207598_x_at	0,665559278	0,092039161	7	151974516	152004183	-1
ZNF564	NA	NA	NA	19	12497540	12523317	-1
RPS16	201258_at	0,096966412	-0,413365316	19	44615687	44618458	-1
RAB3GAP2	202374_s_at	0,105846005	-0,51908815	1	218390350	218512375	-1
TMEM68	NA	NA	NA	8	56813874	56848439	-1
CHMP1B	NA	NA	NA	18	11841426	11842697	1
C10orf2	218590_at	0,057235044	-0,515435624	10	102737302	102744148	1
ABCC1	202804_at	0,756386697	-0,101626253	16	15950935	16144432	1
PHKB	202739_s_at	0,101386762	-0,271591656	16	46052746	46291153	1
BOLA2	209836_x_at	0,64689659	-0,256390101	16	29372416	29373786	-1
EP300	202221_s_at	0,04983451	-0,695739939	22	39818553	39906024	1
WDR40A	NA	NA	NA	9	34076386	34116736	-1
SNRPG	205644_s_at	0,01441612	-0,784575835	2	70362009	70374373	-1
MAPK7	35617_at	0,575912655	0,178250323	17	19221659	19227445	1
NIP30	217896_s_at	0,614231023	0,099326189	16	55743879	55777477	-1
TCF4	212386_at	0,41787637	1,708304086	18	51040560	51406858	-1
STRN3	204496_at	0,094807252	-0,788011418	14	30432756	30565358	-1
ATP6V1C1	202872_at	0,448703005	-0,277518707	8	104102424	104154461	1
BRD2	214911_s_at	0,198307225	-0,653966766	6	33044415	33057059	1
CREB3L4	NA	NA	NA	1	152207021	152213456	1

DARS2	218365_s_at	0,307639299	0,330363696	1	172060581	172094305	1
DECR1	202447_at	0,357644624	0,702344921	8	91082756	91133403	1
ALOXE3	207708_at	0,476831235	0,191337764	17	7939943	7962532	-1
SPG21	217827_s_at	0,059180597	-0,421201966	15	63042416	63069304	-1
RPS3A	200099_s_at	0,190203203	-0,224980991	4	152240204	152245254	1
CCDC34	NA	NA	NA	11	27316637	27341371	-1
MDM2	217542_at	0,381947305	-0,287377992	12	67488247	67520481	1
ZNF3	212684_at	0,040286449	0,634763296	7	99499589	99517307	-1
PIAS2	214442_s_at	0,029248389	-0,999727702	18	42646058	42751464	-1
H2AFV	212206_s_at	0,035324228	-1,060208026	7	44833013	44854250	-1
KIF11	204444_at	0,000606217	-0,897992535	10	94342971	94405130	1
NARS2	219217_at	0,012130736	-0,442691598	11	77824886	77963367	-1
STAT3	208992_s_at	0,229826598	0,296766034	17	37718869	37794039	-1
GMEB2	222251_s_at	0,8937825	-0,03305695	20	61689399	61721673	-1
CCDC102B	220301_at	0,728226533	0,033449146	18	64533471	64873406	1
MED1	203497_at	0,2505164	-0,351242062	17	34814064	34861053	-1
DMTF1	203301_s_at	0,063380343	-0,607452092	7	86619860	86663584	1
GNL3L	205010_at	0,356126399	-0,390981682	X	54573369	54608698	1
SULT1A4	210580_x_at	0,652580473	-0,33277486	16	29373902	29383783	1
ABHD4	218581_at	0,008424111	0,422775904	14	22136987	22151105	1
ZFAND2A	NA	NA	NA	7	1159070	1166324	-1
BAK1	203728_at	0,194495763	0,607902779	6	33648301	33656048	-1
FKBP15	212663_at	0,060593397	-0,37977528	9	114967621	115023462	-1
ERBB2IP	217941_s_at	0,076561083	-1,008207054	5	65258140	65412606	1
SUPT5H	201480_s_at	0,032767893	-0,440863118	19	44628164	44659150	1
PNN	212037_at	0,007873376	-1,141914139	14	38714138	38722173	1
DDHD1	NA	NA	NA	14	52582491	52689750	-1
PKM2	201251_at	0,182216871	-0,69863793	15	70278424	70310738	-1
NFKBIE	203927_at	0,816079248	-0,134075091	6	44333881	44341503	-1
PEX1	204873_at	0,079890669	-0,53945685	7	91954273	91995781	-1
BET1L	220470_at	0,943893515	0,020561057	11	192924	197422	-1
CEP152	215170_s_at	0,217620145	-0,204492381	15	46817640	46890476	-1
KIF20A	218755_at	0,001319828	-1,154696019	5	137542784	137551261	1

TMEM199	NA	NA	NA	17	23708814	23713216	1
PPA1	217848_s_at	0,633080095	-0,101645485	10	71632592	71663196	-1
SET	40189_at	0,002832492	-0,768761015	9	130491682	130498488	1
TMCO6	221096_s_at	0,207163486	-0,346469099	5	139999196	140005173	1
SPTY2D1	NA	NA	NA	11	18584524	18612596	-1
C19orf61	221335_x_at	0,125876784	-0,216219361	19	48927141	48950982	-1
C1orf182	NA	NA	NA	1	154573727	154583410	1
FAM9C	NA	NA	NA X		12963658	12972721	-1
NDUFA6	202000_at	0,03731998	0,600332792	22	40811476	40816834	-1
QARS	217846_at	0,769639362	0,184804169	3	49108369	49117175	-1
EIF3CL	215230_x_at	0,184393521	-0,583872277	16	28298401	28322663	-1
CENPQ	219294_at	0,137916802	-0,501152907	6	49539055	49568779	1
CHMP2A	202121_s_at	0,69529269	0,246994924	19	63754745	63758167	-1
ESRRA	203193_at	0,050722436	0,399737865	11	63829620	63840786	1
RPL22L1	NA	NA	NA	3	172065358	172070739	-1
ING1	210350_x_at	0,010952392	-0,747717099	13	110165360	110171422	1
HSPA14	219212_at	0,083368138	-0,455503386	10	14920267	14953746	1
RPL28	200003_s_at	0,088350015	-0,251183708	19	60589112	60595265	1
RPL23	200888_s_at	0,055153549	-0,474754929	17	34259847	34263579	-1
CARS2	218153_at	0,288272969	-0,580517555	13	110091760	110156464	-1
KIAA1586	NA	NA	NA	6	57019343	57027954	1
CCDC18	NA	NA	NA	1	93418508	93516858	1
COMT	213981_at	0,23691303	0,155771956	22	18309309	18336530	1
RPL12	200088_x_at	0,211012113	-0,384355567	9	129249776	129253505	-1
AIFM1	205512_s_at	0,250582308	0,343035673 X		129091018	129127489	-1
FANCG	203564_at	0,747431679	-0,152991467	9	35063835	35070013	-1
PHB2	201600_at	0,442516078	-0,279203275	12	6944778	6950152	-1
AIMP2	209971_x_at	0,015873925	-0,587903167	7	6015408	6029991	1
UGCG	221765_at	0,233880188	-0,325234215	9	113699027	113735260	1
PSMD11	208776_at	0,412347517	-0,137409281	17	27795615	27832155	1
THYN1	218491_s_at	0,059895504	0,269923069	11	133623383	133628470	-1
CUL1	207614_s_at	0,638825701	-0,268508385	7	148026866	148129135	1
APBA3	NA	NA	NA	19	3701771	3712673	-1

HIST4H4	NA	NA	NA	12	14814921	14815332	-1
DDX49	31807_at	0,36673037	-0,233138459	19	18891494	18900436	1
PSMB10	202659_at	0,35704307	0,556716008	16	66525908	66528254	-1
VPS24	217837_s_at	0,735232163	-0,102779231	2	86584064	86644111	-1
C2orf79	NA	NA	NA	2	24866640	24869755	-1
KLHDC2	217906_at	0,852269367	0,138858844	14	49304537	49319606	1
DLGAP5	203764_at	0,126658191	-0,807776003	14	54684601	54728149	-1
NNT	202784_s_at	0,116442364	0,571514289	5	43638986	43741425	1
PCYOX1	203803_at	0,194452318	0,428027288	2	70338797	70360731	1
ANKRD34A	NA	NA	NA	1	144181865	144187004	1
ROM1	205806_at	0,470881913	0,165522766	11	62137199	62139164	1
EMG1	209233_at	0,021123204	-0,866372244	12	6950255	6955404	1
INTS5	221818_at	0,207297959	0,228812407	11	62170896	62177350	-1
C11orf58	201784_s_at	0,084838073	-0,589251621	11	16716770	16734149	1
HPS6	219052_at	0,504215019	-0,087513188	10	103815137	103817783	1
C6orf150	NA	NA	NA	6	74191577	74218764	-1
GTF2I	201065_s_at	0,259140699	-0,440654248	7	73709966	73812958	1
LRWD1	NA	NA	NA	7	101892395	101900617	1
SERF1A	NA	NA	NA	5	70232347	70250112	1
ZNF496	NA	NA	NA	1	245530245	245561668	-1
CCT6A	201327_s_at	0,052281982	-0,72345998	7	56086872	56099176	1
AGA	204332_s_at	0,667369094	0,403423441	4	178588918	178600585	-1
PODXL	NA	NA	NA	7	130835561	130891916	-1
AEBP2	NA	NA	NA	12	19483900	19564846	1
KCNQ5	NA	NA	NA	6	73388556	73962301	1
CCDC97	NA	NA	NA	19	46507934	46522628	1
C7orf64	221596_s_at	0,366053947	-0,323485046	7	91996023	92004759	1
VTI1A	NA	NA	NA	10	114196746	114568493	1
SLC39A13	NA	NA	NA	11	47386758	47394623	1
C22orf13	NA	NA	NA	22	23266406	23281275	-1
CFL1	200021_at	0,673276759	-0,054061857	11	65378858	65382380	-1
C20orf30	220477_s_at	0,090050829	0,506402682	20	5028484	5041733	-1
WDR23	216389_s_at	0,921696775	0,019106717	14	23653861	23664291	1

SS18L1	213140_s_at	0,881755657	0,033386065	20	60152217	60190961	1
PAPOLG	219160_s_at	0,823850546	-0,049684234	2	60836887	60879602	1
GZF1	NA	NA	NA	20	23293021	23301683	1
KIAA0317	202128_at	0,702349305	-0,130258626	14	74197708	74249560	-1
MTF2	203347_s_at	0,028836584	-1,240847138	1	93317431	93375711	1
ZNF319	NA	NA	NA	16	56586074	56591263	-1
CDNF	NA	NA	NA	10	14901257	14919989	-1
CCDC45	NA	NA	NA	17	59933620	59964526	1
GGPS1	202322_s_at	0,849232395	-0,121087824	1	233558376	233574470	1
SAE1	217946_s_at	0,008046203	-0,803153748	19	52325984	52405372	1
C6orf134	218874_s_at	0,996733076	-0,00128426	6	30702632	30720425	1
C19orf48	NA	NA	NA	19	55992773	55999784	-1
COPB2	201098_at	0,916718462	0,02120131	3	140559123	140591151	-1
SRP9	201273_s_at	0,509841921	-0,218251946	1	224032154	224044787	1
SCMH1	221216_s_at	0,952196609	0,013789165	1	41265464	41480375	-1
PEX26	219180_s_at	0,97905053	-0,007208372	22	16940705	16952207	1
GSDMB	215659_at	0,386589609	0,101479176	17	35314374	35327319	-1
TOR1AIP2	214801_at	0,829925658	-0,053153622	1	178080576	178113557	-1
DUT	208956_x_at	0,006743041	-0,567539194	15	46410913	46422862	1
IKBKB	209341_s_at	0,372152014	-0,278365521	8	42247986	42309122	1
Sep 02	200015_s_at	0,059036026	-0,267507912	2	241903396	241942115	1
CXCR4	217028_at	0,462281886	-0,620146012	2	136588389	136590283	-1
RPL4	211710_x_at	0,508765984	-0,150564104	15	64578707	64584238	-1
EPS15	217887_s_at	0,065552883	-1,258586511	1	51592523	51757583	-1
LSM8	219119_at	0,55035743	-0,27458682	7	117611322	117620116	1
MCL1	200798_x_at	0,231952032	0,500926861	1	148813658	148818760	-1
CDC27	217879_at	0,023664224	-0,869980855	17	42552625	42621664	-1
CRTC2	NA	NA	NA	1	152186775	152197667	-1
SNRPD3	202567_at	0,07620905	-0,417968284	22	23281618	23298509	1
UBP1	218082_s_at	0,261485165	-0,631637846	3	33404835	33456874	-1
ITFG2	220589_s_at	0,531506772	-0,107678186	12	2792124	2804367	1
FUT8	203988_s_at	0,343428283	-0,468031073	14	64949288	65279715	1
NSUN4	NA	NA	NA	1	46578977	46603277	1

PWP1	201606_s_at	0,317456997	-0,318492852	12	106603720	106630387	1
ZMYM6	219925_at	0,97501429	0,007057611	1	35224353	35270156	-1
RNF139	209510_at	0,732972365	0,157165099	8	125556189	125570040	1
DDX56	217754_at	0,256361011	-0,483711421	7	44571928	44580662	-1
ASNSD1	217987_at	0,017311748	-0,557176839	2	190234391	190243800	1
RNF38	218528_s_at	0,079154593	-0,540555242	9	36326397	36390296	-1
CBR1	209213_at	0,118154027	1,028196633	21	36364155	36367332	1
SFRS7	214141_x_at	0,074927974	-0,389067101	2	38824245	38832005	-1
RSPRY1	NA	NA	NA	16	55777742	55830451	1
SLC39A5	NA	NA	NA	12	54910894	54917897	1
LPPR2	64899_at	0,050529824	0,442701389	19	11327109	11337372	1
UBL5	218011_at	0,545173067	-0,269863629	19	9799568	9801797	1
PDPR	220236_at	0,120799267	0,285867843	16	68705030	68752685	1
KBTBD2	212447_at	0,511651364	-0,128726272	7	32874309	32897897	-1
PARP1	208644_at	0,163779839	-0,572502977	1	224615015	224662424	-1
MADD	210252_s_at	0,536673347	-0,082427624	11	47247535	47308158	1
TPM3	214365_at	0,266858547	0,200508036	1	152394404	152422349	-1
LEPRE1	220750_s_at	0,597724688	0,090427795	1	42984633	43005270	-1
ZNF546	NA	NA	NA	19	45194869	45215354	1
NUP155	206550_s_at	0,055730347	-0,972368735	5	37327698	37406954	-1
C21orf7	221211_s_at	0,466583385	-0,910398992	21	29374744	29470075	1
POLR2K	202635_s_at	0,393746292	0,188292989	8	101232015	101235406	1
PBXIP1	212259_s_at	0,019732139	1,102171356	1	153183180	153195191	-1
ZMYM4	202051_s_at	0,022572896	-0,733520206	1	35507155	35660132	1
TFDP1	212330_at	0,0017003	-1,542809364	13	113287057	113343505	1
NDUFS1	203039_s_at	0,261485165	-0,402389341	2	206696048	206732432	-1
DCAKD	221225_at	0,149285538	0,288986148	17	40456238	40493912	-1
FBXO15	NA	NA	NA	18	69891585	69965929	-1
FBL	211623_s_at	0,252040359	-0,162558934	19	45016938	45028813	-1
COPE	220469_at	0,475188103	-0,132256826	19	18871323	18891199	-1
SFRS4	201696_at	0,101129874	-0,535288707	1	29346946	29380948	-1
UBE2M	203109_at	0,312729216	-0,636175677	19	63758891	63762155	-1
UPF2	203519_s_at	0,017914144	-0,830205951	10	12002028	12125029	-1

RRP8	203171_s_at	0,256116021	-0,422355144	11	6577728	6581387	-1
WHSC1L1	221248_s_at	0,439381291	-0,091730196	8	38251717	38358947	-1
EIF3C	NA	NA	NA	16	28630283	28654552	1
PPM1D	204566_at	0,237949069	-0,405880914	17	56032336	56096818	1
AP1M1	NA	NA	NA	19	16169731	16207151	1
MRPS18C	220103_s_at	0,868321801	-0,025102103	4	84596196	84601900	1
KLHL12	219931_s_at	0,289066061	-0,215880116	1	201126853	201162994	-1
CENPP	NA	NA	NA	9	94127562	94417267	1
RASSF5	NA	NA	NA	1	204797115	204829239	1
RFX5	202964_s_at	0,204618539	0,577823388	1	149579740	149586393	-1
SFRS1	211784_s_at	0,016921879	-0,584675602	17	53433279	53439706	-1
RG9MTD3	NA	NA	NA	9	37743802	37768969	1
CCDC103	NA	NA	NA	17	40332680	40336155	1
B3GNT1	203188_at	0,035063499	0,522453068	11	65869419	65871737	-1
TEX10	218104_at	0,036545175	-0,742235057	9	102104190	102154995	-1
ORC2L	204853_at	0,029987112	-0,72521352	2	201483139	201536655	-1
SON	214988_s_at	0,024926046	-0,668472687	21	33837220	33871682	1
P2RX1	210401_at	0,094192879	0,262477951	17	3746634	3766709	-1
PNPT1	NA	NA	NA	2	55715956	55774463	-1
NDUFA11	NA	NA	NA	19	5845686	5855025	-1
SLC31A1	203971_at	0,37031458	0,284209111	9	115023689	115066593	1
GOSR1	204630_s_at	0,307021765	-0,310262694	17	25828552	25877958	1
MARS	213671_s_at	0,073458732	-0,466746499	12	56168118	56196700	1
SMC2	213253_at	0,001048834	-1,158630601	9	105896652	105943521	1
PDIA4	208658_at	0,037274617	0,620596221	7	148331087	148356715	-1
FBXO43	NA	NA	NA	8	101214835	101227252	-1
EFTUD2	NA	NA	NA	17	40283805	40332289	-1
C19orf70	NA	NA	NA	19	5629433	5631911	-1
TST	209605_at	0,063380343	0,76057501	22	35736852	35745437	-1
MPST	203524_s_at	0,038482753	0,38933229	22	35745648	35755809	1
PIN1	202927_at	0,573621126	-0,18782222	19	9806999	9821358	1
TMEM64	NA	NA	NA	8	91704778	91727112	-1
CREBBP	202160_at	0,166096542	-0,861598969	16	3715056	3870122	-1

TMEM104	220097_s_at	0,815226095	0,058150501	17	70284217	70347517	1
C11orf48	221637_s_at	0,033690623	-0,675813633	11	62186865	62195817	-1
STX5	203330_s_at	0,747259587	0,07171012	11	62330945	62356136	-1
RAPGEF1	204543_at	0,243206734	0,439998171	9	133441978	133602746	-1
RPL18	200022_at	0,219651601	-0,217698321	19	53810400	53814245	-1
PLD6	NA	NA	NA	17	17045034	17050357	-1
BDH1	211715_s_at	0,874463733	-0,106512879	3	198721051	198767255	-1
MRPL4	218105_s_at	0,948561959	-0,048338546	19	10223640	10231736	1
DDTL	NA	NA	NA	22	22639026	22644748	1
DDX19B	202576_s_at	0,443183735	-0,152578254	16	68890573	68925232	1
HIBADH	215316_at	0,761957478	-0,038134662	7	27531586	27669127	-1
UNG	202330_s_at	0,753850584	-0,134813111	12	108019798	108033181	1
RSL1D1	212018_s_at	0,079702881	-0,498137805	16	11835554	11852943	-1
MRPL15	218027_at	0,97446849	0,014455169	8	55210334	55223014	1
RAB40C	213466_at	0,671230761	0,076487997	16	580177	619273	1
SNRNP25	218493_at	0,08630623	-0,624539667	16	43017	47444	1
TMEM87A	212204_at	0,220959479	0,310167933	15	40290026	40352923	-1
RPS12	213377_x_at	0,018256704	-0,64536103	6	133177401	133180396	1
GNPAT	201956_s_at	0,641960192	-0,280504194	1	229443605	229480156	1
RPP14	204245_s_at	0,399381116	0,360880662	3	58267014	58280960	1
C1orf50	219406_at	0,057678	-0,484662491	1	43005527	43013998	1
MYH9	211926_s_at	0,445091718	-0,194234458	22	35007272	35113927	-1
DDX42	201788_at	0,008539965	-0,638985659	17	59205299	59250409	1
TLCD1	NA	NA	NA	17	24075503	24077353	-1
GFOD2	214076_at	0,495239315	0,123925735	16	66265940	66310718	-1
USP47	221518_s_at	0,269532684	-0,365690773	11	11819546	11937448	1
G2E3	NA	NA	NA	14	30098128	30158797	1
CCDC47	217814_at	0,977754076	-0,010929118	17	59176342	59204668	-1
CPT2	204264_at	0,422519879	-0,147349292	1	53434689	53452455	1
ASB13	218862_at	0,058741858	-0,536173301	10	5720837	5748547	-1
SPOP	204640_s_at	0,030769743	-0,291776736	17	45031245	45110524	-1
WDR5B	219538_at	0,988796734	0,003868459	3	123613390	123617572	-1
CDK7	211297_s_at	0,642610538	-0,105228871	5	68566471	68609006	1

EIF4A2	200912_s_at	0,552584798	-0,256965784	3	187984055	187990380	1
ACOX1	213501_at	0,276577542	0,195141976	17	71449183	71487039	-1
SAFB	201748_s_at	0,144167453	-0,33873168	19	5574164	5619489	1
MAN2B1	209166_s_at	0,839323137	-0,075189059	19	12618322	12638828	-1
GART	212378_at	0,011673527	-0,996992375	21	33798139	33836286	-1
FBXO5	218875_s_at	0,000212182	-1,490461679	6	153333351	153345867	-1
USPL1	204190_at	0,210652905	-0,545854931	13	30089920	30131686	1
TMEM203	NA	NA	NA	9	139218355	139219911	-1
CCDC12	NA	NA	NA	3	46938225	46993242	-1
NECAP2	220731_s_at	0,462885063	-0,187883304	1	16639820	16659160	1
ZFYVE1	NA	NA	NA	14	72505912	72563592	-1
SUV39H2	219262_at	0,801002465	-0,029145324	10	14960905	14986320	1
CHCHD3	217972_at	0,342241144	-0,369605678	7	132120163	132417373	-1
HPS5	204544_at	0,01925596	-0,808348068	11	18256793	18300297	-1
PRDX3	201619_at	0,174246096	0,252061729	10	120917205	120928335	-1
GTF2H1	202453_s_at	0,006281218	-0,749818358	11	18300719	18345153	1
SLC25A40	NA	NA	NA	7	87303353	87343604	-1
TRIM16	NA	NA	NA	17	15472005	15526918	-1
SLTM	217828_at	0,124141972	-0,572454796	15	56958536	57013144	-1
CPSF3	NA	NA	NA	2	9481319	9530678	1
BAT5	NA	NA	NA	6	31762715	31779067	-1
FBXL12	220127_s_at	0,524709825	-0,099824178	19	9781943	9790731	-1
H3F3B	NA	NA	NA	17	71284110	71287455	-1
CECR5	218592_s_at	0,507985626	0,193222272	22	15998410	16020169	-1
RCBTB2	204759_at	0,171558665	-0,819530831	13	47961100	48005317	-1
CDKN2C	211792_s_at	0,001053219	1,172255918	1	51206955	51212894	1
RPL38	202029_x_at	0,985049486	0,002985907	17	69711390	69717614	1
SF3B5	221263_s_at	0,878347	0,044407288	6	144457711	144458447	-1
FARSA	216602_s_at	0,876874847	0,072051931	19	12894284	12905558	-1
TMEM205	NA	NA	NA	19	11314458	11317722	-1
ZKSCAN5	203730_s_at	0,008964429	-0,589394136	7	98940509	98969381	1
RBL2	212332_at	0,391061248	0,291011911	16	52025901	52083061	1
OXSRI	202696_at	0,831476703	-0,103999124	3	38182030	38271983	1

HIST1H1A	208484_at	0,129804819	0,31625018	6	26125239	26126019	-1
NMT1	201157_s_at	0,185751472	-0,49031592	17	40494206	40541910	1
B2M	216231_s_at	0,158720968	0,393602916	15	42790977	42797649	1
RAB3D	208466_at	0,353727909	0,125667515	19	11296093	11311321	-1
CBX5	212126_at	0,045355499	-0,673779345	12	52921677	52960151	-1
DBF4	204244_s_at	0,020980077	-0,770686553	7	87343480	87376792	1
HPDL	NA	NA	NA	1	45565132	45566934	1
FTL	212788_x_at	0,69268659	0,136826696	19	54160378	54161948	1
SLC30A7	NA	NA	NA	1	101134266	101217596	1
JARID2	203297_s_at	0,370980866	0,288256641	6	15354506	15630232	1
PITX1	208502_s_at	0,175417877	-1,57464574	5	134391323	134397863	-1
C11orf57	218314_s_at	0,537672411	-0,139536206	11	111450178	111461084	1
VPS72	202261_at	0,608864279	0,192918617	1	149415558	149429264	-1
ZWILCH	218349_s_at	0,149285538	-0,576265154	15	64584485	64628877	1
ZNF789	NA	NA	NA	7	98908451	98923153	1
TADA2L	209938_at	0,792313827	-0,039976973	17	32841425	32911339	1
SYT11	209198_s_at	0,201940365	-0,341675718	1	154095924	154121470	1
GATS	NA	NA	NA	7	99644497	99707549	-1
ZNF394	214714_at	0,721770007	0,102182732	7	98928790	98935813	-1
C6orf64	218784_s_at	0,86466976	-0,050584632	6	39179818	39190843	-1
ADAL	NA	NA	NA	15	41410217	41428902	1
OPA1	214306_at	0,338519693	-0,578356605	3	194793806	194898009	1
DCTN6	203261_at	0,97703504	-0,02454841	8	30133355	30160602	1
BAT4	NA	NA	NA	6	31737841	31741142	-1
RTTN	NA	NA	NA	18	65822020	66023942	-1
COPS7B	219997_s_at	0,923710973	-0,019940757	2	232359406	232381678	1
PNRC1	209034_at	0,972842718	0,016710936	6	89847216	89851598	1
POLR2B	201803_at	0,760402272	-0,128874257	4	57539866	57592091	1
KIAA1429	NA	NA	NA	8	95569776	95634864	-1
CETN3	209662_at	0,994630619	0,002068199	5	89725284	89741359	-1
NPAT	209798_at	0,019766531	-0,712081734	11	107533327	107598575	-1
KIAA0494	201778_s_at	0,508277287	-0,134731864	1	46913420	46957323	-1
ZNF34	219801_at	0,356126399	0,197928739	8	145969303	145983529	-1

BTBD10	NA	NA	NA	11	13366131	13441414	-1
RAB23	220955_x_at	0,159566983	-0,415204738	6	57161540	57195037	-1
KIAA0196	201985_at	0,474259041	0,45420594	8	126105684	126173243	-1
LETMD1	207170_s_at	0,666191831	-0,284427584	12	49728351	49740474	1
TMEM69	NA	NA	NA	1	45926434	45932695	1
KIAA0528	212943_at	0,188879506	-0,352409392	12	22492784	22588719	-1
RHD	210429_at	0,381215637	0,087412031	1	25471568	25529523	1
EEF1G	211927_x_at	0,169618396	0,244437684	11	62083649	62098036	-1
RPL13	212933_x_at	0,670350866	-0,086628696	16	88154632	88157349	1
HTRA2	211152_s_at	0,799893119	0,08551449	2	74610040	74614191	1
MAD2L1	203362_s_at	0,638341246	-0,267961357	4	121200037	121207411	-1
PSME3	209852_x_at	0,344766589	-0,285461863	17	38238949	38249303	1
ZNF451	212557_at	0,262616034	-0,855263947	6	57062787	57143057	1
NR3C1	211671_s_at	0,541141171	0,18805601	5	142637689	142764238	-1
PES1	202212_at	0,288152919	-0,147865451	22	29302612	29317894	-1
PSPH	205194_at	0,023524186	-1,357019521	7	56046238	56086762	-1
CREB3	209432_s_at	0,638374418	0,116682706	9	35722317	35727005	1
SAFB2	32099_at	0,133440365	-0,513443123	19	5538010	5573938	-1
YWHAQ	200693_at	0,281598269	-0,222086125	2	9641557	9688557	-1
ATAD2	218782_s_at	0,396484726	-0,357134509	8	124401922	124477868	-1
STRAP	200870_at	0,271003387	-0,423466248	12	15926555	15947679	1
SMCHD1	212579_at	0,081700957	-0,906457373	18	2645886	2795015	1
ARPC5L	220966_x_at	0,088310201	-0,244250886	9	126671305	126679517	1
ZCCHC6	220933_s_at	0,752910955	-0,10152908	9	88092468	88159189	-1
SFRS8	202773_s_at	0,276322823	0,276760642	12	130761588	130850235	1
SR140	212058_at	0,013504089	-0,653842777	3	144203062	144262257	1
PYGO2	NA	NA	NA	1	153196126	153200882	-1
RPRD1B	NA	NA	NA	20	36095362	36154180	1
SERTAD2	202657_s_at	0,090709483	-0,495142593	2	64712260	64734550	-1
C2orf63	NA	NA	NA	2	55256289	55312953	-1
TIMM44	203092_at	0,749127518	-0,09788163	19	7897603	7914538	-1
POLA2	204441_s_at	0,082175106	-0,294766497	11	64786006	64821664	1
RPS27A	200017_at	0,14418112	-0,141815513	2	55313328	55316249	1

HADHB	201007_at	0,854416239	0,084957804	2	26321120	26366837	1
CHCHD8	220647_s_at	0,417766178	-0,208205402	11	73261360	73265538	-1
SRP72	208802_at	0,428615189	-0,566175414	4	57028519	57064604	1
CDC42SE1	218157_x_at	0,207819899	-0,28955389	1	149290071	149298749	-1
SENP1	NA	NA	NA	12	46723024	46785908	-1
DERL1	218172_s_at	0,018190049	0,717734987	8	124094769	124123722	-1
SUPV3L1	212894_at	0,279086401	-0,249689478	10	70609999	70638855	1
FUBP1	203091_at	0,109774093	-0,476586725	1	78186179	78217365	-1
MYNN	218926_at	0,2505164	-0,341600845	3	170973547	170988032	1
STK4	211085_s_at	0,616910395	-0,341636034	20	43028534	43142008	1
RBM8A	217857_s_at	0,515557353	0,255908175	1	144218995	144222801	1
SGK1	201739_at	0,638925142	-0,528819217	6	134532081	134537695	-1
PHC3	220328_at	0,584992535	0,058126717	3	171288062	171382231	-1
CCDC127	NA	NA	NA	5	257875	271297	-1
EXOSC3	NA	NA	NA	9	37770308	37775067	-1
KIN	205664_at	0,145367345	-0,706749882	10	7837373	7869950	-1
POLR3A	NA	NA	NA	10	79405900	79459265	-1
C2orf34	219617_at	0,915849926	-0,024458797	2	44442607	44853233	1
ILK	201234_at	0,961508804	0,023001603	11	6581540	6588677	1
SCARB1	215834_x_at	0,39643334	0,298809777	12	123828127	123914472	-1
BPTF	209271_at	0,002125266	-1,162076649	17	63252242	63410956	1
ALG2	NA	NA	NA	9	101018528	101024067	-1
SNAPC5	214592_s_at	0,103099018	0,175730149	15	64569720	64577200	-1
RPS6	200081_s_at	0,107827365	-0,27755054	9	19366254	19370235	-1
TUBGCP4	211337_s_at	0,263585668	-0,266089121	15	41450605	41485550	1
THTPA	218540_at	0,696618548	-0,097023908	14	23095071	23098592	1
CCT8	200873_s_at	0,022646256	-0,570542422	21	29350518	29367881	-1
LY6G6F	NA	NA	NA	6	31782663	31786351	1
FAM40B	NA	NA	NA	7	128861536	128915473	1
PREPL	212215_at	0,080687894	-0,514782925	2	44399406	44440393	-1
TMEM49	220990_s_at	0,245269085	0,430680489	17	55139811	55273235	1
RHBDD1	NA	NA	NA	2	227409017	227569836	1
C9orf75	NA	NA	NA	9	139205890	139214378	-1

TIMM17A	215171_s_at	0,06470581	0,508663533	1	200191271	200206412	1
PPP2R5D	202513_s_at	0,49193649	-0,09631432	6	43060308	43088058	1
RNF160	215596_s_at	0,656870187	-0,122015746	21	29222337	29287095	-1
RPS24	200061_s_at	0,213610549	0,234307955	10	79463580	79470480	1
ARFGAP2	211975_at	0,809606627	-0,095810662	11	47142428	47154995	-1
ZNF641	NA	NA	NA	12	47022179	47030844	-1
ALKBH4	222228_s_at	0,785972754	-0,064892911	7	101883690	101892293	-1
SLC35E3	218988_at	0,703377316	-0,23111712	12	67426203	67446120	1
MUT	202960_s_at	0,973221047	0,024563526	6	49506950	49538990	-1
SH3BGR	204979_s_at	0,576117878	0,224615771	21	39745650	39809303	1
ZCRB1	NA	NA	NA	12	40992155	41006199	-1
DYNC1I2	211684_s_at	0,059036026	-0,6804602	2	172252228	172313165	1
LCA5L	NA	NA	NA	21	39699640	39737998	-1
YWHAH	201020_at	0,169377231	-0,433975354	22	30670479	30683590	1
PAAF1	218957_s_at	0,76540983	-0,060762986	11	73265681	73316427	1
EIF2B4	209429_x_at	0,635778281	-0,104777354	2	27440723	27446828	-1
LY6G5B	NA	NA	NA	6	31746707	31748206	1
PRPS1	208447_s_at	0,36673037	0,473007811	X	106758415	106780912	1
CDC26	NA	NA	NA	9	115069109	115077690	-1
XPO1	208775_at	0,069016574	-0,550087654	2	61558573	61618922	-1
SAR1A	201543_s_at	0,487455832	-0,31604511	10	71579966	71600275	-1
HIRIP3	204504_s_at	0,348713432	0,254293812	16	29911817	29914888	-1
TRIM39	NA	NA	NA	6	30403019	30419485	1
SFRS2B	NA	NA	NA	11	94439704	94444036	1
CHERP	202230_s_at	0,06494604	-0,632048054	19	16489700	16514263	-1
TNKS1BP1	NA	NA	NA	11	56823679	56848989	-1
FCHSD2	203620_s_at	0,057389574	-0,895195482	11	72225439	72530739	-1
DBR1	219149_x_at	0,330478359	-0,214160096	3	139362542	139376463	-1
SMARCC1	201074_at	0,237853106	-0,388160776	3	47602391	47798410	-1
BCS1L	207618_s_at	0,742305462	-0,094191656	2	219232623	219236410	1
M6PR	200900_s_at	0,94471095	0,082890898	12	8984231	8993519	-1
CDC2L5	207318_s_at	0,020308216	-1,122371555	7	39956484	40101679	1
ATP5C1	208870_x_at	0,227911669	0,168736417	10	7870099	7889770	1

PIK3C2B	204484_at	0,786468011	0,165932463	1	202658384	202726097	-1
SELI	NA	NA	NA	2	26422458	26472263	1
HMMR	207165_at	0,022899939	-0,797468443	5	162820241	162851525	1
KIAA0895L	NA	NA	NA	16	65767006	65775384	-1
ZNF639	218413_s_at	0,748204856	-0,03305556	3	180524245	180536014	1
TMEM30A	217743_s_at	0,846985889	-0,070401166	6	76019360	76051212	-1
CDC37P1	NA	NA	NA	16	28618998	28620433	-1
MLL	212080_at	0,197115449	-0,326954229	11	117812415	117901146	1
C8orf44	220216_at	0,979514949	-0,003355484	8	67751008	67755789	1
PIGV	219238_at	0,842827675	-0,071684513	1	26987073	26997474	1
RNFT1	221194_s_at	0,564473948	-0,207196897	17	55384505	55396899	-1
OBFC2B	218903_s_at	0,789599161	-0,158940328	12	54904774	54909795	1
NBR1	201383_s_at	0,206811282	0,417065545	17	38576772	38600582	1
CDC123	201725_at	0,044409226	-0,484004961	10	12277971	12332593	1
GRPEL1	212432_at	0,059240251	-0,525004294	4	7112681	7120701	-1
UBR4	211950_at	0,029248389	-0,830463418	1	19273587	19409333	-1
RPL35A	213687_s_at	0,883683541	0,039621154	3	199161449	199167119	1
REPIN1	219041_s_at	0,311399678	0,74469653	7	149699191	149702066	1
STAM	203544_s_at	0,310805657	-0,372142756	10	17726130	17797913	1
ITFG1	221449_s_at	0,009714681	0,760326637	16	45746798	46052519	-1
PIM1	209193_at	0,735593213	-0,310586541	6	37245964	37251182	1
TMX3	NA	NA	NA	18	64491905	64533333	-1
ITGB1BP1	203336_s_at	0,018404799	-0,933997659	2	9463264	9481094	-1
RPL27	200025_s_at	0,173004767	-0,227319695	17	38403972	38408502	1
NFKBIB	214448_x_at	0,436886254	-0,205516578	19	44082455	44091374	1
IQCC	206650_at	0,691399399	0,068183454	1	32443859	32446875	1
RP6-213H19.1	218499_at	0,562706108	-0,173538767	X	130985317	131037652	1
SERINC4	NA	NA	NA	15	41874457	41879547	-1
TIMM10	218408_at	0,098709852	-0,431974663	11	57052512	57054808	-1
DDRKG1	218159_at	0,183439976	0,399372466	20	3119012	3133295	-1
CCPG1	221511_x_at	0,006164673	1,156270397	15	53434730	53487834	-1
DDX11	210206_s_at	0,172090907	-0,568796726	12	31118046	31148992	1
GRINL1A	212243_at	0,407682842	-0,284244484	15	55786193	55797045	1

CENPO	219472_at	0,609196314	-0,072685412	2	24869841	24896288	1
TOMM34	201870_at	0,67773047	-0,118036129	20	43004185	43022528	-1
USP3	221654_s_at	0,890738611	0,061526487	15	61583863	61670716	1
MAT2A	200768_s_at	0,120353564	-0,325337486	2	85619799	85625914	1
RPL35	200002_at	0,483796052	-0,120267269	9	126659979	126664061	-1
NUDCD3	201269_s_at	0,735143974	0,057255393	7	44388490	44496910	-1
C19orf54	222052_at	0,944596247	0,019326352	19	45938601	45948248	-1
SNRPA	201770_at	0,033066492	-0,550719276	19	45948619	45963134	1
ARSB	206129_s_at	0,046258024	0,515034209	5	78147296	78317522	-1
PCF11	203378_at	0,04771639	-0,609668812	11	82545785	82574484	1
CCDC88C	215343_at	0,390349581	-0,673605031	14	90807420	90953886	-1
SF3A3	203818_s_at	0,109091518	-0,554230351	1	38195234	38228348	-1
EIF4A3	201303_at	0,021637808	-0,492945675	17	75723612	75735533	-1
INO80E	NA	NA	NA	16	29915032	29924613	1
MRPL22	218339_at	0,035320218	-0,669554991	5	154300839	154326724	1
PAF1	202093_s_at	0,641700893	-0,146360522	19	44568109	44573519	-1
ZNHIT6	218932_at	0,306186805	-0,620836695	1	85891079	85946689	-1
ZDHHC17	212982_at	0,035845534	-0,635233251	12	75681985	75771605	1
POLR3GL	NA	NA	NA	1	144167593	144181744	-1
ZNHIT2	219050_s_at	0,011938315	0,553766364	11	64640451	64641746	-1
NOB1	NA	NA	NA	16	68333275	68346330	-1
ZNF655	NA	NA	NA	7	98994384	99012012	1
GSTT2B	205439_at	0,184393521	0,182100847	22	22629601	22633368	-1
JMJD8	NA	NA	NA	16	671668	674440	-1
LIAS	214045_at	0,407700718	-0,353634575	4	39137060	39155668	1
PPP1R15A	202014_at	0,642768183	-0,247580293	19	54067461	54071131	1
NFKBIL1	209973_at	0,512110963	0,157851243	6	31623351	31634585	1
METTL2A	NA	NA	NA	17	57854998	57881186	1
HDGFRP3	209525_at	0,537579227	0,17260766	15	81597820	81667325	-1
TAPBPL	218746_at	7,81E-05	1,18166965	12	6431438	6441749	1
ATP5J2	202961_s_at	0,361759325	-0,174974155	7	98893720	98901744	-1
TRA2A	204658_at	0,169618396	-0,614592775	7	23510924	23538181	-1
ACTN4	200601_at	0,234039924	-0,150794612	19	43830167	43913010	1

ARPC1A	200950_at	0,082429864	-0,392514027	7	98761446	98801821	1
SSH2	NA	NA	NA	17	24977091	25281144	-1
ANKH	210371_s_at	0,097378645	-0,631448723	5	14762019	14924876	-1
RRN3	222204_s_at	0,244589749	-0,446793363	16	15061380	15095659	-1
GANC	NA	NA	NA	15	40353658	40433156	1
POLQ	219510_at	0,121789061	-0,268420924	3	122632963	122747543	-1
BEST3	NA	NA	NA	12	68333656	68379463	-1
C19orf29	NA	NA	NA	19	3561626	3577813	-1
ACPL2	NA	NA	NA	3	142433372	142496176	1
SDHA	222021_x_at	0,162396678	0,21121679	5	271356	309815	1
CCT3	200910_at	0,718411572	-0,112987932	1	154545376	154574819	-1
ALKBH2	NA	NA	NA	12	108010379	108015628	-1
HP1BP3	220633_s_at	0,897638242	0,035717595	1	20941758	20985768	-1
SEC61B	203133_at	0,951364213	0,022222747	9	101024391	101032722	1
HN1	217755_at	0,769740321	-0,129765986	17	70642938	70662369	-1
CPNE1	212168_at	0,02771987	-0,48701209	20	33677380	33716262	-1
SCNM1	218672_at	0,569316778	0,124100738	1	149405141	149408238	1
NAB2	212803_at	0,247623478	-0,180506764	12	55768944	55775526	1
KDM5A	202040_s_at	0,053244029	-0,965773443	12	259484	368881	-1
TUBA1B	211072_x_at	0,187269989	-0,248290234	12	47807832	47811571	-1
CLEC2B	209732_at	0,181695222	1,674646029	12	9896235	9913725	-1
C4orf41	218179_s_at	0,254751706	-0,301329734	4	184817440	184871739	1
DLST	215210_s_at	0,599903791	-0,303065428	14	74418372	74440199	1
TCEA1	216241_s_at	0,010456312	-0,930970218	8	55041669	55097561	-1
SLC38A6	214830_at	0,737637062	-0,065144578	14	60517633	60588929	1
MLLT11	211071_s_at	0,076524234	-2,03532673	1	149298775	149307597	1
C1orf144	212005_at	0,228058548	-0,284997909	1	16566307	16595451	1
RBM12	NA	NA	NA	20	33700291	33716252	-1
PFDN2	218336_at	0,929726808	0,04550784	1	159336970	159354490	-1
C1orf212	NA	NA	NA	1	35091711	35097934	-1
RFWD2	NA	NA	NA	1	174180590	174442993	-1
hCG_29977	NA	NA	NA	19	11318334	11327053	1
GDE1	202593_s_at	0,24815346	0,776137765	16	19420516	19440951	-1

DAD1	200046_at	0,326887946	0,23963338	14	22103647	22127969	-1
TRMT2A	218475_at	0,158528325	0,30453047	22	18479398	18484768	-1
MKI67	212021_s_at	0,003579308	-0,642893542	10	129784913	129814645	-1
MFSD5	212861_at	0,94174536	0,029023643	12	51932147	51934455	1
EPC1	NA	NA	NA	10	32597865	32676119	-1
NUDCD2	NA	NA	NA	5	162813164	162819721	-1
RNF41	201962_s_at	0,038360633	-0,51043017	12	54884552	54902002	-1
CCNL2	221427_s_at	0,400170881	-0,335384425	1	1310954	1324552	-1
RANBP1	202482_x_at	0,347041964	0,279249327	22	18485024	18494704	1
DPH3	NA	NA	NA	3	16277014	16281409	-1
NFAT5	215092_s_at	0,6906089	-0,038557201	16	68156498	68296054	1
ZNF517	NA	NA	NA	8	145995065	146005333	1
OXNAD1	NA	NA	NA	3	16281718	16322598	1
USP37	NA	NA	NA	2	219023218	219141293	-1
SHF	NA	NA	NA	15	43246704	43280665	-1
DHX34	204815_s_at	0,83368818	0,074284966	19	52544386	52577795	1
NDUFA12	NA	NA	NA	12	93889240	93921642	-1
ADAT1	NA	NA	NA	16	74190499	74214655	-1
MLLT1	214477_at	0,529378929	0,112275856	19	6161392	6230959	-1
C17orf39	220058_at	0,947086609	0,032564607	17	17883336	17912443	1
RBM22	218134_s_at	0,11652576	-0,4533937	5	150050549	150060817	-1
ARID2	NA	NA	NA	12	44409887	44588086	1
AGGF1	208042_at	0,501111134	0,21402885	5	76361988	76396794	1
PAFAH1B1	200816_s_at	0,214365009	-0,757413674	17	2443686	2535638	1
TRPT1	NA	NA	NA	11	63747847	63750198	-1
TTC33	219421_at	0,013701903	-0,607407679	5	40747435	40791829	-1
EFNA4	205107_s_at	0,745806889	0,054201697	1	153302837	153308653	1
ARF1	208750_s_at	0,252040359	0,749450465	1	226337474	226353536	1
C11orf83	NA	NA	NA	11	62195702	62196428	1
PEX6	204545_at	0,127769236	-1,211875277	6	43039724	43054866	-1
CDC25A	204695_at	0,731628398	-0,103420576	3	48173672	48204805	-1
MOV10	NA	NA	NA	1	113018990	113044884	1
NEDD9	202149_at	0,078969457	-1,141238742	6	11308592	11340872	-1

USP15	210681_s_at	0,089751934	-0,489758286	12	60940454	61086165	1
NBEAL2	212443_at	0,873664087	-0,089898222	3	46996177	47026197	1
E2F4	38707_r_at	0,189758784	0,189758392	16	65783569	65790322	1
C11orf46	NA	NA	NA	11	30301225	30315741	1
DSE	218854_at	0,677195753	0,056982276	6	116707976	116866135	1
ELF1	212418_at	0,001657639	-1,634058886	13	40404164	40454418	-1
NOL11	221970_s_at	0,117794924	-0,337059288	17	63144523	63170728	1
DMC1	208382_s_at	0,115246925	0,272504769	22	37244900	37296135	-1
C1orf55	NA	NA	NA	1	224237026	224253689	-1
ZDHHC6	218249_at	0,693027449	-0,078201095	10	114180048	114196662	-1
TMEM11	203437_at	0,142928642	0,405445991	17	21041855	21058297	-1
DENND2D	221081_s_at	0,081879396	-1,140730429	1	111531324	111544804	-1
FAM69A	216044_x_at	0,209502779	0,549662016	1	93071041	93199601	-1
ALG8	203545_at	0,088500105	0,6298309	11	77489636	77528347	-1
EIF1	212227_x_at	0,681130937	-0,149519685	17	37098653	37101424	1
RPL36	219762_s_at	0,180859876	-0,522748774	19	5641272	5642678	1
PRKDC	208694_at	0,005404545	-1,337685202	8	48848222	49035296	-1
REM2	NA	NA	NA	14	22422272	22426729	1
LRRIQ3	NA	NA	NA	1	74264287	74436459	-1
CSNK2B	201390_s_at	0,227425039	-0,413676938	6	31741636	31745822	1
CLN6	218161_s_at	0,541698023	0,313699411	15	66286384	66309079	-1
MTP18	NA	NA	NA	22	29151720	29155041	1
C17orf42	219146_at	0,12205205	-0,591398888	17	26250127	26257412	-1
C19orf39	NA	NA	NA	19	11346383	11348627	1
GORAB	NA	NA	NA	1	168767894	168789208	1
PIH1D2	NA	NA	NA	11	111439944	111450105	-1
PSPC1	215083_at	0,660775793	-0,054323613	13	19175007	19255083	-1
TRMT61B	221229_s_at	0,759096739	-0,122373193	2	28926191	28946669	-1
CP110	204662_at	0,243987909	-0,376290789	16	19442709	19472231	1
ATPAF2	213057_at	0,781455035	0,137054692	17	17862059	17883205	-1
ARF4	201097_s_at	0,988796734	0,004179508	3	57532130	57558118	-1
CSRP2BP	NA	NA	NA	20	18066527	18117016	1
RQCD1	213179_at	0,195484685	-0,582837717	2	219141922	219167243	1

BFAR	218056_at	0,538705869	-0,147247569	16	14634297	14670209	1
POLG2	205811_at	0,170031143	-0,269354167	17	59904364	59923631	-1
MDH1	200978_at	0,836427446	0,096882419	2	63669626	63687832	1
CCNA2	213226_at	0,165547832	-0,784521721	4	122957975	122964342	-1
GNPDA2	NA	NA	NA	4	44398925	44423369	-1
PLEKHA4	219011_at	0,973635856	0,010146255	19	54032167	54063670	-1
GGCT	215380_s_at	0,635571139	-0,1681167	7	30502762	30510977	-1
C1orf131	NA	NA	NA	1	229426132	229443547	-1
MED29	NA	NA	NA	19	44573803	44583043	1
B4GALT5	221485_at	0,100135698	-1,344020227	20	47682889	47763745	-1
TOPBP1	202633_at	0,57063559	-0,217680932	3	134802177	134863380	-1
TMED5	202195_s_at	0,223418085	0,626546691	1	93389999	93418834	-1
HNRPDL	209067_s_at	0,272661265	-0,20332258	4	83563371	83570402	-1
HSPA4	211015_s_at	0,013854075	-0,982916227	5	132415561	132468608	1
ARHGAP11A	204492_at	0,073665698	-0,491062749	15	30694983	30719160	1
LRMP	35974_at	0,000248333	-2,257476288	12	25096508	25152536	1
ZNF146	200050_at	0,415379826	-0,241226068	19	41397344	41421516	1
RPL17	212270_x_at	0,002016957	-0,740757536	18	45268852	45272904	-1
HIST1H1D	214537_at	0,205097485	0,261883628	6	26342419	26343195	-1
ACD	204617_s_at	0,101381541	-0,399658796	16	66248916	66252219	-1
APEH	201284_s_at	0,44453829	0,443280177	3	49686439	49695938	1
ASB8	218841_at	0,358837693	-0,200488244	12	46827839	46837644	-1
ZNF507	NA	NA	NA	19	37528393	37570413	1
ZNF562	219163_at	0,191093786	0,19242859	19	9620341	9646734	-1
REST	204535_s_at	0,61043847	0,125093745	4	57468799	57493097	1
U2AF2	218381_s_at	0,035968549	-0,477187817	19	60857228	60877894	1
DQX1	NA	NA	NA	2	74598766	74606826	-1
PPHLN1	NA	NA	NA	12	41006214	41128689	1
EDEM2	218282_at	0,123251171	0,710137391	20	33166831	33198804	-1
BIN2	219191_s_at	0,076267343	0,957997857	12	49961089	50004205	-1
CSTF2T	212901_s_at	0,244209918	0,371890777	10	53125252	53129361	-1
MCM4	222036_s_at	0,047508376	-0,988795589	8	49036047	49052621	1
GOLPH3	217803_at	0,242990363	0,437785374	5	32160581	32210182	-1

C3orf58	NA	NA	NA	3	145173603	145193895	1
CLPTM1	201640_x_at	0,112634302	0,246991758	19	50150478	50188439	1
FPGT	205140_at	0,718594798	0,069013598	1	74436514	74445708	1
HNRNPUL2	222264_at	0,294317639	-0,212174025	11	62238796	62251397	-1
RPS9	217747_s_at	0,061329004	-0,342457033	19	59396538	59403327	1
NUTF2	202397_at	0,219651601	-0,458217423	16	66438320	66462720	1
RAB33A	206039_at	0,207665607	1,550448563	X	129133454	129146525	1
PLAG1	205372_at	0,784608664	-0,106114141	8	57236037	57286392	-1
PLEKHJ1	218290_at	0,37058797	0,215887995	19	2184155	2187328	-1
TROAP	204649_at	0,316916069	-0,246258069	12	48003238	48011781	1
DNASE2	214992_s_at	0,074409843	0,784438998	19	12847023	12853335	-1
TERF2IP	201174_s_at	0,238257702	-0,395143913	16	74239185	74248829	1
MKI67IP	NA	NA	NA	2	122201024	122210938	-1
PBLD	219543_at	0,568249767	0,091320268	10	69712423	69762690	-1
LMOD1	211562_s_at	0,667519591	0,056389515	1	200132207	200182339	-1
RALGDS	209050_s_at	0,51150616	-0,205985596	9	134962928	135014409	-1
HARS	202042_at	0,975757715	-0,011098665	5	140033674	140051155	-1
LETM2	NA	NA	NA	8	38363177	38385218	1
TIMM8B	218357_s_at	0,112704846	0,291993637	11	111461079	111462669	-1
FOXH1	207644_at	0,48628238	0,081160507	8	145670306	145672526	-1
BBX	213016_at	0,174411272	-0,990597398	3	108724480	109007399	1
FAU	200019_s_at	0,021679962	-0,359669519	11	64644678	64646236	-1
ZCCHC9	NA	NA	NA	5	80633178	80644872	1
MRRF	NA	NA	NA	9	124066968	124125564	1
PCIF1	222045_s_at	0,094663015	0,326449564	20	43996724	44010069	1
PRPF38A	NA	NA	NA	1	52642807	52656580	1
NSUN5B	213670_x_at	0,972960123	-0,010413388	7	74877582	74884001	1
GANAB	211934_x_at	0,014451733	0,726987451	11	62148874	62170680	-1
HIST1H4A	NA	NA	NA	6	26129886	26130257	1
RNF121	219021_at	0,27274284	0,138515217	11	71317731	71386291	1
GEN1	NA	NA	NA	2	17798658	17826911	1
BCL2L12	NA	NA	NA	19	54860211	54868985	1
NDOR1	219899_x_at	0,902029864	-0,025683362	9	139220004	139231282	1

CHCHD7	218642_s_at	0,899953895	-0,085986268	8	57286869	57293732	1
LSG1	221536_s_at	0,849107506	-0,094430648	3	195842812	195874200	-1
E2F6	203957_at	0,56884917	0,243301734	2	11501952	11523748	-1
RPL9	200032_s_at	0,138619842	-0,181071259	4	39132139	39136963	-1
MON1A	NA	NA	NA	3	49921310	49942261	-1
ZDHHC12	NA	NA	NA	9	130522969	130526229	-1
SF3A2	37462_i_at	0,008697991	-0,935259284	19	2187816	2199678	1
METTL7A	207761_s_at	0,53886305	0,762431202	12	49604801	49612567	1
PNPLA2	39854_r_at	0,238257702	0,136196433	11	808902	815217	1
RPS23	200926_at	0,397390784	0,099387635	5	81604895	81609991	-1
POLR1A	NA	NA	NA	2	86106962	86186789	-1
NANS	218189_s_at	0,938289449	-0,030218027	9	99858842	99885178	1
RP5-1022P6.2	NA	NA	NA	20	5473080	5539672	-1
DCDC2B	NA	NA	NA	1	32447282	32454384	1
ATP10D	213238_at	0,404521473	-0,902956563	4	47182167	47290260	1
PHACTR4	219235_s_at	0,767521997	0,059194872	1	28568680	28699468	1
WDR24	NA	NA	NA	16	674703	680401	-1
PARN	203905_at	0,150043232	-0,899456133	16	14437060	14631540	-1
KIAA0406	212898_at	0,710527149	-0,09216194	20	36044837	36095247	-1
USP36	220370_s_at	0,939396536	0,035515782	17	74304560	74348564	-1
SEC31A	210616_s_at	0,60261126	0,268746107	4	83958838	84031424	-1
ENOPH1	217956_s_at	0,426334296	-0,461050324	4	83570787	83601264	1
DCTN3	204246_s_at	0,918573121	0,037459407	9	34603548	34610496	-1
RTN4	214629_x_at	0,179377953	0,502286279	2	55052829	55129830	-1
SSR3	217790_s_at	0,345833179	0,516345455	3	157741237	157755629	-1
GCN1L1	216232_s_at	0,264973626	0,365648093	12	119049397	119116896	-1
C10orf140	NA	NA	NA	10	21842413	21854617	-1
LCMT1	221515_s_at	0,894187385	-0,045812329	16	25030548	25097052	1
DPY19L2	NA	NA	NA	12	62238960	62348621	-1
EIF2S2	208725_at	0,490849912	0,107433396	20	32139776	32163746	-1
RAB7L1	218699_at	0,859256761	0,197755077	1	204004301	204010747	-1
C6orf47	204968_at	0,758908821	0,06153007	6	31734054	31736528	-1
GTF2H3	222104_x_at	0,126885246	-0,265373881	12	122684334	122711287	1

PPP4C	208932_at	0,737092224	-0,068883228	16	29994886	30004196	1
UNK	NA	NA	NA	17	71292276	71333481	1
CAMTA2	212948_at	0,692868994	-0,119799951	17	4812017	4831655	-1
ZMAT2	NA	NA	NA	5	140060216	140066423	1
AGAP2	206152_at	0,509702198	0,113025484	12	56405261	56422207	-1
DYNC1H1	211928_at	0,023555392	-1,125415021	14	101500734	101586888	1
C7orf38	NA	NA	NA	7	98981859	98987470	-1
MRPL19	203465_at	0,056515195	-0,677198597	2	75727417	75742842	1
REEP3	NA	NA	NA	10	64951129	65051978	1
REEP5	208873_s_at	0,919950206	0,073977811	5	112239980	112285930	-1
ETF1	201573_s_at	0,069613065	-0,688349308	5	137869687	137906802	-1
SDHD	202026_at	0,724177524	-0,110522201	11	111462832	111471727	1
TMEM123	211967_at	0,211133649	-0,572104051	11	101772266	101828985	-1
VEGFB	203683_s_at	0,946019176	0,028384956	11	63758842	63762835	1
NUP214	202155_s_at	0,41293818	-0,147961766	9	132990802	133098912	1
WEE1	212533_at	0,050910634	-1,109788216	11	9550916	9567874	1
WWP2	204022_at	0,22812686	-0,240675951	16	68353775	68533144	1
ZDHHC7	218606_at	0,233130818	0,202406001	16	83565573	83602642	-1
RPL41	201492_s_at	0,626436159	-0,05890717	12	54796641	54797883	1
YBX1	208628_s_at	0,016916248	-0,451541008	1	42920653	42940607	1
MUS81	218463_s_at	0,688607586	-0,058913993	11	65384448	65390490	1
RPL37A	201429_s_at	0,565909041	0,075131916	2	217071765	217074435	1
MYC	202431_s_at	0,439415371	0,507713315	8	128817498	128822856	1
YWHAB	217717_s_at	0,083655438	-0,688832754	20	42947758	42970575	1
TIMM22	219184_x_at	0,72340803	0,078537153	17	847107	852157	1
TSNAXIP1	222220_s_at	0,819089723	0,031566968	16	66398511	66419472	1
RPAIN	NA	NA	NA	17	5263685	5276920	1
PTCD3	217895_at	0,032915659	-0,723780382	2	86186849	86222791	1
NOL8	218244_at	0,080058709	-0,395109119	9	94099461	94127659	-1
CEP135	206003_at	0,235331012	-0,555702577	4	56509794	56594284	1
C9orf46	218992_at	0,331970085	0,554517405	9	5347971	5427860	-1
RPL8	200936_at	0,321904501	-0,166459191	8	145985958	145988533	-1
IRF3	202621_at	0,163952311	-0,474368701	19	54854641	54860936	-1

RPL21	200012_x_at	0,073845196	-0,337299561	13	26723692	26728705	1
PIP5K1A	211205_x_at	0,504966271	-0,319233813	1	149437696	149488629	1
VAPB	202549_at	0,540740989	0,065979336	20	56397651	56455369	1
LIX1L	NA	NA	NA	1	144188442	144210448	1
HERC2	217902_s_at	0,03585356	-0,843135571	15	26029781	26240890	-1
ISG20	33304_at	0,524709825	-0,725301599	15	86983043	86999883	1
C2orf86	NA	NA	NA	2	63202022	63669355	-1
C14orf100	NA	NA	NA	14	59020914	59041834	1
GEMIN5	NA	NA	NA	5	154247169	154297964	-1
SNURF	206042_x_at	0,529118345	0,913857695	15	22751228	22774822	1
PABPC1	215157_x_at	0,735293538	-0,050703408	8	101784320	101803491	-1
NUDT6	220183_s_at	0,373548924	0,335680519	4	124033249	124063573	-1
SPATA5	NA	NA	NA	4	124063675	124460055	1
ZNF581	NA	NA	NA	19	60846798	60848801	1
BAT1	214762_at	0,764089272	0,053892759	6	31605975	31618204	-1
FAM40A	NA	NA	NA	1	110378764	110398786	1
F11R	222354_at	0,544829186	0,076135752	1	159232608	159257557	-1
ZNF174	210290_at	0,159041189	0,348691905	16	3391421	3399365	1
OSBPL11	218304_s_at	0,007141327	-1,095926101	3	126730392	126796629	-1
CXorf39	NA	NA	NA X		103297957	103322783	1
LDLR	202068_s_at	0,06470581	-0,973878117	19	11061132	11105490	1
ARL6IP1	211935_at	0,136119591	-0,585552934	16	18710492	18720358	-1
IFT80	NA	NA	NA	3	161457482	161600014	-1
NDUFS5	201757_at	0,046167543	0,594035497	1	39264593	39272874	1
ZNF434	218937_at	0,122647586	-0,238849999	16	3372086	3391026	-1
AURKAIP1	218580_x_at	0,88934491	0,045402253	1	1298973	1300443	-1
CREBZF	202979_s_at	0,212300428	-0,861989186	11	85046518	85053821	-1
MATR3	200624_s_at	0,101205718	-0,424024299	5	138657254	138694029	1
SFRS12	212721_at	0,014039679	-0,602473508	5	65475841	65512472	1
APBB3	NA	NA	NA	5	139918037	139924373	-1
MBTPS1	201620_at	0,334951772	-0,273508667	16	82644869	82708018	-1
NEK8	NA	NA	NA	17	24079959	24093911	1
TRAPPC6B	NA	NA	NA	14	38686766	38709385	-1

TGIF2	218724_s_at	0,71260308	-0,156074826	20	34635424	34655767	1
CTNNBIP1	203081_at	0,426334296	0,126610795	1	9830921	9892903	-1
STIL	205339_at	0,001685711	-1,079250086	1	47488398	47552406	-1
PSMB3	201400_at	0,492782429	-0,33269484	17	34162528	34174004	1
ZNF12	219571_s_at	0,043898136	-0,707800139	7	6694589	6713091	-1
PANK1	NA	NA	NA	10	91332729	91395195	-1
FAF1	218080_x_at	0,56981041	-0,213824055	1	50679523	51198524	-1
CASD1	219342_at	0,373395715	-0,367814293	7	93977120	94024216	1
TUBGCP6	NA	NA	NA	22	48998245	49025527	-1
SIRT2	220605_s_at	0,226550397	0,290097712	19	44061042	44082201	-1
HNRNPH3	210110_x_at	0,036872018	-0,842747891	10	69761885	69772954	1
PRPF4	209161_at	0,010657524	-0,682283968	9	115077795	115094877	1
ALAD	218489_s_at	0,320555233	0,212802583	9	115188413	115203391	-1
ZNF764	222120_at	0,715571729	0,079424163	16	30472586	30477085	-1
PCNA	201202_at	0,010784337	-0,761201061	20	5043599	5048647	-1
ITPA	209171_at	0,824957106	0,064561106	20	3138056	3152506	1
KIAA1737	NA	NA	NA	14	76634331	76653383	1
FDXACB1	NA	NA	NA	11	111249990	111255363	-1
VPS26A	201807_at	0,339879615	-0,212145327	10	70553914	70602623	1
DNAJB4	203810_at	0,264636062	-0,316403221	1	78243224	78255586	1
CDCA3	221436_s_at	0,078097062	-0,609981501	12	6828253	6830686	-1
KATNB1	203162_s_at	0,322804538	0,210436379	16	56327161	56348663	1
MTHFD1	202309_at	0,766793737	-0,175351064	14	63924846	63996474	1
CXorf21	220252_x_at	0,495854818	0,189936032	X	30486862	30505835	-1
PDE6D	204091_at	0,250410253	-0,60239511	2	232305391	232354218	-1
PCGF2	213551_x_at	0,209869224	0,411961494	17	34143676	34158084	-1
SOS1	212780_at	0,236487154	-0,432901262	2	39066469	39201067	-1
FAM108A1	221267_s_at	0,488579979	0,240832313	19	1827975	1836432	-1
SNX1	214531_s_at	0,078828039	-0,673909351	15	62175230	62223486	1
TMED4	NA	NA	NA	7	44585287	44588352	-1
RWDD4A	NA	NA	NA	4	184797783	184817325	-1
PSMD12	202352_s_at	0,403408231	-0,272508665	17	62767081	62793183	-1
DNAJC7	202416_at	0,158944289	-0,290674878	17	37382006	37422956	-1

PRKAG1	201805_at	0,030920894	0,568128104	12	47682322	47698859	-1
RAB30	206530_at	0,201940365	-0,24518267	11	82370126	82460532	-1
UBE2C	202954_at	0,023664224	-0,765453845	20	43875061	43879003	1
EIF2B1	201632_at	0,585031632	-0,105812982	12	122671523	122684200	-1
RTN3	219549_s_at	0,111974308	0,378163185	11	63205498	63283939	1
KIAA1949	NA	NA	NA	6	30752145	30761963	-1
CENPM	218741_at	0,013509456	-0,437476078	22	40664687	40673094	-1
RRP7A	202937_x_at	0,063244979	-0,894258759	22	41238514	41245752	-1
CEP350	213957_s_at	0,377619086	0,227954423	1	178190531	178350638	1
C14orf181	NA	NA	NA	14	68331217	68332943	-1
RBM14	204178_s_at	0,242185833	-0,315811439	11	66140673	66151390	1
CREB1	204313_s_at	0,079851511	-0,469332233	2	208102931	208171818	1
ZNF207	200829_x_at	0,030990156	-0,496710377	17	27701270	27721581	1
THAP2	NA	NA	NA	12	70344051	70360686	1
TMEM129	NA	NA	NA	4	1687477	1692882	-1
CAPRIN1	200723_s_at	0,571915777	0,340165516	11	34029806	34080733	1
PARK7	200006_at	0,715902665	0,193687265	1	7944380	7967926	1
LMBRD2	NA	NA	NA	5	36139171	36187772	-1
MRPL39	218558_s_at	0,0064955	-0,891315294	21	25879839	25901672	-1
CDCA2	NA	NA	NA	8	25372428	25421342	1
FAM164C	220107_s_at	0,012063576	0,456430328	14	74606052	74614552	1
NKIRAS2	218240_at	0,733057569	0,038853475	17	37425618	37431185	1
TMEM19	NA	NA	NA	12	70366145	70384107	1
SHMT2	214095_at	0,003695861	-0,722099809	12	55909819	55914981	1
NIPBL	213918_s_at	0,133463616	-0,541335463	5	36912742	37101678	1
CXXC1	218058_at	0,079154593	-0,701049181	18	46062711	46068690	-1
PEG10	212094_at	0,326764171	-1,573872743	7	94123573	94136943	1
SUPT16H	217815_at	0,002275122	-1,14134496	14	20889475	20922265	-1
MLLT10	205408_at	0,07062071	-0,367611503	10	21863108	22072560	1
SRPK1	202200_s_at	0,054859194	-0,649964291	6	35908789	35996934	-1
TXNL1	201588_at	0,194452318	-0,333450079	18	52421051	52456874	-1
PDSS2	219307_at	0,046805682	-0,780456673	6	107580456	107887448	-1
FAM96A	NA	NA	NA	15	62151814	62173260	-1

UFSP1	NA	NA	NA	7	100324280	100325275	-1
COQ5	NA	NA	NA	12	119425465	119451347	-1
AUP1	220525_s_at	0,05789759	0,589592179	2	74607283	74610482	-1
FAM33A	NA	NA	NA	17	54542090	54587582	-1
ARPM1	NA	NA	NA	3	170967407	170970377	-1
KPNA4	213567_at	0,298372586	-0,608869393	3	161700656	161766070	-1
ELOVL5	208788_at	0,547718169	-0,388428437	6	53240155	53321901	-1
ALDOA	214687_x_at	0,371609864	0,136938503	16	29983101	29989236	1
CDC6	203968_s_at	0,072965763	-0,555724196	17	35697672	35712939	1
PSMD7	201705_at	0,64397947	0,142127018	16	72888182	72897687	1
ZC3H10	NA	NA	NA	12	54798297	54802545	1
TRIM26	202702_at	0,2300037	-0,428029526	6	30260211	30289132	-1
DHDDS	218547_at	0,862775502	0,02825819	1	26631389	26670384	1
CDS2	212864_at	0,315691127	0,350127229	20	5055482	5119989	1
STK11	41657_at	0,483327055	-0,199682615	19	1156798	1179434	1
AKT2	211453_s_at	0,945534811	0,054033977	19	45428064	45483105	-1
THAP9	220360_at	0,999334777	0,000183381	4	84040861	84060146	1
PRMT1	206445_s_at	0,720871955	0,117952762	19	54872308	54883516	1
DPH5	222360_at	0,956989701	-0,017834875	1	101227767	101263950	-1
PEX19	201707_at	0,120353564	0,828279488	1	158513226	158521555	-1
RBM18	NA	NA	NA	9	124043604	124066911	-1
PIK3CD	203879_at	0,007278994	-2,264429419	1	9634377	9711759	1
DNAJC4	206782_s_at	0,001854494	0,815625934	11	63754512	63758329	1
GTF2E2	202680_at	0,255672689	-0,636173866	8	30555573	30635280	-1
METTL3	209265_s_at	0,10169382	-0,409168247	14	21036122	21049297	-1
ZFYVE20	NA	NA	NA	3	15086584	15115659	-1
TOB2	222243_s_at	0,136625165	-0,606425647	22	40159438	40172973	-1
RAB1B	220964_s_at	0,570926672	0,125411871	11	65792632	65801539	1
NUDT18	219665_at	0,544641608	0,164671442	8	22020328	22022877	-1
PDIA3	208612_at	0,730303852	0,072202805	15	41825882	41852096	1
FLJ22167	219182_at	0,345257807	0,294089131	16	74129516	74147671	-1
MRPS23	NA	NA	NA	17	53271841	53282398	-1
CNPY2	209797_at	0,521805069	0,137707776	12	54990484	54996387	-1

C1orf109	218712_at	0,968096246	0,017271393	1	37919829	37928779	-1
MBD1	203353_s_at	0,340709257	-0,31181623	18	46049214	46062142	-1
KIF1C	209244_s_at	0,192971223	0,468139096	17	4841998	4868720	1
SH3GL1	201851_at	0,196102786	0,183847048	19	4311367	4351471	-1
GARS	208693_s_at	0,583497608	-0,172388796	7	30600706	30640174	1
MRPS31	212603_at	0,01171059	-1,768327009	13	40201433	40243293	-1
COPS6	213504_at	0,562598779	0,146875198	7	99524519	99527759	1
RPS6KB2	203777_s_at	0,202655251	0,277847737	11	66952511	66959455	1
SLC35B1	202433_at	0,010290169	1,081083476	17	45133689	45140281	-1
SNRPA1	206055_s_at	0,096910006	-0,349560444	15	99639238	99652983	-1
QTRT1	221270_s_at	0,427393704	0,220674066	19	10673131	10685040	1
ACAT2	209608_s_at	0,02393725	-1,295752602	6	160102979	160120077	1
PDCD4	202731_at	0,024917797	-1,24350356	10	112621586	112649754	1
BIRC6	NA	NA	NA	2	32435600	32697470	1
BACH1	210818_s_at	0,116542177	0,29675744	21	29593608	29640340	1
PEA15	200788_s_at	0,197064272	-0,622428887	1	158441749	158451786	1
SIAH2	209339_at	0,621764477	-0,434454504	3	151941600	151963953	-1
MAGT1	221553_at	0,566653295	0,225265474 X		76968517	77037583	-1
C2orf42	219128_at	0,059402412	-0,483584317	2	70230521	70271655	-1
CCT6B	206587_at	0,255672689	0,159400389	17	30279051	30312619	-1
TMEM60	NA	NA	NA	7	77260981	77265683	-1
AHSA1	201491_at	0,142489975	-0,537039524	14	76994155	77005568	1
VCPIP1	219810_at	0,397384976	-0,174435268	8	67705042	67742006	-1
ANAPC10	207845_s_at	0,043948973	-0,812277668	4	146135760	146238818	-1
KIAA0323	212356_at	0,129093317	0,224330393	14	23968981	23980388	1
CBLN3	NA	NA	NA	14	23965578	23968571	-1
TP53	201746_at	0,012064175	-2,493113024	17	7512445	7531642	-1
RAB21	203885_at	0,133463616	-0,939822584	12	70434925	70467417	1
GPR180	NA	NA	NA	13	94052105	94079947	1
TIMM50	NA	NA	NA	19	44662892	44673368	1
AKAP8L	218064_s_at	0,009859592	-0,713972662	19	15351859	15390833	-1
C9orf43	NA	NA	NA	9	115212843	115231703	1
TJAP1	221857_s_at	0,376314159	0,184406851	6	43553289	43582269	1

CCDC43	NA	NA	NA	17	40110331	40122691	-1
JMJD5	220070_at	0,96111862	-0,010311096	16	27122317	27140544	1
PIGW	NA	NA	NA	17	31965516	31969263	1
HSPA5	211936_at	0,103933419	0,353091676	9	127036953	127043430	-1
SLC25A10	218275_at	0,691471474	0,151122259	17	77289776	77298447	1
ORC1L	205085_at	0,013107444	-0,827015221	1	52611089	52642719	-1
ATPIF1	218671_s_at	0,170970424	-0,697656509	1	28435198	28437198	1
RAPGEF6	219112_at	0,373772597	-0,350267444	5	130789500	130998828	-1
C22orf24	207701_at	0,697105764	0,053822951	22	30659507	30671336	-1
FAM53C	218023_s_at	0,173759731	-0,285928119	5	137701867	137713317	1
KPNA3	221503_s_at	0,058165675	-1,341341573	13	49171462	49265058	-1
SULT1A3	NA	NA	NA	16	30113244	30123151	1
RPL36A	NA	NA	NA X		100532604	100537439	1
TXNDC11	NA	NA	NA	16	11680444	11744149	-1
LMLN	NA	NA	NA	3	199171468	199254988	1
TAP2	204769_s_at	0,869215529	0,077881731	6	32897588	32914525	-1
USP32	211702_s_at	0,246737485	0,143846131	17	55609473	55824368	-1
RPL11	200010_at	0,975757715	0,007666597	1	23890881	23895502	1
MLX	210752_s_at	0,42758874	0,094746034	17	37972604	37978747	1
GABPA	210188_at	0,132068161	-1,01169742	21	26029570	26066213	1
LCMT2	204012_s_at	0,308939446	-0,382315088	15	41407266	41410183	-1
PDAP1	202290_at	0,314997289	0,266908767	7	98830525	98844228	-1
BUD31	205690_s_at	0,202095796	-0,337058799	7	98844548	98855175	1
PRKRIP1	218378_s_at	0,102491505	-0,343994497	7	101823809	101854134	1
HDDC3	NA	NA	NA	15	89275159	89276778	-1
C5orf39	NA	NA	NA	5	43074939	43076098	-1
PRR11	NA	NA	NA	17	54587875	54633929	1
MFSD9	213393_at	0,482172825	-0,123891968	2	102700098	102719745	-1
WAPAL	212264_s_at	0,023555392	-0,86108887	10	88184993	88271521	-1
HMG20A	218152_at	0,075775716	-0,52723088	15	75500298	75565000	1
SLC16A1	209900_s_at	0,040663121	-0,782636648	1	113255992	113300498	-1
METTL9	217868_s_at	0,28903094	-0,362627882	16	21518357	21576293	1
ELOVL6	210868_s_at	0,839741718	0,0713638	4	111189992	111339220	-1

TGDS	208249_s_at	0,004654632	-0,790759318	13	94024309	94046512	-1
POGK	218229_s_at	0,996733076	0,002069484	1	165075348	165090333	1
SMC6	218781_at	0,16363144	-0,518377935	2	17708562	17798541	-1
PJA2	201133_s_at	0,470822287	0,217942705	5	108698309	108773574	-1
FERMT3	NA	NA	NA	11	63730782	63747930	1
KLHL7	220238_s_at	0,186689568	-0,657284299	7	23111927	23181446	1
MORG1	NA	NA	NA	19	12641517	12647646	1
GPR113	NA	NA	NA	2	26384545	26423189	-1
NCAN	205143_at	0,136202936	0,188153596	19	19183782	19224061	1
RBM7	218379_at	0,098351185	-0,407903818	11	113776594	113784845	1
BAD	209364_at	0,13055526	0,315603199	11	63793878	63808740	-1
KCNK4	NA	NA	NA	11	63815369	63824079	1
C5orf37	NA	NA	NA	5	75005779	75049069	-1
ODC1	200790_at	0,146809445	-0,408735678	2	10497959	10505904	-1
ZBTB8OS	NA	NA	NA	1	32859892	32888772	-1
C14orf133	218431_at	0,203251552	-0,226078605	14	76962771	76993657	-1
CDADC1	221015_s_at	0,099350185	0,272397609	13	48720099	48765619	1
DVL2	57532_at	0,36152773	-0,36699902	17	7069385	7078587	-1
ZNF596	NA	NA	NA	8	172200	187339	1
PRKAR1A	200605_s_at	0,317624424	-0,485016706	17	64019705	64040506	1
MICB	206247_at	0,143517609	-0,690030688	6	31573945	31586880	1
MCM3	201555_at	0,116392804	-0,70402336	6	52236771	52257541	-1
NEDD8	201840_at	0,204250086	-0,393098316	14	23755897	23771416	-1
HIST1H4F	NA	NA	NA	6	26348633	26349000	1
UBE2N	212751_at	0,045772736	-0,901267758	12	92326219	92360157	-1
RNF145	NA	NA	NA	5	158516997	158567412	-1
RANBP3	202640_s_at	0,03805316	-0,472450121	19	5867150	5929113	-1
ACYP1	205260_s_at	0,41836989	-0,553739139	14	74589677	74600489	-1
TOP2B	211987_at	0,394611873	-0,634954654	3	25614479	25680792	-1
GMPR2	217990_at	0,623065397	-0,226349236	14	23771943	23778288	1
AIMP1	202542_s_at	0,522303511	-0,154225807	4	107457124	107489021	1
MARS2	NA	NA	NA	2	198278332	198281359	1
LAT	211005_at	0,098900553	0,456206213	16	28903648	28909605	1

SMC4	201663_s_at	0,196406825	-0,520838685	3	161600124	161635435	1
RPAP3	218842_at	0,057504055	-1,042496548	12	46343341	46386041	-1
STIM1	202764_at	0,33553951	0,246266734	11	3833509	4071015	1
SKP2	211042_x_at	0,002889545	-0,709911144	5	36187946	36219904	1
BTG1	200921_s_at	0,679946572	-0,280176811	12	91061030	91063751	-1
SEC63	201916_s_at	0,063335135	-0,812645518	6	108298215	108386086	-1
RAB34	NA	NA	NA	17	24065430	24069013	-1
BRWD2	218090_s_at	0,99205075	-0,004621621	10	122600685	122659026	1
KRR1	203203_s_at	0,101933333	-0,77935491	12	74177686	74191685	-1
TAF9	203893_at	0,132068161	-0,415026597	5	68683309	68701165	-1
RPLP2	200909_s_at	0,544442513	-0,10043287	11	799936	802876	1
SNX5	217792_at	0,170031143	-0,365061202	20	17870244	17897154	-1
MRPL51	NA	NA	NA	12	6471577	6472718	-1
MAPK8IP3	213178_s_at	0,058195602	-0,402667474	16	1696222	1760319	1
FAM111A	218248_at	0,268794841	-0,49542209	11	58668828	58679088	1
LRRC45	NA	NA	NA	17	77574569	77582316	1
ATG16L2	NA	NA	NA	11	72203099	72218328	1
VPS18	NA	NA	NA	15	38973920	38983465	1
PAR6B	211907_s_at	0,730621254	0,047861275	20	48781488	48803685	1
WDR4	221632_s_at	0,814481403	0,046971578	21	43136273	43172747	-1
LRDD	221640_s_at	0,231569771	-0,494028906	11	789179	794464	-1
PSMC5	209503_s_at	0,399529151	0,279324428	17	59258542	59263119	1
NFATC2	NA	NA	NA	20	49441172	49592665	-1
EFHD2	217992_s_at	0,003598362	-1,494906023	1	15609028	15629422	1
UGP2	205480_s_at	0,197428147	-0,585730233	2	63922518	63972200	1
NME6	205851_at	0,172387739	0,336301559	3	48310580	48317852	-1
PI4KB	206139_at	0,136028132	0,333103487	1	149531037	149565348	-1
EIF3K	212716_s_at	0,335923624	-0,189590506	19	43801562	43819435	1
C17orf75	203830_at	0,018278826	-0,439772629	17	27682494	27693302	-1
PPIL5	NA	NA	NA	14	49135165	49151140	1
FTSJ3	218103_at	0,379898021	-0,153047436	17	59250525	59258188	-1
CISD1	218597_s_at	0,087705822	-0,5865062	10	59698921	59717868	1
CD48	204118_at	0,167287733	0,539814385	1	158915160	158948209	-1

FAF2	212106_at	0,164867904	0,331756499	5	175807962	175869681	1
PLD2	209643_s_at	0,304221889	0,211653627	17	4657378	4673694	1
NSMAF	203269_at	0,33504424	-0,430669058	8	59658617	59734940	-1
CHAF1A	214426_x_at	0,510231503	-0,210681832	19	4353660	4394394	1
ZBTB37	NA	NA	NA	1	172104155	172109404	1
RAC3	206103_at	0,478771108	-0,280436691	17	77582821	77585369	1
STAG3L4	218994_s_at	0,72369296	-0,082342747	7	66405051	66423948	1
RIOK2	218535_s_at	0,565005328	0,078513634	5	96524397	96544700	-1
MRPL12	203931_s_at	0,925943316	-0,026723268	17	77280812	77284953	1
PNO1	203622_s_at	0,77380972	-0,084423115	2	68238509	68256595	1
NUDT5	NA	NA	NA	10	12249579	12278149	-1
TLK1	202606_s_at	0,000420607	-1,221924282	2	171556814	171725206	-1
FAM162A	220942_x_at	0,301838723	-0,291061086	3	123585713	123611651	1
CDC25C	205167_s_at	0,372207775	-0,101497051	5	137648858	137695415	-1
SEC22A	218703_at	0,172233543	-0,179163025	3	124403465	124474050	1
C6orf62	208809_s_at	0,133974727	-0,760677323	6	24813137	24827382	-1
TIA1	201447_at	0,099519961	0,363593948	2	70292318	70329251	-1
MYCBP	203360_s_at	0,344177669	-0,18354768	1	39101221	39111637	-1
MYO19	219320_at	0,755783603	-0,064367767	17	31943042	31964838	-1
TGOLN2	203834_s_at	0,035474443	0,409041281	2	85398657	85408885	-1
CDC42EP2	209850_s_at	0,083751849	0,205609722	11	64838907	64846476	1
DNAJC8	212491_s_at	0,012531318	-0,876067616	1	28399376	28432129	-1
GLYCTK	NA	NA	NA	3	52296912	52302532	1
CDC20	202870_s_at	0,008226896	-0,942888147	1	43597213	43601461	1
ITFG3	NA	NA	NA	16	224833	256120	1
GIYD1	NA	NA	NA	16	30112718	30116383	1
NAP1L4	201414_s_at	0,046842516	-0,409632495	11	2922236	2970183	-1
ORC6L	219105_x_at	0,155585483	-0,462452343	16	45281059	45289807	1
TCF3	209153_s_at	0,126658191	-0,441314964	19	1560293	1601277	-1
STT3B	NA	NA	NA	3	31549495	31652560	1
EML3	203442_x_at	0,823225603	0,07721392	11	62126267	62136813	-1
C22orf26	220681_at	0,987282236	-0,002847547	22	44825003	44828688	-1
VPS35	217727_x_at	0,699422493	-0,113632247	16	45251090	45280645	-1

SFRS3	208673_s_at	0,006921946	-0,74822048	6	36670144	36679187	1
C14orf159	218298_s_at	0,493529924	-0,237637523	14	90650110	90761456	1
ANP32E	221505_at	0,402130998	-0,225128274	1	148457479	148475082	-1
LBR	201795_at	0,010306683	-0,963961978	1	223655827	223682407	-1
SLC25A5	200657_at	0,2505164	0,197550176	X	118486433	118489320	1
NEK1	211086_x_at	0,829043912	-0,03065699	4	170551004	170770189	-1
MEIG1	NA	NA	NA	10	15041444	15054856	1
SERBP1	209669_s_at	0,030834041	-0,725816154	1	67646081	67668711	-1
TTC3	210645_s_at	0,070593467	-0,596464265	21	37377117	37497278	1
TTC30B	NA	NA	NA	2	178123126	178125770	-1
RALBP1	202845_s_at	0,242185833	-0,856746025	18	9465530	9528106	1
PRELID1	NA	NA	NA	5	176663441	176666556	1
TMEM111	217882_at	0,056637244	0,934662015	3	9980636	10003524	-1
NUP153	202097_at	0,083924774	-0,904789247	6	17723248	17814797	-1
WRAP53	220258_s_at	0,060105941	-0,449185571	17	7532520	7547544	1
IDI1	208881_x_at	0,167851242	-0,808717264	10	1075963	1085061	-1
C7orf36	NA	NA	NA	7	39572534	39578996	1
GLB1L	206540_at	0,919289536	0,014110218	2	219809737	219818375	-1
DCPS	218774_at	0,251910756	0,285820013	11	125678857	125720854	1
HHLA3	220387_s_at	0,084916099	-1,608344394	1	70593081	70606294	1
PRKCA	213093_at	0,097378645	-2,428514234	17	61729388	62237324	1
ZNF592	204473_s_at	0,338326302	-0,332949459	15	83092822	83150667	1
HIF1A	200989_at	0,007177115	-1,622176724	14	61231992	61284729	1
HSD17B11	217989_at	0,628021567	-0,375883486	4	88476715	88531479	-1
DDX6	215837_x_at	0,495778056	0,071311527	11	118125623	118167082	-1
RBM15	219286_s_at	0,028260044	-0,896794228	1	110683468	110690826	1
ATP5J	202325_s_at	0,377946854	-0,234019986	21	26018662	26029836	-1
MAP4K1	214219_x_at	0,054836758	-1,103270851	19	43770121	43800483	-1
PFAS	213302_at	0,086387232	-0,952443868	17	8093362	8114528	1
PLAA	209533_s_at	0,285031351	-0,303595259	9	26895339	26937138	-1
CLCN3	201733_at	0,758516994	-0,154242558	4	170778297	170878732	1
ACIN1	201715_s_at	0,064059623	-0,563540017	14	22597616	22634663	-1
CUL9	213204_at	0,788139876	-0,116067488	6	43257900	43300303	1

CYB5R3	201885_s_at	0,456791854	0,380969838	22	41344763	41375349	-1
WDR37	211383_s_at	0,987969735	0,003168681	10	1092776	1168237	1
USP5	206031_s_at	0,323682814	-0,274421665	12	6831552	6846057	1
SOCS4	NA	NA	NA	14	54563594	54585960	1
HERPUD2	220905_at	0,859825858	-0,033728717	7	35638794	35701254	-1
TBRG1	NA	NA	NA	11	123997981	124009440	1
ARFGEF2	218098_at	0,351706734	-0,29466539	20	46971682	47086637	1
RAB24	NA	NA	NA	5	176660805	176663350	-1
TPD52L2	201379_s_at	0,326483207	0,322706284	20	61967034	61993335	1
TTC13	219481_at	0,492959804	0,187206955	1	229108613	229181207	-1
PIGB	205452_at	0,667264763	-0,193871781	15	53398425	53435138	1
E2F3	203693_s_at	0,258168545	-0,485772593	6	20510377	20601921	1
TUSC4	NA	NA	NA	3	50359923	50363490	-1
PDE12	214826_at	0,861961071	0,017749447	3	57517044	57522720	1
DNAJC9	213088_s_at	0,888605502	-0,070685785	10	74672588	74677031	-1
TMEM115	216267_s_at	0,021832578	0,578118833	3	50367184	50371943	-1
MARCKSL1	200644_at	0,077839124	-0,940280532	1	32572027	32574410	-1
STRA13	209478_at	0,799623895	-0,110117672	17	77569868	77574062	-1
SLC35D1	209711_at	0,044837661	-1,256402917	1	67242439	67292316	-1
PRPF3	202251_at	0,064489003	-0,687689091	1	148560642	148592295	1
RAD17	207405_s_at	0,070132528	-0,503762672	5	68703037	68746384	1
NT5C3	NA	NA	NA	7	33020267	33068934	-1
ZNF343	207296_at	0,93461187	0,013171982	20	2410463	2437778	-1
CARM1	212512_s_at	0,467381203	-0,516959109	19	10843253	10894448	1
IGF2BP3	203820_s_at	0,009552348	-1,713055488	7	23316353	23476520	-1
ZFC3H1	213065_at	0,010952392	-0,407239513	12	70289646	70344016	-1
FAM120A	200767_s_at	0,844434534	-0,0719813	9	95253994	95368218	1
LUC7L	220143_x_at	0,102267744	-0,283397313	16	178971	219450	-1
ATP5A1	213738_s_at	0,907575154	0,026740907	18	41918108	41932285	-1
UTP6	218715_at	0,045160182	-0,603048583	17	27214303	27252842	-1
CHTF8	NA	NA	NA	16	67709414	67723985	-1
RCC1	206499_s_at	0,010888435	-0,922214292	1	28717332	28738194	1
MRPL47	NA	NA	NA	3	180788947	180805128	-1

ABCF2	209246_at	0,513002806	0,241074367	7	150535856	150555250	-1
WDR46	209196_at	0,313107767	-0,575447714	6	33354863	33364969	-1
HIST1H3A	NA	NA	NA	6	26128697	26129165	1
DBNL	NA	NA	NA	7	44050830	44067840	1
MYCBP2	201959_s_at	2,72E-05	-1,488288805	13	76516793	76799178	-1
DCLRE1C	222233_s_at	0,170002916	-0,564884823	10	14988876	15036100	-1
GLS	203158_s_at	0,310468379	0,637563013	2	191453792	191538021	1
COX7B	202110_at	0,980507081	-0,007316601	X	77041617	77047537	1
ITPKC	213076_at	0,216046247	0,199221692	19	45914848	45938605	1
MED21	209362_at	0,3907817	-0,881810335	12	27066750	27073949	1
ADCK4	220434_at	0,638825701	-0,056872125	19	45889274	45914440	-1
GMEB1	220938_s_at	0,415090434	-0,21449748	1	28867831	28913985	1
ZNF565	NA	NA	NA	19	41365027	41397826	-1
NUDT22	NA	NA	NA	11	63750338	63754064	1
IFT74	61732_r_at	0,407317478	0,117924871	9	26937310	27052931	1
HAUS1	NA	NA	NA	18	41938323	41962297	1
YPEL4	NA	NA	NA	11	57169137	57173993	-1
CLP1	204370_at	0,598283519	-0,161001843	11	57181206	57185913	1
CUL3	201370_s_at	0,005778442	-1,145496089	2	225043113	225158358	-1
POLE3	208828_at	0,05991298	-0,563116987	9	115209342	115212773	-1
E2F7	NA	NA	NA	12	75939157	75983491	-1
ADSS	221761_at	0,988883499	0,01301054	1	242638419	242682036	-1
C11orf71	218789_s_at	0,357064318	0,64174584	11	113775003	113776443	-1
BTK	205504_at	0,000386974	-2,118523225	X	100491098	100527838	-1
RBBP4	NA	NA	NA	1	32889411	32918841	1
PYCR1	202148_s_at	0,075682978	0,642982003	17	77483558	77488259	-1
WIBG	NA	NA	NA	12	54581464	54607964	-1
PSMD8	200820_at	0,89756256	-0,058096936	19	43557030	43566304	1
RPL14	200074_s_at	0,939128963	0,032846385	3	40473805	40478863	1
TRIM8	221012_s_at	0,655536205	0,265896742	10	104394242	104408066	1
C2orf30	NA	NA	NA	2	53867721	53899437	1
PPME1	49077_at	0,085144138	-0,285328531	11	73560016	73643396	1
ZNF14	219854_at	0,194836999	-0,311481299	19	19682281	19704921	-1

KARS	200840_at	0,065552883	-0,51182689	16	74219131	74239078	-1
PLEKHA8	NA	NA	NA	7	30034813	30096885	1
DENND4A	214787_at	0,022722864	-1,354716634	15	63741169	63871516	-1
KBTBD6	NA	NA	NA	13	40599709	40604936	-1
LOC143678	NA	NA	NA	11	45884661	45885409	-1
C2CD3	NA	NA	NA	11	73423128	73559712	-1
RASSF6	NA	NA	NA	4	74657726	74705204	-1
NUF2	NA	NA	NA	1	161558347	161592177	1
C2orf72	NA	NA	NA	20	17897762	17919761	1
C2orf47	219176_at	0,385405032	-0,253674287	2	200528285	200537085	1
WDR20	NA	NA	NA	14	101675965	101759763	1
IFNGR1	202727_s_at	0,025713151	-0,830455905	6	137560315	137582200	-1
HS2ST1	203285_s_at	0,025889868	-1,612856533	1	87152950	87348252	1
SLC38A1	218237_s_at	0,76189017	-0,159154557	12	44863105	44949475	-1
TTC4	46167_at	0,034292246	-0,528596611	1	54954117	54980569	1
APIP	218698_at	0,037658587	-0,650723901	11	34860421	34894484	-1
RELT	NA	NA	NA	11	72765361	72786167	1
FKBP14	219390_at	0,646115768	-0,119105283	7	30019409	30032793	-1
WWP1	212638_s_at	0,248288991	0,450012927	8	87424110	87549297	1
PPIA	211765_x_at	0,46911622	-0,116759257	7	44802766	44809241	1
METAP2	209861_s_at	0,116647804	-1,289067801	12	94391953	94433746	1
LYRM5	NA	NA	NA	12	25239417	25249216	1
Sep 15	200902_at	0,439416556	-0,394226505	1	87100716	87152695	-1
ARV1	NA	NA	NA	1	229181446	229203102	1
PUM1	201164_s_at	0,130723442	-0,514124157	1	31176940	31311151	-1
FKBP3	218003_s_at	0,198894945	-0,620677146	14	44654859	44674272	-1
TRIM52	221897_at	0,872467084	-0,036286664	5	180615979	180620725	-1
UBAP2	219192_at	0,208729273	-0,593811626	9	33911691	34038947	-1
PDHX	203067_at	0,363200409	-0,267877495	11	34894741	34974095	1
C2orf60	NA	NA	NA	2	200501879	200528468	-1
WT1	206067_s_at	0,091478088	0,518464843	11	32365901	32413663	-1
TRIM23	210994_x_at	0,237949069	0,178830165	5	64921263	64955943	-1
RNF8	203160_s_at	0,001826375	-0,916311595	6	37429726	37470492	1

C5orf44	218674_at	0,298552295	-0,234872573	5	64956314	64997710	1
ETV6	205585_at	0,689591557	-0,104231238	12	11694055	11939603	1
STIM2	NA	NA	NA	4	26471462	26634907	1
TXNDC9	211758_x_at	0,006364005	-0,633347797	2	99301919	99319292	-1
CEP97	219886_at	0,19591212	0,252229481	3	102926184	102968871	1
CSGLCA-T	221799_at	0,003452332	0,540292095	7	150560518	150566838	1
STK40	NA	NA	NA	1	36577812	36624072	-1
NARF	219862_s_at	0,964137198	-0,021136825	17	78009829	78039432	1
EXOSC2	209527_at	0,100968473	-0,375644652	9	132558998	132570077	1
C9orf156	47530_at	0,530661921	-0,108987818	9	99706593	99724673	-1
GPATCH1	219818_s_at	0,450111771	-0,245545813	19	38263626	38313158	1
NFATC2IP	217526_at	0,376396065	-0,224963809	16	28869819	28885287	1
NR2C2AP	NA	NA	NA	19	19173224	19175238	-1
DNA2	213647_at	0,078610077	-0,86817419	10	69843827	69901885	-1
SLC16A6	207038_at	0,123420572	-0,852825891	17	63775933	63799002	-1
FBXL20	NA	NA	NA	17	34670366	34811402	-1
ACTB	NA	NA	NA	7	5533312	5536747	-1
G6PC3	221759_at	0,027983302	0,471173567	17	39503644	39509238	1
CTCF	202521_at	0,01174513	-0,643002388	16	66153965	66230589	1
CENPT	218148_at	0,988796734	-0,004408377	16	66419561	66438862	-1
KIF2A	NA	NA	NA	5	61637746	61717967	1
GTF2F2	209595_at	0,134793278	-0,796854375	13	44592672	44756237	1
SPATA5L1	222163_s_at	0,187913325	-0,673354718	15	43481878	43500905	1
HIST1H4C	NA	NA	NA	6	26212155	26212544	1
C17orf68	219435_at	0,74105891	0,109545106	17	8070918	8092138	-1
GPR137	221966_at	0,200097434	0,164565786	11	63809907	63813539	1
PDLIM7	214121_x_at	0,021637808	-0,551520419	5	176843001	176857208	-1
TSFM	214331_at	0,263734294	-0,615064162	12	56462826	56476784	1
DDX18	205763_s_at	0,035968258	-0,700543454	2	118288725	118306423	1
DTX2	215732_s_at	0,548176023	0,076882209	7	75928908	75973248	1
CLDN12	NA	NA	NA	7	89870732	89883204	1
ZC3H4	213390_at	0,016405702	-0,710518808	19	52259284	52308849	-1
PRMT5	217786_at	0,636208887	-0,184782544	14	22459573	22468501	-1

TBCKL	NA	NA	NA	4	107186686	107456834	-1
FGF6	208417_at	0,181587898	0,170281435	12	4413569	4425041	-1
RAB5B	201276_at	0,909601531	-0,034911798	12	54654129	54674757	1
FAM128A	213166_x_at	0,67219792	-0,087573905	2	131958003	131966534	-1
PTPRA	213799_s_at	0,181214412	0,293686337	20	2802142	2967315	1
CLK4	210346_s_at	0,463102412	-0,198288606	5	177962271	177986660	-1
CCNC	201955_at	0,00079484	-1,262817971	6	100096984	100123411	-1
ANKRD13C	NA	NA	NA	1	70500129	70592993	-1
ZNF622	NA	NA	NA	5	16504628	16518894	-1
RNF219	219303_at	0,001663613	-1,548081716	13	78086422	78131315	-1
MDH1B	NA	NA	NA	2	207310732	207338295	-1
SCAMP1	212416_at	0,77381509	-0,087515894	5	77692095	77812318	1
ZPBP2	NA	NA	NA	17	35277981	35287675	1
RBX1	218117_at	0,094841722	-0,502111793	22	39677331	39698614	1
ASB3	NA	NA	NA	2	53750622	53867583	-1
XPOT	212160_at	0,352025717	-0,415827272	12	63084500	63128731	1
MFN1	207098_s_at	0,040823077	-0,711867857	3	180548174	180593708	1
RSU1	215618_at	0,563498403	0,077457328	10	16672621	16899459	-1
ALG5	218203_at	0,528726171	0,335813076	13	36421967	36471477	-1
FASTKD3	219200_at	0,103131211	-0,55714951	5	7912272	7922115	-1
RPS17	211487_x_at	0,561341666	0,074847559	15	80608216	80611920	-1
RNF123	221063_x_at	0,258464507	0,277471449	3	49701994	49733966	1
MST1	216320_x_at	0,31099433	0,161632818	3	49696391	49701099	-1
TIAL1	202406_s_at	0,179264435	-0,432860882	10	121322967	121346531	-1
AKAP9	210962_s_at	0,533630219	-0,273321648	7	91408128	91577925	1
SAP18	208742_s_at	0,09860057	-0,725047627	13	20612685	20620977	1
ANKRD36	NA	NA	NA	2	97143081	97148109	1
PUS7	218984_at	0,294500594	-0,408503804	7	104884194	104949921	-1
HMGCS1	221750_at	0,19050782	-0,982575572	5	43325250	43349352	-1
C6orf203	NA	NA	NA	6	107456110	107479238	1
TCHP	NA	NA	NA	12	108822706	108840251	1
ASH2L	209517_s_at	0,558612528	-0,142662744	8	38082168	38116385	1
TM7SF3	217974_at	0,888901002	-0,062360261	12	27017390	27058405	-1

LSM12	212532_s_at	0,255379895	-0,190548374	17	39467530	39499531	-1
PRKY	NA	NA	NA	Y	7202014	7309588	1
ENO3	204483_at	0,007476262	0,957332114	17	4795131	4801148	1
UBTF	202692_s_at	0,019766531	-0,532248784	17	39637927	39652450	-1
LNPEP	207904_s_at	0,295564679	-0,274361907	5	96297102	96390871	1
IPMK	NA	NA	NA	10	59625620	59697700	-1
ZNFX1	NA	NA	NA	20	47295844	47328163	-1
CCDC106	207006_s_at	0,693391683	-0,094743321	19	60850766	60856339	1
ECT2	219787_s_at	0,035434696	-1,20825141	3	173951336	174021957	1
NCAPD2	201774_s_at	0,002731697	-1,049775868	12	6473561	6511075	1
C12orf11	221652_s_at	0,2300037	-0,859170783	12	26949379	26982521	-1
DDB2	203409_at	0,302418963	-0,527796533	11	47193089	47217339	1
SILV	209848_s_at	0,532506025	0,09713113	12	54634156	54646093	-1
SSBP1	202591_s_at	0,715282143	-0,175614982	7	141084645	141096726	1
RNASEH2B	219056_at	0,091793721	-0,801455744	13	50381928	50428901	1
NUBP1	203978_at	0,375209213	-0,319434418	16	10745199	10770709	1
SRA1	204650_s_at	0,965008695	0,014747633	5	139909837	139917862	-1
A4GALT	219488_at	0,301169453	0,370604056	22	41418071	41446820	-1
TMEM126B	221622_s_at	0,238064853	-0,37073829	11	85017310	85025186	1
RND1	210056_at	0,972400735	-0,006168748	12	47537197	47545920	-1
ARGLU1	218067_s_at	0,002670221	-1,354020528	13	105993663	106018515	-1
DDIT3	209383_at	0,600410418	-0,097695217	12	56196638	56200567	-1
PRDM15	NA	NA	NA	21	42091454	42172651	-1
RBBP8	203344_s_at	0,014590489	-1,338651785	18	18767293	18860447	1
MBD6	NA	NA	NA	12	56202926	56210198	1
SGOL1	NA	NA	NA	3	20177087	20202687	-1
PRPF4B	202126_at	0,007417305	-1,548276145	6	3966568	4010216	1
GTF3C2	210620_s_at	0,36883135	0,414350343	2	27402225	27433372	-1
C6orf120	221787_at	0,030334095	-0,395730856	6	169844182	169848327	1
C19orf56	217780_at	0,023882611	0,624373657	19	12639887	12641449	-1
HNRNPH1	213472_at	0,359716978	0,130245862	5	178973786	178983276	-1
SGK3	220038_at	0,047508376	-0,979096174	8	67850016	67936811	1
ZNF580	220748_s_at	0,318557788	0,514951633	19	60844204	60846648	1

DHRS7	210788_s_at	0,395066794	0,630377678	14	59681252	59701857	-1
THOC3	NA	NA	NA	5	175319140	175328151	-1
DYSFIP1	NA	NA	NA	17	77384657	77386215	-1
IPO11	NA	NA	NA	5	61744351	61960165	1
DGKA	203385_at	0,039917957	-0,922432016	12	54611213	54634074	1
UCP2	208997_s_at	0,142367214	-0,946865764	11	73363364	73371537	-1
MTRF1L	215560_x_at	0,28479766	0,12095678	6	153351363	153365540	-1
NUDT21	202697_at	0,030914985	-0,716112478	16	55020549	55042762	-1
PSMD2	200830_at	0,277347383	0,26932637	3	185499716	185509534	1
FYCO1	218204_s_at	0,718379906	0,118047345	3	45934399	46012311	-1
NDUFB5	203621_at	0,501111134	0,152090891	3	180805269	180824982	1
EXOSC8	215136_s_at	0,011673527	-1,11508131	13	36472917	36481538	1
CDCA4	218399_s_at	0,026990768	-0,573508079	14	104547318	104558538	-1
NAT10	217884_at	0,321965478	-0,37581312	11	34083725	34125033	1
ATP2A2	212361_s_at	0,133440365	-0,260913325	12	109203815	109273278	1
DUSP10	215501_s_at	0,303350487	-0,337201512	1	219941389	219982084	-1
SLC35A4	NA	NA	NA	5	139924604	139928867	1
GGNBP2	218079_s_at	0,079578148	-0,53058385	17	31974917	32020391	1
EXOSC5	218481_at	0,669786785	-0,104668436	19	46584115	46595096	-1
WDR12	218512_at	0,830068231	-0,065787795	2	203453575	203484639	-1
TAX1BP1	200976_s_at	0,545794959	-0,193417066	7	27746263	27835911	1
GSTP1	200824_at	9,28E-05	-3,203439777	11	67107862	67110699	1
NRN1	218625_at	0,805129716	-0,312627176	6	5943231	5952632	-1
UCHL3	204616_at	0,00794683	-1,373657758	13	75021928	75078070	1
ATP5S	213995_at	0,090388584	-1,064131556	14	49848797	49862418	1
APPL2	218218_at	0,78331867	0,096869882	12	104091205	104154138	-1
FANCI	213007_at	0,034207985	-0,652239013	15	87588198	87661366	1
RC3H2	220202_s_at	0,042422116	-1,11060494	9	124651553	124707383	-1
ICAM4	207194_s_at	0,649697734	-0,054491869	19	10258650	10260198	1
FNBP4	212232_at	0,120652764	-0,33031803	11	47694645	47745443	-1
BCKDHA	202331_at	0,230299672	0,27352617	19	46595544	46622750	1
FAM120C	220685_at	0,430722918	-0,170049452	X	54111482	54226439	-1
RNF115	212742_at	0,886201564	-0,090115258	1	144322393	144400084	1

DSTYK	211515_s_at	0,073105229	0,360487539	1	203378256	203447313	-1
HIST1H1B	214534_at	0,856533219	-0,028949833	6	27942549	27943338	-1
OGFOD1	221090_s_at	0,733457891	-0,108179415	16	55042925	55068908	1
TMEM161B	NA	NA	NA	5	87526779	87600421	-1
UQCR	202090_s_at	0,776461939	-0,155426764	19	1548171	1556431	-1
POLR2I	212955_s_at	0,472899332	-0,185607228	19	41296451	41298046	-1
MLEC	200617_at	0,008704134	0,316968082	12	119609332	119624050	1
MVD	203027_s_at	0,891814298	-0,037264568	16	87245849	87256996	-1
WDR92	204507_s_at	0,147197127	-0,698516094	2	68210785	68238160	-1
WDHD1	204728_s_at	0,116410302	-0,583981179	14	54476692	54563557	-1
FAM21A	211068_x_at	0,421054231	-0,359233943	10	51497690	51563275	1
NME7	219553_at	0,911185727	0,069838671	1	167368393	167603810	-1
FLOT2	211299_s_at	0,468832181	0,241673092	17	24230483	24248841	-1
TRIM61	NA	NA	NA	4	166095048	166118268	-1
MTMR1	216095_x_at	0,383293843	-0,264823583	X	149612527	149684233	1
SETX	201964_at	0,023020067	-0,793188045	9	134126648	134220193	-1
NFE2L2	201146_at	0,131252932	-0,664020206	2	177803282	177837663	-1
IKZF3	221092_at	0,378317326	-0,203303341	17	35174724	35273967	-1
LAS1L	208117_s_at	0,870933373	0,037102123	X	64649191	64671392	-1
UBE2Q2	NA	NA	NA	15	73922855	73980440	1
ZMYM5	215948_x_at	0,324721046	-0,229120257	13	19309593	19335773	-1
AGL	203566_s_at	0,003326653	-2,310945646	1	100099354	100162167	1
TM9SF1	209149_s_at	0,072211335	0,829854701	14	23728193	23734722	-1
FCRLB	NA	NA	NA	1	159959081	159964557	1
CCDC76	219130_at	0,083736636	-0,960204217	1	100371307	100388641	1
GRK4	208365_s_at	0,644343369	-0,117141297	4	2935141	3012272	1
AGAP11	NA	NA	NA	10	88720478	88759940	1
POLR3C	210573_s_at	0,480140042	0,246048882	1	144303962	144322241	-1
IL21R	221658_s_at	0,647151949	-0,425557147	16	27321224	27369616	1
PSMD4	211609_x_at	0,102870419	0,742188621	1	149493821	149506579	1
DHX29	212648_at	0,994759003	-0,004623361	5	54587830	54639278	-1
DEGS1	209250_at	0,278335959	-0,380174115	1	222437551	222447766	1
LMO4	209205_s_at	0,054680306	-1,245179531	1	87566739	87583851	1

TSSK4	NA	NA	NA	14	23744802	23747294	1
ARPC4	217818_s_at	0,22275051	-0,471502334	3	9809227	9823789	1
FTH1	214211_at	0,729883132	-0,190437512	11	61488333	61491708	-1
STX18	218763_at	0,855856975	-0,050646601	4	4471596	4594676	-1
CLDN23	NA	NA	NA	8	8597076	8599027	1
CSK	202329_at	0,004362086	-1,292716932	15	72861768	72882558	1
MC1R	202154_x_at	0,019549669	-1,061330102	16	88512527	88514886	1
C18orf32	NA	NA	NA	18	45262028	45267599	-1
CHCHD5	NA	NA	NA	2	113058507	113063088	1
ITGB3BP	205176_s_at	0,408366509	-0,369126013	1	63679050	63761423	-1
SYCP1	216917_s_at	0,339873685	0,090637387	1	115198978	115339514	1
TNPO2	215844_at	0,206459178	0,255529354	19	12671015	12694078	-1
IK	200066_at	0,714023947	-0,099702032	5	140007568	140022249	1
PPRC1	203737_s_at	0,258500935	-0,277646892	10	103882777	103900080	1
PBX2	202876_s_at	0,103552444	0,358546027	6	32260488	32265941	-1
KCTD20	214849_at	0,926777132	-0,055229089	6	36518522	36566297	1
TMEM20	NA	NA	NA	10	95643720	95652480	1
BLZF1	203840_at	0,716002674	0,050551319	1	167603818	167632406	1
MNAT1	203565_s_at	0,463102412	0,167903055	14	60271223	60505151	1
LSM14B	219653_at	0,89727351	-0,036117808	20	60130912	60143829	1
SPAG9	212470_at	0,107957142	-0,34879441	17	46397987	46553094	-1
FOXK1	NA	NA	NA	7	4688456	4777600	1
NUPL1	NA	NA	NA	13	24773666	24814561	1
HLA-DMB	203932_at	0,320624254	-1,066466391	6	33010393	33016795	-1
ELF2	203822_s_at	0,774016595	-0,10924758	4	140198321	140225097	-1
EFCAB7	NA	NA	NA	1	63761856	63810952	1
FKBP11	219118_at	0,13601554	0,863900825	12	47602009	47605549	-1
SREBF2	201247_at	0,679512821	0,116309849	22	40559052	40632321	1
RAB2A	208731_at	0,079120101	-0,85458468	8	61592113	61696183	1
NUFIP2	NA	NA	NA	17	24612772	24645203	-1
MBLAC1	NA	NA	NA	7	99562253	99564057	1
MRPS15	221437_s_at	0,011116682	-0,799967851	1	36693960	36702556	-1
SLC12A4	209401_s_at	0,124473575	0,286193441	16	66535731	66560026	-1

STX4	203530_s_at	0,551116498	0,221980212	16	30952404	30958986	1
ZNF830	NA	NA	NA	17	30312662	30314318	1
RTN2	34408_at	0,217711151	0,546658891	19	50680390	50692153	-1
DIMT1L	217106_x_at	0,016980645	-0,57899514	5	61720108	61735485	-1
MRPS6	NA	NA	NA	21	34367693	34437200	1
SLC5A3	212944_at	0,22925883	-0,926752955	21	34367740	34400431	1
SH3GLB1	209091_s_at	0,466729729	-0,362709718	1	86942845	86986455	1
ZNF638	211257_x_at	0,470504586	-0,279156543	2	71412397	71515697	1
ZBTB44	220243_at	0,716267051	-0,069245664	11	129608335	129689817	-1
ANKMY1	210486_at	0,780910967	0,072881447	2	241067512	241146078	-1
FKBP1A	200709_at	0,220679275	-0,423913446	20	1297622	1321745	-1
COPG2	NA	NA	NA	7	129933316	130004138	-1
TBC1D14	NA	NA	NA	4	6962473	7085739	1
MYPOP	NA	NA	NA	19	51085121	51097702	-1
ACY1	202740_at	0,430372662	0,389604171	3	51992603	51998258	1
FOXJ2	203734_at	0,041837546	0,512564406	12	8076626	8099385	1
CAPN1	200752_s_at	0,825457986	-0,049249044	11	64705919	64736052	1
PYROXD1	NA	NA	NA	12	21481878	21514567	1
SEC23IP	216392_s_at	0,227198454	0,290597313	10	121642213	121691235	1
DR1	209187_at	0,049436793	-1,06305812	1	93584066	93600737	1
TM9SF3	217758_s_at	0,174339125	0,441571383	10	98270420	98336799	-1
TARS	201263_at	0,551429765	0,31245698	5	33476655	33503953	1
NHLRC2	219353_at	0,508732479	-0,205570977	10	115604410	115658442	1
FOXN2	206708_at	0,95076444	0,018498872	2	48395299	48459938	1
USP46	219943_s_at	0,281883725	0,250203104	4	53155957	53220197	-1
ABHD3	213017_at	0,08728066	-0,445342656	18	17484856	17538724	-1
RPL34	NA	NA	NA	4	109761171	109771089	1
VPS13D	212323_s_at	0,318072731	-0,233635616	1	12212700	12494686	1
PABPN1	201545_s_at	0,01866495	-0,974838368	14	22859237	22865212	1
IFITM3	212203_x_at	0,141019762	-0,800710481	11	309673	310914	-1
TGFB3	209747_at	0,22645988	0,120371029	14	75494195	75517242	-1
C14orf179	NA	NA	NA	14	75521849	75619845	1
PIAS3	203035_s_at	0,26559528	0,34905064	1	144287345	144297903	1

RNF185	NA	NA	NA	22	29886179	29933000	1
ANKRD12	212286_at	0,118264695	1,124587453	18	9126758	9275206	1
SAMD12	NA	NA	NA	8	119270875	119703365	-1
ANKRD58	NA	NA	NA X		118776604	118778155	1
NIPAL2	220128_s_at	0,13461722	0,192435048	8	99273563	99375797	-1
MED20	212872_s_at	0,321052913	-0,557296457	6	41981070	41996855	-1
C17orf62	218130_at	0,928832182	-0,044817672	17	77993808	78001983	-1
NLK	218318_s_at	0,419020503	-0,562527356	17	23393815	23547534	1
AUTS2	212599_at	0,533187314	-1,026421146	7	68702255	69895790	1
HCG9	NA	NA	NA	6	30050871	30054159	1
TMEM107	NA	NA	NA	17	8017021	8020439	-1
BTF3	214800_x_at	0,077565122	-0,661388913	5	72830006	72837204	1
MBNL1	201153_s_at	0,066370727	-0,768803695	3	153499884	153666259	1
PTPLB	212640_at	0,635571139	0,196145433	3	124693091	124786726	-1
PRKAB2	214474_at	0,446041137	0,151521612	1	145093309	145110753	-1
SENP6	202318_s_at	0,061524233	-1,021156797	6	76368342	76484714	1
RFXAP	208492_at	0,245168482	-0,371155025	13	36291339	36301740	1
EIF4G1	208624_s_at	0,55918569	0,475672008	3	185515050	185535840	1
RP2	205191_at	0,046302352	-0,503156531 X		46581320	46626737	1
SH2B3	203320_at	0,629620676	-0,227244677	12	110328135	110373810	1
SFXN5	NA	NA	NA	2	73022673	73152473	-1
C14orf119	NA	NA	NA	14	22634628	22639505	1
ZFP91-CNTF	NA	NA	NA	11	58103163	58149782	1
ZFP91	208597_at	0,795212585	0,038140714	11	58103163	58145091	1
SKIV2L2	212896_at	0,220932264	-0,439012437	5	54639373	54756562	1
SLC23A3	NA	NA	NA	2	219734431	219742959	-1
ABHD14B	NA	NA	NA	3	51977571	51983070	-1
CHMP4B	NA	NA	NA	20	31862780	31905831	1
TADA3L	215273_s_at	0,663639951	-0,258838167	3	9796651	9809420	-1
AHR	202820_at	0,364256762	-0,494506068	7	17304832	17352299	1
C11orf31	NA	NA	NA	11	57265298	57267459	1
ADRBK1	201402_at	0,550052805	0,075011389	11	66790481	66810605	1
CUGBP1	209489_at	0,388019755	-0,12709237	11	47446521	47531264	-1

NPW	NA	NA	NA	16	2009522	2010757	1
LPCAT4	213078_x_at	0,052114959	0,535891918	15	32438381	32446687	-1
RHOT2	222131_x_at	0,881343738	-0,033688397	16	658134	664172	1
RHBDL1	207383_s_at	0,46567433	0,092125999	16	666076	668268	1
ENTPD5	205757_at	0,599037583	0,137953826	14	73502925	73555714	-1
ABCA12	215465_at	0,424657202	0,081205989	2	215504511	215605055	-1
ZNF474	NA	NA	NA	5	121493114	121517165	1
FOXN3	205021_s_at	0,396738914	0,155765845	14	88692269	89155247	-1
DEPDC1B	NA	NA	NA	5	59928496	60031713	-1
GADD45GIP1	212891_s_at	0,632516923	-0,211423112	19	12925972	12929050	-1
SYNCRIP	209025_s_at	0,000405114	-2,117303599	6	86380658	86409746	-1
FOXJ3	206015_s_at	0,02387775	-0,418236778	1	42414797	42573490	-1
SHKBP1	NA	NA	NA	19	45774630	45789141	1
NUMA1	200747_s_at	0,390047279	-0,326186446	11	71391559	71469221	-1
DUS4L	205762_s_at	0,537319229	-0,107902228	7	106991668	107006204	1
LSM3	202209_at	0,629555651	0,165005077	3	14195341	14214842	1
SNX6	217789_at	0,739622279	-0,153536015	14	34100369	34169066	-1
MRPS26	NA	NA	NA	20	2974675	2976896	1
CCDC11	NA	NA	NA	18	46007561	46046863	-1
FUK	NA	NA	NA	16	69045999	69071678	1
FAM8A1	203420_at	0,614691871	-0,231308242	6	17708565	17719929	1
RHOH	204951_at	0,120799267	-0,852118026	4	39874922	39922676	1
TK2	204227_s_at	0,064872067	0,282363329	16	65100846	65141816	-1
TCF12	208986_at	0,475188103	-0,491228941	15	54998125	55368008	1
BCR	202315_s_at	0,47573572	0,506527104	22	21852552	21990224	1
PPIL6	NA	NA	NA	6	109820624	109868524	-1
SMPD2	205622_at	0,918573121	0,019349458	6	109868624	109871815	1
EPS8L2	218180_s_at	0,581094751	0,181644777	11	696120	717727	1
DNAJC3	208499_s_at	0,231985816	0,26181002	13	95127484	95241285	1
SEC24B	202798_at	0,69099061	-0,348305055	4	110574420	110681064	1
TRAPPC10	209412_at	0,174280135	-0,485243307	21	44256634	44350861	1
RAB12	NA	NA	NA	18	8599443	8629380	1
ZFY	207247_s_at	0,390016708	-0,300765225	Y	2863546	2909891	1

CIT	212801_at	0,526361375	-0,092054845	12	118607981	118799475	-1
AGXT2L2	NA	NA	NA	5	177568196	177592392	-1
STMN1	200783_s_at	0,025611067	-0,786345355	1	26099194	26105955	-1
MTO1	218716_x_at	0,068632311	-0,894372953	6	74228209	74267896	1
HIAT1	NA	NA	NA	1	100276377	100321521	1
SF3B14	NA	NA	NA	2	24143958	24152818	-1
SLC35F2	218826_at	0,164644302	0,326111747	11	107166927	107234864	-1
TMED3	208837_at	0,001112051	0,790616443	15	77390546	77402244	1
ZNF780B	214899_at	0,991086876	0,001768992	19	45232104	45248079	-1
EIF1AY	204410_at	0,406858179	-0,597444717	Y	21146999	21164428	1
ESF1	218859_s_at	0,879183677	0,08094555	20	13642969	13713532	-1
DHCR7	201790_s_at	0,945897373	-0,020242201	11	70823105	70837125	-1
HELZ	203674_at	0,05901388	-0,360784192	17	62497016	62671781	-1
ZNF784	NA	NA	NA	19	60823919	60827753	-1
SERGEF	220482_s_at	0,79708958	-0,076672097	11	17766171	17991213	-1
MAPK13	210058_at	0,570681912	-0,70484651	6	36206240	36215820	1
RNPEPL1	218301_at	0,01301001	0,466398378	2	241156777	241166817	1
GEMIN4	205527_s_at	0,140288449	-0,748639283	17	594411	602251	-1
EARS2	NA	NA	NA	16	23440835	23476197	-1
STRADA	221554_at	0,604759806	-0,105148163	17	59133927	59172947	-1
C2orf24	200070_at	0,443265952	-0,310636848	2	219744863	219749931	-1
CACNB3	34726_at	0,026595917	0,489252128	12	47498779	47508991	1
USF2	202152_x_at	0,565497318	-0,08656389	19	40451736	40462558	1
DDOST	208675_s_at	0,035324228	0,70871866	1	20850847	20860624	-1
C20orf7	219524_s_at	0,420463386	0,080430825	20	13713682	13745874	1
FBXO34	218539_at	0,355338895	-0,258897694	14	54807832	54890082	1
CKLF	219161_s_at	0,076976587	1,205894956	16	65143967	65157655	1
CPLX3	219775_s_at	0,258329355	0,168294588	15	72906004	72911189	1
SUSD3	NA	NA	NA	9	94860810	94887236	1
NFXL1	NA	NA	NA	4	47544014	47611390	-1
CNKSR1	204740_at	0,733362987	-0,031489696	1	26376590	26388962	1
STK17B	205214_at	0,048655658	-0,993862651	2	196710102	196744520	-1
LRTOMT	NA	NA	NA	11	71469553	71485589	1

C11orf2	217969_at	0,539941128	0,273251394	11	64620259	64635756	1
EIF3F	200023_s_at	0,09746503	-0,733251924	11	7965443	7974294	1
TSNAX	203983_at	0,34618714	-0,452104574	1	229731022	229768893	1
CENPC1	204739_at	0,120912737	-0,632274988	4	68020584	68093851	-1
C20orf29	219706_at	0,734873717	0,076975156	20	3749203	3753954	1
NIPAL3	NA	NA	NA	1	24614903	24671997	1
ZNF408	219224_x_at	0,167324906	0,22234282	11	46678944	46684037	1
C14orf50	NA	NA	NA	14	64086373	64125849	1
RLN2	214519_s_at	0,45733517	-0,264372307	9	5289868	5294580	-1
MICAL1	218376_s_at	0,147197127	-0,555246033	6	109871958	109883883	-1
TAF6	203572_s_at	0,33831404	-0,321384696	7	99542629	99554915	-1
AGER	217046_s_at	0,215888712	0,344592135	6	32256724	32260001	-1
ATP7B	204624_at	0,196871732	0,280916165	13	51404806	51483631	-1
ALG11	NA	NA	NA	13	51484551	51501781	1
ZNF593	204175_at	0,236897456	-0,494493011	1	26368975	26369951	1
ARHGDI1	201167_x_at	0,470504586	-0,652858782	17	77418886	77422527	-1
DDIT4	202887_s_at	0,747854576	-0,352154942	10	73703683	73705803	1
TEAD4	41037_at	0,737734526	-0,407578416	12	2938757	3020103	1
C12orf65	NA	NA	NA	12	122283416	122308459	1
SRPRB	218140_x_at	0,001748947	0,856093716	3	135007367	135022213	1
CRISP2	210262_at	0,786461218	0,027035813	6	49768031	49789233	-1
CCDC126	NA	NA	NA	7	23603523	23650852	1
ZNF295	NA	NA	NA	21	42280009	42303565	-1
PIK3R2	207105_s_at	0,850901159	-0,043347912	19	18125016	18142343	1
CMIP	NA	NA	NA	16	80036395	80302866	1
TGFBRAP1	221235_s_at	0,056570657	-0,58922225	2	105249961	105312561	-1
SF1	208313_s_at	0,050689139	-0,522863231	11	64288654	64302817	-1
SMARCA1	NA	NA	NA	2	216986820	217056021	1
NPHS1	207673_at	0,905651377	0,015262331	19	41008697	41034579	-1
KIRREL2	NA	NA	NA	19	41039650	41049888	1
MAP3K7	206854_s_at	0,003178115	-1,6553156	6	91282074	91353628	-1
C16orf59	219556_at	0,877661994	0,025795471	16	2450116	2454965	1
ALS2CR8	219834_at	0,934634119	0,014552145	2	203485362	203559305	1

AAK1	211186_s_at	0,101933333	0,266749109	2	69538631	69724481	-1
SPIB	205861_at	6,80E-05	-3,043797292	19	55614028	55624060	1
EAPP	202623_at	0,711450223	-0,211834364	14	34054886	34078694	-1
PIGA	205281_s_at	0,174292377	-0,387444917	X	15247499	15263581	-1
ZNF598	NA	NA	NA	16	1987769	1999764	-1
MBD4	214047_s_at	0,250897717	-0,459395412	3	130632483	130641542	-1
TFAM	203177_x_at	0,319084888	-0,631655153	10	59815182	59825903	1
DHRS7B	220690_s_at	0,017568095	1,419040421	17	20970850	21035428	1
RFESD	NA	NA	NA	5	95008340	95018600	1
NR1H3	203920_at	0,187677551	0,197507522	11	47237309	47246972	1
CYP51A1	216607_s_at	0,555770346	0,417296059	7	91579402	91601946	-1
GINS4	211767_at	0,450897809	-0,235641739	8	41505903	41519068	1
LPXN	216250_s_at	5,73E-05	-3,760568006	11	58050920	58099910	-1
LAT2	221581_s_at	0,042182882	-1,73941171	7	73262023	73282100	1
ESCO2	NA	NA	NA	8	27687977	27718344	1
MRPL2	218887_at	0,39518055	-0,388516418	6	43129745	43135220	-1
TRIP6	209129_at	0,950114035	0,071298472	7	100302886	100309012	1
LPL	203549_s_at	0,030334095	0,32550172	8	19840862	19869050	1
LRRC46	NA	NA	NA	17	43264099	43269692	1
CAPN7	203356_at	0,439970038	-0,521737207	3	15222737	15269427	1
LLPH	NA	NA	NA	12	64803109	64810800	-1
BRD7	221776_s_at	0,058914713	-0,808739089	16	48910442	48960330	-1
SGOL2	NA	NA	NA	2	201099185	201156750	1
CRAT	209522_s_at	0,010183712	0,917263228	9	130896894	130911116	-1
CWF19L1	218787_x_at	0,739401463	-0,048645029	10	101982045	102017427	-1
XPC	209375_at	0,781326829	0,131629647	3	14161648	14195143	-1
GPLD1	206264_at	0,503789428	0,119018286	6	24536384	24597829	-1
RBM15B	202689_at	0,094601522	0,301800338	3	51403771	51410379	1
NAB1	208047_s_at	0,303990671	-0,161301876	2	191222093	191265737	1
RASA2	206636_at	0,159265141	0,369643751	3	142688616	142813887	1
VPS37C	219053_s_at	0,87197369	-0,024882659	11	60654304	60685492	-1
PAQR4	212858_at	0,695412103	0,096246377	16	2959343	2963486	1
ELOVL1	57163_at	0,849880835	0,057627873	1	43601659	43606286	-1

HK2	202934_at	0,024811768	-0,871382805		2	74913290	74973989	1
UBQLN2	215884_s_at	0,180958426	-0,753657511	X		56606797	56610102	1
MRPL11	219162_s_at	0,312449573	-0,151362825		11	65959881	65962880	-1
ZDHC5	NA	NA	NA		11	57192050	57225235	1
CUL7	203558_at	0,924138981	0,036524927		6	43113333	43129632	-1
HOXB3	208414_s_at	0,601040766	0,068443029		17	43981231	44006809	-1
HOXB4	NA	NA	NA		17	44007868	44010742	-1
TMEM179B	NA	NA	NA		11	62311450	62314448	1
PEBP1	211941_s_at	0,184673126	0,39735143		12	117058253	117067773	1
DDX3X	201210_at	0,169684528	-0,517753458	X		41077595	41094471	1
GKAP1	NA	NA	NA		9	85544156	85622477	-1
TMEM132A	218834_s_at	0,10069586	0,361795514		11	60448489	60461207	1
TMEM41A	NA	NA	NA		3	186691478	186699496	-1
CHD3	208807_s_at	0,031238727	-0,664572744		17	7732834	7756246	1
ZNF333	NA	NA	NA		19	14661870	14692772	1
UBE2E2	NA	NA	NA		3	23219812	23607074	1
NOD1	221073_s_at	0,251898453	0,232923637		7	30430675	30484790	-1
GAPDH	NA	NA	NA		12	6513918	6517797	1
GEMIN6	219539_at	0,451042153	0,229654898		2	38858831	38862611	1
POLR3B	219459_at	0,291793179	-0,258171111		12	105275619	105428105	1
ZNF766	NA	NA	NA		19	57464636	57487788	1
ZNF519	NA	NA	NA		18	14094724	14122429	-1
TPI1	210050_at	0,090109033	-0,255666555		12	6846967	6850253	1
C2orf77	NA	NA	NA		2	170210181	170259177	-1
PHOSPHO2	NA	NA	NA		2	170259221	170266464	1
KLHL23	213610_s_at	0,153563682	-0,625631715		2	170259247	170314684	1
APITD1	213454_at	0,728716318	-0,103699292		1	10413387	10425452	1
PPP2R4	206452_x_at	0,385234639	-0,143276037		9	130913065	130951044	1
ARHGAP1	216689_x_at	0,417102146	0,144366199		11	46655206	46678696	-1
PTK2B	203111_s_at	0,372183612	0,407165851		8	27238971	27372820	1
UPF3A	214323_s_at	0,007043422	-1,68676184		13	114065180	114089385	1
TNFRSF10D	210654_at	0,41241868	0,131779249		8	23049046	23077485	-1
DGCR8	219811_at	0,139584888	0,213285152		22	18447834	18479400	1

CADPS	NA	NA	NA	3	62359061	62836094	-1
ARHGAP15	218870_at	4,24E-05	-3,452498516	2	143603433	144242391	1
SHOX2	208443_x_at	0,234106513	0,531065984	3	159296494	159306630	-1
ATP6V0A1	205095_s_at	0,19301887	0,337889774	17	37864388	37928123	1
UNC45A	221708_s_at	0,934004554	-0,02834715	15	89274414	89298327	1
FBXL3	NA	NA	NA	13	76477397	76499258	-1
SCPEP1	218217_at	0,030334095	0,80674693	17	52410467	52439128	1
PAK2	208876_s_at	0,1767776	-0,955690139	3	197951312	198043756	1
INTS2	NA	NA	NA	17	57297513	57360159	-1
PSMD1	201199_s_at	0,611490499	-0,121689754	2	231629853	231745717	1
CDKN2A	207039_at	0,467105791	-0,538804623	9	21957751	21984490	-1
TRIP10	202734_at	0,092623445	0,546157711	19	6690707	6702529	1
KLRAQ1	NA	NA	NA	2	48521412	48596029	1
PSMF1	201052_s_at	0,340541381	-0,20950557	20	1047240	1096426	1
HMBS	203040_s_at	0,196406825	0,36501174	11	118460797	118469469	1
C9orf103	NA	NA	NA	9	85427786	85448858	1
TMED2	200087_s_at	0,055957838	0,481430217	12	122635029	122648641	1
SIK1	208078_s_at	0,660123708	-0,178160693	21	43658823	43671430	-1
CMPK1	217870_s_at	0,352025717	-0,253594945	1	47572175	47617098	1
KLHL25	210307_s_at	0,815335115	-0,02583161	15	84103561	84139193	-1
ALDH9A1	201612_at	0,186613512	0,351022145	1	163898073	163934524	-1
ENOSF1	204142_at	0,642732961	-0,295905151	18	663914	702642	-1
LCOR	NA	NA	NA	10	98582727	98708655	1
NAGA	202943_s_at	0,071947126	0,509576558	22	40784331	40796719	-1
TNFSF13B	NA	NA	NA	13	107719978	107757366	1
MFSD1	218109_s_at	0,827388594	-0,168260554	3	160002606	160030198	1
COL4A3BP	219625_s_at	0,677537769	0,138917007	5	74710821	74843196	-1
C10orf76	55662_at	0,066735518	-0,286472556	10	103595346	103805922	-1
SFRS15	222311_s_at	0,111884471	-0,620574086	21	31965416	32026133	-1
CNNM4	218900_at	0,255837286	0,274587908	2	96790366	96841355	1
EPHA2	203499_at	0,29146559	0,118057974	1	16323419	16355151	-1
DYM	220774_at	0,523373411	-0,098572019	18	44824170	45241077	-1
ATAD1	NA	NA	NA	10	89502855	89567897	-1

MPHOSPH9	206205_at	0,130669381	-0,324506161	12	122206899	122272394	-1
DGKZ	207556_s_at	0,339026677	-0,493200567	11	46323563	46358680	1
C2orf49	219662_at	0,191223523	-0,283579329	2	105320445	105328416	1
AAMP	201511_at	0,390543304	0,125685606	2	218837096	218843137	-1
GABARAPL1	208868_s_at	0,689341691	0,175636326	12	10256756	10266994	1
PSMC3	201267_s_at	0,946629014	0,021865731	11	47396896	47404600	-1
TCP11L1	205796_at	0,714808322	0,102161377	11	33017720	33051454	1
MPV17L	NA	NA	NA	16	15397137	15411044	1
PARP8	219033_at	0,368409036	-0,329035675	5	49998570	50173933	1
WIF1	204712_at	0,140553707	0,225703332	12	63730673	63801383	-1
DCLRE1A	209804_at	0,750751782	-0,086001616	10	115584474	115603597	-1
WBP4	203597_s_at	0,031863323	-0,470322525	13	40533697	40556139	1
SNAPC3	210465_s_at	0,524094105	0,294406996	9	15412782	15451627	1
ABCC11	NA	NA	NA	16	46758323	46826589	-1
NEU1	208926_at	0,110104166	0,929961728	6	31934931	31938662	-1
GRIN2D	207036_x_at	0,549090054	0,06986132	19	53589944	53640000	1
ACBD3	202323_s_at	0,87147408	-0,062408252	1	224399003	224441046	-1
TRMU	213634_s_at	0,601300033	-0,126917262	22	45109962	45131901	1
CORO2B	209789_at	0,53886305	0,065703055	15	66658627	66807199	1
LRRFIP2	220610_s_at	0,61668401	0,076134304	3	37069502	37191086	-1
MRPS11	211595_s_at	0,444574505	-0,236933841	15	86811688	86822499	1
TMEM192	NA	NA	NA	4	166216680	166253474	-1
ZNF688	213529_at	0,023913315	0,396635638	16	30488508	30491229	-1
SMARCE1	211988_at	0,178161628	-0,490261972	17	36037498	36057629	-1
DOT1L	214865_at	0,270225519	0,171583447	19	2115148	2181015	1
FBXO36	NA	NA	NA	2	230495451	230586069	1
IFNAR2	204786_s_at	0,084829123	0,361246887	21	33524101	33558697	1
RPL26	NA	NA	NA	17	8221559	8227290	-1
C9orf80	NA	NA	NA	9	114488607	114520208	-1
GAMT	205354_at	0,48174135	-0,34513126	19	1348088	1352552	-1
DAZAP1	218443_s_at	0,134016042	-0,639417658	19	1358584	1386683	1
FAM43B	NA	NA	NA	1	20751519	20754087	1
C15orf40	NA	NA	NA	15	81464408	81471362	-1

FAM156B	NA	NA	NA	X	52942982	52954314	1
TRIM46	220909_at	0,57428737	0,074178395		1 153412984	153424069	1
TKT	208700_s_at	0,549297773	-0,230221119		3 53234704	53264998	-1
RAB8A	208819_at	0,590283547	-0,237302099		19 16083490	16105445	1
COG5	203629_s_at	0,334049315	-0,411231544		7 106630227	106991721	-1
WDR85	NA	NA	NA		9 139569182	139593208	-1
MARCH5	218582_at	0,111050038	0,370435064		10 94040900	94103701	1
CST6	206595_at	0,296814436	0,095216248		11 65536038	65537552	1
MTRR	203200_s_at	0,448973567	0,288611115		5 7922217	7954237	1
ID1	208937_s_at	0,592539598	0,393024241		20 29656753	29657974	1
TMED9	205812_s_at	0,005990477	0,83769209		5 176951819	176955714	1
LSM10	NA	NA	NA		1 36631618	36636080	-1
HECA	218603_at	0,01312818	-1,802493144		6 139497942	139543639	1
SYDE2	NA	NA	NA		1 85395944	85439316	-1
DDX26B	NA	NA	NA	X	134482250	134544100	1
MFAP1	203406_at	0,031763024	-0,825215015		15 41884025	41904243	-1
PHF15	212660_at	0,080575964	-0,781777447		5 133889697	133946817	1
EID2	NA	NA	NA		19 44721286	44722678	-1
MRE11A	205395_s_at	0,029248389	-0,557951095		11 93790114	93866688	-1
NADSYN1	218840_s_at	0,985049486	0,008160351		11 70841865	70890232	1
TIMM17B	203342_at	0,219140413	0,273351164	X	48635676	48640370	-1
CACNA2D4	NA	NA	NA		12 1771384	1898131	-1
PCCB	212694_s_at	0,462200204	-0,26317457		3 137451857	137531701	1
CXorf58	NA	NA	NA	X	23836044	23867545	1
GLE1	206920_s_at	0,24442712	0,206140684		9 130306792	130344401	1
USP28	NA	NA	NA		11 113173807	113251466	-1
FOXD4L1	217032_at	0,259486009	0,174753238		2 113973131	113975197	1
MKL1	212748_at	0,015890541	-0,744375231		22 39136238	39362636	-1
FICD	219910_at	0,628752443	0,120902103		12 107433181	107437510	1
ABCA8	204719_at	0,668146103	-0,052706515		17 64375025	64463128	-1
HNRNPM	200072_s_at	0,016748136	-0,569932751		19 8415803	8459998	1
FAM134A	222129_at	0,030310909	0,366313446		2 219751198	219756456	1
ZNF37A	214878_at	0,207866728	0,147163154		10 38423281	38452286	1

LMAN2L	221274_s_at	0,430548868	0,164895615	2	96735393	96769528	-1
DNAJC21	NA	NA	NA	5	34965455	34994826	1
SNUPN	207438_s_at	0,497365735	0,11462702	15	73677479	73705501	-1
SEC24D	215641_at	0,586193157	0,050514321	4	119863427	119976702	-1
PELO	218472_s_at	0,170795327	0,637823605	5	52119531	52134208	1
ITGA1	214660_at	0,870978559	-0,016804163	5	52119893	52285242	1
MFSD2	NA	NA	NA	1	40193397	40208215	1
DDX51	214968_at	0,819706324	-0,058516782	12	131187092	131194833	-1
NOC4L	218860_at	0,338859856	-0,189071905	12	131194946	131202939	1
ATL2	217580_x_at	0,597355612	0,232607624	2	38376628	38457919	-1
IQCK	215130_s_at	0,523480619	0,106130724	16	19635279	19776362	1
TRIP12	201546_at	0,096078525	-0,60999421	2	230340174	230494899	-1
ZFP106	217781_s_at	0,018694249	-1,399038279	15	40492313	40537019	-1
OTUD6B	NA	NA	NA	8	92151600	92168499	1
MRPL42	217919_s_at	0,100165063	-0,459572206	12	92385401	92420563	1
BAIAP2L1	NA	NA	NA	7	97760491	97868316	-1
PPP1R13B	216347_s_at	0,768223911	-0,058815111	14	103269841	103383680	-1
MSRB3	NA	NA	NA	12	63958755	64146954	1
RRP1	218758_s_at	0,441390524	-0,146089381	21	44033846	44048411	1
CENPA	204962_s_at	0,056898658	-0,615210316	2	26862386	26870961	1
CSRNP2	221260_s_at	0,288236052	0,273792371	12	49741257	49763600	-1
TMEM183A	212165_at	0,297439299	0,263675245	1	201243159	201259291	1
ACTL6A	202666_s_at	0,254952524	-0,664220459	3	180763402	180788887	1
REV3L	208070_s_at	0,000288594	-1,188478645	6	111726927	111911107	-1
CSNK1G2	202573_at	0,60178246	-0,197268465	19	1892161	1932337	1
SASS6	NA	NA	NA	1	100321688	100371099	-1
PREB	217861_s_at	0,084739968	0,277406124	2	27207128	27211046	-1
AZI2	218043_s_at	0,240488922	0,206912643	3	28339090	28365579	-1
MAP3K5	203837_at	0,251072971	-0,851734621	6	136919880	137155349	-1
ZNF468	214751_at	0,025159119	-0,887821199	19	58033597	58052714	-1
FGFR1OP2	NA	NA	NA	12	26982583	27010129	1
RFWD3	218564_at	0,117902158	-0,638097334	16	73212798	73258280	-1
ICAM5	206906_at	0,928832182	0,0353378	19	10261655	10268453	1

BEST4	NA	NA	NA	1	45021844	45026013	-1
CBX6	202048_s_at	0,932673717	0,027253954	22	37590189	37598204	-1
CHCHD10	NA	NA	NA	22	22438021	22440141	-1
GTPBP4	218239_s_at	0,28937844	-0,336809462	10	1024349	1053708	1
TBCB	201804_x_at	0,266064492	-0,302632501	19	41297728	41308689	1
GTF2IRD2	215569_at	0,144156365	0,243832805	7	73848420	73905777	-1
MFI2	220043_s_at	0,735593213	0,099284803	3	198214553	198241083	-1
E2F1	204947_at	0,573581601	0,077399378	20	31727150	31737854	-1
IRS2	209184_s_at	0,861961071	-0,060289803	13	109204185	109236915	-1
ELOVL2	213712_at	0,539941128	-0,490932705	6	11088978	11152610	-1
ELAVL3	206338_at	0,126658191	0,311941268	19	11423143	11452803	-1
FMR1	203689_s_at	0,20425715	-0,501982576	X	146801201	146840303	1
RLN1	211753_s_at	0,984119574	-0,00546519	9	5324969	5329873	-1
C9orf24	NA	NA	NA	9	34369017	34371598	-1
EPHA1	205977_s_at	0,737481172	0,032846863	7	142798327	142816107	-1
TTF2	204407_at	0,024073078	-0,744837497	1	117404472	117447015	1
PIP4K2A	212829_at	0,107326053	-1,042490074	10	22863772	23043509	-1
DCUN1D5	NA	NA	NA	11	102438031	102468079	-1
OPALIN	NA	NA	NA	10	98092963	98109082	-1
CDK2AP1	201938_at	0,190460002	-1,023287884	12	122311491	122322640	-1
PDCL	204448_s_at	0,027470492	-0,638312246	9	124620444	124630661	-1
PNKD	NA	NA	NA	2	218843359	218919760	1
OR4A15	NA	NA	NA	11	54891936	54892970	1
ZNF165	206683_at	0,221862981	-0,473228816	6	28154551	28165320	1
HPS3	NA	NA	NA	3	150330061	150373995	1
SGIP1	NA	NA	NA	1	66772413	66983356	1
PYCRL	218944_at	0,730982764	0,064572422	8	144757532	144762887	-1
SMG7	201794_s_at	0,215139144	-0,686772273	1	181708257	181789949	1
ASMTL	36553_at	0,095674748	-0,868820842	X	1482032	1531844	-1
INSIG1	201627_s_at	0,317624424	0,547094804	7	154720476	154732879	1
TXLNB	NA	NA	NA	6	139602891	139654849	-1
TBKBP1	205424_at	0,70236991	0,080275548	17	43127629	43144415	1
PDXP	NA	NA	NA	22	36384683	36392885	1

HK1	200697_at	0,019067956	-2,096907648	10	70748629	70831641	1
HSPBP1	202415_s_at	0,575402195	-0,209564425	19	60465519	60483285	-1
BRSK1	NA	NA	NA	19	60487346	60515742	1
EHD4	209536_s_at	0,695412103	-0,130381723	15	39978930	40052034	-1
RHBDD2	NA	NA	NA	7	75346253	75356180	1
HOMEZ	NA	NA	NA	14	22812684	22825073	-1
MX1	202086_at	0,452199146	-1,021883174	21	41720024	41753008	1
KCNC3	207600_at	0,673390985	0,096652718	19	55510577	55524446	-1
MEFV	208262_x_at	0,602715057	-0,16859446	16	3232029	3246628	-1
ERICH1	217611_at	0,205888352	0,152292759	8	604200	671226	-1
RABAC1	203136_at	0,558328775	-0,316839308	19	47152675	47157340	-1
KRBA1	NA	NA	NA	7	149043081	149062597	1
BTN3A3	38241_at	0,613433857	0,197384568	6	26548742	26561622	1
CASC1	220168_at	0,718327721	0,043729311	12	25152490	25239361	-1
C5orf41	NA	NA	NA	5	172415976	172496576	1
ZNF45	222028_at	0,225440566	-0,19934986	19	49108621	49121397	-1
KPTN	220160_s_at	0,21545561	-0,344883627	19	52670212	52679333	-1
C16orf70	NA	NA	NA	16	65701416	65739943	1
DNMT3B	220668_s_at	0,271830609	0,553675383	20	30813852	30860823	1
ESD	209009_at	0,01609167	-1,108793998	13	46243392	46269368	-1
ZNF529	NA	NA	NA	19	41727130	41756030	-1
ZNF44	215359_x_at	0,963080244	0,017244947	19	12243623	12266714	-1
DUSP14	203367_at	0,846314744	-0,094105607	17	32924064	32947701	1
GLT25D1	218473_s_at	0,774866968	0,062472591	19	17527511	17554965	1
MED15	222175_s_at	0,934121485	-0,018384867	22	19191886	19271919	1
USP8	202745_at	0,079019435	-0,417835819	15	48503871	48579265	1
FBXO11	203255_at	0,004426686	-1,350861355	2	47887563	47986318	-1
FAM55A	NA	NA	NA	11	113897647	113935790	-1
MMP11	203878_s_at	0,230058901	0,215513769	22	22445036	22456503	1
IPO4	218305_at	0,419769819	-0,283103454	14	23719265	23727964	-1
ANKRD13D	NA	NA	NA	11	66813395	66826530	1
WDR75	NA	NA	NA	2	190014404	190048509	1
RPP40	213427_at	0,871873274	-0,026002116	6	4940279	4949270	-1

LONP2	221834_at	0,85266401	0,074524307	16	46835712	46944908	1
PDS5A	212140_at	0,015492071	-0,883524792	4	39500878	39655971	-1
PCDHGB4	NA	NA	NA	5	140747636	140872730	1
PCDHGA8	NA	NA	NA	5	140751667	140872730	1
OMD	205908_s_at	0,362610963	0,103022006	9	94216359	94226381	-1
KRTCAP2	NA	NA	NA	1	153408508	153412428	-1
GSTA4	202967_at	0,786468011	-0,099933932	6	52950710	52968099	-1
HSD11B1L	NA	NA	NA	19	5632035	5639533	1
NEIL1	219396_s_at	0,235626471	-0,334737666	15	73426463	73434641	1
ARHGEF7	202548_s_at	0,008388514	-1,741280471	13	110604086	110756079	1
WDR91	218971_s_at	0,478848069	-0,126391863	7	134520525	134546811	-1
FAM102B	NA	NA	NA	1	108904622	108983472	1
METTL8	220007_at	0,258739161	-0,419459441	2	171888007	171998865	-1
ELAC1	219325_s_at	0,709838746	0,061922369	18	46748385	46768488	1
MRPL46	219244_s_at	0,262125853	-0,275943495	15	86803714	86811623	-1
MKRN2	218071_s_at	0,280671383	0,32156429	3	12573594	12600212	1
ATAD3B	NA	NA	NA	1	1397027	1421445	1
IQUB	NA	NA	NA	7	122879950	122961874	-1
NAPA	208751_at	0,342071312	-0,350075943	19	52682703	52710309	-1
CGRRF1	204605_at	0,904799196	0,054525996	14	54046337	54075084	1
DCLK1	205399_at	0,46860543	0,101360717	13	35243478	35603443	-1
TSPAN31	203226_s_at	0,015827492	0,697397415	12	56425051	56428293	1
SNCB	207853_s_at	0,319351769	-0,168570445	5	175979816	175990163	-1
ATP6V0E2	213587_s_at	0,34002709	0,43300867	7	149200990	149208720	1
C17orf53	219879_s_at	0,067793674	0,284540075	17	39574852	39595369	1
PDXDC1	212053_at	0,297853235	-0,420446564	16	14976487	15039690	1
DMRTC1B	NA	NA	NA X		71913703	71985361	1
C18orf10	212055_at	0,080687894	-1,008111153	18	32630032	32663156	-1
RGS16	209325_s_at	0,332933047	-0,885406098	1	180834381	180840171	-1
RIPK1	209941_at	0,339680111	-0,361704521	6	3022057	3060420	1
PGM2	NA	NA	NA	4	37504737	37540953	1
CNOT3	203239_s_at	0,404220905	-0,312956798	19	59333261	59351239	1
NSDHL	209279_s_at	0,415788997	0,247877509 X		151750167	151788563	1

HAX1	201145_at	0,085512631	0,610843174	1	152511663	152514975	1
ZFYVE16	203651_at	0,667852029	-0,148618925	5	79739594	79811254	1
C19orf55	NA	NA	NA	19	40940884	40951917	1
ING3	205070_at	0,436925056	-0,30972753	7	120378053	120402947	1
CSF2RB	205159_at	0,514956239	-0,607917621	22	35648168	35664764	1
TUBB6	209191_at	0,496703978	-1,215108281	18	12298257	12316568	1
C19orf35	NA	NA	NA	19	2225631	2233175	-1
C9orf7	61874_at	0,057504055	0,287215997	9	135314952	135325706	1
KLF10	202393_s_at	0,940769896	-0,091803049	8	103730197	103737128	-1
LRIG2	205953_at	0,164612807	-0,227621875	1	113417354	113468865	1
FAM178A	203481_at	0,10169382	-0,540539254	10	102662316	102714881	1
C1orf190	NA	NA	NA	1	46441593	46459746	1
KLRC3	207723_s_at	0,422153164	-1,307212403	12	10456181	10464461	-1
PODXL2	219152_at	0,674901124	-0,285868408	3	128830729	128874342	1
PNPLA4	209739_s_at	0,782018648	0,182655765	X	7826804	7855443	-1
GCH1	204224_s_at	0,002990139	-2,097434693	14	54378473	54439292	-1
OR56B1	NA	NA	NA	11	5714323	5715297	1
MIER2	44822_s_at	0,158030694	-0,180801057	19	256575	295791	-1
NEDD4	213012_at	0,357953541	0,379907737	15	53906412	54073127	-1
ZNF594	NA	NA	NA	17	5023555	5035902	-1
DPY19L3	NA	NA	NA	19	37588871	37667076	1
ZDHHC14	219247_s_at	0,8100094	0,077598091	6	157722545	158014965	1
GRIK5	217509_x_at	0,296392542	0,17121818	19	47194313	47261797	-1
POLR2F	209511_at	0,119971258	-0,352482371	22	36679664	36693752	1
IL22RA1	220056_at	0,135098859	0,27029819	1	24318848	24342198	-1
ZNF521	NA	NA	NA	18	20895889	21186114	-1
JDP2	NA	NA	NA	14	74968590	75006909	1
DEF8	219646_at	0,002415226	-1,099915839	16	88542652	88553275	1
NDUFB2	218200_s_at	0,244090682	-0,268276535	7	140042950	140052915	1
C1orf135	220011_at	0,362272887	-0,343513091	1	26033084	26058435	-1
ADAD2	NA	NA	NA	16	82782245	82788273	1
TBPL1	208398_s_at	0,002362948	-1,945578613	6	134315994	134350322	1
ZNF839	219086_at	0,537876137	0,10537264	14	101855849	101878797	1

TNKS	202561_at	0,017574657	-1,569650889	8	9450855	9677266	1
FAM83D	NA	NA	NA	20	36988369	37015117	1
MANF	202655_at	0,083627978	0,83621986	3	51397743	51401815	1
ANKRD49	219069_at	0,985049486	0,003590058	11	93866801	93872392	1
C16orf38	NA	NA	NA	16	1475941	1478469	-1
HTT	202389_s_at	0,008187899	-0,60029094	4	3046206	3215485	1
BCL2L2	209311_at	0,080687894	0,410451401	14	22845852	22850808	1
CCDC109B	218802_at	0,01312818	-1,444351992	4	110700866	110828321	1
GPR82	NA	NA	NA X		41468352	41472393	1
FUT11	NA	NA	NA	10	75202055	75205983	1
PSMG2	218467_at	0,444886465	-0,352391688	18	12693064	12715739	1
POLR2C	208996_s_at	0,285315687	0,238652686	16	56054052	56063422	1
AICDA	219841_at	0,167774104	-2,144340869	12	8646029	8656706	-1
UBFD1	205687_at	0,406661185	-0,332953777	16	23476363	23493211	1
RNF32	220991_s_at	0,41836989	0,153650138	7	156126162	156162585	1
IGLL1	206660_at	0,237414585	0,489625069	22	22245312	22252495	-1
C16orf68	218945_at	0,277716197	-0,222745854	16	8623028	8647580	1
NDUFA8	218160_at	0,635446854	0,114560845	9	123946158	123961919	-1
ZNF782	NA	NA	NA	9	98619094	98656210	-1
CLN5	204084_s_at	0,187843592	0,429592695	13	76462796	76474653	1
TDG	203743_s_at	0,45523174	-0,242955482	12	102883747	102906786	1
TUBB2B	209372_x_at	0,215438479	-0,816274059	6	3169510	3172870	-1
SLC35B3	NA	NA	NA	6	8358306	8380624	-1
LIG1	202726_at	0,01142179	-0,670585104	19	53310515	53365372	-1
SLC2A8	218985_at	0,096292016	0,289918725	9	129199286	129209988	1
MAPKSP1	217971_at	0,842827675	-0,113172485	4	101021387	101034726	-1
DHTKD1	209916_at	0,20083822	-0,476566615	10	12150940	12205230	1
NFATC1	211105_s_at	0,001048834	-1,655193469	18	75261314	75390311	1
ILDR1	NA	NA	NA	3	123188860	123223720	-1
CDC45L	204126_s_at	0,567445971	0,13230413	22	17847416	17888135	1
JAM2	219213_at	0,983132942	0,014552408	21	25933460	26009106	1
FAM90A1	220535_at	0,289929799	0,171293723	12	8265123	8271481	-1
TAP1	202307_s_at	0,25837971	0,768113605	6	32920964	32929726	-1

ENTPD1	209473_at	0,674196153	-0,117353077	10	97505516	97627013	1
FAM62A	208858_s_at	0,407805618	0,26707323	12	54808321	54824722	1
PTOV1	212032_s_at	0,673276759	-0,14618378	19	55046228	55055811	1
TSC1	209390_at	0,438296702	-0,293332969	9	134756557	134809841	-1
NBN	217299_s_at	0,006633884	-1,040177167	8	91014740	91066075	-1
MAP7D3	219576_at	0,084698698	0,373734036	X	135128046	135161274	-1
PTPN9	202958_at	0,206972672	-0,247933913	15	73546515	73658680	-1
KCNK12	220448_at	0,360437451	-1,021102857	2	47601418	47650974	-1
KDEL1	200922_at	0,153899683	0,665887063	19	53577639	53586622	-1
MCPH1	219592_at	0,502769094	-0,131911582	8	6251529	6493434	1
SFRS16	204978_at	0,270736293	-0,20068438	19	50234138	50266054	1
OGFR	211513_s_at	0,266123169	-0,452524027	20	60906622	60915797	1
SYNJ1	212990_at	0,695747596	-0,091039594	21	32922944	33022148	-1
BHMT	206119_at	0,338238309	0,169764613	5	78443360	78463869	1
ZNF563	NA	NA	NA	19	12289291	12305502	-1
HCLS1	202957_at	0,079120101	-0,754541742	3	122832936	122862405	-1
ZNF341	NA	NA	NA	20	31783469	31843736	1
TTC7A	NA	NA	NA	2	47021817	47156779	1
PAQR7	NA	NA	NA	1	26060562	26070331	-1
JAKMIP2	205889_s_at	0,590281114	0,064273834	5	146950899	147142445	-1
KPNA5	206241_at	0,037761829	-0,57630822	6	117109060	117169723	1
MACC1	NA	NA	NA	7	20140803	20223538	-1
NDUFAF1	204125_at	0,316294974	-0,163673361	15	39466843	39481934	-1
TMOD2	219701_at	0,944456272	0,007459548	15	49831102	49889635	1
LRCH4	221956_at	0,329964612	0,136494688	7	100009570	100021712	-1
SLMO2	217851_s_at	0,310805657	-0,532278961	20	57041595	57051296	-1
ISL2	NA	NA	NA	15	74416202	74421871	1
MAGED1	209014_at	0,285315687	-1,382430151	X	51653438	51662190	1
ENDOD1	212573_at	0,2809029	-0,779321809	11	94462665	94505463	1
UBA1	200964_at	0,006360249	-0,841094717	X	46935204	46959471	1
FLT3LG	206980_s_at	0,019969326	0,408972635	19	54669298	54681300	1
FDX1	203647_s_at	0,089102911	-0,480398376	11	109805804	109840815	1
BRMS1L	NA	NA	NA	14	35365348	35410920	1

MAPK1	212271_at	0,644984781	-0,434089628	22	20443946	20551970	-1
DHRS13	NA	NA	NA	17	24248925	24254215	-1
HIST3H2BB	NA	NA	NA	1	226712431	226712882	1
ECSIT	218225_at	0,817118425	-0,116178963	19	11477744	11500930	-1
CNN1	203951_at	0,497365735	0,14880366	19	11510579	11522138	1
VAV3	218806_s_at	0,522760778	-0,145586521	1	107915305	108309068	-1
MRS2	218538_s_at	0,062607411	-0,550254122	6	24511132	24533795	1
CALHM2	57715_at	0,289066061	0,119877918	10	105196536	105202065	-1
CALHM1	NA	NA	NA	10	105203134	105208635	-1
MNS1	219703_at	0,095674748	-0,765591678	15	54508299	54544627	-1
NAPEPLD	NA	NA	NA	7	102527459	102576741	-1
GGT5	205582_s_at	0,306588883	0,176661386	22	22945622	22971110	-1
N6AMT2	NA	NA	NA	13	20201070	20246057	-1
ZFAND5	210275_s_at	0,243924488	0,293772838	9	74156161	74169983	-1
ZNF630	NA	NA	NA X		47802547	47815739	-1
SCN3A	210432_s_at	0,251352442	0,246674574	2	165652276	165768823	-1
DYNC1LI2	203590_at	0,899953895	0,040089529	16	65312300	65343026	-1
BRD9	220155_s_at	0,935610566	-0,026102414	5	916856	944403	-1
PLEKHM1	212700_x_at	0,528530789	0,085274619	17	40869049	40923893	-1
USP33	214843_s_at	0,107791377	-0,550602246	1	77934260	77998125	-1
SIK2	213221_s_at	0,285324302	-0,199068217	11	110978380	111102845	1
ANKS1A	212747_at	0,381215637	-0,367896571	6	34965016	35167168	1
SH3YL1	204019_s_at	0,566136964	0,46908353	2	208155	254158	-1
GDAP1	221279_at	0,434746204	-0,151274115	8	75425208	75441900	1
POLK	NA	NA	NA	5	74843337	74930889	1
ADAMTS6	220866_at	0,344766589	0,161810669	5	64480319	64813460	-1
ATP6V1G1	208737_at	0,103787434	-0,282200656	9	116389815	116400973	1
RAC1	208640_at	0,005405666	-0,954327061	7	6380651	6410123	1
AOC2	207064_s_at	0,172907348	0,312950689	17	38250135	38256250	1
VCL	200931_s_at	0,141287655	-1,274730466	10	75427878	75549924	1
CHST10	204065_at	0,283564753	-0,299542951	2	100374754	100400523	-1
VPS53	221707_s_at	0,254247863	0,180874246	17	382698	564758	-1
SSFA2	202506_at	0,936257304	-0,028892029	2	182464927	182503706	1

ITM2B	217731_s_at	0,489998025	0,197008288	13	47705309	47734228	1
IQCD	NA	NA	NA	12	112117629	112143263	-1
TPCN1	217914_at	0,018273099	-0,857986474	12	112143652	112218317	1
PTPN18	213521_at	0,345311677	-0,416486348	2	130830088	130848614	1
TRABD	221807_s_at	0,288771801	-0,324508082	22	48966487	48980154	1
ZNF213	NA	NA	NA	16	3125140	3132806	1
KLC4	NA	NA	NA	6	43135350	43150811	1
CKAP4	200999_s_at	0,186231612	1,22467898	12	105155910	105165843	-1
ATG16L1	NA	NA	NA	2	233824956	233869059	1
LSM11	NA	NA	NA	5	157103333	157116324	1
DCTD	201572_x_at	0,123369239	1,016026668	4	184048238	184075624	-1
ACP2	202767_at	0,002378705	0,728665211	11	47217429	47226939	-1
OAS1	205552_s_at	0,065969617	-0,997817593	12	111829122	111842095	1
SLC25A44	212683_at	0,699032953	0,086191762	1	154430523	154449211	1
MXD3	221250_s_at	0,935971845	-0,01984058	5	176666817	176671487	-1
PCYOX1L	218953_s_at	0,857689752	-0,0349539	5	148717802	148729408	1
EPSTI1	NA	NA	NA	13	42360122	42464377	-1
GSK3A	202210_x_at	0,426164531	0,103249966	19	47426178	47438576	-1
NR1D2	209750_at	0,189159053	0,248016857	3	23961810	23996241	1
FBXW2	218941_at	0,145743974	-0,290228943	9	122559075	122595561	-1
ERBB3	202454_s_at	0,445347352	0,179180418	12	54760159	54783395	1
SLC25A19	NA	NA	NA	17	70780669	70797109	-1
ZBTB6	206098_at	0,977754076	0,005624973	9	124710150	124715430	-1
UBXN2B	212934_at	0,859534759	-0,038276865	8	59486377	59526614	1
PRRT1	NA	NA	NA	6	32224118	32227698	-1
UQCC	217935_s_at	0,061296284	-0,306306657	20	33353795	33463247	-1
TNIP2	48531_at	0,466710429	-0,266827243	4	2713185	2727859	-1
TAF1B	216941_s_at	0,107914519	-0,594617074	2	9901024	9991996	1
PILRA	222218_s_at	0,480068373	-0,127197103	7	99809004	99835658	1
CCDC116	NA	NA	NA	22	20317086	20321616	1
SPPL2B	215833_s_at	0,439058099	0,194353483	19	2279629	2306100	1
HMGB1L1	200679_x_at	0,008995439	-1,368286751	20	55496854	55497489	-1
CALML6	NA	NA	NA	1	1836126	1838593	1

RNF216	218425_at	0,073045363	-0,385118062	7	5626204	5787818	-1
ZNF786	NA	NA	NA	7	148397513	148418720	-1
C6orf57	NA	NA	NA	6	71333346	71355327	1
CCDC142	NA	NA	NA	2	74554737	74563631	-1
OSTM1	218196_at	0,35925572	-0,323501436	6	108469306	108502634	-1
CPT1B	210070_s_at	0,080557568	-0,660561146	22	49354156	49363862	-1
COMMD10	218439_s_at	0,789683416	-0,119829905	5	115448626	115656880	1
KLRC2	206785_s_at	0,480733114	-1,02645501	12	10474465	10479859	-1
XRCC3	216299_s_at	0,02682966	-0,601271263	14	103233707	103251576	-1
ZFYVE21	219929_s_at	0,097378645	-0,443820559	14	103251898	103269752	1
CASC3	207842_s_at	0,526987124	-0,160051827	17	35550033	35581957	1
GMNN	218350_s_at	0,049181886	-0,873051348	6	24883143	24894257	1
BAX	211833_s_at	0,042374876	-1,214794895	19	54149929	54156867	1
PPM1A	203966_s_at	0,250254653	-0,190150754	14	59785818	59829826	1
CCDC82	NA	NA	NA	11	95725590	95762709	-1
FUCA1	202838_at	0,198654421	-0,475763293	1	24044154	24067408	-1
DHRS4L1	NA	NA	NA	14	23575550	23590420	1
ZCCHC3	NA	NA	NA	20	226204	228965	1
VNN2	205922_at	0,013107444	-1,881081331	6	133106702	133120726	-1
PINK1	209019_s_at	0,090603638	0,42638218	1	20832535	20850591	1
SCCPDH	201825_s_at	0,879473269	-0,104647691	1	244954001	244998062	1
REC8	218599_at	0,384909334	-0,384820221	14	23711074	23719303	1
MAP3K7IP2	212184_s_at	0,046258024	-0,829399586	6	149680756	149774440	1
ABLIM1	200965_s_at	0,001720971	-2,685087261	10	116180859	116276675	-1
METT5D1	NA	NA	NA	11	28088435	28311519	1
TRPM4	219360_s_at	0,854052892	0,044695736	19	54352864	54406905	1
C18orf8	221190_s_at	0,062983227	-0,83796863	18	19337460	19365744	1
ATP2A3	213036_x_at	0,181948171	-0,890342379	17	3773918	3814485	-1
SPAST	209748_at	0,002831918	-0,730717696	2	32142184	32236210	1
ZNF324B	222318_at	0,795212585	0,036584879	19	63654783	63661011	1
LIN9	NA	NA	NA	1	224485484	224563821	-1
DCDC1	NA	NA	NA	11	31240747	31347897	-1
C7orf50	NA	NA	NA	7	1003168	1144360	-1

COMMD5	NA	NA	NA	8	146046355	146049255	-1
UBE4B	210685_s_at	0,507342919	-0,306966189	1	10015603	10163884	1
ZNF100	NA	NA	NA	19	21697408	21742163	-1
UBE2Z	217750_s_at	0,688216924	0,130553163	17	44340766	44361421	1
ZBTB26	NA	NA	NA	9	124720199	124733600	-1
PHLPP2	213407_at	0,453789368	-0,144103934	16	70236353	70306205	-1
SEH1L	221931_s_at	0,456432533	-0,461815931	18	12937983	12977535	1
C6orf35	218453_s_at	0,891509749	0,02784194	6	157632661	157665497	-1
ZNF527	NA	NA	NA	19	42553899	42575806	1
TMEM126A	NA	NA	NA	11	85036693	85045235	1
ELL	204096_s_at	0,227077485	-0,165283385	19	18414473	18493918	-1
ELOF1	NA	NA	NA	19	11524858	11531051	-1
NUP37	218622_at	0,068537391	-0,629878713	12	100992100	101036491	-1
PPP1CC	200726_at	0,176354818	-0,469212532	12	109642127	109665050	-1
AMACR	209424_s_at	0,089331559	0,233551579	5	34023652	34043963	-1
MZF1	210336_x_at	0,295962354	0,265803481	19	63765096	63776754	-1
CD1D	205789_at	0,606805795	-0,203206218	1	156416361	156422841	1
AMT	204294_at	0,448651146	0,139714716	3	49429215	49435016	-1
EXOC1	222127_s_at	0,346678523	-0,510702204	4	56414573	56466001	1
AQR	212584_at	0,726959462	-0,104432197	15	32935844	33049287	-1
CDK5RAP1	218315_s_at	0,648310931	-0,112714206	20	31410306	31452998	-1
BRD3	203825_at	0,928369226	-0,050797094	9	135887784	135922913	-1
XRCC1	203655_at	0,528631128	-0,075963925	19	48739304	48771555	-1
RASGRP1	205590_at	0,362994467	-1,152093329	15	36567596	36644224	-1
CLN8	219341_at	0,721893082	0,05772707	8	1699277	1722143	1
EPM2A	210870_s_at	0,043890979	-0,454619644	6	145988133	146098684	-1
RPS6KC1	218909_at	0,861140084	-0,072252937	1	211291220	211513431	1
C6orf106	217925_s_at	0,333988039	-0,236373982	6	34663043	34772603	-1
CEMP1	222009_at	0,310468379	0,30661347	16	2520037	2521410	-1
ZNF607	NA	NA	NA	19	42879116	42902531	-1
STX16	221500_s_at	0,394614298	-0,314426007	20	56659734	56687988	1
C1orf125	NA	NA	NA	1	177601738	177790493	1
C6orf125	NA	NA	NA	6	33773324	33787482	-1

C20orf134	NA	NA	NA	20	31717965	31719992	1
HM13	NA	NA	NA	20	29565902	29621031	1
FBXO25	NA	NA	NA	8	346808	409876	1
CCDC109A	NA	NA	NA	10	74121895	74317458	1
DNAJB5	212817_at	0,190852858	0,25594836	9	34979785	34988428	1
FOXO1	202724_s_at	0,00686026	-1,335662687	13	40027801	40138734	-1
C6orf129	NA	NA	NA	6	37558674	37575678	-1
SDHC	210131_x_at	0,288272969	0,526573548	1	159550790	159601165	1
PDPK1	32029_at	0,037208611	0,253795984	16	2527971	2593190	1
CETN2	209194_at	0,012336186	0,799875747	X	151746527	151749957	-1
ERI3	208973_at	0,168857973	-0,40021498	1	44459329	44593526	-1
UBE2R2	NA	NA	NA	9	33807182	33910401	1
DAND5	NA	NA	NA	19	12941432	12946567	1
N6AMT1	220311_at	0,357440147	0,192906008	21	29166384	29179564	-1
IGF1R	203627_at	0,425367232	0,501167683	15	97010284	97325282	1
B4GALT7	222191_s_at	0,357440147	0,227050182	5	176959778	176969937	1
ACSL1	207275_s_at	0,499190974	-0,629785926	4	185913743	185984209	-1
VARS	201796_s_at	0,348044685	0,452924567	6	31853274	31871691	-1
GPR137B	204137_at	0,068811046	-0,663334874	1	234372497	234438829	1
BRD4	202103_at	0,222372414	-0,263372537	19	15209301	15252262	-1
C12orf72	NA	NA	NA	12	31703388	31713168	1
ALDH5A1	203608_at	0,013078998	-1,79802632	6	24603176	24645414	1
NANOS1	NA	NA	NA	10	120779218	120783844	1
FKBP8	208255_s_at	0,30274716	-0,347979963	19	18503568	18515383	-1
TOPORS	204071_s_at	0,074101159	-0,959776707	9	32530542	32542601	-1
C21orf58	NA	NA	NA	21	46545475	46568213	-1
PDLIM1	208690_s_at	0,709779401	-0,270172249	10	96987319	97040771	-1
PLDN	NA	NA	NA	15	43666709	43689201	1
EXOSC6	NA	NA	NA	16	68841635	68843334	-1
KANK2	218418_s_at	0,017751501	-1,289111926	19	11135946	11167496	-1
RPS15	200819_s_at	0,859256761	0,049568712	19	1389363	1391492	1
SSBP4	NA	NA	NA	19	18391136	18406459	1
RBM43	NA	NA	NA	2	151814156	151826623	-1

C16orf88	213235_at	0,476298191	0,109658612	16	19625175	19636993	-1
NFIA	NA	NA	NA	1	61320881	61694624	1
TGM1	206008_at	0,90198266	0,026395366	14	23788160	23802256	-1
ZNF395	221123_x_at	0,082945226	-1,25906783	8	28259021	28299896	-1
RGS3	203823_at	0,817575008	-0,060389372	9	115382761	115399839	1
POMGNT1	217944_at	0,01174513	0,589873639	1	46426940	46436708	-1
DMD	203881_s_at	0,279011698	-1,512657978	X	31047266	33267647	-1
SNX4	212652_s_at	0,651465167	0,188777159	3	126648184	126721748	-1
KLHL8	NA	NA	NA	4	88301238	88360698	-1
HIST3H2A	NA	NA	NA	1	226711688	226712183	-1
DCTPP1	218069_at	0,11709151	-0,500855407	16	30342520	30348874	-1
MYEF2	222153_at	0,474259041	0,073745951	15	46218921	46257850	-1
KMO	205306_x_at	0,007654231	-2,127961392	1	239762330	239825566	1
ZNF10	216350_s_at	0,911468198	0,013137086	12	132217287	132246124	1
PCNT	203660_s_at	0,262023927	-0,378869745	21	46568483	46690110	1
NOTUM	NA	NA	NA	17	77503678	77512353	-1
STK33	NA	NA	NA	11	8369994	8572079	-1
A1BG	NA	NA	NA	19	63548356	63556669	-1
DSTN	201021_s_at	0,552024998	0,794649131	20	17498599	17536652	1
PPP1R16B	41577_at	0,01900395	-1,156177295	20	36867762	36985081	1
KRAS	204009_s_at	0,180457077	-0,912067418	12	25249447	25295121	-1
APLP2	208703_s_at	0,074409843	-0,721430152	11	129445011	129519910	1
TMBIM1	217730_at	0,36216974	0,542360626	2	218847161	218865524	-1
PRMT10	NA	NA	NA	4	148778983	148824730	-1
TAF1C	203937_s_at	0,540991953	0,088108359	16	82768962	82778163	-1
NAIF1	NA	NA	NA	9	129863341	129869212	-1
TCEB3	202819_s_at	0,094418506	-0,712138904	1	23942549	23958974	1
PPP1R9B	NA	NA	NA	17	45566100	45582876	-1
ETS2	201328_at	0,008614677	-1,315398271	21	39099719	39118749	1
TUBAL3	220310_at	0,528929998	0,064717555	10	5425061	5436795	-1
NET1	201829_at	0,57362564	-0,201479993	10	5444518	5490426	1
PIGC	202846_s_at	0,217438338	0,695879857	1	170677220	170679853	-1
TNFRSF10B	210405_x_at	0,78043376	-0,10923593	8	22933591	22982637	-1

ZNF484	NA	NA	NA	9	94648176	94680091	-1
SULT1A2	207122_x_at	0,862764687	-0,070011302	16	28510767	28515892	-1
MED31	219318_x_at	0,873524704	0,03613344	17	6487357	6495678	-1
CTH	217127_at	0,425864616	-0,386934688	1	70649543	70677841	1
MAK10	220925_at	0,099582624	0,580546513	9	87745877	87827037	1
ANKRD52	NA	NA	NA	12	54917858	54938410	-1
CABC1	204262_s_at	0,019251983	0,764371414	1	225194561	225241869	1
LASP1	200618_at	0,122791126	-0,669015148	17	34279894	34331541	1
MKS1	218630_at	0,046516749	0,351403665	17	53637797	53651665	-1
ALS2CR4	NA	NA	NA	2	202193152	202216469	-1
TMEM100	219230_at	0,568200874	-0,164242394	17	51151987	51155224	-1
FAM174A	NA	NA	NA	5	99899023	99950339	1
GUF1	218884_s_at	0,775469698	-0,205348058	4	44375190	44397454	1
TUFM	201113_at	0,534692167	-0,132487023	16	28761613	28765144	-1
DHX9	202420_s_at	0,085512631	-0,459436696	1	181075074	181123507	1
APOLD1	221031_s_at	0,37031458	0,151353082	12	12829882	12835664	1
GPR108	NA	NA	NA	19	6680925	6688304	-1
STAC3	NA	NA	NA	12	55923509	55931236	-1
KIAA1715	NA	NA	NA	2	176498656	176575264	-1
SH3TC1	NA	NA	NA	4	8251960	8293730	1
GNB4	NA	NA	NA	3	180596570	180652065	-1
PTGER4	204896_s_at	0,154320763	0,258407195	5	40715789	40729594	1
TATDN2	203648_at	0,674804775	-0,125333319	3	10265596	10297902	1
CBR4	213626_at	0,186508696	-0,633629905	4	170145316	170167997	-1
RCOR1	212612_at	0,038264844	-1,702770784	14	102128986	102266666	1
UNC119B	202365_at	0,115602034	-0,50665854	12	119632214	119645826	1
HMGA1	206074_s_at	0,013528075	-0,850769056	6	34312907	34321986	1
KDM5C	202383_at	0,702096476	-0,068354743	X	53237378	53271329	-1
LSM7	204559_s_at	0,528399702	-0,320760223	19	2272520	2279574	-1
PITPNM1	203826_s_at	0,174091205	-0,683898152	11	67015815	67028416	-1
CDK2AP2	203252_at	0,158030694	-0,512431833	11	67030544	67032678	-1
C18orf45	NA	NA	NA	18	19129975	19271923	-1
OAZ2	201364_s_at	0,880433643	0,026715624	15	62766829	62782507	-1

GMPS	214431_at	0,036000019	-0,832312065	3	157071019	157138215	1
KCNN4	204401_at	0,730048486	-0,213303049	19	48962525	48977249	-1
RASL11A	NA	NA	NA	13	26742464	26745827	1
CHAF1B	204775_at	0,152580302	-0,344683439	21	36679559	36710995	1
TGFBR1	206943_at	0,370710425	-0,11374201	9	100907233	100956295	1
CNOT10	NA	NA	NA	3	32701702	32790358	1
ERO1LB	220012_at	0,149089086	0,366160301	1	234447083	234511908	-1
ARHGAP30	NA	NA	NA	1	159283356	159306384	-1
OGFOD2	44617_at	0,184904509	0,294368892	12	122025307	122030541	1
C1orf200	NA	NA	NA	1	9635255	9637231	-1
ARRDC2	NA	NA	NA	19	17972944	17985911	1
CCRN4L	220671_at	0,24449855	0,200280626	4	140156393	140186543	1
KIF22	202183_s_at	0,123054192	-0,393102319	16	29709559	29724207	1
CYB5R1	202263_at	0,020499933	1,059729537	1	201197624	201203027	-1
CYB5R4	219079_at	0,001021783	-1,523200332	6	84626089	84726865	1
AKTIP	218373_at	0,368315926	0,226026707	16	52082693	52094671	-1
NEDD4L	212445_s_at	0,102101815	-1,241401001	18	53862778	54216369	1
LRRC27	NA	NA	NA	10	133995694	134043412	1
TSPAN33	NA	NA	NA	7	128571948	128595907	1
DOCK11	NA	NA	NA X		117513900	117704151	1
ARHGEF6	209539_at	0,237973376	-1,081179071 X		135575375	135691169	-1
RNPS1	200060_s_at	0,190309551	-0,28648276	16	2243122	2257798	-1
C21orf2	203996_s_at	0,062230874	0,266842136	21	44573255	44583574	-1
USP42	NA	NA	NA	7	6111076	6167720	1
M6PRBP1	202122_s_at	0,209213757	-0,462156367	19	4789346	4818676	-1
MYO7B	NA	NA	NA	2	128009848	128111773	1
C2orf68	221878_at	0,354259615	0,137346468	2	85687288	85692663	-1
C3orf25	NA	NA	NA	3	130602854	130630184	-1
NFKBIL2	NA	NA	NA	8	145624984	145640589	-1
COQ10A	NA	NA	NA	12	54946909	54951017	1
IPO13	203546_at	0,883683541	0,024127979	1	44185230	44206012	1
PIAS4	212879_x_at	0,774442817	0,058650683	19	3958749	3989067	1
ZNF828	NA	NA	NA	13	114098117	114110899	1

MGAT4A	219797_at	0,970192074	-0,006085073	2	98602001	98714021	-1
HDAC1	201209_at	0,001363502	-1,727721162	1	32530295	32571811	1
SIPA1L3	37831_at	0,155090169	-0,422005233	19	43089708	43390849	1
TLR7	220146_at	0,719705973	0,14241544	X	12795123	12818401	1
JAK2	205841_at	0,494991666	0,086054759	9	4975245	5117995	1
TAGLN2	210978_s_at	0,833316837	0,16025208	1	158154527	158161908	-1
ZNF367	NA	NA	NA	9	98190057	98220490	-1
CCNB1IP1	217988_at	0,2505164	-0,871758438	14	19849369	19871297	-1
WDR21A	NA	NA	NA	14	72462838	72496110	1
JRK	216309_x_at	0,079875797	-0,352817792	8	143735876	143748403	-1
POLB	203616_at	0,70994195	-0,204506287	8	42315187	42348470	1
TMEM165	218095_s_at	0,847126539	-0,099556171	4	55957114	55987099	1
LGALS9	203236_s_at	0,337078091	-0,324449741	17	22982301	23000713	1
C12orf48	220060_s_at	0,054432199	-0,74417057	12	101038086	101115428	1
TREX1	205875_s_at	0,103787434	0,536186719	3	48482233	48484048	1
FTSJD1	NA	NA	NA	16	69873704	69881010	-1
NRGN	204081_at	0,384081574	-0,441996835	11	124114952	124122309	1
GPX7	213170_at	0,192260095	-1,812615241	1	52840632	52847310	1
ATP9B	NA	NA	NA	18	74930385	75239271	1
NACC1	NA	NA	NA	19	13090109	13112959	1
POP7	209482_at	0,680829305	-0,107784802	7	100141612	100143059	1
WDR26	218107_at	0,590171019	-0,301392223	1	222639815	222688335	-1
SLC25A17	211754_s_at	0,070438854	-0,481987946	22	39495582	39545338	-1
PDE4DIP	212390_at	0,228657101	0,143228296	1	143562784	143706379	-1
PER2	205251_at	0,002108884	-1,633359822	2	238817418	238861946	-1
CLDN17	221328_at	0,308621844	0,156009292	21	30460132	30460806	-1
CLTCL1	205944_s_at	0,164705092	0,198632213	22	17546986	17659239	-1
NECAP1	209300_s_at	0,960266332	0,032469482	12	7989001	8141634	1
RNF149	NA	NA	NA	2	101258985	101291584	-1
ACP1	215227_x_at	0,009516748	-0,390192843	2	254896	268283	1
MANSC1	220945_x_at	0,68638142	0,068033027	12	12373485	12394436	-1
ST5	202440_s_at	0,630178679	0,122377331	11	8671475	8889074	-1
C14orf166	217768_at	0,562555114	-0,305227735	14	51525943	51541158	1

SNX14	NA	NA	NA	6	86271933	86360348	-1
DEXI	203733_at	0,500444088	0,183412139	16	10930249	10943758	-1
MORN5	NA	NA	NA	9	123962011	124002182	1
ICAM1	202638_s_at	0,64675781	-0,242695017	19	10242779	10258291	1
FAM32A	201863_at	0,786620222	-0,08037254	19	16157235	16163857	1
C17orf58	NA	NA	NA	17	63417679	63420227	-1
TMEM189-UB	201001_s_at	0,344495143	-0,299142994	20	48131068	48203667	-1
TMEM189	NA	NA	NA	20	48173714	48203667	-1
POLA1	204835_at	0,000811467	-0,791282883	X	24621977	24925024	1
PSMC4	201252_at	0,223348853	-0,445747527	19	45168913	45179193	1
C7orf70	NA	NA	NA	7	6335565	6355115	-1
TRAPPC5	NA	NA	NA	19	7651764	7653748	1
RCOR3	218344_s_at	0,552024998	0,189138003	1	209499949	209556200	1
SLC25A36	201917_s_at	0,818642956	-0,179263723	3	142143352	142181475	1
TERF2	203611_at	0,044962057	-0,960386901	16	67947032	67977374	-1
EGFL8	208469_s_at	0,563236659	0,078545044	6	32240383	32244040	1
CD99	201029_s_at	0,413287394	-1,383496921	X	2619228	2669350	1
TMEM79	NA	NA	NA	1	154519363	154528858	1
NPDC1	218086_at	0,252804974	0,742014913	9	139053743	139060476	-1
TRAF2	204413_at	0,867268874	-0,024206855	9	138900786	138940888	1
FAM117A	221249_s_at	0,841934625	-0,234250369	17	45142686	45196517	-1
CENPH	NA	NA	NA	5	68521131	68541940	1
RHPN1	NA	NA	NA	8	144522400	144537533	1
CAPRIN2	218456_at	0,322831506	-0,315080824	12	30753753	30798715	-1
SUV420H2	NA	NA	NA	19	60543076	60551301	1
TUBB2A	204141_at	0,046385591	-3,015654765	6	3098899	3102782	-1
RSRC1	219507_at	0,613026021	-0,281312469	3	159310586	159745276	1
RIF1	214700_x_at	0,097917407	-0,618315945	2	151974674	152040665	1
TTC27	218710_at	0,024251086	-0,545872948	2	32706633	32899622	1
APOB48R	220023_at	0,718409737	0,080098651	16	28413494	28417783	1
SCRIB	212556_at	0,112159351	-0,345318514	8	144945078	144969537	-1
TUBA4A	212242_at	0,074106795	-0,97239379	2	219823245	219826882	-1
PSD3	203355_s_at	0,559109941	-0,076560954	8	18429093	18915476	-1

ZNF497	NA	NA	NA	19	63557537	63565932	-1
GOLGA3	202106_at	0,688386462	-0,111755902	12	131855568	131915361	-1
SPIN4	NA	NA	NA	X	62483832	62487943	-1
PPID	204185_x_at	0,645455306	-0,157037998	4	159849729	159864002	-1
DNALI1	NA	NA	NA	1	37795107	37805045	1
FANCB	NA	NA	NA	X	14771450	14801105	-1
FOXD2	207653_at	0,624897267	-0,04825481	1	47674276	47678950	1
FBXO4	NA	NA	NA	5	41961113	41977429	1
ZNF584	NA	NA	NA	19	63611875	63621506	1
SDCCAG3	218427_at	0,283152036	-0,212061057	9	138416195	138424875	-1
MOSPD2	64883_at	0,122853625	-0,190350932	X	14801484	14849378	1
JRKL	206734_at	0,89665786	0,01603661	11	95763462	95766375	1
AP1B1	205423_at	0,180208756	-0,206516868	22	28053669	28114569	-1
LASS5	NA	NA	NA	12	48809848	48847364	-1
NBPF15	201104_x_at	0,24135787	0,575292534	1	146827614	146862782	1
SHBG	215689_s_at	0,313514861	0,143724183	17	7474216	7477395	1
ADAM15	217007_s_at	0,151793032	0,580175756	1	153290386	153301876	1
LIMK2	202193_at	0,037658587	-0,444090832	22	29938250	30006066	1
PELI3	NA	NA	NA	11	65990912	66001384	1
CDC42	208728_s_at	0,195773728	-0,446976742	1	22251707	22292023	1
ACAP3	NA	NA	NA	1	1218807	1228503	-1
PUSL1	NA	NA	NA	1	1233857	1236920	1
UFD1L	209103_s_at	0,743376517	0,128365172	22	17817701	17846726	-1
LMBR1L	220036_s_at	0,097919968	0,326786493	12	47777189	47790947	-1
THRAP3	217847_s_at	0,896383351	0,050577517	1	36462634	36542744	1
UBE2L6	201649_at	0,710240497	0,457201943	11	57075705	57091756	-1
PCK2	202847_at	0,582502131	0,388414818	14	23633323	23643179	1
IGSF8	NA	NA	NA	1	158327754	158335032	-1
GALNT12	218885_s_at	0,021557818	-1,067846576	9	100609802	100652180	1
APH1B	221036_s_at	0,181093432	-0,269744643	15	61356844	61385166	1
C20orf96	NA	NA	NA	20	199524	219390	-1
GOLGA5	218241_at	0,045624067	-0,73627036	14	92330403	92376057	1
RAB10	NA	NA	NA	2	26110478	26213782	1

TTC19	217964_at	0,907554877	-0,097017583	17	15843507	15872821	1
RNASET2	220096_at	0,195906647	0,236093232	6	167262994	167290067	-1
YDJC	NA	NA	NA	22	20312378	20314340	-1
SFT2D3	NA	NA	NA	2	128175067	128177877	1
STAT1	NA	NA	NA	2	191542121	191587181	-1
ELP3	221094_s_at	0,638599136	-0,217663848	8	28006645	28104585	1
IWS1	NA	NA	NA	2	127954860	128000514	-1
FLVCR1	NA	NA	NA	1	211098220	211135379	1
NCOA6	208979_at	0,402540792	0,143511666	20	32766239	32877094	-1
CTAGE5	215930_s_at	0,355873172	0,12548986	14	38806079	38890148	1
FAM126A	NA	NA	NA	7	22949783	23020273	-1
TRPC4AP	212059_s_at	0,448703005	0,105564826	20	33053868	33144279	-1
RAB5C	201140_s_at	0,564655245	-0,163689971	17	37530523	37560548	-1
TMTC3	NA	NA	NA	12	87060232	87115591	1
MTOR	215381_at	0,301398661	0,193000518	1	11089179	11245153	-1
ADPGK	220980_s_at	0,157013672	0,436557642	15	70830763	70863114	-1
ELAC2	201767_s_at	0,33230761	-0,545850473	17	12836427	12862084	-1
CD81	200675_at	0,022497448	-2,174251065	11	2355123	2375225	1
MED28	218438_s_at	0,000691173	-1,088928814	4	17225371	17235258	1
SNX22	NA	NA	NA	15	62230969	62236733	1
RECK	205407_at	0,765566924	-0,098068017	9	36026906	36114448	1
MIF4GD	NA	NA	NA	17	70773904	70778898	-1
TRIP13	204033_at	0,872823659	0,088120477	5	946004	971160	1
GCC2	202832_at	0,470786431	-0,166459216	2	108432068	108492286	1
CRIP3	NA	NA	NA	6	43381189	43384508	-1
GLG1	212045_at	0,019986055	0,533579266	16	73043357	73198518	-1
TPRKB	219030_at	0,083736636	-0,684680621	2	73810509	73818021	-1
PDZD8	213549_at	0,184393521	-0,605318815	10	119032596	119124927	-1
INO80B	222093_s_at	0,058165675	0,391644296	2	74535707	74538595	1
NOP10	217962_at	0,354497906	-0,200741844	15	32421209	32422654	-1
TIGD1	NA	NA	NA	2	233121023	233123470	-1
PUF60	209899_s_at	0,288986655	-0,354222829	8	144970535	144983525	-1
RER1	202296_s_at	0,349551132	0,590816215	1	2313074	2326734	1

ZMYM1	220206_at	0,002105	-0,471719529	1	35317559	35354042	1
NUP50	213682_at	0,041029273	-0,606236036	22	43938390	43962556	1
VSNL1	203797_at	0,582526636	0,087646726	2	17585288	17701187	1
ARHGAP24	221030_s_at	0,866080333	-0,029772028	4	86615308	87142847	1
CLEC16A	212786_at	0,091885313	-0,695059646	16	10945943	11183539	1
PKD2L2	221118_at	0,998004233	0,000333134	5	137253024	137304055	1
PRR13	217794_at	0,025456797	-0,688708101	12	52121700	52126694	1
MSI2	NA	NA	NA	17	52689373	53065543	1
HLA-E	200905_x_at	0,207032835	1,054455563	6	30565250	30569077	1
ZNF566	NA	NA	NA	19	41630418	41672177	-1
CRK	202225_at	0,005611151	-1,072803388	17	1272190	1306294	-1
COX5B	211025_x_at	0,704410575	-0,226447219	2	97628953	97631089	1
TAF11	209358_at	0,343458258	-0,470592341	6	34953533	34963797	-1
TAOK3	220761_s_at	0,000316423	-1,823007451	12	117071989	117295133	-1
BNIP3	201849_at	0,026884511	-1,811330276	10	133631194	133645425	-1
RDM1	NA	NA	NA	17	31269197	31281893	-1
PARP12	218543_s_at	0,471677324	0,760596803	7	139370018	139409990	-1
DPM3	219373_at	0,197516768	1,054121596	1	153378991	153379507	-1
ANKRD42	NA	NA	NA	11	82582939	82637661	1
TSPAN13	217979_at	0,352025717	-1,734231353	7	16759876	16790686	1
MGAT3	208058_s_at	0,252732818	0,236753136	22	38183271	38218145	1
PRKACA	216234_s_at	0,17119315	0,335273081	19	14063500	14089559	-1
PCDHGA7	NA	NA	NA	5	140742651	140872730	1
BXDC5	218462_at	0,050184962	-0,914619198	1	84717508	84736621	1
CCDC104	NA	NA	NA	2	55600244	55625720	1
CDC16	209659_s_at	0,355338895	-0,437957819	13	114018464	114056252	1
ITGA7	216331_at	0,346365366	0,232503398	12	54364619	54387894	-1
RDH5	210106_at	0,989407871	-0,002694792	12	54400488	54404756	1
SLC17A9	219559_at	0,390580436	0,208954839	20	61054444	61070394	1
AUH	205052_at	0,278477658	0,548332829	9	93015926	93163996	-1
VPS4B	218171_at	0,209134873	-0,472394959	18	59207403	59240732	-1
MRPS17	218982_s_at	0,692414886	-0,204916261	7	55987105	55990528	1
IP6K1	212439_at	0,169492172	0,302233266	3	49736732	49798977	-1

PIK3R3	202743_at	0,186231612	-0,779628408	1	46278399	46370901	-1
C20orf117	207711_at	0,10791926	-0,545110096	20	34839259	34921690	-1
CYorf15A	NA	NA	NA	Y	20188623	20211697	1
GPN1	209313_at	0,948540853	-0,028368518	2	27705407	27727217	1
C2orf64	NA	NA	NA	2	98582297	98591387	-1
PCBP2	213263_s_at	0,82104494	0,166269437	12	52132161	52159872	1
MTX3	NA	NA	NA	5	79308295	79322844	-1
INCA1	NA	NA	NA	17	4832149	4841629	-1
C9orf140	NA	NA	NA	9	139076585	139084849	-1
UAP1L1	214755_at	0,418049269	-0,301570611	9	139092414	139098812	1
CDC2L2	211289_x_at	0,134733084	-0,458904722	1	1560463	1580336	-1
HEATR6	218991_at	0,054251018	0,343533465	17	55475334	55511074	-1
C22orf23	NA	NA	NA	22	36669479	36679551	-1
GGCX	214005_at	0,263688569	-0,277674395	2	85629714	85642090	-1
RABGGTA	203573_s_at	0,758556979	0,06025832	14	23804584	23810583	-1
TTC31	218838_s_at	0,211133649	0,388992662	2	74563724	74575191	1
CYP2B6	206755_at	0,192298171	0,141354623	19	46189044	46216141	1
CCDC115	NA	NA	NA	2	130812286	130816392	-1
PTK2	208820_at	0,010905995	-2,416436365	8	141737683	142080514	-1
ELK1	210850_s_at	0,032102253	0,27138366	X	47379864	47394964	-1
SEL1L	202064_s_at	0,072108327	1,148355834	14	81007646	81069886	-1
ERAP2	219759_at	0,570081806	0,55499208	5	96241024	96279397	1
CYBRD1	217889_s_at	0,739475793	-0,208621212	2	172087229	172122885	1
CCDC93	209689_at	0,244090682	-0,339515372	2	118389617	118488167	-1
C11orf17	219953_s_at	0,518488677	0,246909279	11	8889277	8898202	1
GLTP	219267_at	0,730303852	0,048837767	12	108773131	108802676	-1
GALNT6	219956_at	0,753566394	0,119916208	12	50032100	50071467	-1
ANKRD54	NA	NA	NA	22	36556808	36570249	-1
KPNA6	212102_s_at	0,265747659	-0,297816835	1	32346231	32414756	1
RPP25	219143_s_at	0,762587946	-0,482038562	15	73034496	73036828	-1
CHKB	204193_at	0,747403227	0,079460857	22	49364253	49368260	-1
ERGIC1	NA	NA	NA	5	172193947	172312292	1
MRP63	204387_x_at	0,084638123	-0,388948108	13	20648372	20651223	1

FKBP1B	209931_s_at	0,505698868	0,122642187	2	24126132	24140055	1
DPP8	220939_s_at	0,735593213	-0,100282791	15	63525051	63597088	-1
PNPO	218511_s_at	0,718327721	-0,054416493	17	43373916	43381673	1
TADA1L	NA	NA	NA	1	165092371	165112103	-1
C2orf28	219329_s_at	0,026794323	0,871044217	2	27288403	27293557	1
ABCD4	203982_s_at	0,576117878	0,07703611	14	73821733	73839512	-1
EIF4E2	213571_s_at	0,023270981	-0,51307807	2	233123601	233142164	1
TMEM147	202475_at	0,100135698	0,726630446	19	40728385	40730268	1
AGTPBP1	204500_s_at	0,78733948	0,190824175	9	87351275	87546709	-1
SPN	206057_x_at	0,321151346	0,354282833	16	29581801	29589329	1
PHF11	221816_s_at	0,014958798	-1,557788481	13	48968529	49001118	1
TMEM134	218531_at	0,176964146	-0,706848442	11	66988395	66993307	-1
ACO1	207071_s_at	0,718234238	0,209788317	9	32374650	32440830	1
HJURP	218726_at	0,119948448	-0,682489079	2	234410225	234427951	-1
SNX32	NA	NA	NA	11	65357986	65377748	1
ROR1	205805_s_at	0,569288346	-0,335779716	1	64012278	64417295	1
MORF4L2	201994_at	0,618328907	-0,122671171	X	102817089	102828252	-1
TELO2	34260_at	0,390984389	-0,167545907	16	1483423	1500456	1
TINP1	201922_at	0,618440303	0,152115529	5	74098859	74108490	1
CLPB	221845_s_at	0,546596663	-0,393855283	11	71681117	71823216	-1
LCLAT1	NA	NA	NA	2	30523641	30720595	1
TCF25	221495_s_at	0,813967059	-0,073737056	16	88467521	88505287	1
WDR25	219609_at	0,778346706	0,049516992	14	99912703	100066393	1
G3BP1	201503_at	0,072945403	-0,9440915	5	151131669	151165108	1
KIF4A	218355_at	0,004900123	-0,734108724	X	69426620	69557461	1
BCL2L1	206665_s_at	0,47697391	0,252924055	20	29715922	29774317	-1
CCDC64	215015_at	0,736770089	-0,086987948	12	118912031	119016682	1
EGR1	201694_s_at	0,359276342	-1,088786111	5	137829080	137832903	1
HSD17B14	219113_x_at	0,972651966	-0,009990456	19	54008086	54031746	-1
SOD1	200642_at	0,084066406	-0,37905661	21	31953806	31963115	1
C17orf60	NA	NA	NA	17	59875702	59895222	1
TRIM21	204804_at	0,144740395	0,258658731	11	4362703	4371502	-1
NUDT16L1	NA	NA	NA	16	4683717	4685846	1

FIG4	203656_at	0,022524021	-0,77002895	6	110119161	110253327	1
C2CD2L	204757_s_at	0,06261598	0,259178259	11	118483303	118493037	1
CEP290	205250_s_at	0,043559227	-0,266435237	12	86966921	87060124	-1
NDUFC2	218101_s_at	0,260186169	0,280001582	11	77457044	77468579	-1
ZNF653	NA	NA	NA	19	11455246	11477654	-1
YJFN3	NA	NA	NA	19	19500720	19509393	1
FBXO10	NA	NA	NA	9	37500889	37566250	-1
TMSL3	216438_s_at	0,383378031	-0,370931176	4	91978659	91979292	-1
C22orf15	NA	NA	NA	22	22435208	22438047	1
U2AF1	202858_at	0,173034422	-0,203231011	21	43386135	43400757	-1
DUSP28	NA	NA	NA	2	241148144	241152104	1
TMEM97	214283_at	0,311141823	-0,149505361	17	23670248	23679838	1
VPS28	218679_s_at	0,123668987	0,512954887	8	145619808	145624735	-1
SHCBP1	219493_at	0,649974943	-0,155729855	16	45171968	45212785	-1
SLC24A6	218749_s_at	0,161174081	0,238524475	12	112220954	112257308	-1
TTL	NA	NA	NA	2	112956214	113006694	1
HCST	NA	NA	NA	19	41085222	41087013	1
KIAA1841	NA	NA	NA	2	61146867	61218673	1
AMDHD1	NA	NA	NA	12	94861202	94886500	1
KPNB1	213574_s_at	0,206170668	-0,452719163	17	43082274	43116003	1
SLAIN2	NA	NA	NA	4	48038370	48122972	1
IMP4	212411_at	0,042160565	-0,99929648	2	130816959	130820667	1
PITX3	208277_at	0,370241946	0,160853717	10	103979936	103991221	-1
ASCC2	215684_s_at	0,107015261	-0,37388188	22	28514600	28564254	-1
NICN1	NA	NA	NA	3	49434770	49441761	-1
TBC1D22B	216549_s_at	0,29710498	-0,165512904	6	37333526	37408724	1
UQCRC1	201903_at	0,268412595	0,55803218	3	48611436	48622102	-1
AMICA1	NA	NA	NA	11	117569652	117601019	-1
EME2	NA	NA	NA	16	1763230	1766240	1
ISOC1	218170_at	0,761754209	0,129253583	5	128458341	128477620	1
DOPEY1	213271_s_at	0,004362086	-1,22799236	6	83834104	83934846	1
LPGAT1	202651_at	0,070382863	-1,495283453	1	209984952	210070737	-1
PPAP2A	209147_s_at	0,629431177	-0,293735165	5	54756439	54866630	-1

TSNARE1	NA	NA	NA	8	143291348	143482444	-1
SCLY	221575_at	0,187258989	0,205439672	2	238634371	238672793	1
FAM65A	218029_at	0,707276469	-0,261409208	16	66120255	66138190	1
EYA2	209692_at	0,607435666	-0,587795495	20	44956916	45250899	1
GBF1	201439_at	0,476324948	-0,185776587	10	103995299	104132639	1
MUC20	NA	NA	NA	3	196933424	196950211	1
MORN1	219852_s_at	0,166116777	0,412461205	1	2242556	2312853	-1
RARS	NA	NA	NA	5	167846041	167878889	1
TSPAN14	221002_s_at	0,640721028	-0,286192596	10	82204047	82269366	1
MED18	221650_s_at	0,287868614	-0,167379263	1	28528136	28535063	1
ZCCHC10	221193_s_at	0,077996647	-0,99561983	5	132360576	132390139	-1
ZFAND6	221613_s_at	0,855191786	0,099254395	15	78139076	78217767	1
C16orf74	NA	NA	NA	16	84298624	84342190	-1
ODF3B	NA	NA	NA	22	49315721	49317874	-1
ORAOV1	NA	NA	NA	11	69189512	69199346	-1
PIGZ	220041_at	0,732779707	0,07036992	3	198157611	198180101	-1
LY9	215967_s_at	0,525205214	-0,360242198	1	159032552	159064669	1
ZDHHC21	NA	NA	NA	9	14607028	14683474	-1
HEATR2	218460_at	0,027630405	-0,657002643	7	732864	792642	1
GRB7	210761_s_at	0,179001246	0,261730682	17	35147713	35157064	1
MRPL35	218890_x_at	0,267804628	-0,411256263	2	86280091	86293481	1
PGS1	219394_at	0,49970903	-0,118401771	17	73886330	73932235	1
SNIP1	219409_at	0,653733105	-0,069692436	1	37774729	37792490	-1
C17orf65	NA	NA	NA	17	39608871	39619608	-1
SSNA1	210378_s_at	0,676341282	0,117862156	9	139202954	139204639	1
CCBL2	209472_at	0,55722831	-0,354818632	1	89174044	89231104	-1
TRIM9	209859_at	0,437015232	-0,743199418	14	50511729	50631797	-1
FTSJD2	212380_at	0,201049855	-0,60707254	6	37508991	37557262	1
C14orf93	219009_at	0,82064411	-0,036785364	14	22525951	22549192	-1
BHLHE23	NA	NA	NA	20	61107846	61108787	-1
PARVG	NA	NA	NA	22	42908190	42933868	1
COG8	NA	NA	NA	16	67920025	67931014	-1
H2AFY	207168_s_at	0,06715933	-0,469442261	5	134697970	134763476	-1

ACOT7	215728_s_at	0,848718837	-0,177172082	1	6246919	6368470	-1
EXOSC4	91684_g_at	0,22657155	0,583266798	8	145205510	145207539	1
GPAA1	215690_x_at	0,011555599	0,961257058	8	145209512	145213107	1
FBF1	NA	NA	NA	17	71418213	71448714	-1
RBL1	205296_at	0,10705954	-0,327339482	20	35059592	35157824	-1
GMCL1	218458_at	0,323783094	-0,390951637	2	69910322	69960231	1
CRYL1	220753_s_at	0,144353363	0,357002216	13	19875806	19998012	-1
RANBP2	201712_s_at	0,004463917	-0,809893326	2	108702369	108768699	1
GPKOW	203776_at	0,940955844	0,027895438	X	48857289	48867023	-1
ITGB2	202803_s_at	0,352416015	-0,644503545	21	45130296	45165303	-1
MED13	201987_at	0,048079243	-0,810495669	17	57374748	57497425	-1
TRPM7	NA	NA	NA	15	48639782	48766286	-1
ZNF700	NA	NA	NA	19	11896900	11922578	1
C1orf89	220963_s_at	0,213396389	0,211474796	1	16430782	16436033	-1
UBR1	NA	NA	NA	15	41022387	41185578	-1
PAXIP1	212825_at	0,13640988	-0,295547698	7	154366333	154425615	-1
COIL	203654_s_at	0,509155765	-0,21197086	17	52370559	52393410	-1
KLHL2	219157_at	0,295838325	-0,698750574	4	166348238	166463749	1
EIF2S3	205321_at	0,984279063	-0,051533744	X	23982986	24006848	1
SLC2A3	202498_s_at	0,334159997	0,098080695	12	7963094	7980138	-1
KLF5	209211_at	0,652840404	-0,050888159	13	72531143	72549677	1
BTG3	213134_x_at	0,192023604	-0,737539521	21	17887842	17907033	-1
ZNF239	206261_at	0,549090054	-0,465620837	10	43371798	43390071	-1
CCDC62	NA	NA	NA	12	121825026	121877884	1
ERP29	201216_at	0,004155407	0,677721525	12	110935535	110945407	1
SLC19A1	209777_s_at	0,032702691	0,466562937	21	45759057	45786779	-1
MOGS	210627_s_at	0,033749705	0,617952755	2	74541692	74546045	-1
SLC35A3	206770_s_at	0,52481394	0,088982079	1	100208128	100261594	1
SLC25A30	216712_at	0,950114035	-0,007566203	13	44868044	44890515	-1
RNFT2	221909_at	0,692051975	-0,242916495	12	115660479	115775819	1
FOXN4	NA	NA	NA	12	108200167	108231408	-1
WDR35	NA	NA	NA	2	19973505	20053365	-1
LOH12CR1	NA	NA	NA	12	12401322	12511105	1

COPB1	201359_at	0,465832827	-0,189120962	11	14435629	14477974	-1
TNNC1	209904_at	0,339873685	0,114178192	3	52460158	52463098	-1
LTBP1	202729_s_at	0,033166782	-1,637428537	2	33025896	33478080	1
ANG	205141_at	0,020536552	0,709230231	14	20226772	20232185	1
RNASE4	213397_x_at	0,025503964	0,331605914	14	20226772	20238598	1
AKD1	NA	NA	NA	6	110059592	110119113	-1
STRBP	NA	NA	NA	9	124927139	125070664	-1
SEPHS2	200961_at	0,059753771	-1,108676343	16	30362453	30364725	-1
C8orf38	NA	NA	NA	8	96106397	96140114	1
ARL6IP4	218216_x_at	0,130639874	0,173152513	12	122030833	122033413	1
TRMT11	218877_s_at	0,002709453	-2,237490175	6	126349269	126402115	1
PEX14	33760_at	0,333044895	-0,23184233	1	10457590	10613402	1
ZNF432	NA	NA	NA	19	57228489	57243885	-1
CCDC59	218936_s_at	0,17756405	-0,622712488	12	81270220	81276330	-1
ZNF211	205437_at	0,8628023	-0,052782543	19	62836396	62845948	1
LEMD2	NA	NA	NA	6	33846968	33864874	-1
PARP2	214086_s_at	0,03368652	-0,904173965	14	19881613	19895903	1
ZNF182	NA	NA	NA X		47719194	47748321	-1
DNAJC25	NA	NA	NA	9	113433453	113456452	1
GALNTL4	212075_s_at	0,892822042	-0,054093907	11	11248999	11600128	-1
GLTPD1	220734_s_at	0,972444354	-0,007404069	1	1250006	1254139	1
DNAJC25-GN	201921_at	0,035688418	-0,982768935	9	113433487	113472330	1
ARID3C	NA	NA	NA	9	34611455	34618011	-1
PIGM	NA	NA	NA	1	158264086	158268407	-1
GNB3	206047_at	0,539201411	0,121723341	12	6819636	6826818	1
PSMA7	201114_x_at	0,712803178	0,091226541	20	60145186	60151869	-1
RUVBL1	201614_s_at	0,537834535	-0,162670311	3	129282493	129325332	-1
GFM2	NA	NA	NA	5	74052787	74098798	-1
PHF1	202928_s_at	0,419957583	0,264049043	6	33486934	33492194	1
RFX3	207234_at	0,905651377	0,011797971	9	3214645	3515983	-1
ATF1	222103_at	0,136012665	-0,672426075	12	49444086	49501174	1
BRIP1	221703_at	0,430348737	-0,274256539	17	57114767	57295537	-1
CCRL1	220351_at	0,605584763	-0,138860507	3	133798784	133804072	1

ZSCAN21	NA	NA	NA	7	99485353	99500599	1
PAFAH2	205232_s_at	0,157194276	0,274139433	1	26158845	26197235	-1
CAGE1	NA	NA	NA	6	7271886	7334941	-1
TAS1R3	NA	NA	NA	1	1256589	1259707	1
RPUSD4	NA	NA	NA	11	125577519	125586751	-1
LRRC47	212904_at	0,735593213	-0,284058557	1	3686644	3702928	-1
TEX261	212084_at	0,190262637	0,37655008	2	71066576	71075509	-1
CCDC121	220321_s_at	0,608611868	0,06177272	2	27702010	27705383	-1
PRKCI	213518_at	0,730303852	0,286462193	3	171422914	171506464	1
MFAP3	214588_s_at	0,539201411	0,06975201	5	153398752	153414786	1
CRCP	203898_at	0,013583275	-0,518334459	7	65217240	65256990	1
ADPRH	207863_at	0,670732805	-0,069447578	3	120781213	120791482	1
TLE2	204431_at	0,083528077	0,441364121	19	2948636	2980022	-1
UNC50	203583_at	0,945732827	-0,027255716	2	98591474	98601410	1
VAMP4	213480_at	0,458723882	0,228782476	1	169938783	169977837	-1
AMBRA1	52731_at	0,107435744	-0,226924404	11	46374541	46569490	-1
ERO1L	218498_s_at	0,012063576	0,499824387	14	52178355	52232169	-1
ZFAND3	218020_s_at	0,903522169	0,051126383	6	37895611	38230375	1
SPACA5	NA	NA	NA X		47748678	47754074	1
C15orf55	NA	NA	NA	15	32425358	32437225	1
BLMH	202179_at	0,104517572	-0,309240587	17	25599349	25643200	-1
VAR52	NA	NA	NA	6	30989961	31002212	1
LYST	210943_s_at	0,064486668	0,241779215	1	233890966	234096843	-1
MAN1A2	217920_at	0,150256515	0,328266556	1	117711608	117869843	1
PLAC8	219014_at	0,528815493	-1,673290286	4	84230867	84254913	-1
SMURF1	212666_at	0,480887919	-0,138334928	7	98463000	98579659	-1
GALE	202528_at	0,968096246	0,025793021	1	23994676	23999881	-1
TTC14	NA	NA	NA	3	181802625	181811595	1
RRAGC	218088_s_at	0,369232603	-0,261517429	1	39077592	39097927	-1
BIRC3	210538_s_at	0,56357789	-0,822919272	11	101693404	101713675	1
RBM34	212591_at	0,133237068	-0,627541675	1	233361572	233391194	-1
SMG5	34868_at	0,275007758	-0,245154738	1	154485639	154519244	-1
TMEM154	NA	NA	NA	4	153766721	153820641	-1

GPR132	221140_s_at	0,703363629	0,121686536	14	104586782	104602799	-1
CCDC38	NA	NA	NA	12	94784958	94860559	-1
TMEM217	NA	NA	NA	6	37287935	37333350	-1
PANK3	221751_at	0,04731116	-0,86362161	5	167915208	167939166	-1
CSDA	201160_s_at	0,285396606	2,911609385	12	10742955	10767171	-1
C16orf63	NA	NA	NA	16	15867078	15889948	-1
SNX8	NA	NA	NA	7	2261164	2320625	-1
TMEM116	NA	NA	NA	12	110853486	110935318	-1
RASA3	206220_s_at	0,597273252	-0,195851811	13	113765296	113916197	-1
WNK4	NA	NA	NA	17	38186222	38202610	1
TBX6	215122_at	0,339710203	0,147785441	16	30004583	30010709	-1
TTC35	203584_at	0,037294531	0,818532208	8	109525029	109568312	1
ASB7	219996_at	0,326483207	0,204868231	15	98960358	99007174	1
MED27	215371_at	0,307916571	0,196592283	9	133725320	133945074	-1
ALCAM	201952_at	0,097843698	-1,828611904	3	106568403	106778434	1
MTR	203774_at	0,31261881	-0,529037544	1	235025341	235130585	1
AP3S1	202442_at	0,395428381	-0,516698556	5	115205518	115277677	1
MGST2	204168_at	0,495326986	-0,411445348	4	140806372	140844857	1
TRMT1	203701_s_at	0,74105891	-0,1894451	19	13076715	13088332	-1
SCD	200831_s_at	0,003426634	0,456856216	10	102096762	102114578	1
IGHMBP2	31861_at	0,584955173	0,057384393	11	68427895	68464645	1
NUBPL	220176_at	0,232075908	-0,188711159	14	31100342	31400181	1
ZSWIM7	NA	NA	NA	17	15820599	15843731	-1
C8orf80	NA	NA	NA	8	27935400	27997307	-1
NFKBID	NA	NA	NA	19	41070983	41083392	-1
LY96	206584_at	0,013107444	-2,241099597	8	75066144	75103859	1
CLN3	210859_x_at	0,000128814	0,907317602	16	28396101	28410904	-1
KIF18A	221258_s_at	0,023051661	-0,959506757	11	27998739	28086322	-1
CARD8	204950_at	0,542631535	-0,246251902	19	53403325	53444737	-1
FAM76A	216897_s_at	0,974462541	-0,006908333	1	27925077	27960702	1
PSMB8	209040_s_at	0,718732832	-0,284378512	6	32916472	32920690	-1
LYN	202625_at	0,00980268	-1,660686124	8	56954926	57085685	1
WDR76	205519_at	0,014451733	-0,655749995	15	41906500	41946502	1

TMEM14B	221452_s_at	0,08728066	-0,541983305	6	10856036	10865200	1
GPS2	209350_s_at	0,411662202	-0,370872248	17	7156702	7159382	-1
TRIM28	200990_at	0,035845534	-0,893851343	19	63747648	63753894	1
PRKRIR	209323_at	0,063453579	-0,555071788	11	75738652	75769528	-1
MTMR12	220953_s_at	0,369595918	-0,684149682	5	32262868	32348871	-1
ZNF561	NA	NA	NA	19	9580131	9592899	-1
ZCCHC8	218478_s_at	0,198307225	-0,410538369	12	121523388	121551471	-1
TSR1	221987_s_at	0,036955775	-0,936997258	17	2172722	2187428	-1
C12orf49	218867_s_at	0,30517809	-0,334816484	12	115637979	115660226	-1
PMPCA	212088_at	0,223144954	-0,20081636	9	138424937	138438034	1
RNASEH2C	NA	NA	NA	11	65241720	65244985	-1
C22orf9	212421_at	0,72248773	-0,182736255	22	43966787	44015314	-1
GALC	204417_at	0,132458179	-0,38979008	14	87469111	87529660	-1
NLRC3	NA	NA	NA	16	3529034	3567393	-1
CCDC94	204335_at	0,081845989	-0,394287739	19	4198111	4220085	1
C10orf78	NA	NA	NA	10	105871806	105876133	1
LINS1	220121_at	0,287412672	-0,20206876	15	98926958	98959927	-1
MRPS9	NA	NA	NA	2	105020938	105082850	1
SLC25A22	218725_at	0,40179419	0,243008538	11	780475	786221	-1
MSH4	210533_at	0,866325316	-0,02975762	1	76035218	76151511	1
PLD4	NA	NA	NA	14	104462232	104470618	1
IFT122	220744_s_at	0,024185054	0,644559682	3	130641658	130721881	1
KCNJ14	220776_at	0,306588883	0,218727926	19	53650578	53661179	1
RCL1	218544_s_at	0,498090938	-0,118947182	9	4782834	4851064	1
UBLCP1	NA	NA	NA	5	158622876	158645617	1
PRKCQ	210039_s_at	0,079893855	0,305124633	10	6509111	6662244	-1
KIFC2	NA	NA	NA	8	145662546	145670307	1
POLR3E	218016_s_at	0,203363711	-0,299447276	16	22216242	22252847	1
C17orf37	NA	NA	NA	17	35138935	35140314	-1
GDF11	216860_s_at	0,839008761	-0,077620236	12	54423331	54430332	1
KTN1	200915_x_at	0,079252072	-0,744095383	14	55116678	55221055	1
C12orf62	NA	NA	NA	12	48792167	48800501	1
VPREB3	220068_at	1,86E-06	-3,48511754	22	22424932	22426592	-1

PICALM	212511_at	0,006921946	-1,158585987	11	85346133	85457756	-1
NISCH	201591_s_at	0,875595839	0,053300649	3	52464564	52502128	1
PDZD11	NA	NA	NA X		69422936	69426523	-1
BCAR3	204032_at	0,428655307	-0,720919482	1	93799936	93919973	-1
AADACL1	NA	NA	NA	3	173831129	173911700	-1
PRMT6	NA	NA	NA	1	107400932	107403437	1
AARS2	NA	NA	NA	6	44374441	44389041	-1
C21orf59	218123_at	0,421275545	-0,254403286	21	32895966	32906537	-1
EIF1AD	NA	NA	NA	11	65520593	65526154	-1
BANF1	210125_s_at	0,986571733	0,006303743	11	65526126	65528193	1
USP39	217829_s_at	0,19579453	-0,366009126	2	85696794	85729917	1
RNF181	NA	NA	NA	2	85676348	85678342	1
LTA	206975_at	0,69931276	-0,262907013	6	31648072	31650077	1
MED6	210104_at	0,58287616	-0,191579088	14	70120710	70137137	-1
ITGA4	205885_s_at	0,019067956	1,78163361	2	182029864	182110719	1
TMUB2	218419_s_at	0,780660563	0,09421384	17	39619880	39624625	1
SDCBP	200958_s_at	0,726366278	-0,182174869	8	59628282	59657973	1
FZD1	204451_at	0,490588439	0,213102216	7	90731719	90736068	1
BPGM	203502_at	0,786915424	-0,161263668	7	133982095	134015108	1
ZNF382	NA	NA	NA	19	41788061	41811339	1
UBIAD1	219131_at	0,453165693	0,244504217	1	11255866	11268929	1
UBE2I	208760_at	0,028537909	-0,609797744	16	1299181	1315391	1
HCK	208018_s_at	0,475201225	-1,345851858	20	30103718	30153320	1
DBP	209782_s_at	0,298832915	0,347616277	19	53825754	53832400	-1
GINS1	206102_at	0,173793906	-0,433771195	20	25336323	25377191	1
C12orf50	NA	NA	NA	12	86897947	86947307	-1
EIF3L	217719_at	0,264813806	-0,310582127	22	36575316	36614584	1
DLL3	219537_x_at	0,954821522	-0,057006334	19	44681427	44690949	1
RPA2	201756_at	0,307617876	-0,149825427	1	28090636	28113823	-1
ZNF345	207236_at	0,905871117	-0,013913639	19	42033081	42061343	1
HDAC8	NA	NA	NA X		71466091	71709378	-1
CBLB	209682_at	0,061540812	-1,607378441	3	106859799	107070577	-1
CPNE3	202118_s_at	0,642768183	0,731877328	8	87595788	87642842	1

PRIM1	216957_at	0,655536205	-0,049066874	12	55411631	55432413	-1
CINP	NA	NA	NA	14	101884372	101899006	-1
LRRC59	222231_s_at	0,523489575	0,14386951	17	45813598	45829831	-1
C3orf19	NA	NA	NA	3	14668257	14689170	1
TRIM35	NA	NA	NA	8	27198321	27224751	-1
CPSF3L	217994_x_at	0,68110951	-0,120086897	1	1236828	1249909	-1
PHIP	212542_s_at	0,01256781	-0,664382474	6	79706985	79844708	-1
TMEM88	NA	NA	NA	17	7699109	7700142	1
PRKRA	209139_s_at	0,031576306	-0,624247922	2	179004395	179024110	-1
DFNB59	NA	NA	NA	2	179026351	179034310	1
TIPRL	214773_x_at	0,89665786	0,087281552	1	166414795	166437976	1
RRAS	212647_at	0,141107902	0,482710758	19	54830364	54835212	-1
C22orf28	200042_at	0,692679795	-0,108426388	22	31113569	31138235	-1
PDCD5	NA	NA	NA	19	37763944	37770171	1
WDR16	NA	NA	NA	17	9420669	9487501	1
PRPF38B	218040_at	0,180482636	-0,37697489	1	109036661	109045686	1
MUTED	NA	NA	NA	6	7959213	8009646	-1
CCDC85B	204609_at	0,107791377	0,184952659	11	65414451	65415682	1
ENPP5	NA	NA	NA	6	46235721	46246676	-1
GSPT1	201912_s_at	0,216393876	-0,379280632	16	11874040	11917309	-1
WARS	200629_at	0,454041122	0,446759576	14	99869878	99911680	-1
SAT2	NA	NA	NA	17	7470281	7471889	-1
UBE2L3	200682_s_at	0,640733757	0,259026254	22	20251957	20308323	1
COG1	NA	NA	NA	17	68700768	68716241	1
DEM1	219567_s_at	0,426357311	-0,134168397	1	40747020	40754815	1
BCAS2	203053_at	0,056339295	-0,605653032	1	114911701	114925788	-1
MVP	202180_s_at	0,013337739	1,05383265	16	29739289	29766842	1
VASP	202205_at	0,378545791	-0,238450752	19	50702528	50722081	1
SLC25A6	212826_s_at	0,638788924	-0,215087803	X	1465045	1470998	-1
MGLL	211026_s_at	0,223921354	-0,918112005	3	128890599	129024391	-1
ZNF585B	NA	NA	NA	19	42367562	42393293	-1
LPAR5	NA	NA	NA	12	6598262	6615548	-1
GPR107	211979_at	0,194193836	0,164189183	9	131855857	131942264	1

BATF	205965_at	0,682150659	-0,301856729	14	75058537	75083086	1
ACSF2	218844_at	0,388206344	0,2043143	17	45858518	45907199	1
UPRT	NA	NA	NA X		74410686	74441159	1
KIAA1524	NA	NA	NA	3	109752094	109790980	-1
MRPS34	218112_at	0,8970504	0,024966606	16	1761897	1763141	-1
MRPL21	NA	NA	NA	11	68415322	68427879	-1
INSIG2	209566_at	0,785972754	-0,08851382	2	118562520	118584067	1
ZNF684	NA	NA	NA	1	40769820	40786425	1
SGSM2	212319_at	0,134935545	-0,475180778	17	2187556	2231098	1
ZNF616	NA	NA	NA	19	57309465	57335003	-1
TBC1D15	218268_at	0,78903859	0,183058775	12	70519806	70604364	1
P2RX5	210448_s_at	0,082312352	-1,255800839	17	3523270	3546332	-1
YWHAE	210996_s_at	0,05441915	-0,743330019	17	1194590	1250267	-1
PARP3	209940_at	0,020640401	0,540615831	3	51951401	51957923	1
GPSM2	221922_at	0,152163884	-0,821917451	1	109221350	109274546	1
PKNOX1	221883_at	0,535740901	-0,202712052	21	43267712	43326757	1
C1orf91	NA	NA	NA	1	32454385	32460513	-1
PTPLAD1	217777_s_at	0,465642807	0,470546255	15	63596687	63657746	1
SEC11A	216274_s_at	0,001003303	1,049255027	15	83013779	83060678	-1
STXBP5	NA	NA	NA	6	147566565	147748588	1
BLOC1S1	202592_at	0,021637808	-0,409340279	12	54396088	54399751	1
TMC6	214958_s_at	0,518488677	-0,146229865	17	73620594	73640083	-1
SUGT1	NA	NA	NA	13	52125002	52160434	1
RABGEF1	218310_at	0,092833922	-0,454244584	7	65843078	65913886	1
KIAA1958	NA	NA	NA	9	114289069	114462527	1
TUBB3	NA	NA	NA	16	88517246	88530006	1
TATDN3	NA	NA	NA	1	211031808	211056591	1
CCDC50	NA	NA	NA	3	192529568	192592658	1
PPFIBP1	214374_s_at	0,335594443	0,132631441	12	27568312	27739763	1
TMEM109	201361_at	0,035723166	0,628429994	11	60438253	60447491	1
PTAR1	NA	NA	NA	9	71514258	71564696	-1
ZFR	201857_at	0,007136399	-0,98249556	5	32390213	32480601	-1
NR2C2	206038_s_at	0,259983372	0,147996081	3	14964240	15065784	1

C13orf3	NA	NA	NA	13	20625734	20648710	-1
ITSN2	209907_s_at	0,010276617	-0,873150413	2	24279239	24436881	-1
C2CD2	212875_s_at	0,96396169	-0,03162901	21	42178288	42219868	-1
ARAP2	213618_at	0,552584798	-0,119800857	4	35744017	35922374	-1
DNAL1	NA	NA	NA	14	73181455	73232950	1
RRP9	204133_at	0,598403968	0,225357368	3	51942486	51950962	-1
WDR43	214662_at	0,016229133	-0,699328839	2	28971037	29024584	1
TTC26	219758_at	0,496470269	0,174216372	7	138469064	138525086	1
PLRG1	NA	NA	NA	4	155677112	155690973	-1
STARD6	NA	NA	NA	18	50105060	50134941	-1
C1orf85	NA	NA	NA	1	154529108	154532073	-1
RNF135	NA	NA	NA	17	26322082	26351053	1
TTLL1	205652_s_at	0,498890584	0,12812209	22	41765589	41815373	-1
CTBS	218923_at	0,281469752	0,210560916	1	84792810	84812686	-1
CYS1	NA	NA	NA	2	10116317	10137989	-1
PLAGL2	202925_s_at	0,046258024	-0,504588579	20	30243968	30259207	-1
MTMR6	214429_at	0,487801809	-0,262268378	13	24718339	24759704	-1
C22orf32	NA	NA	NA	22	40805645	40810234	1
MAF1	NA	NA	NA	8	145231293	145234503	1
C9orf5	215390_at	0,441386499	-0,150154642	9	110817236	110922046	-1
FUBP3	212824_at	0,067700835	-0,644344061	9	132444781	132503560	1
LARP7	212785_s_at	0,217112413	-0,537474001	4	113778061	113798191	1
MCM9	NA	NA	NA	6	119273461	119298002	-1
C2orf18	219783_at	0,058587873	0,274031701	2	26840646	26857603	1
FAM133B	NA	NA	NA	7	92028008	92057642	-1
ZNF35	206096_at	0,484943577	0,110617708	3	44665237	44677287	1
ZNF296	NA	NA	NA	19	50266598	50271528	-1
USP48	220079_s_at	0,030228888	-0,687427139	1	21877378	21982275	-1
DONSON	221677_s_at	0,15406795	-0,440104199	21	33872081	33882884	-1
EXOC7	212035_s_at	0,443379627	0,152283658	17	71588682	71611451	-1
C16orf87	NA	NA	NA	16	45393460	45422575	-1
FAM114A2	218588_s_at	0,949697128	0,012937263	5	153351456	153398690	-1
WDR61	215156_at	0,449047362	0,147114782	15	76362632	76378995	-1

MAP3K14	205192_at	0,068251541	1,977100504	17	40696271	40750197	-1
TRIP4	203732_at	0,987906089	0,009741883	15	62467073	62534555	1
C4orf21	NA	NA	NA	4	113730235	113777505	-1
C2orf44	219120_at	0,206253758	-0,36343575	2	24105747	24123727	-1
TSG101	201758_at	0,318754889	-0,263565186	11	18458434	18505065	-1
GTF2H2B	NA	NA	NA	5	69746972	69779641	1
EME1	NA	NA	NA	17	45805589	45813817	1
C14orf104	219166_at	0,989407871	0,015234259	14	49161642	49171698	-1
WDR55	222114_x_at	0,894244184	-0,025791509	5	140024568	140030737	1
EPRS	200843_s_at	0,266417561	-0,439076702	1	218208565	218286623	-1
PIKFYVE	213111_at	0,002990139	-1,566347123	2	208839236	208931720	1
CKAP5	212832_s_at	0,027992101	-0,474880596	11	46721660	46824419	-1
TTRAP	202266_at	0,104053187	-0,576981185	6	24758184	24775094	-1
ST8SIA4	206925_at	0,004329021	0,6439739	5	100170803	100266869	-1
STRN	215287_at	0,19394601	-0,198200324	2	36928976	37047119	-1
SLCO3A1	210542_s_at	0,331753135	0,164464365	15	90197950	90507783	1
IMMP1L	NA	NA	NA	11	31410525	31487745	-1
VGLL4	212399_s_at	0,085713422	-0,864886843	3	11572544	11737037	-1
THADA	220212_s_at	0,108506012	-0,340895531	2	43311479	43676617	-1
ARHGAP9	NA	NA	NA	12	56152305	56157995	-1
C4B	NA	NA	NA	6	32057813	32078435	1
FAM76B	NA	NA	NA	11	95141754	95162602	-1
PSMB9	204279_at	0,975757715	0,033586489	6	32929916	32935606	1
SMNDC1	200071_at	0,130630163	-0,594836394	10	112042788	112054687	-1
AP1G2	201613_s_at	0,18244447	-0,592764962	14	23098616	23107119	-1
LEO1	NA	NA	NA	15	50017514	50051250	-1
SLC25A25	NA	NA	NA	9	129870300	129911345	1
NXPH4	221967_at	0,354239378	-0,472367196	12	55896845	55906493	1
DOCK9	215237_at	0,397911277	0,109613225	13	98243745	98536661	-1
ACOT13	204565_at	0,994759003	0,00693686	6	24775254	24809921	1
NRL	206597_at	0,312625298	0,122270764	14	23619156	23623672	-1
ZNF181	NA	NA	NA	19	39916933	39925613	1
CDH29	NA	NA	NA	3	49810669	49812272	-1

DZIP3	213186_at	0,535391849	-0,491429643	3	109791274	109896383	1
CKAP2L	NA	NA	NA	2	113211915	113238657	-1
ECH1	NA	NA	NA	19	43997902	44014337	-1
AMMECR1L	NA	NA	NA	2	128335674	128358904	-1
ARHGAP22	206298_at	0,631428665	0,105489405	10	49324085	49483144	-1
EIF4E	201436_at	0,115602034	-1,328871568	4	100020235	100070139	-1
C20orf11	218448_at	0,061950093	-0,357306348	20	61039886	61050272	1
MED8	213126_at	0,097206149	0,421390336	1	43622175	43628070	-1
ATP6V0B	200078_s_at	0,98248753	-0,01008061	1	44213189	44216559	1
TNFRSF14	209354_at	0,355627062	0,263615291	1	2479150	2486613	-1
NHEDC2	NA	NA	NA	4	104166795	104217379	-1
SLC30A9	202614_at	0,157872243	-0,305802271	4	41687280	41784308	1
BBS10	219487_at	0,176415466	-0,260426875	12	75262397	75266353	-1
TAGAP	NA	NA	NA	6	159376012	159386172	-1
CBFA2T3	208056_s_at	0,301140074	-0,9565002	16	87468768	87535109	-1
ACAD9	NA	NA	NA	3	130081144	130114647	1
RPS6KA5	204635_at	0,192338012	-0,160242479	14	90406912	90596746	-1
EIF3I	208756_at	0,740174814	-0,086707223	1	32460558	32469792	1
PSME4	212219_at	0,036289119	-0,661150619	2	53945075	54051354	-1
SLC7A6	203578_s_at	0,052699385	-0,383343327	16	66855924	66893223	1
RINL	NA	NA	NA	19	44050310	44060734	-1
ST6GAL1	201998_at	7,81E-05	-2,155042715	3	188131210	188279035	1
RAVER1	NA	NA	NA	19	10287888	10305314	-1
DBT	211196_at	0,231501393	0,316833057	1	100425066	100487997	-1
KPNA2	201088_at	0,032847172	-0,597776827	17	63462310	63473432	1
ARID5B	212614_at	0,516444413	-0,611097869	10	63331449	63526709	1
CLEC2D	220132_s_at	0,001101727	-1,329227014	12	9713576	9743306	1
C11orf60	218483_s_at	0,803317727	0,07330276	11	117920468	117941960	-1
UBA2	201177_s_at	0,044344356	-0,858581513	19	39611108	39652638	1
NVL	207877_s_at	0,365815322	-0,33328602	1	222481659	222584495	-1
C1orf84	NA	NA	NA	1	43628143	43645152	1
DPH2	204514_at	0,994392299	0,002601361	1	44208240	44211630	1
PHB	200658_s_at	0,129930164	-0,545416677	17	44836419	44847241	-1

MYLPF	205163_at	0,552584798	0,110196905	16	30293624	30296811	1
SUCLG1	217874_at	0,947563198	0,018997314	2	84504163	84540097	-1
XPNPEP3	220020_at	0,72093631	-0,060696324	22	39583040	39653829	1
SLC12A6	220740_s_at	0,960738761	0,015449552	15	32309489	32417253	-1
NME3	204862_s_at	0,201901292	0,663939095	16	1760322	1761711	-1
RBBP9	221440_s_at	0,248423465	0,218100548	20	18415184	18425887	-1
EXD1	NA	NA	NA	15	39262218	39310187	-1
ST13	207040_s_at	0,075713588	-0,450432669	22	39550545	39582633	-1
ZNF644	NA	NA	NA	1	91153443	91259618	-1
LRP8	208433_s_at	0,507050549	-0,144680393	1	53483800	53566409	-1
CNTROB	NA	NA	NA	17	7776262	7793621	1
HAT1	203138_at	0,023270981	-0,846352476	2	172487204	172556846	1
POFUT1	212349_at	0,17468731	0,272220635	20	30259357	30290128	1
KIAA1033	212795_at	0,02771987	-0,677961779	12	104025622	104087038	1
VPRBP	204376_at	0,67027929	-0,115923123	3	51408338	51509041	-1
ZNF846	NA	NA	NA	19	9729151	9740410	-1
CXXC5	NA	NA	NA	5	139008485	139042864	1
DPAGT1	209509_s_at	0,064445891	0,627917567	11	118472423	118477995	-1
FBRS	218255_s_at	0,788058232	-0,036035597	16	30583279	30589632	1
EEF1E1	204905_s_at	0,002961732	-0,806469666	6	8024638	8047780	-1
ZNF266	214686_at	0,941263715	0,037124102	19	9384271	9407234	-1
MGRN1	212576_at	0,111834051	0,256009482	16	4614854	4680974	1
TJP2	202085_at	0,67725373	-0,690999454	9	70978909	71059940	1
RAD1	204461_x_at	0,058621147	-0,861993031	5	34941122	34954139	-1
CCNI	208655_at	0,197604096	-0,627749177	4	78188189	78216149	-1
WDR41	218055_s_at	0,028260044	-0,677165585	5	76763825	76824088	-1
TCP1	208778_s_at	0,001765517	-1,365340856	6	160119520	160130725	-1
MRPL18	217907_at	0,002108884	-1,012063366	6	160131488	160139451	1
CDC14A	210440_s_at	0,084933425	0,273653863	1	100590611	100758421	1
ZNF587	219981_x_at	0,993618016	0,002374717	19	63053081	63068299	1
TYMP	204858_s_at	0,155680615	0,528564947	22	49311047	49315321	-1
ZNF514	NA	NA	NA	2	95177127	95188990	-1
IER5	218611_at	0,931257922	-0,070947259	1	179324261	179326602	1

B4GALT2	209413_at	0,306449359	0,235731345	1	44217453	44229427	1
FIBP	202041_s_at	0,782127192	-0,066030905	11	65407787	65412586	-1
C14orf147	213508_at	0,856608837	0,079720676	14	33971895	34001219	-1
ANKRD26	205706_s_at	0,209869224	-0,321504694	10	27333051	27429433	-1
DNAJC14	NA	NA	NA	12	54501011	54509687	-1
FAM48A	220408_x_at	0,018056487	-0,7458173	13	36481449	36531850	-1
NELL2	203413_at	0,262125853	-1,159892055	12	43188332	43556405	-1
MRPL27	NA	NA	NA	17	45800227	45805561	-1
FDFT1	208647_at	0,181865013	-1,156359757	8	11697599	11734227	1
CASP2	211140_s_at	0,365079573	-0,126898756	7	14269524	142714907	1
KIAA0391	202713_s_at	0,189821995	-0,576658491	14	34661527	34813022	1
ZNF250	213858_at	0,928317805	-0,012680658	8	146075775	146097615	-1
CCDC7	NA	NA	NA	10	32775047	32903498	1
FAM118B	NA	NA	NA	11	125586829	125637751	1
HNRNPF	201376_s_at	0,04912612	-0,503649747	10	43201071	43223305	-1
CHUK	209666_s_at	0,131585019	-0,432762879	10	101938114	101979334	-1
GCLC	202922_at	0,09133112	-0,340924803	6	53470098	53517790	-1
DCTN5	209232_s_at	0,312362931	-0,218162998	16	23560308	23588683	1
C12orf29	213701_at	0,209869224	-0,898236947	12	86953399	86968068	1
PRPF19	203103_s_at	0,139297246	-0,308679675	11	60414778	60430632	-1
NRBF2	221803_s_at	0,097571126	-0,842313148	10	64563013	64584792	1
TXLNA	212300_at	0,352025717	-0,19635861	1	32417932	32436473	1
IFT140	204792_s_at	0,439970038	0,16316591	16	1500431	1597299	-1
CRAMP1L	NA	NA	NA	16	1604902	1667910	1
ING2	205981_s_at	0,447645411	-0,371783465	4	184663214	184669243	1
DHX8	203334_at	0,390007414	-0,161060199	17	38916860	38957206	1
SLC1A1	213664_at	0,084838073	-2,557779319	9	4480444	4577469	1
HSDL2	209512_at	0,262186331	0,232470564	9	114182172	114274505	1
MED14	202610_s_at	0,041614023	-0,576377714	X	40393739	40479748	-1
NSL1	209484_s_at	0,144162546	-0,907706218	1	210966118	211031762	-1
ARL8B	217852_s_at	0,784169528	0,104832608	3	5138930	5197601	1
PDCD10	210907_s_at	0,197566485	-0,552507795	3	168884388	168935288	-1
C20orf12	219951_s_at	0,760905164	0,04024435	20	18312011	18395829	-1

PRKD2	209282_at	0,30063652	-0,456937018	19	51869413	51909417	-1
SARS2	218702_at	0,391755023	-0,239555721	19	44097746	44113376	-1
CNP	208912_s_at	0,285324302	-0,207665189	17	37372285	37383280	1
ARHGAP26	205069_s_at	0,7248035	-0,032708276	5	142130476	142588765	1
FCRL5	NA	NA	NA	1	155749791	155788934	-1
FAM82B	218549_s_at	0,11002088	-0,892604775	8	87553694	87590125	-1
CEP57	209862_s_at	0,05920218	-0,417602113	11	95163290	95205502	1
ZFP161	209724_s_at	0,198213842	-0,541600727	18	5279379	5283313	-1
ZKSCAN2	NA	NA	NA	16	25154823	25176343	-1
GALNS	206335_at	0,907848396	-0,053992832	16	87407643	87450885	-1
BNIP2	209308_s_at	0,608483345	-0,188124682	15	57742356	57768778	-1
C4orf27	218646_at	0,135765942	-0,464281929	4	170887194	170915668	-1
PDLIM2	219165_at	0,522192772	-0,74889284	8	22493929	22511483	1
ETFA	201931_at	0,473459823	-0,199260436	15	74295636	74390865	-1
CHP	214665_s_at	0,313514861	-0,251592799	15	39310729	39361377	1
PPP1R13L	218849_s_at	0,223144954	0,210388487	19	50574736	50600129	-1
NAT9	204382_at	0,556846873	-0,212031338	17	70278281	70284065	-1
MR1	207565_s_at	0,029763561	0,7652107	1	179269762	179291256	1
STX7	212632_at	2,72E-05	-2,711825066	6	132822848	132875859	-1
GLO1	200681_at	0,744075094	-0,139786124	6	38751679	38778930	-1
ATP2A1	205444_at	0,735593213	-0,052998859	16	28797310	28823331	1
TRPM2	205708_s_at	0,03009954	0,765153903	21	44597912	44687392	1
ATXN7L3	NA	NA	NA	17	39624699	39631055	-1
SLC35C2	219447_s_at	0,024187895	0,460848512	20	44411584	44426471	-1
C3orf54	NA	NA	NA	3	49815691	49817467	1
PNLDC1	NA	NA	NA	6	160141291	160161725	1
MRM1	219967_at	0,802760935	0,045291028	17	32032138	32039520	1
SYNGR4	206719_at	0,215448039	0,230040639	19	53559469	53571446	1
CYC1	201066_at	0,312157186	0,224350052	8	145221948	145224416	1
MTPN	NA	NA	NA	7	135262049	135312604	-1
NDUFA5	201304_at	0,674771919	0,346583177	7	122968319	122985194	-1
KCNAB3	221413_at	0,247623478	-0,162285037	17	7766752	7773478	-1
CNDP2	217752_s_at	0,519966895	-0,561172334	18	70314577	70339336	1

EDC4	202496_at	0,834533582	-0,045569382	16	66464500	66475907	1
NOLC1	211951_at	0,322606333	-0,171424557	10	103901923	103913617	1
EIF3D	200005_at	0,147198685	-0,371363733	22	35236843	35255223	-1
PMS2	209805_at	0,00563197	-0,711125363	7	5979396	6015263	-1
PALB2	219530_at	0,718811531	-0,102082109	16	23521984	23560179	-1
CHI3L2	213060_s_at	0,32009992	-1,650507312	1	111573856	111587585	1
SMARCB1	212167_s_at	0,005455624	-1,096035719	22	22459150	22506705	1
TMEM143	219589_s_at	0,730303852	0,057946357	19	53527428	53558998	-1
TRAPPC2L	218354_at	0,934351824	-0,041626055	16	87451007	87455021	1
UTY	210322_x_at	0,514115529	-0,091096496	Y	13869657	14101944	-1
UBXN7	217100_s_at	0,568764805	-0,30991795	3	197564758	197643742	-1
PFKM	210976_s_at	0,552596713	-0,266870549	12	46802817	46826154	1
PTPN11	212610_at	0,004577631	-0,582697541	12	111340919	111432100	1
SLC1A3	202800_at	0,735593213	0,057409141	5	36642446	36724191	1
FKBPL	219187_at	0,640969313	-0,129728685	6	32204462	32206045	-1
POLG	217636_at	0,202529526	0,126547096	15	87660554	87679030	-1
POM121	213360_s_at	0,486442469	-0,183762255	7	71987872	72056774	1
SDAD1	218607_s_at	0,357876264	0,257800033	4	77090092	77131137	-1
ZNF768	218916_at	0,04340164	0,47008661	16	30442823	30445411	-1
SLC4A2	202111_at	0,194452318	0,332435657	7	150387590	150404547	1
PPIH	204228_at	0,177535719	-0,329618056	1	42896635	42915016	1
ABI1	209027_s_at	0,000883616	-1,100063017	10	27075531	27189965	-1
CALM3	NA	NA	NA	19	51796352	51805879	1
SLC39A11	NA	NA	NA	17	68153683	68600427	-1
MGAT1	201126_s_at	0,186655382	0,401280433	5	180150149	180162654	-1
GPR18	210279_at	0,021448295	-3,291672814	13	98704968	98708683	-1
VPS25	NA	NA	NA	17	38178980	38185143	1
FAM167A	NA	NA	NA	8	11316382	11361663	-1
CD320	218529_at	0,008561074	1,217702382	19	8273011	8279239	-1
GOLSYN	218692_at	0,222533207	-1,16410513	8	110655581	110724595	-1
NP	201695_s_at	0,297026732	-0,430614578	14	20007382	20015088	1
IQCG	221185_s_at	0,170848769	0,416869508	3	199100345	199171271	-1
DFFA	203277_at	0,052325757	-0,433703325	1	10443175	10455200	-1

PGM1	201968_s_at	0,910650335	-0,085721485	1	63831535	63898504	1
PIAS1	217864_s_at	0,090109033	-0,379702808	15	66133626	66267467	1
CLNS1A	209143_s_at	0,280003622	-0,272326216	11	77004847	77026495	-1
PTPN7	204852_s_at	0,000422762	-0,948412603	1	200382766	200396374	-1
TECPR2	204308_s_at	0,036468058	0,302313161	14	101899131	102038570	1
ARMC9	219637_at	0,206057352	-0,275706134	2	231771586	231918158	1
LXN	218729_at	0,351706734	-0,879995995	3	159866900	159873176	-1
ARL10	NA	NA	NA	5	175725108	175733109	1
THG1L	219122_s_at	0,046098609	-0,779351295	5	157090901	157099350	1
TBC1D10B	220947_s_at	0,212865933	-0,258196828	16	30275924	30288402	-1
BUD13	NA	NA	NA	11	116124099	116148914	-1
ERI1	NA	NA	NA	8	8897860	8925899	1
PGK1	200738_s_at	0,183371669	-0,251503901	X	77246425	77268980	1
EID2B	NA	NA	NA	19	44713470	44715334	-1
P2RX3	208338_at	0,394394047	0,19524653	11	56862525	56894125	1
TIGD6	220986_s_at	0,522224605	0,079503144	5	149352874	149360410	-1
CD69	209795_at	0,438338579	-0,683082158	12	9796349	9804764	-1
RBM25	212027_at	0,175002358	-0,730968633	14	72595021	72657745	1
BXDC2	219177_at	0,043890979	-0,556856543	5	34951577	34961544	1
TAF8	NA	NA	NA	6	42126229	42156622	1
ARRDC5	NA	NA	NA	19	4841449	4853879	-1
C12orf26	NA	NA	NA	12	81276455	81397076	1
TRAPPC1	NA	NA	NA	17	7774392	7775988	-1
CDK5	204247_s_at	0,499159724	0,219951635	7	150381832	150385929	-1
RFC3	204127_at	0,008524338	-1,721866364	13	33290206	33438695	1
YARS	212048_s_at	0,102674771	-0,470316391	1	33013427	33056220	-1
PPCDC	219066_at	0,80635038	-0,118900331	15	73102980	73130120	1
GIGYF1	NA	NA	NA	7	100115066	100124806	-1
KLHDC4	221219_s_at	0,979316685	-0,015882594	16	86298919	86357043	-1
FAM122A	NA	NA	NA	9	70584784	70588429	1
RP5-1000E10	221705_s_at	0,558328775	-0,154386062	1	115113623	115124831	-1
POLR3F	205218_at	0,969582633	-0,007078306	20	18396033	18413287	1
CMTM6	217947_at	0,816499266	0,153582652	3	32497808	32519407	-1

ZMPSTE24	202939_at	0,025503964	0,713309819	1	40496320	40532443	1
ZNF747	206180_x_at	0,661085176	0,07150916	16	30450280	30453695	-1
WDR77	201421_s_at	0,007873376	-0,962180757	1	111784035	111793353	-1
CHM	207099_s_at	0,946035131	-0,015345073	X	85002841	85189222	-1
RAB3A	204974_at	0,693711978	0,105803522	19	18168611	18175839	-1
SMARCD2	201827_at	0,002657236	-0,677982777	17	59263173	59274083	-1
CCBP2	206887_at	0,618021126	0,114206841	3	42825968	42883779	1
MLL3	NA	NA	NA	7	151462943	151764023	-1
TWF1	201745_at	0,002214517	-1,584739072	12	42473793	42486445	-1
ZFYVE19	NA	NA	NA	15	38886566	38894059	1
CSDE1	202646_s_at	0,091675738	-0,356272611	1	115061060	115102147	-1
EBNA1BP2	201323_at	0,499995784	-0,167419941	1	43402442	43410518	-1
PQBP1	207769_s_at	0,644759966	0,187740574	X	48640139	48645364	1
OGG1	205301_s_at	0,185485203	-0,512645784	3	9766654	9783316	1
FAM3C	201889_at	0,85682364	0,084723502	7	120776141	120823658	-1
HAUS5	213053_at	0,536015688	-0,100922665	19	40795486	40808091	1
VPREB1	221349_at	0,362194679	-1,261882531	22	20929200	20929926	1
GEMIN7	219085_s_at	0,289263737	0,152261947	19	50274358	50286622	1
BTBD1	217945_at	0,01777203	-0,759120632	15	81476179	81527110	-1
HTR3A	216615_s_at	0,356496806	-0,727012855	11	113351120	113366245	1
ZNF410	209944_at	0,462452817	-0,291194458	14	73423339	73468556	1
STX6	214441_at	0,413239525	0,097301372	1	179208798	179258669	-1
LAMP1	201553_s_at	0,131356455	-0,427403727	13	112999470	113025742	1
IMPAD1	218516_s_at	0,093702471	0,58690786	8	58033042	58068981	-1
GINS3	45633_at	0,003192971	-0,642142587	16	56983924	56997549	1
WDR65	NA	NA	NA	1	43410613	43449136	1
EZR	208622_s_at	0,050461777	-1,241963681	6	159106764	159159247	-1
ASB2	NA	NA	NA	14	93470266	93493520	-1
ZBTB3	NA	NA	NA	11	62275011	62278190	-1
GABARAPL2	209046_s_at	0,373395715	-0,268100236	16	74157750	74169280	1
URM1	208101_s_at	0,038572118	-0,342236267	9	130173461	130192834	1
MTCH1	221619_s_at	0,358652469	-0,543770029	6	37043895	37061927	-1
MOCS3	206141_at	0,307052143	0,350985064	20	49008770	49011227	1

PPP2R3C	218852_at	0,019986055	-1,222066165	14	34624429	34661270	-1
KIAA0415	209912_s_at	0,062258233	-0,610734022	7	4781790	4797925	1
NSD1	219084_at	0,685390082	-0,090035013	5	176493532	176655369	1
PPPDE1	222158_s_at	0,196406825	-1,0281494	1	242882975	242938958	1
TMEM222	221512_at	0,638825701	-0,103880809	1	27521223	27535478	1
PARP4	202239_at	0,748148881	-0,1186365	13	23893069	23984948	-1
ZNF79	214138_at	0,700286323	0,050000234	9	129226482	129247471	1
KIAA0776	212633_at	0,055232737	-0,751387101	6	97076438	97109873	1
C1D	200056_s_at	0,032970087	-0,700186039	2	68122840	68143634	-1
NUP133	202184_s_at	0,107633759	-0,684876517	1	227643667	227710711	-1
ATP5E	217801_at	0,169341365	-0,209867054	20	57037128	57040795	-1
MAPK10	204813_at	0,361941329	-0,473154704	4	87156656	87494767	-1
RAB1A	213440_at	0,248613541	-0,236486014	2	65167493	65210793	-1
UMPS	202707_at	0,072115654	0,240400025	3	125931903	125946318	1
C1QBP	214214_s_at	0,064407193	-1,10683817	17	5276823	5283195	-1
NIP7	219031_s_at	0,270225519	-0,447472205	16	67931047	67934510	1
FBXL13	NA	NA	NA	7	102240916	102502251	-1
ARMC10	NA	NA	NA	7	102502564	102527441	1
TXN2	209078_s_at	0,243342514	-0,444892821	22	35193039	35207633	-1
CLEC17A	NA	NA	NA	19	14554896	14582951	1
MAN2C1	203668_at	0,068732111	0,589303908	15	73435186	73447994	-1
PPP1R11	201500_s_at	0,75729434	0,140717392	6	30142911	30146089	1
KIAA0101	202503_s_at	0,005174986	-0,644147289	15	62444246	62460755	-1
YOD1	215150_at	0,784608664	-0,082370283	1	205283817	205291045	-1
RRM1	201477_s_at	0,022793656	-0,983204524	11	4072500	4116682	1
LRRCC1	NA	NA	NA	8	86206629	86245567	1
EIF4H	206621_s_at	0,241818	-0,314404831	7	73226642	73249365	1
C13orf15	218723_s_at	0,000355216	-4,510451473	13	40929542	40943013	1
STX8	204690_at	0,623124061	-0,32700928	17	9094513	9420000	-1
ZNF513	NA	NA	NA	2	27453606	27457097	-1
SETD1A	213202_at	0,804346217	-0,056143756	16	30876116	30903482	1
BLCAP	201032_at	0,507879452	-0,250493563	20	35579233	35589717	-1
WDR74	221712_s_at	0,450244399	-0,26324961	11	62356960	62364204	-1

FAM43A	NA	NA	NA	3	195887911	195891055	1
SLC25A16	214140_at	0,881684369	-0,015799995	10	69912103	69957590	-1
SLA	203761_at	0,2505164	0,735978599	8	134118155	134141785	-1
NCF4	207677_s_at	0,175197097	-1,853687972	22	35586991	35604005	1
CHURC1	NA	NA	NA	14	64450893	64471666	1
NOL10	NA	NA	NA	2	10628345	10747549	-1
MUL1	218246_at	0,037327462	0,316751042	1	20698530	20707241	-1
C9orf30	NA	NA	NA	9	102229463	102253334	1
ZNF2	NA	NA	NA	2	95194910	95213792	1
ADAR	201786_s_at	0,885423257	0,087890873	1	152821157	152867061	-1
KDELR2	200699_at	0,289066061	-0,282082006	7	6467237	6490374	-1
SMPDL3A	213624_at	0,358074942	-0,292163736	6	123152123	123172564	1
COPZ1	217726_at	0,206207825	0,416735374	12	53005178	53031900	1
HMGCR	202539_s_at	0,071012518	-0,720399633	5	74668855	74693681	1
C19orf28	220178_at	0,952610786	0,043742348	19	3489263	3508571	-1
TRUB1	NA	NA	NA	10	116687942	116727429	1
LRCH1	214936_at	0,760071319	0,040415012	13	46025304	46215731	1
DCK	203302_at	0,035758195	-1,735809565	4	72078256	72115477	1
S1PR4	206437_at	0,962688394	0,021689658	19	3129766	3131330	1
IMMT	200955_at	0,164612807	-0,332480415	2	86224566	86276404	-1
TMEM186	204676_at	0,213662091	0,289017737	16	8796822	8798991	-1
SLC43A1	204394_at	0,101544293	-0,293671592	11	57008583	57039735	-1
ANAPC2	218555_at	0,866048696	-0,030304564	9	139189057	139202878	-1
HGS	210428_s_at	0,663397691	0,118370423	17	77261425	77279553	1
SNW1	215424_s_at	0,059035894	-0,514798352	14	77253695	77297250	-1
TNFRSF1A	207643_s_at	0,493264118	0,243908764	12	6308184	6321522	-1
DDX1	201241_at	0,123452963	-0,269761392	2	15649221	15688676	1
ZFYVE27	NA	NA	NA	10	99486875	99510642	1
ZC3H7A	218348_s_at	0,078352411	-0,743828531	16	11751943	11783909	-1
AKR1A1	201900_s_at	0,083579297	-0,629991993	1	45789085	45808308	1
ARL11	NA	NA	NA	13	49100625	49105732	1
ROCK2	202762_at	0,015593687	-1,172842586	2	11239229	11402162	-1
MED4	217843_s_at	0,021863297	-1,112810869	13	47548093	47567241	-1

GCET2	NA	NA	NA	3	113322378	113334807	-1
RNF166	NA	NA	NA	16	87290410	87300301	-1
CD3EAP	205264_at	0,402669173	-0,21672361	19	50601307	50605864	1
MORF4L1	221381_s_at	0,096260148	-0,620610498	15	76952227	76977130	1
FAM148A	NA	NA	NA	15	60146468	60150408	1
SFRS9	201698_s_at	0,015462264	-0,292239242	12	119383854	119391941	-1
DIS3L	NA	NA	NA	15	64372714	64413290	1
FAM98B	NA	NA	NA	15	36533620	36564355	1
RABGAP1	213313_at	0,030442975	-1,160336446	9	124743138	124906531	1
C12orf44	218214_at	0,546716874	-0,254700664	12	50750025	50757546	1
HES3	NA	NA	NA	1	6226849	6228225	1
G3BP2	208841_s_at	0,566170892	-0,183487107	4	76786990	76817342	-1
SFN	33323_r_at	0,11852145	0,318143186	1	27062220	27063534	1
MRPL53	NA	NA	NA	2	74552617	74553435	-1
TOX	204529_s_at	0,23692983	-2,131268384	8	59880531	60194321	-1
CD2BP2	202256_at	0,354384401	-0,250569054	16	30271669	30274128	-1
FAM54B	NA	NA	NA	1	26019906	26032020	1
MAN1B1	65884_at	0,040070611	0,576228615	9	139101200	139123460	1
SSRP1	200957_s_at	0,004296747	-0,548530033	11	56850035	56859927	-1
NINJ2	219594_at	0,512049512	-0,84971192	12	543723	643016	-1
BCL3	204908_s_at	0,688386462	-0,283939256	19	49943820	49955141	1
TRIM27	212116_at	0,054033864	-0,44984838	6	28978758	28999747	-1
ARCN1	201176_s_at	0,53245238	0,157116916	11	117948321	117978855	1
MRPL48	218281_at	0,180007614	-0,374253489	11	73176009	73253304	1
C14orf178	NA	NA	NA	14	77296646	77305838	1
DEDD2	NA	NA	NA	19	47394592	47413653	-1
DCP1A	218508_at	0,22610668	0,296237571	3	53292489	53356677	-1
DPP3	218567_x_at	0,184987748	-0,226568599	11	66004456	66033706	1
DDX55	NA	NA	NA	12	122652625	122671435	1
C16orf80	217957_at	0,157013672	-0,546746686	16	56704997	56720797	-1
TMEM41B	212623_at	0,604778248	0,230250653	11	9258777	9292872	-1
TSN	201513_at	0,022590989	-0,924610022	2	122229591	122241899	1
SIL1	218436_at	0,010244554	0,904615519	5	138310308	138561964	-1

ZNF526	NA	NA	NA	19	47416332	47424193	1
MAP3K12	205447_s_at	0,36673037	0,180422302	12	52160547	52179538	-1
ZNF397	NA	NA	NA	18	31075017	31092357	1
SORBS2	220858_at	0,477694466	0,121632989	4	186743592	186970386	-1
XPO5	NA	NA	NA	6	43598050	43651642	-1
POLH	219380_x_at	0,670313774	-0,07410572	6	43651923	43691357	1
MRPS12	204330_s_at	0,472047356	-0,151499196	19	44113188	44115500	1
BTA1F1	209430_at	0,01547186	-0,935975958	10	93673716	93780062	1
SLC6A6	205920_at	0,525205214	0,23087137	3	14419110	14505861	1
MRPL20	220526_s_at	0,376283929	-0,229016961	1	1327159	1332524	-1
HMHA1	212873_at	0,258168545	-0,436067248	19	1018174	1037627	1
NUPL2	204003_s_at	0,342241144	-0,311645318	7	23188011	23207155	1
OLA1	219293_s_at	0,134754356	-0,714282668	2	174645421	174821611	-1
SFRS6	208804_s_at	0,54031715	-0,19893701	20	41519932	41525655	1
DOCK8	NA	NA	NA	9	263048	455255	1
DIDO1	213213_at	0,479219732	-0,242433265	20	60979535	61039719	-1
LPHN1	47560_at	0,05441915	0,33402694	19	14119549	14177997	-1
PMM2	203201_at	0,214680947	0,290097067	16	8799193	8850684	1
NPC1	202679_at	0,197742754	-0,548473716	18	19365461	19420468	-1
C1orf128	NA	NA	NA	1	23977470	23987309	1
DICER1	212888_at	0,065969617	-1,092387409	14	94622319	94693512	-1
ANKMY2	212798_s_at	0,769322446	0,252099135	7	16605937	16651923	-1
RBCK1	207713_s_at	0,415839972	-0,149638194	20	336709	359610	1
ZNF238	212774_at	0,398993672	-0,640131908	1	242281184	242287401	1
POLR2H	209302_at	0,519203997	0,201329306	3	185563888	185569057	1
ITPR1	203710_at	0,047290026	-0,666297814	3	4510034	4864286	1
PRPSAP2	203537_at	0,212812253	-0,766464339	17	18702217	18775305	1
CCDC90B	218288_s_at	0,025232978	-0,577598341	11	82650150	82675025	-1
NT5C2	209155_s_at	0,013925675	-0,762630538	10	104837902	104943006	-1
ZNF428	215429_s_at	0,907848396	-0,050465507	19	48803216	48815846	-1
INTS7	222250_s_at	0,256896223	-0,281767637	1	210181321	210275507	-1
C13orf1	214668_at	0,318557788	-0,269077453	13	49384843	49408477	-1
LIN7C	221568_s_at	0,033342604	-0,589331199	11	27472699	27484879	-1

DPM1	202673_at	0,601563729	-0,107071235	20	48984812	49008467	-1
TIAM1	213135_at	0,448706238	-0,782298908	21	31412607	31853161	-1
PDCD6	203415_at	0,039463021	-0,570557725	5	324736	368089	1
ANAPC1	218575_at	0,013344907	-0,872416933	2	112243109	112358212	-1
HIGD1A	217845_x_at	0,568434765	0,513805859	3	42799404	42820938	-1
ZSWIM3	NA	NA	NA	20	43919669	43941177	1
METTL5	221570_s_at	0,062495038	-0,526295412	2	170376513	170389599	-1
S100PBP	218370_s_at	0,808925535	-0,113175945	1	33055763	33097063	1
COX6A1	200925_at	0,523878959	0,102202611	12	119360287	119362915	1
BZW2	217809_at	0,281883725	-0,345512007	7	16652284	16712672	1
EIF2AK3	218696_at	0,792280458	0,194493697	2	88637374	88708109	-1
ARFGEF1	202956_at	0,443089416	-0,355559826	8	68272451	68418466	-1
PGAM1	NA	NA	NA	10	99176017	99183188	1
MDH2	209036_s_at	0,718498209	-0,048362223	7	75515329	75533867	1
GTF3C6	NA	NA	NA	6	111386456	111395775	1
RASGEF1B	NA	NA	NA	4	82567243	82612085	-1
ST14	216905_s_at	0,000148968	-2,244621055	11	129534892	129585467	1
PIP4K2B	201080_at	0,269099322	-0,212087859	17	34175470	34209684	-1
MRPS25	NA	NA	NA	3	15065023	15081820	-1
SERF1B	219982_s_at	0,487455832	0,214953198	5	69356852	69374696	1
ARL16	NA	NA	NA	17	77258629	77261359	-1
UHRF1	NA	NA	NA	19	4861566	4913165	1
EGR2	NA	NA	NA	10	64241763	64246133	-1
ABCB9	207321_s_at	0,487950368	0,179814732	12	121979492	122025705	-1
RMND5B	218262_at	0,50516391	-0,244679562	5	177490634	177508085	1
WDR32	219001_s_at	0,463285573	-0,235347875	9	37790790	37857666	1
HEATR5B	NA	NA	NA	2	37061657	37164989	-1
ZMAT3	219628_at	0,362994467	-0,339520498	3	180224196	180272278	-1
TSKS	220545_s_at	0,080687894	0,219587868	19	54934823	54958327	-1
AIP	201782_s_at	0,07314717	-0,523371496	11	67007097	67015150	1
PFDN6	222029_x_at	0,808925535	-0,091674312	6	33365356	33366689	1
PARD6A	205245_at	0,429930827	0,177889092	16	66252352	66254182	1
DNAJC17	219861_at	0,693148074	-0,148571348	15	38847363	38886947	-1

RPS7	200082_s_at	0,062672578	-0,423902963	2	3600728	3606384	1
C16orf55	NA	NA	NA	16	88251711	88265176	1
SNAP29	218327_s_at	0,582526636	0,130667994	22	19543292	19574109	1
EIF5B	201027_s_at	0,001356794	-1,19985981	2	99320266	99383160	1
KCNAB2	203402_at	0,064030171	0,348198299	1	6008967	6083110	1
FADS2	202218_s_at	0,614609816	-0,381813127	11	61352289	61391401	1
LSMD1	NA	NA	NA	17	7700728	7701897	-1
NDUFB6	203613_s_at	0,225657795	-0,322933121	9	32543523	32563182	-1
TMEM135	222209_s_at	0,67333172	-0,166129508	11	86426713	86712220	1
GNG5	207157_s_at	0,599211841	-0,254566923	1	84736680	84744831	-1
ITGB7	205718_at	0,306777087	1,27133237	12	51871374	51887267	-1
PRDX5	NA	NA	NA	11	63842145	63845859	1
CCDC75	NA	NA	NA	2	37165165	37177206	1
RAN	200749_at	0,001657639	-0,969283803	12	129922521	129927316	1
HSPC152	217774_s_at	0,340670681	-0,267532383	11	63840739	63841609	-1
ICMT	201609_x_at	0,601300033	0,21393323	1	6203840	6218631	-1
CRIPT	218643_s_at	0,69148977	0,14317979	2	46697812	46705690	1
DIAPH3	220997_s_at	0,877448776	-0,04210827	13	59137718	59636120	-1
METTL14	NA	NA	NA	4	119826022	119851538	1
CDC23	202892_at	0,499159724	-0,246727836	5	137551236	137576931	-1
ZNF70	NA	NA	NA	22	22413772	22423279	-1
CLCN2	213499_at	0,01609167	0,513473062	3	185547034	185562085	-1
IKBKE	214398_s_at	0,687871898	0,125616136	1	204710419	204736845	1
CCDC84	NA	NA	NA	11	118374062	118391665	1
KIAA1328	NA	NA	NA	18	32663078	33059286	1
MAP3K11	203652_at	0,874424333	0,029459728	11	65121802	65138296	-1
PIGN	219048_at	0,585217719	-0,209800866	18	57862437	58005269	-1
XPNPEP1	208453_s_at	0,020018782	-1,191809991	10	111614514	111673192	-1
MOCS2	218212_s_at	0,038493198	-0,514045479	5	52429649	52441082	-1
LOC126661	NA	NA	NA	1	45733168	45738233	-1
CDC37L1	219343_at	0,634092365	-0,104965731	9	4669566	4696594	1
AASDHPPT	202170_s_at	0,558198494	-0,258261049	11	105453502	105474629	1
TCTN3	212121_at	0,009545933	0,680851111	10	97413163	97443890	-1

ACOT8	204212_at	0,772906066	-0,050727298	20	43903768	43919442	-1
KIAA1219	221738_at	0,48464053	-0,126597389	20	36534900	36640918	1
POLR2A	202725_at	0,045160182	-0,616679844	17	7328422	7358653	1
C16orf84	NA	NA	NA	16	87300392	87309295	1
CYTA	212480_at	0,019732107	-0,654172767	22	22996866	23143221	1
ATP5F1	211755_s_at	0,248557297	-0,437353818	1	111793266	111806063	1
APOM	214910_s_at	0,749467329	-0,148623581	6	31731650	31733966	1
TRIAP1	NA	NA	NA	12	119366147	119368598	-1
UBE2G2	209041_s_at	0,7428497	0,108601312	21	45013383	45046166	-1
PHF23	NA	NA	NA	17	7079071	7083549	-1
LDHA	200650_s_at	0,174779117	-0,13082625	11	18372687	18385969	1
DHX33	NA	NA	NA	17	5286299	5312905	-1
DTL	218585_s_at	0,79708958	-0,144201739	1	210275754	210344809	1
PIGF	205078_at	0,234866672	0,54741579	2	46661917	46697755	-1
RPS4X	200933_x_at	0,748214973	0,040697662	X	71409178	71413866	-1
STX12	212111_at	0,019732139	-0,431539293	1	27972281	28023550	1
PCNXL3	NA	NA	NA	11	65140359	65161486	1
C10orf97	218297_at	0,552194153	0,114215389	10	15860181	15942525	-1
PTPN2	213137_s_at	0,325506856	-0,313799513	18	12775480	12874334	-1
MRPS35	217942_at	0,376740232	-0,377539784	12	27754996	27800495	1
STIP1	212009_s_at	0,510492603	0,452375247	11	63710163	63728596	1
C8orf37	NA	NA	NA	8	96327411	96350613	-1
BICD2	213154_s_at	0,022684942	-1,106987835	9	94513466	94566904	-1
COMMD6	NA	NA	NA	13	74997351	75009992	-1
C14orf2	210532_s_at	0,033188745	-0,413142048	14	103448380	103457619	-1
TMC8	NA	NA	NA	17	73638464	73649033	1
C21orf33	202217_at	0,564001976	0,314842446	21	44377922	44390033	1
NIT1	202891_at	0,966779548	-0,020294086	1	159354515	159357481	1
FBXO24	221157_s_at	0,611428355	0,084954661	7	100021892	100036676	1
STYXL1	218321_x_at	0,376314159	0,323561816	7	75463591	75515257	-1
NCL	200610_s_at	0,135116038	-0,271561863	2	232027703	232037449	-1
USP53	NA	NA	NA	4	120353230	120436121	1
BASP1	202391_at	0,001558335	-4,260003071	5	17270750	17329943	1

CCDC88A	221078_s_at	0,190460002	-0,7881407	2	55368482	55500467	-1
MAX	209332_s_at	0,19329735	-0,515891622	14	64542645	64638980	-1
MCRS1	202556_s_at	0,508545716	-0,210192303	12	48238352	48248178	-1
RALA	214435_x_at	0,059240251	-0,883326785	7	39629687	39714244	1
BANP	219966_x_at	0,05045667	-0,556313711	16	86542539	86668425	1
SLC5A6	204087_s_at	0,486107329	0,151436166	2	27275962	27288575	-1
DNAJA1	200880_at	0,013786195	-0,94563252	9	33015209	33029062	1
SMC5	212927_at	0,005945751	-0,52819929	9	72063698	72159609	1
TMEM55B	NA	NA	NA	14	19995852	19999477	-1
DENND4B	202860_at	0,630617223	-0,182374583	1	152168601	152185778	-1
PRCP	201494_at	0,019732139	0,848937025	11	82213057	82289205	-1
PIK3C3	204297_at	0,272663647	-0,3752526	18	37789197	37915446	1
RIOK3	202129_s_at	0,005249147	-0,817637698	18	19286785	19317099	1
TESK2	205486_at	0,962196284	0,014532797	1	45582142	45729427	-1
USP30	NA	NA	NA	12	107974774	108008570	1
BAZ1B	213336_at	0,257564077	-0,343080769	7	72492676	72574544	-1
HMBOX1	219269_at	0,071748054	0,647030317	8	28804144	28965351	1
BMP3	208244_at	0,35934977	-0,236069219	4	82171143	82197709	1
NCAPH	212949_at	0,102491505	-0,488434668	2	96365211	96405001	1
C11orf82	NA	NA	NA	11	82290417	82323349	1
SEMA6C	208100_x_at	0,135941796	0,265101173	1	149370785	149385728	-1
PIGH	209625_at	0,603451117	0,23660085	14	67125776	67136770	-1
GADD45B	207574_s_at	0,18534959	-0,379220564	19	2427135	2429257	1
SFRS14	213505_s_at	0,038493198	-0,73386036	19	18964177	19005308	-1
MPP5	219321_at	0,779649195	0,137545285	14	66777774	66872289	1
CD70	206508_at	0,353271461	0,907007996	19	6536850	6542163	-1
MRPL44	218202_x_at	0,209502779	-0,351818593	2	224530378	224540668	1
C5orf4	48030_i_at	0,092147755	0,178005561	5	154178245	154210406	-1
PDE4B	211302_s_at	0,897968983	0,075394874	1	66570381	66612850	1
GTF2A1	206521_s_at	0,39383395	0,146810186	14	80716147	80757047	-1
ZWINT	204026_s_at	0,900385333	0,030952614	10	57787205	57791040	-1
ARL3	202641_at	0,959048406	0,034676907	10	104423478	104464180	-1
OXCT1	202780_at	0,094894021	-0,976373707	5	41765924	41906548	-1

ABR	212895_s_at	0,012130736	-1,809506628	17	853509	1029881	-1
CYBASC3	NA	NA	NA	11	60872853	60886305	-1
PRPF8	200000_s_at	0,098373951	-0,851320987	17	1500673	1534926	-1
C2orf76	NA	NA	NA	2	119776490	119840728	-1
ITPKB	203723_at	0,22719027	-0,685256416	1	224886014	224991818	-1
CNOT8	202163_s_at	0,041029273	-0,893693641	5	154218391	154236545	1
DDX52	213637_at	0,019510754	-0,570922835	17	33046526	33077600	-1
CYB5D1	NA	NA	NA	17	7702038	7706325	1
NFYA	204108_at	0,057343219	-0,604491643	6	41148688	41174713	1
ACLY	201128_s_at	0,190964435	-0,26555265	17	37276705	37328798	-1
FASTKD1	219002_at	0,749649979	0,220409424	2	170094513	170138568	-1
CNOT1	200860_s_at	0,043489547	-0,437422951	16	57111356	57221251	-1
LMO2	204249_s_at	0,123369239	-2,042743123	11	33836698	33870412	-1
PRKAB1	201834_at	0,280894293	-0,532494071	12	118590144	118603812	1
CTDSPL2	NA	NA	NA	15	42506871	42606722	1
NCSTN	208759_at	0,143318714	0,351394636	1	158579687	158595366	1
DDB1	208619_at	0,234897551	-0,203315434	11	60823495	60857242	-1
AP2A1	NA	NA	NA	19	54961992	55002181	1
SFXN2	NA	NA	NA	10	104464288	104488933	1
COQ10B	219397_at	0,884368175	-0,035589835	2	198026476	198048096	1
IL23A	220054_at	0,895412436	0,040525119	12	55018930	55020461	1
MOBK13	202918_s_at	0,112673182	-0,789557114	2	198089016	198125760	1
PSMA4	203396_at	0,125141035	-0,364554229	15	76619802	76628617	1
TMEM50A	217766_s_at	0,779756333	0,109142961	1	25537398	25561439	1
MED17	221517_s_at	0,228656828	-0,534270299	11	93157053	93186144	1
SMAD2	203075_at	0,099525813	-1,041870384	18	43613464	43710924	-1
SC4MOL	209146_at	0,286577921	-0,848235865	4	166468268	166483675	1
METTL6	NA	NA	NA	3	15426381	15444046	-1
STAT6	201331_s_at	0,015890541	-1,544687724	12	55775458	55791428	-1
NCOA7	NA	NA	NA	6	126144000	126293950	1
OGT	209240_at	0,251113618	-0,314773606	X	70669658	70712465	1
MCTS1	218163_at	0,679946572	0,129789472	X	119621863	119630270	1
RPTOR	NA	NA	NA	17	76133220	76554768	1

SLC20A2	202744_at	0,46745141	-0,118468682	8	42393150	42516225	-1
PPM1G	200913_at	0,127908661	-0,367606106	2	27457565	27486000	-1
THOC5	209419_at	0,261669928	0,106028156	22	28234156	28279736	-1
TRIM56	NA	NA	NA	7	100515506	100520629	1
C6orf130	213322_at	0,440905898	-0,347828645	6	41142509	41148166	-1
SFI1	36545_s_at	0,146698344	-0,536221098	22	30222261	30344534	1
NEK9	214738_s_at	0,774386889	0,107332142	14	74620728	74663389	-1
NARS	200027_at	0,443842901	-0,181007861	18	53418889	53440175	-1
KIAA1468	NA	NA	NA	18	58005504	58125335	1
HINT1	200093_s_at	0,712803178	-0,224867076	5	130522776	130528935	-1
KEAP1	202417_at	0,32115565	0,302596272	19	10457796	10474481	-1
KIAA0141	201978_s_at	0,160045816	0,263776313	5	141283593	141299901	1
C21orf66	218515_at	0,007873376	-0,828639743	21	33028081	33066040	-1
NGRN	217722_s_at	0,689139297	-0,142384386	15	88609899	88616447	1
FAM103A1	NA	NA	NA	15	81445999	81450427	1
EIF3J	208264_s_at	0,389098327	-0,300316102	15	42616558	42642293	1
SGCE	204688_at	0,285558253	1,282097926	7	94052472	94123457	-1
PPP1CB	201409_s_at	0,142157051	-0,471161013	2	28828118	28879310	1
PIGT	217770_at	0,150140795	0,393890864	20	43478138	43488298	1
LPCAT3	202793_at	0,970218914	0,016101441	12	6955608	6996103	-1
KIF5B	201991_s_at	0,097392382	-0,811131607	10	32340077	32385221	-1
TNIP1	207196_s_at	0,576662918	-0,21738202	5	150389699	150441190	-1
DYNLL1	200703_at	0,078097062	-0,406915279	12	119392043	119420681	1
ARHGAP5	217936_at	0,353230356	0,282952195	14	31616246	31698685	1
ZBED3	NA	NA	NA	5	76408288	76418786	-1
EAF1	NA	NA	NA	3	15444068	15459124	1
IDH3B	201509_at	0,47521042	-0,188890452	20	2587041	2592843	-1
NXF1	208922_s_at	0,096292016	-0,264262914	11	62316174	62329540	-1
IQCH	220361_at	0,842253114	0,020966999	15	65334242	65580348	1
CAD	202715_at	0,014837956	-0,793519761	2	27293762	27320158	1
CTSZ	210042_s_at	0,06494604	-0,994791165	20	57003635	57015697	-1
C7orf68	218507_at	0,862359325	0,053653605	7	127883120	127885708	1
RSL24D1	217915_s_at	0,243723224	-0,212016698	15	53260804	53276523	-1

DENND1C	221080_s_at	0,199187658	-0,445470241	19	6418218	6432798	-1
OGDH	201282_at	0,365759615	-0,279995334	7	44612696	44715194	1
CHMP1A	201933_at	0,1539393	-0,336557334	16	88238344	88251630	-1
FLJ11506	202851_at	0,337430581	0,131481527	15	65280420	65334128	-1
ZNF692	220661_s_at	0,691399399	0,14196615	1	247110828	247119894	-1
RPA1	201529_s_at	0,051581397	-1,190883572	17	1680095	1748120	1
POLR2G	202306_at	0,150237131	-0,43238878	11	62285591	62290757	1
EIF4ENIF1	218626_at	0,06470581	-0,451484211	22	30165355	30215704	-1
MMACHC	211774_s_at	0,263591095	0,169525787	1	45738443	45749326	1
C7orf60	NA	NA	NA	7	112246438	112367168	-1
SRR	219204_s_at	0,319306609	-0,394346883	17	2153998	2175303	1
MARK3	202569_s_at	0,056643143	-1,141460879	14	102921524	103039921	1
QPCTL	220438_at	0,086060529	0,197345591	19	50887772	50899050	1
TNF	207113_s_at	0,378545791	-0,620927	6	31651329	31654091	1
FBXL4	209943_at	0,264042301	-0,241366924	6	99428322	99502570	-1
VPS13C	218396_at	0,011487153	-1,007248106	15	59931880	60139939	-1
C14orf156	221434_s_at	0,484189838	-0,319019982	14	77244188	77253694	1
COPA	208684_at	0,301169453	0,326917442	1	158525001	158579978	-1
RNASEH1	218497_s_at	0,304644072	0,259557916	2	3570553	3583815	-1
DAK	218688_at	0,99588523	-0,002095614	11	60857230	60872807	1
MAP4K4	206571_s_at	0,014422158	-1,789920629	2	101680920	101877584	1
ASXL1	212238_at	0,100100206	-0,48459244	20	30409814	30490783	1
UHRF1BP1	NA	NA	NA	6	34867772	34953269	1
ILKAP	221548_s_at	0,114956353	-0,440952506	2	238743782	238777063	-1
TLN1	203254_s_at	0,060722675	-1,080738587	9	35687334	35722128	-1
IRF9	203882_at	0,736475003	-0,151071584	14	23700262	23705614	1
MND1	NA	NA	NA	4	154485251	154555693	1
DBI	209389_x_at	0,12424434	-0,687834558	2	119841721	119846592	1
C3orf37	201678_s_at	0,157016808	-1,123541152	3	130480374	130506826	1
TARBP2	203677_s_at	0,664710442	-0,097955019	12	52181644	52186482	1
TAF1	216711_s_at	0,615430737	0,085967167	X	70502839	70601025	1
C8orf30A	219071_x_at	0,869000456	0,034902824	8	145264660	145267607	1
SERPINI1	205352_at	0,518402467	-0,411519383	3	168936217	169026048	1

ARID1B	NA	NA	NA	6	157140778	157572094	1
TMBIM4	219206_x_at	0,563497958	0,174931408	12	64816984	64850074	-1
PAN2	203117_s_at	0,477442278	-0,386076894	12	54996987	55014017	-1
LYRM7	NA	NA	NA	5	130534540	130569018	1
CIRH1A	NA	NA	NA	16	67724048	67760424	1
PI4KA	213408_s_at	0,432762674	0,164788439	22	19391979	19543070	-1
CCHCR1	42361_g_at	0,406988773	-0,448396646	6	31218195	31233994	-1
GYS1	201673_s_at	0,150407781	0,233475348	19	54163194	54188361	-1
RUVBL2	201459_at	0,225868146	-0,354764372	19	54188968	54210994	1
ALKBH1	205621_at	0,172260432	-0,356670669	14	77208502	77244109	-1
TXNDC12	NA	NA	NA	1	52258391	52293635	-1
RABEPK	203150_at	0,557850442	-0,218478756	9	127002874	127036259	1
TMEM50B	219600_s_at	0,04055705	0,626064935	21	33743318	33774151	-1
GPR137C	NA	NA	NA	14	52089616	52174181	1
INTS9	203941_at	0,186979134	-0,681538306	8	28681099	28803398	-1
SMYD4	NA	NA	NA	17	1629579	1679925	-1
ZBTB45	NA	NA	NA	19	63716709	63722733	-1
IL28RA	NA	NA	NA	1	24353234	24386338	-1
ESCO1	NA	NA	NA	18	17363260	17434691	-1
HAUS8	NA	NA	NA	19	17021571	17047343	-1
PPP1R12C	NA	NA	NA	19	60294093	60320739	-1
WDR36	NA	NA	NA	5	110455769	110494099	1
RFC2	1053_at	0,382467049	-0,242685833	7	73283768	73306674	-1
ZBTB4	NA	NA	NA	17	7303421	7328241	-1
DHX37	NA	NA	NA	12	123997325	124039620	-1
BTF3L4	NA	NA	NA	1	52294561	52326652	1
FCRL3	NA	NA	NA	1	155914602	155937271	-1
EIF5	208706_s_at	0,022894128	-1,090727207	14	102870246	102881115	1
ALG9	219374_s_at	0,219651601	0,487093062	11	111158129	111247515	-1
C15orf23	NA	NA	NA	15	38462285	38473299	1
FBXW11	209455_at	0,084453037	-0,790633084	5	171221161	171366482	-1
SUPT4H1	201484_at	0,846892346	-0,048504169	17	53777538	53784562	-1
CEBPZ	NA	NA	NA	2	37282276	37312244	-1

FHL3	218818_at	0,924889484	0,02173881	1	38235029	38243821	-1
RLIM	215823_x_at	0,150407781	-0,290791387	X	73726765	73751168	-1
RNF114	211678_s_at	0,684780664	-0,171215252	20	47986321	48003829	1
TMEM168	218962_s_at	0,178161628	0,443692809	7	112193023	112217714	-1
NUP98	203195_s_at	0,00405892	-1,010128642	11	3652816	3775468	-1
PRDX1	208680_at	0,10687726	-1,137086528	1	45749294	45760196	-1
SNRPD2	200826_at	0,089919154	-0,551790326	19	50882558	50887282	-1
PRDX6	200844_s_at	0,422669525	-0,332308337	1	171713109	171724569	1
UBE2T	NA	NA	NA	1	200567408	200577707	-1
PLK4	204886_at	0,212862176	-0,246757633	4	129021495	129039803	1
PSMD13	201233_at	0,376314159	0,224186551	11	226808	242984	1
PFDN5	210908_s_at	0,146879877	-0,343052193	12	51975502	51979501	1
GADD45A	203725_at	0,19329735	-1,867995547	1	67923471	67926607	1
SIRT3	221913_at	0,114233769	0,363734163	11	205030	226362	-1
LYPLA1	212449_s_at	0,053202346	-0,729082595	8	55121491	55177130	-1
FARSB	NA	NA	NA	2	223144406	223229071	-1
VPS33A	204590_x_at	0,75556428	-0,077620022	12	121282047	121317021	-1
CNIH2	NA	NA	NA	11	65802272	65808259	1
DAP	201095_at	0,310805657	-0,315466157	5	10732342	10814387	-1
COQ4	218328_at	0,326483207	0,265629485	9	130124636	130136172	1
ATG12	204833_at	0,347035803	-0,274684681	5	115193714	115205398	-1
UHRF2	NA	NA	NA	9	6403151	6497051	1
TOP2A	201292_at	0,000377654	-1,22510683	17	35798321	35827695	-1
GTPBP2	221050_s_at	0,73598416	-0,184254735	6	43696196	43704914	-1
NCK1	211063_s_at	0,115602034	-0,639031715	3	138063763	138150658	1
C9orf163	NA	NA	NA	9	138497768	138500340	1
HNRNPA3	211931_s_at	0,002069424	-1,079573217	2	177785668	177796931	1
GTSE1	204318_s_at	0,002214517	-0,938845177	22	45071476	45108260	1
SART1	200051_at	0,339735311	-0,204728206	11	65485736	65504183	1
TXNRD1	201266_at	0,396771072	0,226999129	12	103204857	103268192	1
FKBP7	NA	NA	NA	2	179038267	179051568	-1
TACC3	218308_at	0,003409168	-0,95226859	4	1693062	1716696	1
IPO7	200992_at	0,030798655	-0,930629564	11	9362780	9423651	1

SQLE	213562_s_at	0,687692879	-0,260815611	8	126079901	126103707	1
RWDD2B	218377_s_at	0,845216052	-0,08134268	21	29299951	29313563	-1
STAM2	209649_at	0,005412766	-1,313729962	2	152683352	152740752	-1
CCDC74A	NA	NA	NA	2	132001962	132007709	1
BLOC1S2	NA	NA	NA	10	102023703	102036429	-1
RICTOR	NA	NA	NA	5	38973779	39110260	-1
ABCE1	201872_s_at	0,167601455	-0,439561843	4	146238606	146270126	1
SNX13	215366_at	0,481328595	0,088401924	7	17798181	17946656	-1
CALM1	211984_at	0,002668115	-0,929926701	14	89933126	89944363	1
BRI3BP	NA	NA	NA	12	124044147	124076302	1
GBA	209093_s_at	0,028459978	0,616632135	1	153470867	153477677	-1
DDX20	NA	NA	NA	1	112099777	112111722	1
EIF3B	208688_x_at	0,000865124	-0,663948938	7	2361000	2386906	1
HNRNPR	208765_s_at	0,217445812	-0,403291267	1	23508863	23543440	-1
RNF7	218286_s_at	0,198090531	-0,377682177	3	142939741	142947933	1
SEC16A	215696_s_at	0,187747389	-0,478144304	9	138454369	138497328	-1
RANBP10	53987_at	0,202940735	-0,198251097	16	66314506	66398056	-1
PRDX2	39729_at	0,736246292	0,521746917	19	12768634	12773694	-1
EFCAB6	220271_x_at	0,597802674	0,065531136	22	42255987	42539451	-1
SPAG5	203145_at	0,12941612	-0,380591266	17	23928710	23950183	-1
PDS5B	204742_s_at	0,016322857	-1,086960391	13	32058624	32250157	1
SLC7A1	212295_s_at	0,023664224	-0,60355284	13	28981551	29067721	-1
DOHH	208141_s_at	0,725620561	0,146823975	19	3441822	3451621	-1
CHAC2	NA	NA	NA	2	53848433	53855791	1
CENPF	209172_s_at	0,0455935	-0,872040208	1	212843155	212904537	1
LUC7L2	217842_at	0,113751449	-0,535834859	7	138695174	138758740	1
CCNT1	206967_at	0,718732832	-0,099936085	12	47373019	47397048	-1
ARMC1	218185_s_at	0,194000117	-0,49545858	8	66677618	66708986	-1
EED	209572_s_at	0,001379014	-1,19024343	11	85633463	85667429	1
PCDH9	219737_s_at	0,185485203	-1,138392275	13	65774967	66702464	-1
SMPD1	216230_x_at	0,015462264	0,345288209	11	6368231	6372802	1
CCDC58	NA	NA	NA	3	123561126	123584764	-1
SMG6	220347_at	0,154855362	0,227820463	17	1909883	2153819	-1

SPATA1	221057_at	0,545480746	0,05131078	1	84744562	84804463	1
PSMG1	203405_at	0,023555392	-0,867797223	21	39469254	39477310	-1
CCDC21	219611_s_at	0,734897301	0,098192975	1	26433280	26477886	1
MEPCE	219798_s_at	0,237215572	-0,449005004	7	99865465	99869677	1
PHGDH	201397_at	0,813967059	0,402691018	1	120056033	120088361	1
C1orf123	203197_s_at	0,250582308	-0,266399593	1	53452359	53458877	-1
DCLRE1B	219490_s_at	0,960487472	-0,013274325	1	114249561	114258217	1
ETS1	214447_at	0,080822185	-1,110524063	11	127833870	127897371	-1
RNF167	212047_s_at	0,495270673	0,191846316	17	4784375	4789262	1
NOP58	NA	NA	NA	2	202838760	202876629	1
C2orf56	220943_s_at	0,153849747	-0,195276371	2	37312278	37329807	1
APOBEC3G	204205_at	0,844130329	-0,353881914	22	37803082	37813694	1
ACTR2	200728_at	0,003711805	-1,157665235	2	65308406	65351891	1
MYST3	216361_s_at	0,625026973	-0,195331945	8	41906154	42028662	-1
C11orf67	221600_s_at	0,113583535	0,350996391	11	77209856	77261046	1
RNF34	219035_s_at	0,552144296	-0,253167761	12	120322285	120346538	1
OXA1L	208717_at	0,301019628	-0,340885905	14	22305571	22310607	1
TRUB2	NA	NA	NA	9	130111217	130124518	-1
KBTBD3	NA	NA	NA	11	105427035	105453396	-1
ATP6V0D1	212041_at	0,152305518	-0,584157889	16	66029418	66072590	-1
CNOT2	222182_s_at	0,052643216	-0,868884318	12	68923044	69035040	1
DHX15	201386_s_at	0,005492552	-0,497538238	4	24138185	24195282	-1
SNRPF	203832_at	0,170970424	-0,347506121	12	94776840	94784369	1
ZNF574	218762_at	0,485813635	-0,131611602	19	47272130	47277559	1
FAM86C	220353_at	0,644842736	-0,067267724	11	71176205	71189928	1
WBP1	NA	NA	NA	2	74539085	74541518	1
CNGA4	NA	NA	NA	11	6216910	6222235	1
ESPL1	204817_at	0,002173441	-1,00493134	12	51948350	51973694	1
C13orf34	219544_at	0,036098468	-1,162939207	13	72200043	72228329	1
RCHY1	214281_s_at	0,395819473	-0,514061548	4	76623371	76658652	-1
ZNF28	206557_at	0,992915512	0,002238551	19	57992473	58016697	-1
ATAD5	220223_at	0,507719317	-0,100277499	17	26183146	26246421	1
SLBP	206052_s_at	0,677657406	-0,240855264	4	1664325	1683828	-1

HSF1	202344_at	0,288272969	-0,220554746	8	145486078	145509193	1
TXNDC16	210914_at	0,557954332	0,070533186	14	51967059	52088963	-1
FAM20B	202916_s_at	0,721061131	0,180512573	1	177261697	177312321	1
MEMO1	219065_s_at	0,036091177	-0,990945197	2	31946396	32089202	-1
C11orf1	218925_s_at	0,927485512	0,010751018	11	111255158	111260008	1
ROCK1	213044_at	0,029641462	-1,070641145	18	16783699	16945810	-1
HDAC2	201833_at	0,024371495	-1,128877581	6	114364019	114399047	-1
ELP4	203829_at	0,822609193	-0,04043115	11	31487873	31761905	1
EPS15L1	222113_s_at	0,086852443	-0,806406599	19	16333408	16443762	-1
ZNF572	NA	NA	NA	8	126054733	126060809	1
TIMELESS	203046_s_at	0,035324228	-0,73017325	12	55097174	55129433	-1
ANO8	NA	NA	NA	19	17295034	17306638	-1
MBNL2	203640_at	0,094999146	-1,007806385	13	96672575	96844375	1
ALKBH8	NA	NA	NA	11	106880541	106941637	-1
ATF6B	216208_s_at	0,021859419	0,443359226	6	32191023	32203995	-1
GATC	214711_at	0,851299687	0,092655056	12	119368667	119382145	1
MPHOSPH8	221771_s_at	0,268559508	-1,082635567	13	19105880	19144657	1
AGPAT5	218096_at	0,235789394	-0,942771619	8	6553286	6606432	1
CRLF3	205474_at	0,042987061	-1,166111175	17	26133828	26175904	-1
CEP63	219242_at	0,162396678	-0,4566934	3	135687265	135776545	1
C5orf33	NA	NA	NA	5	36228451	36277657	-1
RNF214	NA	NA	NA	11	116608662	116661614	1
EFCAB4B	NA	NA	NA	12	3627370	3732524	-1
SLC25A11	207088_s_at	0,624390839	-0,243558848	17	4781349	4784063	-1
TSC22D1	215111_s_at	0,069265413	-1,769573425	13	43905658	43908979	-1
RPLP0	208856_x_at	0,276939154	0,120121292	12	119118886	119123397	-1
RDH11	217776_at	0,632076648	-0,317815473	14	67213270	67232213	-1
PPP1R12B	201957_at	0,231967891	0,173104144	1	200584459	200824320	1
PATZ1	209431_s_at	0,010944065	-1,308619933	22	30051790	30072249	-1
TBRG4	220789_s_at	0,185369602	-0,471884213	7	45106224	45117842	-1
C18orf21	NA	NA	NA	18	31806586	31813239	1
CCDC28B	221912_s_at	0,270484184	-0,433650754	1	32438789	32443578	1
YTHDF3	NA	NA	NA	8	64243675	64287900	1

PTTG1	203554_x_at	0,364177159	-0,502000811	5	159781443	159788324	1
ERCC5	202414_at	0,01078584	-0,684369436	13	102296175	102326346	1
ROD1	214697_s_at	0,814751673	-0,177364693	9	114020536	114135733	-1
KIAA0090	212396_s_at	0,043890979	0,545694042	1	19417171	19450633	-1
FAM120AOS	NA	NA	NA	9	95248603	95255695	-1
TXNL4A	202835_at	0,235299744	0,103433551	18	75833855	75849520	-1
METTL12	NA	NA	NA	11	62189355	62191499	1
BAT3	213318_s_at	0,562984887	-0,347749433	6	31714784	31728456	-1
NAGLU	204360_s_at	0,043622054	0,55571853	17	37941477	37949993	1
HAUS3	210054_at	0,261446166	-0,243468963	4	2199894	2213658	-1
PTGR2	NA	NA	NA	14	73388424	73421915	1
C1orf183	220476_s_at	0,640346889	0,091769963	1	112069893	112099942	-1
INO80D	220165_at	0,129930164	0,429974049	2	206566690	206659151	-1
RCBTB1	218352_at	0,012412174	-1,793492296	13	49004083	49057720	-1
PLEKHA3	NA	NA	NA	2	179053445	179078029	1
PAPOLA	222035_s_at	0,002453915	-2,091302348	14	96038473	96103201	1
PPIL4	NA	NA	NA	6	149867324	149908864	-1
SS18L2	218283_at	0,927098306	-0,062286508	3	42607302	42611494	1
C18orf54	NA	NA	NA	18	50139169	50162386	1
ACBD5	NA	NA	NA	10	27524149	27569767	-1
SARS	200802_at	0,515627905	-0,249216412	1	109558063	109582308	1
SIRT7	218797_s_at	0,342803275	-0,267444402	17	77463107	77469332	-1
RAP1B	200833_s_at	0,129638837	-0,761298843	12	67290919	67340641	1
PQLC2	NA	NA	NA	1	19511327	19528381	1
KIAA0664	212456_at	0,398583242	-0,346292291	17	2539430	2561677	-1
SEC22C	NA	NA	NA	3	42564476	42598432	-1
GALT	203179_at	0,720871955	0,17432874	9	34636635	34640574	1
FAM98A	212333_at	0,269748088	-0,369577566	2	33662233	33677866	-1
PROCA1	NA	NA	NA	17	24054661	24062999	-1
GNAI3	201181_at	0,661746334	-0,143952029	1	109892824	109938498	1
BOP1	212563_at	0,423121481	-0,33321967	8	145456864	145485928	-1
ADSL	202144_s_at	0,093702471	-0,321813261	22	39072509	39092698	1
ZNF583	NA	NA	NA	19	61607530	61628212	1

NHP2L1	201077_s_at	0,165515158	-0,330829588	22	40399883	40414859	-1
SYVN1	NA	NA	NA	11	64651327	64658579	-1
APC	203526_s_at	0,231558997	-0,352863355	5	112101483	112209835	1
KIAA1143	NA	NA	NA	3	44769530	44778158	-1
TOMM20	212773_s_at	0,209036355	-0,69331282	1	233339283	233358754	-1
GTPBP3	213835_x_at	0,002668115	-0,636031988	19	17309379	17314530	1
PXMP3	210296_s_at	0,583278539	-0,320590451	8	78055049	78075079	-1
TNFAIP8	210260_s_at	0,771509241	0,187456127	5	118719495	118758193	1
ACAA2	202002_at	0,318122351	0,229133032	18	45563873	45593900	-1
ANAPC13	209001_s_at	0,450731985	-0,173165478	3	135679240	135687519	-1
PCSK7	203118_at	0,513036341	-0,177573109	11	116580998	116608021	-1
SMARCA4	208794_s_at	0,003335242	-1,562302478	19	10932606	11033953	1
UTP11L	218235_s_at	0,167898116	-0,32535732	1	38250971	38263084	1
SDCCAG1	218649_x_at	0,482493924	-0,342722134	14	49320282	49389289	-1
FAR1	NA	NA	NA	11	13646847	13710469	1
USP16	218386_x_at	0,603937789	-0,114444481	21	29318809	29348680	1
ILDR2	NA	NA	NA	1	165154620	165211185	-1
FBXL18	215068_s_at	0,165507568	-0,875864231	7	5481954	5519925	-1
KIFC1	209680_s_at	0,080822185	-0,725114721	6	33467583	33485625	1
NRD1	208709_s_at	0,870948931	-0,043321055	1	52027452	52117197	-1
FAM160A2	NA	NA	NA	11	6189140	6212517	-1
SIGMAR1	201692_at	0,021977304	0,631019311	9	34624719	34627768	-1
TRIM13	203659_s_at	0,013745844	-0,890491989	13	49469144	49490604	1
KIAA1191	NA	NA	NA	5	175705671	175721415	-1
POLR2L	202586_at	0,347722803	0,137190092	11	829721	832529	-1
USP10	209137_s_at	0,112021793	-0,465303555	16	83291056	83371029	1
TAOK1	NA	NA	NA	17	24742069	24895628	1
ZNF551	211721_s_at	0,674446695	-0,165899277	19	62885217	62892991	1
DOM3Z	38157_at	0,636607311	0,141964943	6	32045567	32048011	-1
ZNF691	NA	NA	NA	1	43084867	43090735	1
SKAP2	216899_s_at	0,010986516	-1,586881808	7	26673212	26870866	-1
KIAA0247	202181_at	0,120666796	-0,967881376	14	69148066	69251614	1
BAG2	209406_at	0,055911814	-0,990029276	6	57145293	57157694	1

INTS12	218616_at	0,703826196	0,195152381	4	106823233	106849278	-1
MYL12A	201318_s_at	0,398993672	-0,275714836	18	3237528	3246234	1
MRTO4	220688_s_at	0,121088232	-0,38592988	1	19450662	19459209	1
ALDH6A1	204290_s_at	0,278979767	0,257648776	14	73596622	73620949	-1
COASY	201913_s_at	0,34618714	0,273344041	17	37967618	37971821	1
MOBK1B	201298_s_at	0,015615427	-0,672291893	2	74236719	74259503	-1
ZRANB2	NA	NA	NA	1	71301562	71319333	-1
ALG10	NA	NA	NA	12	34066483	34072504	1
TNFSF10	202687_s_at	0,804995373	0,074395084	3	173706158	173723963	-1
LIN52	NA	NA	NA	14	73621252	73735491	1
HLA-DRA	208894_at	0,545154579	-0,531887135	6	32515625	32520801	1
LENG8	NA	NA	NA	19	59652213	59665008	1
PDF	219575_s_at	0,414453553	-0,189897712	16	67920025	67921999	-1
SUMO1	211069_s_at	0,040070611	-0,489520887	2	202779148	202811567	-1
LAPTM4A	200673_at	0,206111398	0,423816463	2	20095894	20114926	-1
MANBA	203778_at	0,403453792	-0,146208961	4	103771691	103901196	-1
GLUD1	200947_s_at	0,158089142	-0,624658234	10	88800223	88844603	-1
TAF5L	213654_at	0,421054231	-0,141259628	1	227795481	227828417	-1
AMN1	NA	NA	NA	12	31715338	31773251	-1
HUS1	204883_s_at	0,279624277	-0,261271295	7	47970308	47985771	-1
DYRK1A	209033_s_at	0,143724352	-0,743238977	21	37661729	37809549	1
IREB2	214666_x_at	0,581304936	-0,210468473	15	76517573	76580853	1
DNAJC5	NA	NA	NA	20	61996962	62035839	1
AFG3L2	202486_at	0,959048406	-0,023995162	18	12319108	12367194	-1
C11orf30	219012_s_at	0,202655251	-0,16475254	11	75833717	75940237	1
ZNF101	NA	NA	NA	19	19640663	19652138	1
LOC199800	NA	NA	NA	19	54883754	54886059	1
GNL2	201948_at	0,036518052	-0,678224665	1	37805004	37834083	-1
CDCA8	221520_s_at	0,04235452	-0,500298218	1	37930746	37947978	1
TTC17	NA	NA	NA	11	43337067	43472078	1
IFNAR1	204191_at	0,168279242	0,208041595	21	33619084	33653999	1
RTF1	212301_at	0,1855162	-0,31481033	15	39496608	39563049	1
SSR1	200890_s_at	0,018455338	0,686330289	6	7232803	7258434	-1

CROP	208835_s_at	0,019986055	-0,626255668	17	46151976	46185071	1
USP12	213327_s_at	0,037003704	-0,607329269	13	26540433	26644028	-1
SCAMP2	218143_s_at	0,170795327	0,291754044	15	72924250	72952723	-1
CPSF6	202469_s_at	0,030895971	-0,60709018	12	67919667	67951290	1
SLAMF1	206181_at	0,046154746	-1,734098675	1	158846513	158883493	-1
CAND1	207483_s_at	0,010929141	-1,252735587	12	65949416	65994189	1
BRCA2	208368_s_at	0,146698344	-0,384400896	13	31787617	31871809	1
APOA1BP	NA	NA	NA	1	154828182	154830715	1
APTX	218527_at	0,545901786	-0,110665686	9	32962608	32991626	-1
TSPAN4	209264_s_at	0,05924045	0,830085338	11	832941	857116	1
LSS	211018_at	0,155090169	0,177014454	21	46432788	46473119	-1
TIGD4	NA	NA	NA	4	153909956	153920327	-1
NASP	201970_s_at	0,080687894	-0,465984912	1	45822304	45857154	1
RWDD1	219598_s_at	0,003657529	-1,117753397	6	116999276	117021131	1
ZNF346	NA	NA	NA	5	176382303	176426364	1
SRRM1	201225_s_at	0,010314411	-0,730515773	1	24842181	24872359	1
PTPN4	205171_at	0,810173315	0,102994675	2	120233677	120451507	1
DDX23	40465_at	0,004138838	-0,871722752	12	47509806	47532224	-1
KIAA0895	213424_at	0,959672789	-0,010096365	7	36330284	36396259	-1
THAP6	NA	NA	NA	4	76658678	76674260	1
RPS26	217753_s_at	0,216929312	-0,434159688	12	54721953	54724274	1
RNASEH2A	203022_at	0,568790504	-0,293766466	19	12778428	12785462	1
URB2	205284_at	0,423763491	-0,23329022	1	227828604	227862569	1
KIF15	219306_at	0,613998128	-0,277191084	3	44778289	44869749	1
GSTCD	NA	NA	NA	4	106851419	106986360	1
ANAPC11	NA	NA	NA	17	77443114	77451655	1
PXK	NA	NA	NA	3	58293657	58385918	1
PNPLA8	NA	NA	NA	7	107899305	107953874	-1
NOM1	NA	NA	NA	7	156435178	156458637	1
BIRC2	202076_at	0,228790272	-0,481287666	11	101723176	101754611	1
THOC4	NA	NA	NA	17	77439016	77442758	-1
SOS2	217576_x_at	0,295838325	0,204225939	14	49653596	49767849	-1
EVI2B	211742_s_at	0,414453553	-0,864364609	17	26654914	26665256	-1

C8orf40	NA	NA	NA	8	42515913	42527280	1
MON1B	203644_s_at	0,366321174	-0,12086588	16	75782337	75791044	1
ARF6	203311_s_at	0,545473955	-0,351264841	14	49429486	49433522	1
SCLT1	NA	NA	NA	4	130024602	130234214	-1
MAPKBP1	213394_at	0,268661544	0,111564379	15	39854004	39907345	1
C7orf47	NA	NA	NA	7	99870848	99872030	-1
PPP1R8	207830_s_at	0,233984503	-0,19339427	1	28029880	28050770	1
ASCC3	212815_at	0,000122683	-1,335547436	6	101063329	101435945	-1
STK19	204090_at	0,763994825	-0,100794966	6	32047625	32057202	1
C20orf144	NA	NA	NA	20	31713781	31715381	1
SP140	207777_s_at	0,342071312	-1,28049402	2	230798690	230886174	1
NRM	NA	NA	NA	6	30763805	30766748	-1
UBE2K	202347_s_at	0,236942763	-0,36877729	4	39376266	39457977	1
OSBPL7	210344_at	0,148160941	0,331064772	17	43239732	43254146	-1
CEP76	52285_f_at	0,458828408	-0,722492172	18	12662631	12692703	-1
ATXN7	209964_s_at	0,48422811	0,183182724	3	63825273	63961367	1
WDTC1	216036_x_at	0,145495485	-0,187367497	1	27433746	27507322	1
H2AFX	205436_s_at	0,168232234	-0,393630712	11	118469794	118471387	-1
DPY30	NA	NA	NA	2	32102476	32118348	-1
TSC22D4	208104_s_at	0,407006965	-0,218557012	7	99902078	99914838	-1
ZCCHC17	NA	NA	NA	1	31542429	31610367	1
FAM35A	220547_s_at	0,101770109	-0,448535447	10	88844933	88941202	1
BMF	NA	NA	NA	15	38167383	38185579	-1
AMAC1L3	NA	NA	NA	17	7325445	7327107	1
ARFIP1	214483_s_at	0,277115277	0,417426824	4	153920562	154052514	1
UFM1	218050_at	0,825436419	0,074266944	13	37822018	37835140	1
APPL1	218158_s_at	0,216046247	-0,56170958	3	57236805	57282539	1
RAD50	208393_s_at	0,154855362	-0,497257692	5	131920529	132007498	1
DHFR	202533_s_at	0,07905152	-0,689235197	5	79957801	79986556	-1
RPL6	200034_s_at	0,750082614	-0,052785772	12	111327377	111331826	-1
GNA13	206917_at	0,111202229	-1,437785899	17	60437295	60483216	-1
KIF2C	209408_at	0,002415226	-0,77905825	1	44978138	45006003	1
USP49	220667_at	0,415379826	0,104880579	6	41873361	41971077	-1

SLC9A9	NA	NA	NA	3	144466754	145049979	-1
NOL6	218199_s_at	0,35854223	-0,187276428	9	33451351	33463941	-1
PPIL3	NA	NA	NA	2	201443924	201462029	-1
SLC27A5	219733_s_at	0,661085176	0,265075026	19	63701517	63715161	-1
ZNF436	NA	NA	NA	1	23558528	23568944	-1
MCM8	NA	NA	NA	20	5879298	5923833	1
KDM4C	209984_at	0,718092171	-0,122421271	9	6747654	7165648	1
YY1	201902_s_at	0,034603216	-0,513214895	14	99774855	99814557	1
BTBD7	217141_at	0,145804192	0,248216233	14	92773649	92869138	-1
NONO	200057_s_at	0,319300889	-0,192946555	X	70420192	70437743	1
TMCO7	NA	NA	NA	16	67435010	67676586	1
ZNF668	219047_s_at	0,661218187	-0,054372448	16	30979672	30993005	-1
KIAA1009	206006_s_at	0,377214224	-0,154073147	6	84890679	84994054	-1
RSPH9	NA	NA	NA	6	43720788	43746722	1
C7orf51	NA	NA	NA	7	99919486	99930358	1
KIAA0430	202386_s_at	0,00914353	-1,388507052	16	15595745	15644510	-1
KIAA1409	NA	NA	NA	14	92869318	93243442	1
HSD17B1	205829_at	0,767993397	-0,030983829	17	37957510	37960757	1
ZNF646	204876_at	0,87140529	0,029768868	16	30993269	31002334	1
E2F5	221586_s_at	0,064030171	-1,347051518	8	86287162	86314005	1
CUL4A	201424_s_at	0,007288965	-1,239220606	13	112911932	112967393	1
GOLGA1	203383_s_at	0,269979738	0,166601781	9	126680449	126743178	-1
HCG27	NA	NA	NA	6	31273578	31279724	1
AP4B1	NA	NA	NA	1	114239201	114249215	-1
FBXW7	218751_s_at	0,675515574	-0,077829517	4	153461860	153675622	-1
POL3S	214226_at	0,150256515	0,239447956	16	31002246	31007631	-1
BTBD12	NA	NA	NA	16	3571183	3601586	-1
CSTF3	203947_at	0,134341366	-0,363070722	11	33062706	33139613	-1
PBK	219148_at	0,078969457	-1,042332784	8	27723057	27751268	-1
TOE1	204080_at	0,056888664	-0,513428393	1	45577929	45582237	1
VRK2	205126_at	0,501111134	-0,133232651	2	58127224	58240510	1
CCM2	NA	NA	NA	7	45006312	45082594	1
TMEM80	221951_at	0,17820976	0,255957535	11	685616	694129	1

MRPL1	NA	NA	NA	4	79002829	79092968	1
SPATA2	204433_s_at	0,677712506	0,08170383	20	47953335	47965475	-1
NUDT3	221579_s_at	0,080687894	-0,361633579	6	34363975	34468419	-1
ZRANB3	NA	NA	NA	2	135674041	136005276	-1
ARMC6	221758_at	0,058914713	-0,45500484	19	19005471	19029980	1
DAXX	201763_s_at	0,109982548	-0,963548953	6	33394367	33398682	-1
ZBTB22	213081_at	0,708327469	0,116436458	6	33390173	33393472	-1
SRM	201516_at	0,935706532	0,046551624	1	11037236	11042678	-1
MAD2L1BP	203094_at	0,327569563	-0,366490277	6	43711555	43716667	1
SMC3	209259_s_at	0,201740556	-0,570820956	10	112317439	112354382	1
PER1	36829_at	0,703782777	0,059781857	17	7984515	7996427	-1
RPL23A	208825_x_at	0,628021567	-0,043539975	17	24071127	24075501	1
R3HDM1	202754_at	0,054432199	-0,575107533	2	136005553	136199309	1
C13orf31	NA	NA	NA	13	43351969	43364438	1
DARS	201624_at	0,01866495	-0,864918426	2	136380724	136459692	-1
ZDHC13	219296_at	0,035063499	-0,802180588	11	19095268	19154543	1
CDK2	204252_at	0,040070611	-0,615973185	12	54646826	54652835	1
FAM13B	218518_at	0,037844755	-1,151104505	5	137301541	137396701	-1
SLC43A3	213113_s_at	0,127179084	-1,74032631	11	56931003	56951099	-1
MAP3K8	205027_s_at	0,350114669	-0,225105413	10	30762872	30790767	1
LRRC58	NA	NA	NA	3	121526266	121550876	-1
BCLAF1	201084_s_at	0,001558335	-1,036889299	6	136619694	136652682	-1
C4orf33	NA	NA	NA	4	130236732	130253293	1
BUB1B	203755_at	0,001244877	-1,210304037	15	38240530	38300629	1
RBM6	201967_at	0,254001081	-0,745790409	3	49952596	50089686	1
RBM23	219816_s_at	0,021977304	-0,430570953	14	22439694	22458236	-1
C12orf10	218220_at	0,931798507	-0,03382891	12	51979737	51987232	1
TMBIM6	200803_s_at	0,026420932	0,682506533	12	48421859	48444984	1
TRMT6	NA	NA	NA	20	5866486	5879173	-1
PA2G4	208676_s_at	0,075682978	-0,6929939	12	54784370	54793961	1
C5orf24	NA	NA	NA	5	134209269	134222687	1
ZMYND12	NA	NA	NA	1	42668681	42694514	-1
ZNF440	NA	NA	NA	19	11786107	11807016	1

CTR9	202060_at	0,931426967	0,07161787	11	10729387	10757866	1
NDE1	218414_s_at	0,411549336	-0,148315148	16	15651605	15726491	1
SNRNP40	215905_s_at	0,169948878	-0,389642536	1	31505002	31542231	-1
CCDC55	NA	NA	NA	17	25467960	25537612	1
MSH3	205887_x_at	0,263518228	-0,251039755	5	79986050	80208390	1
NAGK	218231_at	0,156941911	-0,746423889	2	71148955	71159279	1
NR4A3	207978_s_at	0,503187757	0,107385572	9	101623958	101668994	1
RAB8B	219210_s_at	0,013373833	-1,051253424	15	61268781	61347028	1
RANGRF	218526_s_at	0,194452318	-0,52767736	17	8132714	8134130	1
TMEM138	NA	NA	NA	11	60886432	60893254	1
NARG1L	219378_at	0,009231144	-1,475701657	13	40783418	40849162	1
ATP6V1H	221504_s_at	0,134044555	-0,737824817	8	54790668	54918403	-1
UTP23	NA	NA	NA	8	117847923	117853380	1
ORMDL1	NA	NA	NA	2	190343295	190355677	-1
GOSR2	213180_s_at	0,101385694	-0,307812143	17	42355485	42373732	1
DEAF1	209407_s_at	0,564878663	0,207290527	11	634225	685740	-1
AKR7A2	214259_s_at	0,074346075	-0,633635599	1	19503046	19511227	-1
WDR33	218851_s_at	0,231737295	-0,328398346	2	128178278	128285215	-1
AVL9	212471_at	0,344421984	-0,234390003	7	32501701	32590304	1
ATP13A1	218052_s_at	0,964237293	0,0197447	19	19617009	19633925	-1
SLC39A9	217859_s_at	0,258533992	0,408034063	14	68935704	68997021	1
ZC3H18	NA	NA	NA	16	87164343	87225761	1
PPCS	218341_at	0,430722918	0,271536208	1	42694760	42698673	1
SLC12A2	204404_at	0,571135707	-0,081135727	5	127447382	127553279	1
L2HGDH	220089_at	0,655665919	-0,219070507	14	49778902	49848697	-1
RNF5	209111_at	0,657192727	-0,190418949	6	32254140	32256548	1
GRWD1	221549_at	0,933020569	-0,017319831	19	53640874	53648966	1
C16orf85	NA	NA	NA	16	87147613	87164049	-1
PPP5C	201979_s_at	0,630608708	-0,17819147	19	51542134	51585945	1
SLC25A27	NA	NA	NA	6	46728638	46753886	1
PCID2	219940_s_at	0,003780963	-0,885958592	13	112879927	112910984	-1
HMGNA4	202579_x_at	0,259939927	0,271686034	6	26646551	26655144	1
MYL12B	221474_at	0,266563767	-0,42825002	18	3252135	3268179	1

OSR2	213568_at	0,521805069	-0,908426674	8	100025862	100033504	1
CCDC6	204716_at	0,110178583	-1,026673381	10	61218527	61336824	-1
ANGEL2	221826_at	0,215555348	-0,340234386	1	211232147	211255791	-1
KIF24	220652_at	0,969282421	-0,004464395	9	34242378	34319198	-1
ABHD15	NA	NA	NA	17	24912437	24918174	-1
C5orf28	219029_at	0,290373099	-0,343481464	5	43480111	43515847	-1
LDB1	203451_at	0,228671829	-0,275478039	10	103857307	103864692	-1
RRM2B	NA	NA	NA	8	103285907	103320522	-1
NUDT2	218609_s_at	0,0848861	0,352939106	9	34319504	34333696	1
ACTR3B	218868_at	0,17617596	-0,569632982	7	152087784	152183396	1
NFATC3	210555_s_at	0,126157465	-0,488691778	16	66676876	66818338	1
ZNF192	206579_at	0,42472271	0,189434195	6	28217695	28233215	1
CNPY4	NA	NA	NA	7	99555201	99561067	1
TPX2	210052_s_at	0,003976212	-0,860745706	20	29790565	29853264	1
ADAM17	213532_at	0,020901272	-1,187123795	2	9546843	9613368	-1
MUTYH	207727_s_at	0,479401732	0,19554345	1	45567501	45578216	-1
LRBA	212692_s_at	0,000817409	-1,56295999	4	151405044	152156329	-1
VAMP1	213326_at	5,97E-05	-1,716354707	12	6441664	6450104	-1
DCTN4	218013_x_at	0,167766245	-0,349631134	5	150068502	150118769	-1
FANCM	NA	NA	NA	14	44674886	44739840	1
GOT2	200708_at	0,01244117	-0,633114086	16	57298536	57325747	-1
DPP9	NA	NA	NA	19	4626236	4674875	-1
GSK3B	209945_s_at	0,271003387	-0,367468912	3	121028233	121295203	-1
TAF15	202840_at	0,088510446	-0,323425011	17	31160601	31198351	1
PCDHGA1	211880_x_at	0,252863685	0,207038589	5	140690436	140872730	1
CRTC1	207159_x_at	0,412966742	0,166431758	19	18655425	18754143	1
TGFB1	203085_s_at	0,321478168	-0,361308385	19	46528491	46551656	-1
CDKN2B	207530_s_at	0,205025155	0,207201274	9	21992902	21999312	-1
CCDC122	NA	NA	NA	13	43308488	43351826	-1
WARS2	218766_s_at	0,130857597	-0,509189774	1	119375362	119484818	-1
TAPBP	208829_at	0,229384859	0,482699867	6	33375449	33389967	-1
TSGA10	220623_s_at	0,967635421	0,005778286	2	98980787	99124469	-1
DCP2	212919_at	0,000257195	-0,832733149	5	112340332	112384566	1

NFYC	202215_s_at	0,003996937	-0,802672496	1	40929829	41009862	1
EHD1	209038_s_at	0,005353753	-1,344007683	11	64376784	64402767	-1
LDHB	213564_x_at	0,101137602	-0,395509348	12	21679543	21702043	-1
USP1	202413_s_at	0,000386824	-1,255601378	1	62674971	62690063	1
CLECL1	NA	NA	NA	12	9766358	9777127	-1
C13orf37	NA	NA	NA	13	72180496	72199826	-1
RGL2	209110_s_at	0,482519985	-0,272604908	6	33367414	33374716	-1
PUS10	NA	NA	NA	2	61022608	61098712	-1
C7orf30	NA	NA	NA	7	23305465	23315705	1
KIAA1012	207305_s_at	0,057019818	-0,765582198	18	27663134	27777089	-1
VKORC1	217949_s_at	0,118492709	0,483057699	16	31009676	31013777	-1
MFNG	204153_s_at	0,137254417	-0,691590395	22	36195049	36212331	-1
AIDA	220199_s_at	0,903601266	-0,126996155	1	220907978	220952487	-1
HSPB6	214767_s_at	0,465148136	0,113977259	19	40937310	40939770	-1
AAAS	218075_at	0,896452419	0,024130728	12	51987507	52001648	-1
UCRC	218190_s_at	0,991380851	0,002087034	22	28493358	28496402	1
GOPC	NA	NA	NA	6	117988125	118030374	-1
FASTKD2	216996_s_at	0,264636062	-0,317748885	2	207338617	207365475	1
AGPAT1	32836_at	0,64522577	0,109445831	6	32243967	32253820	-1
HNRNPA1L2	NA	NA	NA	13	52089606	52115920	1
EIF4B	211938_at	0,693436067	-0,245700682	12	51686329	51722260	1
CYP39A1	220432_s_at	0,295252408	-1,282179908	6	46625404	46728482	-1
MRPL34	221692_s_at	0,266899075	0,364611343	19	17277477	17278652	1
PRIM2	205628_at	0,02834054	-0,740258634	6	57290381	57621335	1
ZMAT5	218752_at	0,737249525	-0,110414791	22	28456945	28492969	-1
CBL	206607_at	0,628714354	-0,099716203	11	118582200	118684069	1
GPATCH8	212485_at	0,055763651	-0,497262398	17	39828175	39936328	-1
TMSB4X	NA	NA	NA X		12903148	12905267	1
ADK	204120_s_at	0,829020674	-0,059662071	10	75580971	76139066	1
DHX36	NA	NA	NA	3	155476152	155524971	-1
ANAPC5	200098_s_at	0,42472271	0,127248278	12	120230543	120274585	-1
MAD1L1	204857_at	0,034188494	-0,928978893	7	1821954	2239109	-1
NOP14	214661_s_at	0,031141602	-0,613375657	4	2909461	2934916	-1

CNPY3	217931_at	0,474797464	-0,241240526	6	43004838	43014986	1
GMIP	218913_s_at	0,022765596	-1,44586096	19	19601285	19615455	-1
EPN1	221141_x_at	0,669742375	-0,111723542	19	60878404	60898945	1
DNAJA2	209157_at	0,222533207	-0,589945696	16	45546775	45565126	-1
NUP188	212691_at	0,100968473	-0,340417148	9	130749798	130809195	1
MSRB2	218773_s_at	0,627910273	0,634911228	10	23424433	23450948	1
MRPL36	NA	NA	NA	5	1851499	1852946	-1
AP3M1	NA	NA	NA	10	75550021	75580832	-1
MED25	NA	NA	NA	19	55013358	55032049	1
C1orf58	NA	NA	NA	1	220952529	220972732	1
PPP1R12A	201603_at	0,174292377	-0,864421612	12	78692317	78852842	-1
CD53	203416_at	0,37560376	-1,309232264	1	111215344	111244081	1
NAF1	NA	NA	NA	4	164269271	164307523	-1
ERH	200043_at	0,17601842	-0,444067141	14	68916598	68934774	-1
ZCWPW1	220618_s_at	0,15583558	0,181315752	7	99836431	99864238	-1
C12orf66	NA	NA	NA	12	62872686	62902343	-1
NDUFS6	203606_at	0,781123783	-0,102537202	5	1854509	1869165	1
ANKFY1	219868_s_at	0,714149441	-0,078529174	17	4013414	4114023	-1
GPSM3	214847_s_at	0,116647804	-0,375415257	6	32266521	32271278	-1
ATXN2L	207798_s_at	0,597652066	-0,225804033	16	28741915	28756059	1
DDX50	221699_s_at	0,126658191	-0,481393269	10	70331040	70376609	1
C6orf81	NA	NA	NA	6	35812837	35824663	1
VMO1	NA	NA	NA	17	4635320	4636473	-1
C2orf15	NA	NA	NA	2	99124617	99134382	1
ITPRIPL1	NA	NA	NA	2	96354873	96357806	1
CIC	212784_at	0,755810999	0,079086571	19	47480657	47491789	1
LSM5	211747_s_at	0,31182366	-0,373012312	7	32492942	32496502	-1
AKIRIN2	NA	NA	NA	6	88441693	88468645	-1
EVI2A	204774_at	0,312449573	-1,495301693	17	26668801	26672843	-1
USP25	220419_s_at	0,027076251	-0,800515443	21	16024367	16174248	1
MCM5	201755_at	0,022444045	-0,595507544	22	34126116	34150495	1
HMGB1	200680_x_at	0,001513819	-0,885223658	13	29930877	29938081	-1
PFN4	NA	NA	NA	2	24191745	24199655	-1

USP4	211800_s_at	0,337710373	-0,39494767	3	49289997	49352519	-1
GOLIM4	204322_at	0,562880947	0,132694936	3	169210348	169296111	-1
DNAJC15	218435_at	0,039482974	-3,38998355	13	42495362	42581306	1
BYSL	203612_at	0,16115708	-0,652670634	6	41996943	42008762	1
ZFYVE26	213073_at	0,893016213	-0,031025562	14	67282992	67353055	-1
TP53I13	NA	NA	NA	17	24919865	24924301	1
GATAD1	213018_at	0,246288582	-0,476427241	7	91914701	91926678	1
WBP2	209117_at	0,857689752	0,056082663	17	71353375	71363096	-1
TFCP2	209338_at	0,301953895	-0,559882573	12	49774887	49852931	-1
KDM6B	41387_r_at	0,242185833	-0,160724768	17	7683960	7698843	1
AMZ2	218167_at	0,450360565	-0,317945705	17	63755740	63764900	1
ITPR3	201188_s_at	0,014864886	-0,687836122	6	33697139	33772329	1
SFRS18	212179_at	0,022010265	-0,69140294	6	99954561	99979928	-1
CDC42SE2	NA	NA	NA	5	130627601	130758282	1
RGS13	210258_at	0,000122683	-5,985120202	1	190871905	190896013	1
PMS1	213677_s_at	0,052620634	-1,113053239	2	190357355	190450600	1
BCL11A	219497_s_at	0,000606217	-2,007219329	2	60531806	60634137	-1
PDSS1	220865_s_at	0,178469987	-0,546434537	10	27026601	27075733	1
TM9SF2	201078_at	0,345091958	-0,33040305	13	98951729	99013279	1
ARMC8	203486_s_at	0,168511213	-0,317616676	3	139388838	139498909	1
CCT8L1	NA	NA	NA	7	151773257	151775287	1
KHDRBS1	200040_at	0,047657885	-0,418950303	1	32252078	32282059	1
PEX13	205246_at	0,148231609	-0,236357348	2	61098374	61129896	1
AGRP	207193_at	0,431595341	0,104267117	16	66073975	66075217	-1
DOLK	204488_at	0,060520883	0,455065428	9	130747630	130749833	-1
C11orf73	219979_s_at	0,079252072	-0,718669758	11	85690936	85734633	1
HSF2	209657_s_at	5,23E-05	-1,867151314	6	122762494	122795810	1
FGF11	NA	NA	NA	17	7283413	7288975	1
CHRN1	206703_at	0,597971191	-0,120705448	17	7289130	7301656	1
SLC35A1	203306_s_at	0,01174513	-1,253453761	6	88239414	88278766	1
KIAA0100	201729_s_at	0,484531686	-0,146712311	17	23965585	23996300	-1
TRIM37	213009_s_at	0,14030758	-0,418604007	17	54414792	54539011	-1
C2orf3	216305_s_at	0,138523055	-0,800234528	2	75742802	75791830	-1

ZNF446	219900_s_at	0,144311182	0,151129318	19	63679607	63684409	1
FGR	208438_s_at	0,407682842	-0,30467477	1	27811387	27825693	-1
ARF3	200734_s_at	0,306588883	-0,474828778	12	47616259	47637577	-1
PAPD4	NA	NA	NA	5	78944152	79017858	1
FAM161A	NA	NA	NA	2	61907022	61934554	-1
KLHDC5	NA	NA	NA	12	27824454	27847240	1
RNF20	NA	NA	NA	9	103335954	103365447	1
ANO6	NA	NA	NA	12	43896170	44112399	1
GTF3C5	217876_at	0,485568363	-0,112607674	9	134895934	134923708	1
FBXO22	219638_at	0,884497908	-0,025426742	15	73983255	74013999	1
POLM	222238_s_at	0,013107444	-0,524957969	7	44078371	44088607	-1
TMEM8	221882_s_at	0,072667549	0,507155996	16	360777	371951	-1
SMEK1	220368_s_at	0,072224783	-1,137884298	14	90993708	91046397	-1
APEX1	210027_s_at	0,062591272	-0,424427919	14	19993130	19995766	1
MTX2	203517_at	0,53610867	-0,2383506	2	176842383	176910999	1
SS18	202817_s_at	0,007991752	-1,728179326	18	21850215	21924609	-1
PRMT3	213320_at	0,021977304	-0,932002898	11	20365679	20487349	1
KIAA0020	203712_at	0,032114122	-0,388025556	9	2794152	2834130	-1
MCFD2	212245_at	0,013881412	-0,957746061	2	46982517	46996453	-1
SSU72	NA	NA	NA	1	1466916	1500125	-1
GSTT2	NA	NA	NA	22	22652314	22656106	1
FYN	212486_s_at	0,743630251	-0,061950546	6	112089178	112301320	-1
OSBPL8	212585_at	0,104501434	-1,563637724	12	75269708	75477720	-1
FRS3	219907_at	0,974259587	0,006848485	6	41845892	41855608	-1
GCNT1	205505_at	0,269899831	-0,730595449	9	78263888	78312152	1
ODF2L	NA	NA	NA	1	86587008	86634591	-1
HECTD1	NA	NA	NA	14	30639075	30746440	-1
ORC3L	210028_s_at	0,007878401	-0,904688753	6	88356562	88433888	1
TMEM102	NA	NA	NA	17	7279486	7281722	1
CTSC	201487_at	0,011433684	0,594019552	11	87666408	87710586	-1
ACTR3	200996_at	0,000129203	-1,603793914	2	114364007	114432637	1
ZNF33B	215022_x_at	0,495820272	0,111445047	10	42404561	42453998	-1
CASKIN2	221846_s_at	0,311745767	0,155470454	17	71007937	71023222	-1

TSEN54	NA	NA	NA	17	71024204	71032415	1
LLGL2	203713_s_at	0,15097043	0,366268353	17	71033378	71082885	1
UBA6	218340_s_at	0,216010518	-0,360060984	4	68164074	68249484	-1
ZNRD1	NA	NA	NA	6	30137015	30140665	1
C13orf23	218420_s_at	0,266855376	-0,541038322	13	38482002	38510252	-1
FGF22	221315_s_at	0,180007614	0,181664887	19	590926	594604	1
ACTR10	222230_s_at	0,996069577	-0,002625233	14	57736586	57772107	1
SOCS1	209999_x_at	0,166846479	-0,416008444	16	11255775	11257540	-1
TBK1	218520_at	0,511360497	-0,192629038	12	63132204	63182158	1
BAZ1A	217986_s_at	0,03368652	-1,385533304	14	34291688	34414604	-1
PLEKHA9	220157_x_at	0,691055193	0,05048177	12	43853114	43896056	-1
ABHD8	219101_x_at	0,869099555	0,048062878	19	17263940	17275282	-1
KRI1	218798_at	0,396366541	-0,277669302	19	10524761	10537702	-1
CDKN2D	210240_s_at	0,142268703	-0,448319137	19	10538138	10540655	-1
RBM26	218422_s_at	0,015889684	-1,193327845	13	78792090	78877924	-1
AATF	NA	NA	NA	17	32380288	32488284	1
DHX35	218579_s_at	0,251835091	-0,309434705	20	37024414	37101778	1
SFRS2IP	206989_s_at	0,143453458	-0,81069771	12	44599181	44670668	-1
WDR68	221744_at	0,167164477	-0,384443418	17	58981554	59025373	1
GLRX5	221932_s_at	0,363771481	-0,30219237	14	95071076	95080808	1
ID3	207826_s_at	0,094601522	-2,296743376	1	23756996	23758909	-1
RMND1	220329_s_at	0,033969854	-0,67110891	6	151767682	151815009	-1
TMEM62	218776_s_at	0,962304609	0,011665034	15	41213014	41264634	1
ZNF384	212369_at	0,361532921	-0,191510364	12	6645904	6668086	-1
CLCN6	203950_s_at	0,221777323	-0,327964148	1	11788794	11825788	1
UBE2D2	201343_at	0,087851122	-0,393775289	5	138920935	138988203	1
IL11RA	204773_at	0,096292016	0,193274442	9	34643932	34651884	1
DDA1	218260_at	0,938641964	0,044391561	19	17281352	17292099	1
SLC25A37	221920_s_at	0,311956325	-0,658113933	8	23442308	23486008	1
CCND3	201700_at	0,147749525	-1,359694136	6	42010649	42017530	-1
FAM21C	212929_s_at	0,899069352	0,030967598	10	45542673	45608418	1
WAC	217742_s_at	0,437693965	-0,178367321	10	28861706	28949478	1
DDT	202929_s_at	0,734240232	0,138094431	22	22643554	22646680	-1

ANKRD13B	NA	NA	NA	17	24944653	24965905	1
LSM1	203534_at	0,785422022	-0,073002512	8	38140014	38153183	-1
RB1	203132_at	0,003842073	-2,210407558	13	47775884	47954027	1
GIT1	218030_at	0,651186178	0,103471764	17	24924613	24940736	-1
REPS1	215922_at	0,684496245	0,043575313	6	139267313	139351091	-1
CLDN15	219640_at	0,945534811	-0,016085561	7	100662094	100667836	-1
SRRD	213608_s_at	0,069384429	-0,685803697	22	25209850	25217904	1
CCNB2	202705_at	0,121044361	-0,479274204	15	57184612	57204536	1
HEATR7A	NA	NA	NA	8	145274907	145388831	1
RAB42	NA	NA	NA	1	28791299	28793685	1
OSGEP	209450_at	0,055385946	-0,353174109	14	19985056	19993038	-1
RARS2	207472_at	0,434590392	0,118363324	6	88280820	88356440	-1
MESDC1	NA	NA	NA	15	79081028	79083400	1
ALMS1	214220_s_at	0,241818	-0,296384819	2	73466394	73690554	1
NHLRC3	NA	NA	NA	13	38510455	38522246	1
CHRA1	NA	NA	NA	8	141590586	141596434	1
SCYL3	205607_s_at	0,778679665	0,121436232	1	168088965	168124657	-1
MMS19	202167_s_at	0,273586839	-0,286542148	10	99208071	99248257	-1
GTF2A2	202678_at	0,295293649	-0,428776488	15	57718358	57736987	-1
PIN4	204571_x_at	0,144584303	0,433562416	X	71318251	71334666	1
GPI	208308_s_at	0,67673655	-0,243726733	19	39547909	39583076	1
PBX4	NA	NA	NA	19	19533522	19590439	-1
PKIB	NA	NA	NA	6	122834761	123089217	1
KIF20B	205235_s_at	0,065599828	-0,491020324	10	91451347	91524680	1
SLC2A11	221262_s_at	0,174339125	0,198971016	22	22530150	22557090	1
KATNA1	205526_s_at	0,000165892	-1,207046699	6	149957865	150001421	-1
PPP2R5C	213305_s_at	0,003631191	-1,960742445	14	101345925	101463831	1
ZNF259	217185_s_at	0,103098818	-0,640742097	11	116154486	116163949	-1
ZKSCAN3	211773_s_at	0,137923469	0,208036979	6	28425738	28442503	1
BAG4	219624_at	0,179001246	-0,229071317	8	38153263	38187694	1
CDC5L	209056_s_at	0,069267191	-0,937220118	6	44463280	44522758	1
LSM14A	212131_at	0,003192971	-1,437998361	19	39355311	39412048	1
SERPIN9	209723_at	0,001503753	-3,506987617	6	2832503	2848506	-1

PHC2	200919_at	0,857876942	-0,063372377	1	33561811	33588086	-1
NMNAT1	NA	NA	NA	1	9926073	9968143	1
C7orf59	NA	NA	NA	7	99584466	99589769	1
PLEC1	201373_at	0,977980262	0,008460249	8	145061309	145121531	-1
UBTD1	219172_at	0,103787434	0,260744608	10	99248758	99320950	1
GSG2	NA	NA	NA	17	3573946	3576742	1
PAK1IP1	218886_at	0,093702471	-0,579433416	6	10803174	10817958	1
BLM	205733_at	0,003818943	-0,567946138	15	89061583	89159690	1
GTF2H4	203577_at	0,267285675	-0,545405417	6	30983956	30989859	1
FBXW8	NA	NA	NA	12	115833144	115953336	1
MAPRE1	200712_s_at	0,972925078	0,015169106	20	30871435	30901867	1
PAIP2	NA	NA	NA	5	138706033	138733308	1
RFXANK	202758_s_at	0,301313589	-0,463151631	19	19164008	19173678	1
FGF9	206404_at	0,378559385	0,234807154	13	21143875	21174187	1
C7orf23	204215_at	0,008787227	-1,112617395	7	86663414	86686967	-1
RAD51L1	216880_at	0,984895062	-0,00327903	14	67356262	68132367	1
HEPACAM2	NA	NA	NA	7	92655836	92693718	-1
SH2B1	209322_s_at	0,155898257	0,290656667	16	28782815	28793027	1
YAF2	206238_s_at	0,218487044	-0,50239037	12	40837173	40918317	-1
AMD1	201197_at	0,004878887	-1,053407757	6	111302681	111323606	1
PAFAH1B2	210160_at	0,474259041	-0,263853811	11	116520250	116544024	1
SLC36A4	NA	NA	NA	11	92520498	92570743	-1
SULT1A1	211385_x_at	0,697907701	-0,193018922	16	28524414	28542367	-1
RAB11A	200863_s_at	0,184393521	-0,374201166	15	63948850	63968846	1
ZNF765	NA	NA	NA	19	58590209	58607074	1
ANXA11	206200_s_at	0,502769094	-0,368730643	10	81904860	81955308	-1
MTFR1	203207_s_at	0,118225403	-0,864682361	8	66719528	66785340	1
HOXA3	208604_s_at	0,37890119	0,132827467	7	27112334	27133164	-1
HOXA4	206289_at	0,586311073	-0,103176669	7	27134651	27136924	-1
ETAA1	219216_at	0,520254543	-0,117795724	2	67477946	67491037	1
NDUFA13	220864_s_at	0,094418506	-0,932667546	19	19487540	19500073	1
HVCN1	NA	NA	NA	12	109570874	109612000	-1
WDFY2	NA	NA	NA	13	51056485	51234172	1

ITGB1	211945_s_at	0,644343369	0,752247569	10	33229326	33287204	-1
RBKS	219222_at	0,002248417	0,617470959	2	27857770	27966727	-1
CLTA	216295_s_at	0,003780963	-0,788547413	9	36180892	36202056	1
PRDM2	203057_s_at	0,122868498	-1,093365092	1	13903937	14024162	1
C14orf118	219720_s_at	0,331970085	-0,166426752	14	75688012	75738887	1
KCTD18	NA	NA	NA	2	201061926	201083037	-1
SERINC1	208671_at	0,828927831	-0,095520113	6	122806192	122834651	-1
NSUN2	NA	NA	NA	5	6652352	6686157	-1
COG3	NA	NA	NA	13	44937072	45008761	1
LZIC	NA	NA	NA	1	9912363	9925413	-1
MTHFR	217070_at	0,344875616	0,124940678	1	11768374	11788702	-1
RLTPR	NA	NA	NA	16	66236531	66248973	1
BRE	211566_x_at	0,442389504	0,208348387	2	27967061	28415272	1
OPRL1	206563_s_at	0,706202749	0,066594814	20	62181932	62202440	1
PSMB1	214288_s_at	0,02432775	-0,6955917	6	170686134	170704312	-1
AKNA	NA	NA	NA	9	116136250	116196506	-1
Sep 07	213151_s_at	0,011750907	-0,84130163	7	35807152	35911442	1
FAM177A1	NA	NA	NA	14	34583864	34622340	1
PKIG	202732_at	0,027351541	-1,487826126	20	42593850	42681092	1
MOBKLA	NA	NA	NA	19	2022035	2047269	-1
LANCL2	218219_s_at	0,133237068	-0,566031786	7	55400635	55468929	1
C9orf91	NA	NA	NA	9	116413527	116448524	1
CCDC107	NA	NA	NA	9	35648311	35651184	1
C17orf100	NA	NA	NA	17	6495783	6497341	1
LOC729991-M	205124_at	0,01441612	-2,358360585	19	19117378	19163937	-1
CCDC77	NA	NA	NA	12	384939	422069	1
TBP	203135_at	0,115773024	-0,832141242	6	170705396	170723872	1
ACSL5	218322_s_at	0,051559743	-0,902414839	10	114125013	114178128	1
CCDC99	221685_s_at	0,050658286	-0,417599456	5	168943216	168964360	1
ZNF83	221645_s_at	0,015790405	-0,855232921	19	57807429	57833456	-1
SCRN1	201462_at	0,251304272	-1,813863687	7	29926253	29995902	-1
C17orf63	218464_s_at	0,158832408	-0,21774003	17	24107123	24193967	-1
CHPF	202175_at	0,027983302	0,622158981	2	220111922	220116682	-1

TMEM198	NA	NA	NA	2	220116989	220123561	1
CCDC132	NA	NA	NA	7	92699589	92826274	1
C18orf24	217640_x_at	0,018838719	-0,807475257	18	46155390	46174536	1
POLRMT	203782_s_at	0,511651364	-0,260527382	19	568223	584568	-1
C10orf95	220152_at	0,528530789	0,065544252	10	104199584	104201290	-1
POLE2	205909_at	0,083645721	-0,935209944	14	49180028	49224685	-1
KLHDC1	NA	NA	NA	14	49229635	49289618	1
EIF6	210213_s_at	0,504697172	-0,183388869	20	33330139	33335920	-1
NFKB1	209239_at	0,663059017	-0,115675144	4	103641518	103757507	1
SRD5A1	210959_s_at	0,890476536	0,057368932	5	6686500	6722675	1
ZFX	207920_x_at	0,298990863	-0,229210061	X	24077824	24142549	1
SNRNP70	201221_s_at	0,16513953	-0,351921283	19	54280277	54303682	1
DSN1	219512_at	0,664927481	-0,108020599	20	34813862	34835563	-1
ANP32B	201306_s_at	0,060660904	-0,312374573	9	99785310	99818046	1
NUCB2	203675_at	0,423775981	0,828125045	11	17254862	17309646	1
PRPF39	220553_s_at	0,121554411	-0,500921815	14	44623052	44654554	1
MRPL52	NA	NA	NA	14	22368936	22374086	1
MMP14	202828_s_at	0,10921446	0,286586524	14	22375633	22386643	1
SYNGR2	201079_at	0,344174557	0,470110249	17	73676266	73680604	1
THRA	1316_at	0,334244036	0,079962084	17	35472589	35499816	1
Sep 01	NA	NA	NA	16	30296957	30301672	-1
ZNF791	NA	NA	NA	19	12582753	12601676	1
ADD3	201034_at	0,316171997	-0,875561423	10	111757701	111885313	1
PDDC1	NA	NA	NA	11	757222	767487	-1
FANCA	203806_s_at	0,029248389	-0,766502691	16	88331460	88410566	-1
C10orf28	210455_at	0,253783264	-0,549130082	10	99884371	99994644	1
PHRF1	NA	NA	NA	11	566486	602220	1
NAPSA	NA	NA	NA	19	55553546	55560743	-1
HPS4	218402_s_at	0,110841582	-1,018246675	22	25177446	25205551	-1
DYNC2LI1	203763_at	0,585507303	0,117104949	2	43854686	43890653	1
KHSRP	212303_x_at	0,030028084	-0,631267668	19	6364115	6375822	-1
EXOSC1	NA	NA	NA	10	99185656	99195758	-1
C6orf211	218195_at	0,038481719	-1,527284102	6	151815115	151832925	1

VPS11	203292_s_at	0,288602074	0,199954011	11	118443703	118457898	1
RHBDF2	219202_at	0,088515699	-0,397980533	17	71978570	72009103	-1
SDCCAG8	NA	NA	NA	1	241485943	241730016	1
HINT2	NA	NA	NA	9	35802957	35805042	-1
LYPLAL1	NA	NA	NA	1	217413844	217451783	1
CEP170	207719_x_at	0,291980563	-0,52927337	1	241354353	241485331	-1
NMRAL1	NA	NA	NA	16	4451696	4464893	-1
HMOX2	218121_at	0,734240232	0,107398768	16	4466447	4500349	1
CEP78	NA	NA	NA	9	80040811	80071803	1
TSSC4	218612_s_at	0,804050374	0,069197138	11	2380099	2381682	1
HERC2P3	NA	NA	NA	15	18848558	18971443	-1
COG2	203073_at	0,466655381	-0,304306109	1	228844881	228896351	1
PTAFR	211661_x_at	0,129428411	-0,38327736	1	28348425	28375778	-1
RGS19	204336_s_at	0,011608263	-0,823921425	20	62174978	62181289	-1
FGGY	219718_at	0,925583684	-0,025140797	1	59535328	60000987	1
TMEM167B	NA	NA	NA	1	109434926	109441077	1
SNF8	218391_at	0,910493246	0,01837613	17	44362457	44377153	-1
C9orf72	NA	NA	NA	9	27536544	27563476	-1
LPAR2	206723_s_at	0,213578772	-0,404164741	19	19595477	19600017	-1
PDE7A	NA	NA	NA	8	66793867	66863886	-1
UNC93B1	220998_s_at	0,188270559	-0,187623619	11	67515151	67528169	-1
ALDH3B1	211004_s_at	0,063146777	0,374891367	11	67534366	67553319	1
CAPS	NA	NA	NA	19	5865219	5866886	1
PRKX	204061_at	0,253105604	-0,288359494	X	3532411	3641661	-1
FAM116A	NA	NA	NA	3	57586224	57653844	-1
VKORC1L1	NA	NA	NA	7	64975692	65057237	1
ATG2B	219164_s_at	0,123251171	-0,338421464	14	95817348	95899431	-1
XPA	205672_at	0,961532614	-0,012798586	9	99477012	99499512	-1
MBP	210136_at	0,018600933	-2,130557334	18	72819777	72973762	-1
COX6B1	201441_at	0,59917947	-0,129545674	19	40830995	40841524	1
LRPPRC	211615_s_at	0,087553127	-0,704189059	2	43968391	44076648	-1
TRIM14	203148_s_at	0,122070782	-1,620693771	9	99886458	99921301	-1
ZZZ3	212893_at	0,093147666	-0,714982263	1	77802776	77920931	-1

SCP2	211733_x_at	0,002709453	-0,623578134	1	53253198	53289870	1
KDM2A	208988_at	0,188251214	-0,420513613	11	66644074	66781717	1
XPO6	214784_x_at	0,645748836	-0,080560761	16	28016817	28130691	-1
SNX10	218404_at	0,0107172	-2,496948148	7	26298040	26380474	1
ECD	203013_at	0,285126119	-0,341753132	10	74564289	74597823	-1
C9orf116	221946_at	0,707240144	0,05847267	9	137526847	137531582	-1
TLL4	203703_s_at	0,264813806	-0,141780017	2	219283887	219327652	1
ALDH18A1	217791_s_at	0,112021793	-0,375311773	10	97355676	97406557	-1
AGBL5	218480_at	0,137916802	0,271736438	2	27127995	27146994	1
GFOD1	219821_s_at	0,594552374	-0,18490663	6	13471798	13595766	-1
DIAPH1	209190_s_at	0,042448805	-1,076927331	5	140874772	140978747	-1
ZFP82	NA	NA	NA	19	41574701	41601390	-1
EIF5A	NA	NA	NA	17	7151693	7156498	1
ABCC4	203196_at	0,047290026	-1,028659767	13	94470084	94751688	-1
MED24	213043_s_at	0,206468428	-0,220882303	17	35428876	35464415	-1
UBE2V2	209096_at	0,044561061	-0,49509408	8	49083548	49137007	1
TMEM5	204807_at	0,224205648	-0,864314494	12	62459904	62489154	1
NUMB	209073_s_at	0,786521877	-0,060200011	14	72811671	72995039	-1
PLEKHO2	204436_at	0,868612478	0,020588295	15	62921186	62947254	1
ELK4	206919_at	0,060459659	0,319689197	1	203851858	203868623	-1
TDRD1	NA	NA	NA	10	115929019	115982053	1
ADCK2	44120_at	0,212300428	-0,291828763	7	140019422	140041377	1
FIGNL1	NA	NA	NA	7	50479325	50485582	-1
HRK	206864_s_at	0,392398326	-0,501009336	12	115783410	115803615	-1
SPTLC1	202278_s_at	0,963176671	0,013396556	9	93833248	93917511	-1
ZNF331	219228_at	0,916132808	-0,047383192	19	58733145	58775335	1
RAB14	200927_s_at	0,032969829	-0,683976752	9	122980237	123003913	-1
MPZL3	NA	NA	NA	11	117605546	117628221	-1
VTA1	NA	NA	NA	6	142510103	142583778	1
YEATS4	218911_at	0,024811768	-0,773203849	12	68039799	68070843	1
ELAVL1	201726_at	0,048789767	-0,534206756	19	7929457	7976529	-1
SNTB2	205315_s_at	0,168465851	-0,45438651	16	67778551	67900456	1
RFTN1	212646_at	0,005132343	-3,841131245	3	16332356	16530226	-1

TYK2	205546_s_at	0,748933419	-0,079180582	19	10322209	10352211	-1
HISPPD2A	204578_at	0,888732926	0,029800758	15	41612949	41664383	-1
CKMT1B	202712_s_at	0,690608319	-0,381583164	15	41672544	41678896	1
IKZF2	220567_at	0,644881426	0,048126038	2	213572653	213723303	-1
CTPS2	219080_s_at	0,05892757	-0,617471192	X	16516043	16640980	-1
ZNF611	208137_x_at	0,719743308	-0,100749078	19	57899284	57924947	-1
DNAJC11	215792_s_at	0,968954308	0,020512049	1	6616818	6684460	-1
NIPA2	212129_at	0,365368838	0,166344276	15	20556788	20585849	-1
C12orf5	219099_at	0,012130736	-1,677697538	12	4300620	4339455	1
SH3BGRL	201311_s_at	0,002173842	-1,729505729	X	80344278	80440702	1
RNF19B	213038_at	0,168232234	-1,52554122	1	33174634	33202301	-1
TARDBP	200020_at	0,009516748	-0,549667445	1	10995266	11008136	1
MRPS2	218001_at	0,524378127	-0,187236593	9	137532375	137536340	1
ASPHD2	NA	NA	NA	22	25155302	25169571	1
TMEM151A	NA	NA	NA	11	65815917	65820711	1
KCNK6	NA	NA	NA	19	43502322	43511494	1
ERCC4	210158_at	0,299472289	0,206989365	16	13921524	13949705	1
RTN4RL1	NA	NA	NA	17	1784721	1874928	-1
SF3A1	216457_s_at	0,021637808	-0,705042761	22	29057977	29082913	-1
LOC81691	215215_s_at	0,528726171	-0,408055203	16	20725334	20768488	1
CAB39	217873_at	0,281113266	-0,392977734	2	231285909	231394031	1
Magmas	218969_at	0,622195525	-0,184444925	16	4330253	4341301	-1
LGTN	218253_s_at	0,907848396	0,049376249	1	204831597	204852527	-1
MAML1	202360_at	0,508545716	-0,210095751	5	179092457	179136890	1
PPP1CA	200846_s_at	0,018377513	-0,68082561	11	66922228	66925952	-1
SMTN	209427_at	0,004474821	0,53477214	22	29807305	29830609	1
COG6	NA	NA	NA	13	39127814	39224633	1
PRDM4	49485_at	0,870990444	-0,024734399	12	106650773	106679044	-1
ZNF787	213402_at	0,344134108	-0,141735768	19	61290544	61324461	-1
ZNF490	NA	NA	NA	19	12547645	12582594	-1
SPAG8	206816_s_at	0,195241239	0,542640546	9	35797782	35802259	-1
BBS4	212745_s_at	0,955571233	0,015864925	15	70765588	70817869	1
ZDHHC16	NA	NA	NA	10	99195937	99207117	1

GRAMD1A	NA	NA	NA	19	40183086	40209213	1
SPOPL	NA	NA	NA	2	138975841	139047271	1
HAUS6	218602_s_at	0,069207677	-0,582575485	9	19043141	19092902	-1
KYNU	217388_s_at	0,002136981	-2,901013063	2	143351665	143516355	1
MIOS	206860_s_at	0,003926404	-0,878864211	7	7573141	7613637	1
SIT1	205484_at	0,0030598	-1,606891157	9	35639295	35640947	-1
SLC39A2	220413_at	0,292960062	0,213628122	14	20537259	20539870	1
C3orf24	NA	NA	NA	3	10098004	10124915	-1
DNM1L	203105_s_at	0,299775497	-0,607615027	12	32723491	32788621	1
YLPM1	214659_x_at	0,118766098	-0,358865575	14	74299822	74373766	1
ENPP3	NA	NA	NA	6	132000135	132110243	1
SUV39H1	218619_s_at	0,645597107	-0,111688223	X	48440075	48452351	1
SYAP1	NA	NA	NA	X	16647676	16689274	1
ITPR2	202660_at	0,122868498	-1,971995726	12	26379552	26877398	-1
WNK1	211992_at	0,030228888	-1,095045195	12	732486	890879	1
C1orf74	NA	NA	NA	1	208022285	208024513	-1
GRPEL2	NA	NA	NA	5	148705170	148714339	1
ATXN3	205415_s_at	0,061621882	-0,609408026	14	91598883	91642707	-1
CUTC	218970_s_at	0,377893722	-0,303770184	10	101481948	101505884	1
HHEX	204689_at	0,108473493	-0,830393404	10	94439661	94445388	1
PPP2R1A	200695_at	0,341344542	-0,184743158	19	57385046	57421483	1
TBC1D10C	NA	NA	NA	11	66927988	66934136	1
ZDHHC20	NA	NA	NA	13	20848508	20931423	-1
ACSF3	NA	NA	NA	16	87687825	87749670	1
RFX1	222012_at	0,205388507	0,196064041	19	13933352	13978097	-1
FANCC	205189_s_at	0,661085176	-0,065828326	9	96901157	97119812	-1
AGPS	205401_at	0,205073326	0,336500702	2	177965731	178112411	1
STK17A	202695_s_at	0,016405702	-1,315843556	7	43589217	43633503	1
	NA	NA	NA	17	1880181	1893475	1
ATF2	212984_at	0,87248109	-0,062506156	2	175647252	175741143	-1
C7orf10	NA	NA	NA	7	40141100	40866882	1
MTERFD2	214364_at	0,097707667	0,326680367	2	241675180	241690397	-1
C7orf11	NA	NA	NA	7	40138867	40140741	-1

SIVA1	203489_at	0,009538533	-0,965791644	14	104290515	104297041	1
AKAP3	207344_at	0,556028322	0,105762266	12	4594937	4624604	-1
ABCA7	219577_s_at	0,239078627	-0,471494815	19	991102	1016571	1
MRPL50	NA	NA	NA	9	103192070	103200717	-1
MFN2	201155_s_at	0,51011732	-0,094776438	1	11962956	11996152	1
EIF2B3	218488_at	0,17601842	-0,356831499	1	45089037	45224869	-1
ERCC6	207347_at	0,873524704	-0,019816456	10	50336715	50417078	-1
PPAT	209434_s_at	0,375209213	-0,494624499	4	56954285	56996602	-1
TMEM177	218897_at	0,501111134	-0,291787037	2	120153213	120156164	1
DNAJB1	200666_s_at	0,411958286	-0,424917559	19	14486582	14490201	-1
AKAP5	207800_at	0,971300021	-0,009672642	14	64001970	64010974	1
SLC30A4	207362_at	0,685030711	0,062666143	15	43561968	43602294	-1
HIBCH	203711_s_at	0,679512821	-0,157084901	2	190777605	190892804	-1
APBB1IP	219994_at	0,324249368	-0,701317311	10	26767272	26896738	1
MRPS36	NA	NA	NA	5	68549329	68561741	1
FAHD2B	222055_at	0,178156279	0,256573399	2	97113050	97124309	-1
MRPS33	218654_s_at	0,013142432	-0,999475665	7	140352431	140360930	-1
PHF10	219126_at	0,004766743	-0,780483997	6	169845926	169865909	-1
TMX2	201175_at	0,016429872	0,654585365	11	57236618	57265020	1
UBE2S	202779_s_at	0,769740321	-0,142457997	19	60604462	60611137	-1
AHI1	220841_s_at	0,192298171	-0,179381832	6	135646817	135860576	-1
CDC2L6	212899_at	0,003638768	-2,043694549	6	111037874	111243105	-1
TEP1	205727_at	0,592632252	-0,057009458	14	19905766	19951420	-1
USHBP1	NA	NA	NA	19	17221849	17236544	-1
C3orf10	NA	NA	NA	3	10132333	10143874	1
IKBKG	36004_at	0,083823304	0,350687715	X	153429256	153446455	1
ZNF107	205739_x_at	0,011115703	-2,308027519	7	63763946	63808839	1
PECI	218025_s_at	0,815743365	0,324635073	6	4060926	4080830	-1
C21orf45	219004_s_at	0,280618657	-0,283454438	21	32562401	32573247	-1
ZNF543	NA	NA	NA	19	62523689	62533956	1
HMGXB4	212597_s_at	0,453308782	-0,180023211	22	33983489	34021800	1
THAP1	219292_at	0,068632311	-0,766135978	8	42810974	42817631	-1
MED19	NA	NA	NA	11	57227762	57236249	-1

CCDC157	NA	NA	NA	22	29083036	29102818	1
YIF1A	202418_at	0,13445327	0,44651465	11	65808627	65813148	-1
EEF2K	NA	NA	NA	16	22125093	22207567	1
ZMYND19	NA	NA	NA	9	139596352	139604758	-1
FUZ	221187_s_at	0,504553398	-0,136167848	19	55001961	55008280	-1
RASGRP2	214368_at	0,083162101	0,194147316	11	64250959	64269504	-1
YPEL1	213996_at	0,607698148	0,163418937	22	20381825	20420071	-1
YTHDF1	221741_s_at	0,407682842	-0,170953912	20	61297226	61317983	-1
ZNF236	47571_at	0,058156503	0,393289321	18	72665104	72811671	1
TSSK6	NA	NA	NA	19	19486028	19487469	-1
METT11D1	218366_x_at	0,340541381	-0,267021911	14	20527805	20535034	1
PTPRCAP	204960_at	0,002426301	-2,753819956	11	66959557	66961729	-1
NFATC4	205897_at	0,447428111	-0,130760486	14	23907094	23918650	1
MMAB	NA	NA	NA	12	108475903	108495741	-1
IFNGR2	201642_at	0,222204512	-0,420633912	21	33697072	33731696	1
SSB	201139_s_at	0,039883238	-1,128093312	2	170363635	170376821	1
SHPK	219713_at	0,681327903	-0,082017408	17	3458305	3486365	-1
MIPEP	36830_at	0,628021567	-0,124973934	13	23202328	23361559	-1
PTPRE	221840_at	0,201421053	-0,481643209	10	129735824	129774155	1
NSUN5	213773_x_at	0,129638837	-0,446063057	7	72355162	72360759	-1
EBPL	NA	NA	NA	13	49132863	49163612	-1
ZNF614	210599_at	0,693391683	-0,052399076	19	57208389	57223429	-1
SMC1A	201589_at	0,376314159	-0,261333704	X	53417795	53466343	-1
ATP1A1	220948_s_at	0,961744996	-0,027878164	1	116717359	116748919	1
CCNH	204093_at	0,144144911	-0,365537089	5	86725838	86744592	-1
VHL	203844_at	0,429930827	0,075490443	3	10158319	10168762	1
CD97	202910_s_at	0,86520918	-0,096222758	19	14353213	14380535	1
KLHDC8B	NA	NA	NA	3	49184072	49188923	1
RPS19BP1	NA	NA	NA	22	38255044	38258806	-1
GTF3C4	219198_at	0,473524787	0,113734472	9	134535549	134555292	1
ZNF189	207513_s_at	0,483876452	-0,099691542	9	103200984	103212763	1
MAP4K5	203553_s_at	0,203442413	-0,706890323	14	49954993	50069126	-1
MTHFD2	201761_at	0,285927582	-0,403066753	2	74279198	74295933	1

TMEM77	NA	NA	NA	1	111461481	111484238	-1
C4orf32	NA	NA	NA	4	113286127	113329678	1
PAICS	214664_at	0,393746292	-0,169767986	4	56996672	57022291	1
NCAPH2	209718_at	0,44360266	0,127882352	22	49293511	49308782	1
CTSS	202902_s_at	0,043908615	-1,265248888	1	148969175	149004929	-1
UBXN1	201871_s_at	0,22275051	-0,30171352	11	62200548	62203103	-1
ATG5	202511_s_at	0,000386974	-1,061014092	6	106739045	106880388	-1
C10orf118	219844_at	0,449904392	-0,093664532	10	115871964	115924354	-1
COPS7A	209029_at	0,037003704	-0,498676087	12	6703482	6711292	1
DDX54	219111_s_at	0,079265044	-0,402800804	12	112079361	112107667	-1
POMT1	218476_at	0,248410651	0,305704363	9	133368110	133389014	1
CIAO1	203536_s_at	0,154872647	-0,314347391	2	96295611	96303644	1
MAP1D	NA	NA	NA	2	172573050	172653833	1
STAT2	217199_s_at	0,178983159	0,216053069	12	55021648	55040176	-1
ATP1A3	214432_at	0,084521831	-0,735800932	19	47162574	47190222	-1
RBBP7	201092_at	0,030699564	-0,621249561	X	16772698	16798386	-1
CPSF7	217866_at	0,502680788	-0,125488154	11	60926777	60953849	-1
IFI27L2	NA	NA	NA	14	93663871	93665710	-1
TTK	204822_at	9,28E-05	-2,003329325	6	80771078	80808958	1
TRAIP	205598_at	0,721503131	0,109053619	3	49841032	49868996	-1
ABCD3	202850_at	0,478062566	-0,42020241	1	94656599	94756672	1
PCOTH	222277_at	0,970565774	0,006045136	13	23361028	23364242	1
PDRG1	NA	NA	NA	20	29996419	30003544	-1
AEN	219361_s_at	0,96396169	-0,015998182	15	86965593	86976516	1
DENND5B	215058_at	0,216393876	-0,289584295	12	31426424	31635219	-1
G6PD	202275_at	0,733166563	-0,130997946	X	153412800	153428981	-1
C9orf78	218116_at	0,271290818	-0,450161095	9	131629385	131637393	-1
PSMD3	201388_at	0,474259041	-0,244673095	17	35390586	35407738	1
MAEA	207922_s_at	0,901468908	0,038655607	4	1273672	1323925	1
UPF1	211168_s_at	0,021863297	-0,781587899	19	18803744	18840039	1
C11orf79	NA	NA	NA	11	60954173	60970805	1
C9orf93	NA	NA	NA	9	15543097	15961897	1
AGTRAP	NA	NA	NA	1	11718729	11733415	1

OAS2	204972_at	0,339873685	-1,072991753	12	111900657	111933911	1
PGLS	218388_at	0,015421201	-1,099795138	19	17483432	17493097	1
RXFP4	NA	NA	NA	1	154178104	154179249	1
B3GAT3	35179_at	0,038021246	0,442496541	11	62139344	62146024	-1
MDM1	213761_at	0,015506615	-1,262758951	12	67005168	67012350	-1
HN1L	216031_x_at	0,801509783	0,09769275	16	1668279	1692074	1
YIF1B	NA	NA	NA	19	43487584	43498446	-1
C12orf24	204521_at	0,085778425	-0,816788499	12	109390615	109412575	1
KDM4A	203204_s_at	0,748933419	0,07438188	1	43888384	43943776	1
IFT88	204703_at	0,963639965	-0,013717524	13	20039208	20163576	1
HLTF	202983_at	0,037719597	-1,55102148	3	150230594	150287031	-1
CCDC71	NA	NA	NA	3	49174972	49178789	-1
COMMD2	NA	NA	NA	3	150941221	150952968	-1
PHYHD1	NA	NA	NA	9	130724383	130744141	1
CAB39L	221003_s_at	0,264813806	-0,918067014	13	48780787	48873736	-1
IER3IP1	NA	NA	NA	18	42935411	42956743	-1
FXR2	35265_at	0,015593687	-0,632263169	17	7435272	7458796	-1
KBTBD8	NA	NA	NA	3	67132093	67144324	1
GSTK1	217751_at	0,168232234	0,37484859	7	142670686	142676328	1
MRPS28	219819_s_at	0,099580298	-0,815278806	8	80993650	81105061	-1
TRIM41	NA	NA	NA	5	180582912	180595414	1
ATP5O	200818_at	0,477905133	0,121462701	21	34197627	34210028	-1
CKMT1A	NA	NA	NA	15	41772376	41778712	1
MARCH1	219574_at	0,529433531	-0,120457355	4	164668499	164754226	-1
APOBEC3F	214994_at	0,393796472	0,25772765	22	37766619	37781923	1
CLSTN1	201561_s_at	0,005405666	-0,938865237	1	9711666	9807137	-1
MFHAS1	213457_at	0,034810092	-3,101036064	8	8679409	8788541	-1
ZNF330	213760_s_at	0,845296248	0,086575653	4	142361547	142375301	1
CCDC88B	NA	NA	NA	11	63864271	63881582	1
ECE1	201750_s_at	0,801531528	-0,065507874	1	21418939	21489494	-1
MVK	215649_s_at	0,468895768	-0,151639308	12	108496000	108519450	1
CCDC28A	209479_at	0,143318714	-0,531046062	6	139136350	139156149	1
ICOSLG	211197_s_at	0,442738721	-0,185794847	21	44471149	44485262	-1

PIGK	209707_at	0,122868498	0,787005508	1	77327254	77457720	-1
LRR1Q4	NA	NA	NA	3	171022404	171038255	1
PRPF40B	NA	NA	NA	12	48303670	48324716	1
CCDC53	218628_at	0,928749407	-0,058612027	12	100930848	100980029	-1
FH	214170_x_at	0,424313751	0,55942966	1	239727526	239749677	-1
ZHX2	203556_at	0,002173441	-2,691888996	8	123863082	124055936	1
C6orf223	NA	NA	NA	6	44076317	44080865	1
ZNF778	NA	NA	NA	16	87811612	87822864	1
KIAA1161	NA	NA	NA	9	34358907	34366894	-1
COX15	219547_at	0,2232768	-0,572954087	10	101461591	101481890	-1
ZNF322A	219376_at	0,808521121	-0,065523806	6	26742590	26767942	-1
SUCLA2	202930_s_at	0,078130064	-0,920483902	13	47414792	47473463	-1
MTHFSD	218879_s_at	0,361047073	0,169225372	16	85121283	85146342	-1
CWC15	NA	NA	NA	11	94335435	94346424	-1
TFPT	218996_at	0,352418952	-0,508413539	19	59302142	59310848	-1
C12orf52	44065_at	0,014451733	-0,586936017	12	112107938	112114502	1
KIAA1632	NA	NA	NA	18	41681572	41801303	-1
ATPBD3	NA	NA	NA	19	56293587	56299659	-1
CBFB	202370_s_at	0,034064103	-0,734190162	16	65620551	65692462	1
C3orf75	220600_at	0,394974794	0,195255531	3	47512134	47530203	-1
IFITM5	NA	NA	NA	11	288203	289526	-1
RIBC1	NA	NA	NA X		53466564	53473501	1
DMXL1	203791_at	0,057607043	-1,26971455	5	118434983	118612721	1
LMF2	31837_at	0,039482974	0,425124264	22	49288246	49292979	-1
UBR2	212760_at	0,133237068	-0,489149653	6	42640036	42766889	1
KIAA0753	204711_at	0,018198996	-0,440474727	17	6422369	6484971	-1
ARL5A	218150_at	0,093078546	-0,813066602	2	152365726	152393255	-1
TMEM127	219460_s_at	0,933639626	-0,019208809	2	96280039	96295459	-1
ANGEL1	36865_at	0,644010902	0,05837526	14	76323339	76348983	-1
C9orf82	219276_x_at	0,085525405	-0,848864382	9	26830683	26882725	-1
ERI2	213365_at	0,095161517	-0,772838268	16	20699016	20725296	-1
TPT1	216520_s_at	0,104214247	-0,308445344	13	44809304	44813297	-1
C17orf80	221048_x_at	0,996982973	0,001092967	17	68740371	68756693	1

PHLPP1	212719_at	0,105423953	-1,732059882	18	58533714	58798646	1
COCH	205229_s_at	0,000196614	-3,757697711	14	30413516	30429573	1
PHF14	204525_at	0,343458258	-0,413231861	7	10980041	11175770	1
TMEM91	NA	NA	NA	19	46561711	46581828	1
SLC9A8	212947_at	0,370639759	0,330230843	20	47862657	47942179	1
KDM3B	210878_s_at	0,035018731	-0,721242966	5	137716184	137800615	1
TMEM180	219745_at	0,34618714	-0,475648271	10	104211160	104226792	1
PKMYT1	204267_x_at	0,607927107	-0,114687541	16	2962793	2970475	-1
ALG6	219649_at	0,569624134	-0,207729065	1	63605886	63675466	1
ZNF318	203520_s_at	0,052757331	-1,835796606	6	43411786	43445159	-1
NDUFA9	208969_at	0,060699466	-0,56099758	12	4628544	4666660	1
RG9MTD1	NA	NA	NA	3	102763402	102767779	1
NCOA3	209061_at	0,01777203	-1,572296812	20	45564064	45719023	1
VRK1	203856_at	0,015593687	-1,297140707	14	96333437	96417704	1
C9orf3	212848_s_at	0,263491303	0,269614054	9	96528815	96889262	1
TTC23	219838_at	0,286576556	0,202108845	15	97494051	97607338	-1
LACE1	NA	NA	NA	6	108722791	108950951	1
TESK1	204106_at	0,037971854	-0,511428451	9	35595281	35600038	1
RBM19	205115_s_at	0,363419631	-0,189811421	12	112744245	112888499	-1
SMAP2	NA	NA	NA	1	40612315	40661581	1
TMEM156	220169_at	0,039115519	-0,802199287	4	38644817	38710436	-1
KLHL11	220657_at	0,374243302	0,085400483	17	37263325	37275155	-1
LIMD2	218600_at	0,002108884	-1,321678616	17	59126981	59131251	-1
SAMM50	201569_s_at	0,010986516	-0,793916816	22	42682634	42723745	1
TRAPPC2	209751_s_at	0,298832915	-0,362053878	X	13640282	13662648	-1
ME2	210154_at	0,430704228	-0,435236874	18	46659433	46728258	1
DPF2	202116_at	0,416934958	-0,293038857	11	64857922	64877027	1
CTNS	204925_at	0,612331942	0,141487054	17	3486511	3513146	1
FAM100A	NA	NA	NA	16	4598885	4604928	-1
KAT5	209192_x_at	0,803351858	0,108409482	11	65236065	65243651	1
C14orf102	NA	NA	NA	14	89814151	89868032	-1
RNF111	218761_at	0,05305004	-0,483158706	15	57067157	57176546	1
MRPS5	NA	NA	NA	2	95116679	95151481	-1

WDR45	209217_s_at	0,084569847	0,650005737	X	48819036	48845003	-1
C7orf49	220949_s_at	0,15097043	0,277758338	7	134501077	134505987	-1
API5	201687_s_at	0,334697445	-0,352927921	11	43290109	43322655	1
PCYT2	209577_at	0,103617997	-0,521042265	17	77455384	77462586	-1
FAM159A	NA	NA	NA	1	52871654	52895325	1
RAD52	205647_at	0,295057397	-0,286575914	12	891516	929124	-1
HSPA4L	205543_at	0,758587345	0,166290048	4	128922903	128973976	1
TAF7	201023_at	0,211533114	-0,821731136	5	140678241	140680535	-1
ZNF671	219849_at	0,844640808	-0,030338527	19	62922931	62930795	-1
WSB1	201296_s_at	0,029248389	-1,40868932	17	22645233	22664772	1
HAUS4	218383_at	0,848082059	-0,06735614	14	22485277	22496160	-1
TRIM33	212435_at	0,00075307	-0,961868157	1	114736922	114855304	-1
TNFAIP8L2	NA	NA	NA	1	149395729	149398849	1
ADAM19	209765_at	0,215778639	-0,630882486	5	156836890	156935346	-1
ICAM3	204949_at	0,04946414	-2,48707899	19	10305452	10311307	-1
HDDC2	203259_s_at	0,002832492	-1,219492163	6	125638195	125664981	-1
GPN3	218461_at	0,073621753	-0,518280088	12	109374674	109390447	-1
PLCB2	204046_at	0,674493914	0,068175994	15	38367390	38387466	-1
KDM4D	220278_at	0,571915777	-0,068134297	11	94346493	94372326	1
IGF2R	201393_s_at	0,459445613	0,543835537	6	160310121	160447573	1
IL10RA	204912_at	0,280003622	-1,012955422	11	117362319	117377404	1
TNFAIP8L1	NA	NA	NA	19	4590530	4604953	1
USP20	203965_at	0,959048406	-0,00847032	9	131637578	131683928	1
ARRB2	203388_at	0,250580779	-0,317412473	17	4560538	4571544	1
IPPK	219092_s_at	0,363532438	0,139166442	9	94415287	94472368	-1
DDX10	204977_at	0,271290818	-0,167734361	11	108041026	108316860	1
NR1H2	218215_s_at	0,674930823	-0,160035669	19	55571497	55578079	1
STK24	208855_s_at	0,173629934	-1,00058871	13	97900456	98027397	-1
C1orf213	NA	NA	NA	1	23568051	23570866	1
FCGR2B	210889_s_at	0,098373951	-1,375074308	1	159899564	159914575	1
CD80	207176_s_at	0,255297641	-0,48484769	3	120725830	120761171	-1
SPNS1	NA	NA	NA	16	28893650	28903365	1
PILRB	220954_s_at	0,1298557	-0,863548088	7	99793562	99803388	1

GM2A	212737_at	0,046258024	-1,813673665	5	150612837	150629000	1
OTUB1	201245_s_at	0,412047546	-0,239250609	11	63509901	63522468	1
CAPZA2	201237_at	0,134271627	-0,538671644	7	116289799	116346549	1
MTMR14	222143_s_at	0,944456272	-0,0290473	3	9666144	9719077	1
OFD1	203569_s_at	0,098179141	-0,673107578	X	13662801	13697393	1
TNFRSF10A	NA	NA	NA	8	23104915	23138584	-1
FBXL5	209004_s_at	0,711450223	-0,164405711	4	15215252	15266111	-1
SENP5	222110_at	0,587261278	-0,077792039	3	198079174	198142496	1
FAM104A	NA	NA	NA	17	68715087	68740128	-1
RGS20	210138_at	0,75813284	-0,070069058	8	54926921	55034416	1
MED23	218846_at	0,009516748	-0,824416527	6	131936799	131991056	-1
URG4	218601_at	0,88882805	-0,043745287	7	43882026	43932521	-1
MYBBP1A	219098_at	0,16513953	-0,432777429	17	4388940	4405430	-1
PAWR	204005_s_at	0,107374509	-1,239759376	12	78509876	78608921	-1
FCGR2C	NA	NA	NA	1	159817762	159836656	1
AFF4	219199_at	0,924661147	-0,029592258	5	132238970	132327253	-1
IQCE	204202_at	0,353679959	0,214882151	7	2565158	2620894	1
DHPS	211558_s_at	0,450871315	0,312881239	19	12647534	12653677	-1
ULBP3	NA	NA	NA	6	150427436	150431895	-1
C10orf84	218390_s_at	0,948251219	0,010325218	10	120058562	120091808	-1
SH3GLB2	218813_s_at	0,689889662	0,178210412	9	130810134	130830400	-1
LIPT1	205571_at	0,000445503	-0,878569119	2	99137850	99146043	1
HIATL1	NA	NA	NA	9	96176654	96263023	1
CLDND2	NA	NA	NA	19	56562164	56564069	-1
LARS	217810_x_at	0,681425308	0,084070782	5	145472782	145542487	-1
PYCR2	NA	NA	NA	1	224174203	224178588	-1
TOMM5	NA	NA	NA	9	37578410	37582636	-1
HOXA7	206847_s_at	0,419769819	-0,398310504	7	27159860	27162821	-1
MSH2	209421_at	0,017311748	-1,069783063	2	47483767	47563864	1
CDK5RAP2	220935_s_at	0,243810632	-0,178548645	9	122190968	122382258	-1
PHF8	212916_at	0,008704134	-0,366309124	X	53979838	54087036	-1
DMAP1	NA	NA	NA	1	44451712	44458938	1
TXNDC17	NA	NA	NA	17	6484946	6488585	1

TFEB	50221_at	0,026469186	-1,403821846	6	41759694	41810776	-1
TTYH3	NA	NA	NA	7	2638129	2670962	1
SNRPD1	202690_s_at	0,021723414	-0,63751055	18	17446258	17464206	1
C14orf145	NA	NA	NA	14	80032577	80475637	-1
SETD6	219751_at	0,308341076	0,362953221	16	57106928	57111067	1
PSMB6	208827_at	0,68458143	0,152697338	17	4646415	4648748	1
SLC43A2	NA	NA	NA	17	1424446	1478880	-1
C6orf167	NA	NA	NA	6	97696758	97837773	-1
MRPL23	213897_s_at	0,763453083	-0,115308846	11	1925114	1934408	1
C14orf142	NA	NA	NA	14	92738990	92743212	-1
EFTUD1	218973_at	0,158178521	-0,393936422	15	80209616	80342159	-1
C6orf114	NA	NA	NA	6	13577488	13594394	-1
MAPKAP1	217808_s_at	0,866159663	-0,070942991	9	127239494	127509334	-1
C14orf106	206500_s_at	0,083368138	-0,475446388	14	44742143	44792146	-1
COX10	203858_s_at	0,913779624	0,040699716	17	13913444	14052719	1
DDX31	219328_at	0,797052998	0,061053088	9	134459497	134535609	-1
YIPF6	212340_at	0,062219561	0,388005183	X	67635611	67669026	1
TCF19	NA	NA	NA	6	31234282	31239971	1
CHMP4A	218572_at	0,182253644	-0,587407665	14	23748627	23753025	-1
CCNT2	213743_at	0,100642317	-0,286411175	2	135392863	135431057	1
POMP	217769_s_at	0,172233543	-0,431667787	13	28131251	28151059	1
GLOD4	209092_s_at	0,078918106	-0,923141522	17	609320	632297	-1
C19orf36	214296_x_at	0,594753838	0,153895449	19	2047868	2050583	1
TUBA1A	211058_x_at	0,104214247	-0,291686455	12	47864849	47869128	-1
CENPJ	220885_s_at	0,950667877	-0,023160693	13	24354412	24395085	-1
AURKB	209464_at	0,016330564	-0,927929673	17	8048774	8054608	-1
LRRK2	NA	NA	NA	12	38905081	39049354	1
B9D2	219766_at	0,202252153	0,254721591	19	46552166	46561877	-1
NUP210	213947_s_at	0,717885822	-0,163537297	3	13332737	13436809	-1
UNC84B	212144_at	0,93361776	0,028698014	22	37460681	37481893	-1
MIER1	NA	NA	NA	1	67168514	67226890	1
N4BP3	214775_at	0,084066406	-0,373782589	5	177473162	177485713	1
EDC3	219207_at	0,84884407	0,066309983	15	72709952	72775413	-1

GNB1	200744_s_at	0,061296284	-0,821798684	1	1706589	1812355	-1
RACGAP1	222077_s_at	0,034874758	-0,688459984	12	48669212	48705488	-1
NHP2	209104_s_at	0,684844805	0,105263654	5	177509070	177513567	-1
EVL	217838_s_at	0,051665529	-2,24549816	14	99601504	99680326	1
ERCC3	202176_at	0,004833623	-0,604210289	2	127731336	127768222	-1
CREM	209967_s_at	0,086733298	-1,802167324	10	35524836	35541892	1
SPTLC2	203127_s_at	0,003657529	-0,808347674	14	77043023	77152863	-1
DHX57	213420_at	0,886649573	-0,037198364	2	38878375	38956525	-1
MAST2	211593_s_at	0,311278904	-0,453536597	1	46041872	46274383	1
PSMA5	201274_at	0,50006575	-0,299253208	1	109745995	109770560	-1
WDR51A	NA	NA	NA	3	52084310	52163460	-1
MTHFS	203433_at	0,733295839	-0,105279132	15	77924373	77976425	-1
PARP11	220315_at	0,542743032	-0,064465793	12	3788288	3852863	-1
BCAP29	205084_at	0,303312008	0,709550018	7	107007946	107058401	1
NPM3	205129_at	0,381189601	-0,259938448	10	103531072	103533148	-1
C14orf126	NA	NA	NA	14	30984993	30996431	-1
SCFD2	NA	NA	NA	4	53433906	53926999	-1
PRPF31	202408_s_at	0,209869224	-0,245401123	19	59310649	59326954	1
DCUN1D1	218583_s_at	0,486996731	-0,341897774	3	184143253	184181020	-1
SP2	204367_at	0,022006086	-0,672229383	17	43328515	43361322	1
ALOX5AP	204174_at	0,000197353	-3,817006552	13	30207669	30236556	1
IBTK	210970_s_at	0,015380441	-0,806927966	6	82936675	83014167	-1
DNAJC28	220372_at	0,773189681	-0,030697181	21	33782108	33785660	-1
TIGD5	NA	NA	NA	8	144751364	144753627	1
ORC4L	203351_s_at	0,018355126	-0,807355459	2	148408202	148494789	-1
PSME2	201762_s_at	0,981609849	0,017258576	14	23682414	23685695	-1
VPS29	NA	NA	NA	12	109413713	109424299	-1
STYX	NA	NA	NA	14	52266682	52309232	1
CNIH	201653_at	0,743630251	-0,155584073	14	53963397	53977898	-1
KIAA0907	202220_at	0,302338542	-0,38116389	1	154149460	154170812	-1
ZNF420	NA	NA	NA	19	42261222	42312502	1
ZNF571	206648_at	0,683158094	-0,116523551	19	42746995	42777513	-1
PSMB11	NA	NA	NA	14	22581216	22583109	1

RNF169	NA	NA	NA	11	74137561	74231106	1
INPP5D	203331_s_at	0,012897452	-1,08317114	2	233633280	233703602	1
CSNK1G3	220768_s_at	0,290321188	-0,399557985	5	122875692	122980364	1
LPIN2	202460_s_at	0,434705331	-0,092862016	18	2906992	3001945	-1
SEC11C	NA	NA	NA	18	54958105	54977044	1
PISD	202392_s_at	0,360717673	-0,211960502	22	30344477	30356810	-1
MTA3	NA	NA	NA	2	42649175	42789857	1
PLOD1	200827_at	0,573468016	0,16085024	1	11917333	11958181	1
PELP1	215354_s_at	0,542668392	-0,125078304	17	4521428	4554381	-1
FOXRED2	220707_s_at	0,957989141	-0,018088201	22	35213179	35233094	-1
FAM120B	NA	NA	NA	6	170457769	170556162	1
NDNL2	NA	NA	NA	15	27347650	27349309	-1
CEPT1	219375_at	0,245523025	-0,466463774	1	111483772	111529247	1
ZNF148	203318_s_at	0,378324474	-0,476368813	3	126427203	126576888	-1
ZNHIT3	212544_at	0,060609693	-0,719453557	17	31916586	31925775	1
NDUFAF4	219006_at	0,010986516	-0,532849141	6	97445609	97452476	-1
hCG_1642624	NA	NA	NA	17	54092937	54124391	-1
CLINT1	201769_at	0,801052654	-0,097358595	5	157145875	157218746	-1
ZNF544	218735_s_at	0,981907138	-0,014070063	19	63431882	63466822	1
GLA	214430_at	0,174292848	0,737328636	X	100539435	100549657	-1
ADI1	217761_at	0,264942166	0,733936287	2	3480698	3502306	-1
KCNMB4	219287_at	0,1877032	-0,649047955	12	69046329	69111245	1
C19orf46	NA	NA	NA	19	41185842	41191512	-1
OSBP	201800_s_at	0,616051474	0,054756739	11	59098447	59140193	-1
PPP2R5A	202187_s_at	0,158612166	-0,425970866	1	210525502	210601828	1
EEF1D	203113_s_at	0,886649573	-0,039479454	8	144733041	144750726	-1
SMAD3	218284_at	0,490989756	-0,398611309	15	65145249	65274587	1
AP4E1	220229_s_at	0,675522546	-0,081279262	15	48988238	49085389	1
C3orf34	NA	NA	NA	3	197918298	197923491	-1
BCDIN3D	NA	NA	NA	12	48517823	48523142	-1
MDP-1	NA	NA	NA	14	23752998	23755081	-1
C9orf114	218565_at	0,421391039	-0,198364251	9	130624166	130631906	-1
RPE	221770_at	0,010791679	-0,84979901	2	210575597	210594195	1

TEX14	221035_s_at	0,243342514	0,173201529	17	53989038	54124415	-1
FAM154B	NA	NA	NA	15	80342207	80364323	1
HNRNPH2	201132_at	0,096435554	0,535997155	X	100549847	100555777	1
UBE2D4	218837_s_at	0,552584798	-0,248400825	7	43932572	43959688	1
PMF1	202337_at	0,976360518	-0,016293409	1	154449408	154476457	1
RBM4	200997_at	0,077863839	-0,399096188	11	66162714	66170516	1
C1orf220	NA	NA	NA	1	176778554	176784647	1
NFKBIZ	NA	NA	NA	3	103029547	103062556	1
GPER	210640_s_at	0,237307579	-0,605673185	7	1092969	1099977	1
FAM105B	NA	NA	NA	5	14717783	14752842	1
IFFO1	36030_at	0,138619842	-0,272064082	12	6518955	6535490	-1
WRB	202749_at	0,943260227	-0,018808241	21	39674140	39691496	1
TSPYL4	212928_at	0,387705322	-0,391152136	6	116677820	116681954	-1
CAMK1D	220246_at	0,195825945	-0,522335573	10	12431589	12911741	1
ZNF326	NA	NA	NA	1	90233266	90266682	1
LSR	208190_s_at	0,933758634	-0,119613459	19	40431399	40450707	1
CTSH	202295_s_at	0,071816538	-1,892294545	15	77001147	77024475	-1
DTYMK	203270_at	0,268545888	-0,27058258	2	242263830	242274900	-1
IFITM2	201315_x_at	0,015421201	-1,768781445	11	298107	299410	1
WDR78	220769_s_at	0,894113717	-0,015973221	1	67051156	67163158	-1
UTP20	209725_at	0,54514982	-0,232346742	12	100198036	100304528	1
CDKN1A	202284_s_at	0,384176436	-1,19021083	6	36754465	36763087	1
BMP7	211259_s_at	0,036338496	-1,371508598	20	55178962	55274708	-1
RNF6	203403_s_at	0,015697462	-1,073315688	13	25684905	25694508	-1
SLC25A35	NA	NA	NA	17	8131807	8138895	-1
C19orf62	221711_s_at	0,78076518	-0,084881059	19	17239232	17251162	1
ARL15	NA	NA	NA	5	53216371	53642160	-1
MBIP	218411_s_at	0,305337429	-0,186168058	14	35837521	35859596	-1
C5orf13	201310_s_at	0,133181824	-2,198759657	5	111092892	111120854	-1
TUBGCP3	203690_at	0,017127056	-1,238972948	13	112187326	112290482	-1
TMEM33	218465_at	0,744153275	0,129512078	4	41631926	41652580	1
ASPH	210896_s_at	0,538137089	-0,426029494	8	62699658	62789495	-1
XRN2	NA	NA	NA	20	21231942	21318463	1

JMJD4	218560_s_at	0,485089701	-0,107254867	1	225985558	225989735	-1
C7orf42	218008_at	0,83999439	0,026396412	7	66023638	66060973	1
RHOBTB2	209441_at	0,008388514	-1,288310155	8	22913407	22933653	1
MPP6	205429_s_at	0,047492747	-0,812337711	7	24579610	24694023	1
SAV1	218276_s_at	0,268338037	-0,458296059	14	50170110	50204773	-1
NUP107	218768_at	0,012402223	-0,787114059	12	67366998	67422740	1
PPM1M	NA	NA	NA	3	52255226	52259651	1
MLF1IP	218883_s_at	0,309782057	-0,290677937	4	185852230	185892280	-1
PRDM10	219515_at	0,008704134	-2,340892288	11	129274811	129322727	-1
PMPCB	201682_at	0,238388098	-0,285130084	7	102725109	102742369	1
RAD9B	NA	NA	NA	12	109424483	109454274	1
TRAF4	202871_at	0,039109592	-1,363851513	17	24095150	24102103	1
PLK1	202240_at	0,138612128	-0,665646787	16	23597702	23609189	1
TRAF5	204352_at	0,047508376	-1,198813957	1	209566802	209614911	1
TMEM161A	43977_at	0,319640191	-0,19372252	19	19091430	19110267	-1
THUMP2	219248_at	0,243374278	-0,381693586	2	39816949	39859881	-1
UBR7	218108_at	0,022572896	-0,990987978	14	92743154	92765314	1
PIGX	NA	NA	NA	3	197923643	197947275	1
TMX1	208097_s_at	0,703766754	0,240750264	14	50776636	50794123	1
HDAC3	216326_s_at	0,406442639	-0,270701565	5	140980627	140996607	-1
CCL4	204103_at	0,451556689	-1,157391545	17	31455333	31457127	1
MKRN1	209845_at	0,261989308	-0,860854003	7	139799320	139825771	-1
ARL2BP	202092_s_at	0,343349957	0,407315032	16	55836539	55845046	1
RSF1	218166_s_at	0,019067956	-0,725205585	11	77054922	77209528	-1
ACN9	218981_at	0,400681399	-0,580419069	7	96584953	96649011	1
ICT1	204868_at	0,055048871	-0,348555837	17	70520375	70528951	1
TNFSF8	207216_at	0,209371457	-0,430578192	9	116704945	116732591	-1
ADRBK2	204183_s_at	0,016526145	-0,731835961	22	24290861	24455259	1
SLU7	NA	NA	NA	5	159761226	159778746	-1
LAP3	217933_s_at	0,043179851	-0,77849498	4	17188025	17218688	1
RELL2	NA	NA	NA	5	140996779	141000815	1
SERINC3	221471_at	0,046414657	0,944679984	20	42558278	42584140	-1
DUSP19	NA	NA	NA	2	183651732	183672981	1

NDUFV3	NA	NA	NA	21	43186447	43202842	1
MAML3	207946_at	0,251912073	0,247074297	4	140856995	141294683	-1
WDR18	209461_x_at	0,296503205	-0,293481464	19	935328	945569	1
TNFRSF13C	NA	NA	NA	22	40650982	40652728	-1
LRRC28	NA	NA	NA	15	97609175	97744021	1
SDR39U1	213398_s_at	0,121387717	-0,786992459	14	23978812	23981847	-1
RAD51C	209849_s_at	0,113345792	-0,757587337	17	54124962	54166691	1
IFI30	NA	NA	NA	19	18145579	18149927	1
SHFM1	202276_at	0,70886358	0,132706211	7	96156015	96177139	-1
SEC13	207707_s_at	0,05039523	0,4959144	3	10317615	10337855	-1
RFC1	209085_x_at	0,064059623	-0,560579744	4	38965471	39044390	-1
CCL4L2	NA	NA	NA	17	31664147	31665674	1
FAM54A	NA	NA	NA	6	136593861	136613142	-1
STAT5B	212549_at	0,422973182	-0,467912605	17	37604721	37681950	-1
GTPBP10	NA	NA	NA	7	89813926	89854586	1
RERE	200940_s_at	0,009880451	-1,804595879	1	8335051	8406334	-1
XYLT1	NA	NA	NA	16	17103682	17472239	-1
DOCK2	213160_at	0,042160565	-2,01037426	5	168996871	169442959	1
LSP1	203523_at	0,056067175	-1,741374766	11	1830776	1870069	1
BICD1	204741_at	0,840135108	0,054524241	12	32151452	32422408	1
C7orf27	NA	NA	NA	7	2544037	2561672	-1
SNAPC1	205443_at	0,200372206	-0,93874084	14	61298920	61332899	1
SLC7A7	204588_s_at	0,049267742	-0,860315798	14	22312274	22354852	-1
INO80C	NA	NA	NA	18	31302289	31331953	-1
TNK2	203839_s_at	0,079661293	-0,461922868	3	197074633	197120277	-1
METT10D	220797_at	0,404911695	-0,36937585	17	2266093	2361950	-1
DULLARD	200035_at	0,395228716	-0,345130044	17	7087882	7095983	-1
ATP8A1	213106_at	0,130510076	-1,661208259	4	42105147	42353879	-1
SLC2A5	204430_s_at	0,027306776	-2,575240808	1	9019594	9052257	-1
CD86	210895_s_at	0,011789805	-2,520296356	3	123279440	123322673	1
FABP5	202345_s_at	0,148603359	-0,468982015	8	82355340	82359563	1
AP4M1	209837_at	0,345308155	-0,247097204	7	99537066	99542739	1
ZNF321	NA	NA	NA	19	58122200	58137659	-1

ASTL	NA	NA	NA	2	96153316	96167902	-1
ETNK1	219017_at	0,179749993	-0,529024309	12	22669343	22734875	1
FBXO42	221812_at	0,473500315	-0,237230178	1	16449146	16551535	-1
C1orf31	NA	NA	NA	1	232576052	232586414	1
JOSD1	201751_at	0,468726016	-0,188943989	22	37411572	37426215	-1
HEXA	201765_s_at	0,010340945	0,953592176	15	70422832	70455457	-1
CCNE2	205034_at	0,019703573	-1,300575697	8	95961628	95976660	-1
SERPINA9	NA	NA	NA	14	93998811	94012423	-1
C10orf4	NA	NA	NA	10	95418319	95452319	-1
TRIM59	NA	NA	NA	3	161635985	161650320	-1
NXT1	218708_at	0,0195016	-0,501623371	20	23279373	23283408	1
FAM81A	NA	NA	NA	15	57517664	57603043	1
CD83	204440_at	0,076233641	-1,613050404	6	14225844	14245128	1
ARHGAP25	204882_at	0,109091518	-1,627741107	2	68855437	68907469	1
EXOSC9	205061_s_at	0,509155765	-0,191710748	4	122941922	122957626	1
GRHPR	214864_s_at	0,014115365	-1,593111679	9	37412707	37426986	1
TIPIN	219258_at	0,02410715	-0,493351559	15	64416062	64436108	-1
FGFR1OP	205588_s_at	0,003926404	-1,151732086	6	167332806	167374056	1
ZUFSP	NA	NA	NA	6	117063474	117096652	-1
TMEM184C	219074_at	0,154704697	0,310910622	4	148758046	148776120	1
C12orf43	219022_at	0,239891274	-0,252968224	12	119925231	119938683	-1
HERC4	208055_s_at	0,316916069	-0,230141449	10	69351662	69505109	-1
SGTA	201396_s_at	0,557552228	-0,219677638	19	2705712	2734354	-1
GTPBP1	205276_s_at	0,218849079	0,19840121	22	37431753	37459538	1
OMA1	NA	NA	NA	1	58718979	58785034	-1
TWF2	202009_at	0,855989091	-0,074231935	3	52237666	52248223	-1
SEC23A	212887_at	0,130940303	-0,873317225	14	38570874	38642188	-1
MON2	212754_s_at	0,122868498	-0,276262651	12	61146864	61277630	1
HES1	203395_s_at	0,329848902	-0,260177495	3	195336628	195339090	1
NOC3L	218889_at	0,04806751	-0,81627632	10	96082979	96112673	-1
SLC4A1AP	218682_s_at	0,982613878	-0,008738641	2	27739842	27771351	1
C1orf163	219420_s_at	0,385322068	0,117214505	1	52925102	52936626	-1
ANKLE1	NA	NA	NA	19	17253454	17259454	1

FAM73B	NA	NA	NA	9	130839074	130874172	1
CCS	203522_at	0,254282714	0,347409992	11	66117266	66130066	1
FCRL2	221239_s_at	0,119039271	-1,863129491	1	155982150	156004339	-1
JMJD1C	221763_at	0,025287243	-0,933561798	10	64596991	64895728	-1
C18orf1	209574_s_at	0,043637626	-1,171789692	18	13610867	13642753	1
FIS1	218034_at	0,752102369	-0,083282705	7	100669613	100675091	-1
TLR1	210176_at	0,186984034	-0,913331347	4	38474271	38482807	-1
ARL6IP6	NA	NA	NA	2	153283373	153325669	1
CD63	200663_at	0,04589366	0,735477433	12	54405497	54409177	-1
MAPRE2	202501_at	0,071886983	-1,641485268	18	30875389	30975813	1
FTSJ2	218356_at	0,015430157	-0,712038781	7	2240452	2248359	-1
RG9MTD2	NA	NA	NA	4	100686904	100703848	-1
ITGAL	213475_s_at	0,223769559	-1,236421684	16	30391572	30442007	1
IFI16	206332_s_at	0,024193588	-3,423597875	1	157246306	157291569	1
RNF144B	NA	NA	NA	6	18495573	18576829	1
MTTP	205675_at	0,655536205	0,05354732	4	100704263	100764177	1
ZNF600	NA	NA	NA	19	57960559	57981846	-1
DIS3	218362_s_at	0,346986238	-0,166191689	13	72227541	72254007	-1
PEX5	203244_at	0,030769743	-0,763089355	12	7234225	7255343	1
SGPP1	221268_s_at	0,003843963	-2,21606268	14	63220687	63264509	-1
FKBP5	204560_at	0,237853106	-0,861521342	6	35649345	35764692	-1
CDKN2AIP	218929_at	0,045160182	-0,677174281	4	184602783	184606043	1
RECQL	212918_at	0,009138713	-1,26063529	12	21513965	21545796	-1
NFS1	218455_at	0,502747797	-0,198521565	20	33720025	33750688	-1
DUSP2	204794_at	0,017632819	-1,933576986	2	96172638	96174906	-1
AIM2	206513_at	0,006376776	-2,36396521	1	157298899	157313271	-1
SCO2	205241_at	0,907192083	0,081447744	22	49308863	49310900	-1
ALKBH6	NA	NA	NA	19	41191862	41196981	-1
OSGEPL1	220631_at	0,797183968	0,082149874	2	190319631	190336169	-1
B3GNT7	NA	NA	NA	2	231968579	231971928	1
NDUFA2	209223_at	0,259939927	0,167056752	5	140005142	140007424	-1
ASB1	212818_s_at	0,480751315	0,175603203	2	239000365	239025630	1
CXCR5	206126_at	0,198654421	-1,346960164	11	118259777	118272181	1

SFXN1	218392_x_at	0,127380533	-0,374546507	5	174838189	174888218	1
C17orf81	219260_s_at	0,935730351	-0,051650437	17	7096096	7103983	1
SOLH	204275_at	0,891021161	-0,085651383	16	517857	544637	1
EHMT2	202326_at	0,236942763	-0,464704895	6	31955515	31973443	-1
TRIP11	209778_at	0,076976587	-0,244183674	14	91505614	91576139	-1
DBF4B	206661_at	0,801076914	-0,04854949	17	40141502	40185158	1
IFITM1	214022_s_at	0,134936239	0,406291385	11	303991	305272	1
PIBF1	213239_at	0,001459526	-1,642514753	13	72254231	72488593	1
RUNX1	209360_s_at	0,055711162	-0,466870166	21	35081968	35343465	-1
FUS	200959_at	0,238703692	-0,242327382	16	31098954	31110601	1
UVRAG	203241_at	0,008886521	-0,991630757	11	75203860	75532930	1
SLC25A12	203340_s_at	0,088435572	-0,413531643	2	172349126	172458979	-1
THOP1	203235_at	0,755752211	-0,1353003	19	2736506	2764599	1
C14orf109	213246_at	0,049310337	-1,434884699	14	92721128	92723178	1
SUPT7L	201838_s_at	0,283671057	0,133102913	2	27727183	27739953	-1
C5orf55	NA	NA	NA	5	494613	496210	-1
NUP35	NA	NA	NA	2	183697328	183734653	1
AP1GBP1	221937_at	0,035288714	-0,731831938	17	32952046	33043559	-1
FOXP1	215221_at	0,856889518	-0,022558301	3	71087426	71715830	-1
WDR89	NA	NA	NA	14	63133510	63177878	-1
FAM126B	NA	NA	NA	2	201552032	201644637	-1
NOP2	214427_at	0,032754515	-0,897651685	12	6536298	6547741	-1
PRPF40A	218053_at	0,001977476	-1,322954413	2	153216353	153282221	-1
FAM179B	213304_at	0,367102504	-0,17274824	14	44501166	44613384	1
HSP90AA1	211969_at	0,012589339	-1,109272695	14	101616828	101623265	-1
CCDC69	212886_at	0,021362697	-2,882935477	5	150540806	150583847	-1
C7orf43	220659_s_at	0,33831404	0,349789234	7	99589979	99594238	-1
NIPSNAP3A	NA	NA	NA	9	106549790	106562226	1
KIAA1274	NA	NA	NA	10	71908570	71998211	1
CDC40	203376_at	0,007190655	-0,936901045	6	110608317	110660116	1
PEF1	217923_at	0,203813977	-0,331664893	1	31868058	31883064	-1
ACTR6	218395_at	0,150407781	-0,614952947	12	99118705	99142332	1
C6orf89	NA	NA	NA	6	36961618	37004718	1

OTUD4	203480_s_at	0,010657524	-0,394055619	4	146274252	146320282	-1
WASF2	221725_at	0,066107864	-0,740689111	1	27604713	27689256	-1
NDUFB3	203371_s_at	0,901587011	0,024239143	2	201644779	201658710	1
STAU1	211505_s_at	0,012792076	-1,16843864	20	47163283	47238311	-1
CRKL	212180_at	0,597724688	-0,202287545	22	19601714	19637890	1
MARK2	203942_s_at	0,818566764	-0,049182744	11	63363471	63433633	1
PMAIP1	204286_s_at	0,026379152	-2,662398066	18	55718172	55722518	1
ANLN	NA	NA	NA	7	36395957	36459925	1
EXOC3	212630_at	0,736475003	0,10856243	5	496334	520411	1
RPS20	200949_x_at	0,069376556	-0,407399987	8	57148167	57149623	-1
NUDT1	204766_s_at	0,013107444	-0,836560888	7	2249066	2257306	1
PSMA6	208805_at	0,321904501	-0,440376961	14	34831325	34856431	1
CIITA	205101_at	0,301710537	0,263997014	16	10878556	10926341	1
FAM168A	NA	NA	NA	11	72794676	72986876	-1
MYST2	200049_at	0,891293582	-0,032837176	17	45221070	45261457	1
KLHL28	220374_at	0,391376677	0,098093687	14	44463277	44500929	-1
SSX2IP	210871_x_at	0,287574493	-0,421275025	1	84882184	84928768	-1
ETFB	202942_at	0,076906887	-1,526960405	19	56540221	56561484	-1
MYO1E	215408_at	0,28896833	0,131235828	15	57215855	57452363	-1
SNAP47	NA	NA	NA	1	225989320	226035550	1
ATG4C	NA	NA	NA	1	63022391	63102638	1
DEK	200934_at	9,13E-05	-2,489971424	6	18332379	18372778	-1
ROMO1	NA	NA	NA	20	33750646	33752316	1
CCDC87	219887_at	0,868922111	-0,023962695	11	66114216	66117130	-1
PPIG	208993_s_at	0,079745244	-0,962706121	2	170149096	170202500	1
KLHL14	NA	NA	NA	18	28506632	28606972	-1
PSMB5	208799_at	0,401886115	-0,352203205	14	22564900	22573949	-1
GGA1	218114_at	0,548751677	-0,174555831	22	36334449	36359517	1
RANBP6	213019_at	0,910351647	0,045828485	9	6001019	6005618	-1
GORASP2	207812_s_at	0,092581467	-0,430162648	2	171493957	171531886	1
HLA-DOB	205671_s_at	0,015995115	-1,680872458	6	32888518	32892803	-1
CASC5	NA	NA	NA	15	38673739	38742173	1
SPC25	209891_at	0,00051093	-1,938222232	2	169435647	169455190	-1

PANK2	218809_at	0,053466874	-0,451061211	20	3817742	3852502	1
GOLT1B	218193_s_at	0,937638885	-0,034129296	12	21546067	21562357	1
CCL4L1	NA	NA	NA	17	31562581	31564388	1
RNMTL1	218993_at	0,206207825	-0,728433671	17	632263	642491	1
AKAP11	203156_at	0,009516748	-1,468334917	13	41744289	41795402	1
SLC26A8	NA	NA	NA	6	36019271	36100355	-1
FGF8	208449_s_at	0,710416368	0,088465822	10	103519877	103525817	-1
SP110	209761_s_at	0,022444045	-1,819421855	2	230741896	230792932	-1
ZNF160	214715_x_at	0,713272875	-0,08212896	19	58261679	58298499	-1
GLIPR1	214085_x_at	0,22339111	-1,817630504	12	74160780	74181983	1
PFTK1	204604_at	0,427517598	-0,861700396	7	90176648	90677840	1
TPP2	203374_s_at	0,054177748	-0,756625278	13	102047374	102129522	1
PSMD14	212296_at	0,296936673	-0,433472696	2	161873186	161976172	1
KIAA0892	212505_s_at	0,10042608	-0,271851742	19	19292630	19330563	1
PGGT1B	206288_at	0,471677324	-0,302834383	5	114575476	114626449	-1
PRKCE	206248_at	0,967921754	0,005249388	2	45732547	46268633	1
SENP3	203871_at	0,107563042	-0,646274188	17	7406043	7416011	1
ANKHD1-EIF4	208772_at	0,183131542	-0,612659023	5	139761613	139909347	1
ANKHD1	208773_s_at	0,029788707	-0,825602008	5	139761613	139899625	1
KLHDC3	214383_x_at	0,833116181	0,078368917	6	43089955	43097010	1
WHAMM	NA	NA	NA	15	81275027	81300667	1
NIF3L1	218133_s_at	0,939879707	0,029076099	2	201462391	201476898	1
NOP16	203023_at	0,48628238	-0,371340093	5	175743548	175748194	-1
HIGD2A	209329_x_at	0,253647825	0,321602489	5	175748390	175749357	1
TAF2	209523_at	0,702509969	-0,109278693	8	120812195	120914255	-1
ATP6VOE1	201172_x_at	0,120619319	0,566974489	5	172343369	172394506	1
MCM7	208795_s_at	0,04235452	-0,604686366	7	99528340	99536316	-1
UBL3	201535_at	0,744741835	0,115178307	13	29236542	29322160	-1
MAPK14	202530_at	0,201241975	-0,564829434	6	36103551	36186513	1
CMAS	218111_s_at	0,046258024	-1,154545076	12	22090426	22109869	1
DNAJC10	221782_at	0,071164921	-1,191518202	2	183289244	183351500	1
NUDT15	219347_at	0,050824472	-1,309296602	13	47509704	47519283	1
SF4	215004_s_at	0,483542195	-0,129836382	19	19248322	19292307	-1

LRRC34	NA	NA	NA	3	170993955	171013006	-1
ADAT2	NA	NA	NA	6	143785662	143813534	-1
EEPD1	NA	NA	NA	7	36159361	36307677	1
MME	203435_s_at	0,004426686	-2,077337732	3	156280130	156384212	1
UBAC2	NA	NA	NA	13	98651164	98836682	1
TMEM18	NA	NA	NA	2	657973	667439	-1
HMG1	200943_at	0,000214407	-0,926638641	21	39636111	39642917	-1
OSBPL10	219073_s_at	0,001290645	-4,616824819	3	31677321	31998242	-1
ANKRD36B	214723_x_at	0,261965861	-0,433951399	2	97487693	97572761	-1
HSPH1	206976_s_at	0,060168284	-1,145455456	13	30608762	30634117	-1
C9orf97	213161_at	0,035358813	-0,400039095	9	99402183	99435783	-1
GGA2	208913_at	0,000738101	-1,729674601	16	23383144	23429309	-1
GABARAP	200645_at	0,552874274	-0,290497142	17	7084462	7086477	-1
ZNF573	217627_at	0,269278269	-0,33256541	19	42921028	42962040	-1
PEX3	203972_s_at	7,20E-05	-1,845386587	6	143813810	143852838	1
NCBP1	209520_s_at	0,001901387	-1,303022441	9	99435526	99475851	1
SHPRH	NA	NA	NA	6	146247636	146326926	-1
RABEP2	74694_s_at	0,003637713	-1,709053756	16	28823243	28844033	-1
DDX41	217840_at	0,117182455	-0,384457683	5	176871184	176876573	-1
FAM113B	NA	NA	NA	12	45896319	45916710	1
MTRF1	219822_at	0,103131211	-0,848356455	13	40688516	40735713	-1
ZC3H15	201595_s_at	0,308939446	-0,510433664	2	187059130	187082333	1
FAM111B	NA	NA	NA	11	58631286	58651443	1
TNKS2	218228_s_at	0,10329336	-0,65343705	10	93548049	93615012	1
MMD	203414_at	0,019510754	-1,934850492	17	50824973	50854340	-1
OCIAD1	NA	NA	NA	4	48527772	48558589	1
MPDU1	209208_at	0,882548853	-0,070105248	17	7427854	7432247	1
PLEKHA2	217677_at	0,18912099	-0,396110518	8	38877910	38950588	1
POLR1E	218997_at	0,018759412	-0,826870445	9	37475945	37493693	1
RNF31	220788_s_at	0,997708537	-0,000704464	14	23686499	23699710	1
NDUFA4L2	218484_at	0,692824849	-0,087559985	12	55914953	55920812	-1
FSD2	NA	NA	NA	15	81225078	81271860	-1
FAM78A	NA	NA	NA	9	133123286	133141727	-1

UTP18	203721_s_at	0,035474443	-0,485484045	17	46692896	46730293	1
NEURL4	NA	NA	NA	17	7159675	7173362	-1
ACADM	202502_at	0,002415226	-1,795068985	1	75962870	76001771	1
C5orf34	213614_x_at	0,692455435	0,065146473	5	43522567	43550944	-1
ACAP1	205213_at	0,03805316	-1,400088666	17	7180597	7195517	1
GRAP	206620_at	0,147772302	-0,668012339	17	18864715	18891061	-1
TAF1A	206613_s_at	0,062495038	-0,759483288	1	220798288	220829878	-1
MS4A1	210356_x_at	0,000355216	-5,376313347	11	59979858	59994801	1
KCNN3	205903_s_at	0,13160293	-1,529812792	1	152946526	153098962	-1
CTDSP1	217844_at	0,721709512	0,084189577	2	218973058	218977392	1
PCMT1	205202_at	0,000128814	-2,127522744	6	150112658	150174249	1
C4orf30	219717_at	0,902417401	-0,047568606	4	17411376	17421479	-1
C1orf112	220840_s_at	0,03397729	-0,655853064	1	168031174	168088853	1
CD19	206398_s_at	8,47E-05	-3,359935822	16	28850761	28858164	1
P2RY8	NA	NA	NA X		1541465	1616000	-1
SNX11	220140_s_at	0,365471717	-0,241987862	17	43539919	43555104	1
POLR1B	NA	NA	NA	2	113016084	113051879	1
CPSF2	NA	NA	NA	14	91658082	91700296	1
LRRC8A	NA	NA	NA	9	130684268	130720136	1
CCBL1	206037_at	0,554704965	-0,193585809	9	130635213	130684175	-1
RNGTT	204207_s_at	0,006247135	-1,359132402	6	89376708	89730067	-1
WTAP	203137_at	0,010583501	-1,888504311	6	160068610	160090443	1
TTC9	213174_at	0,221690834	-1,210448562	14	70178257	70211830	1
WASF1	204165_at	0,09814532	-1,759859386	6	110527715	110607900	-1
LEKR1	NA	NA	NA	3	158026790	158246612	1
LCK	204891_s_at	0,000458451	-4,165493776	1	32489427	32524353	1
CLIP1	201975_at	0,89510564	0,052844069	12	121321934	121473069	-1
CBX1	201518_at	0,492782429	-0,17738189	17	43502420	43533360	-1
ZBTB5	203026_at	0,237984652	-0,481643873	9	37428111	37455396	-1
NUP43	219007_at	0,008738423	-1,450898672	6	150087150	150109381	-1
FGD6	219901_at	0,231501393	-1,414859374	12	93994656	94135371	-1
FAM158A	219203_at	0,123744031	-0,258546041	14	23678014	23680637	-1
QKI	212263_at	0,021448295	-0,925232706	6	163755665	163914886	1

AGPAT6	NA	NA	NA	8	41554876	41597971	1
VEZT	NA	NA	NA	12	94135653	94220697	1
TTC37	203049_s_at	0,008579655	-0,686300617	5	94825868	94916438	-1
NDUFB1	206790_s_at	0,112909144	-0,759104613	14	91652220	91657906	-1
NCOA4	210774_s_at	0,568170014	-0,187108505	10	51242373	51260738	1
SAMHD1	204502_at	0,154035383	-0,671202389	20	34954059	35013590	-1
CD68	NA	NA	NA	17	7423529	7426153	1
ANKRD10	218093_s_at	0,552584798	-0,402040054	13	110328888	110365417	-1
GRB2	215075_s_at	0,002093406	-0,830512089	17	70825752	70913385	-1
C21orf57	NA	NA	NA	21	46530695	46542093	1
SNRNP200	200058_s_at	0,021977304	-0,597346334	2	96303801	96334988	-1
C1orf156	213528_at	0,631205697	0,267427807	1	168028294	168030655	-1
EMB	NA	NA	NA	5	49730230	49772958	-1
SLC20A1	201920_at	0,319351679	-0,597166945	2	113119998	113137873	1
ALG14	NA	NA	NA	1	95220885	95311071	-1
ZCCHC11	212704_at	0,031159915	-0,770838137	1	52661535	52791331	-1
NFX1	202584_at	0,455325098	0,156704982	9	33280510	33361155	1
NCAPG	218663_at	0,00059433	-1,647842024	4	17421623	17455586	1
PPFIBP2	212841_s_at	0,035324228	-1,007299194	11	7491626	7631558	1
ATG9B	NA	NA	NA	7	150340233	150352519	-1
ZNF552	219741_x_at	0,566840853	-0,121908921	19	63010262	63018093	-1
FAM53B	203206_at	0,002478918	-0,969915879	10	126297853	126422920	-1
CCDC49	218655_s_at	0,870299344	0,026940805	17	34210972	34235115	-1
KIAA0586	37232_at	0,513712833	0,116642343	14	57964463	58085302	1
SORL1	212560_at	0,016429813	-4,383332366	11	120828130	121005621	1
LATS1	219813_at	0,95533696	0,009101008	6	150023744	150081085	-1
ARSK	NA	NA	NA	5	94916581	94966562	1
C12orf4	218374_s_at	0,184393521	-0,642247332	12	4467162	4517898	-1
ZC3H13	209851_at	0,599709642	0,060449744	13	45434315	45524895	-1
RAD51AP1	204146_at	0,01259714	-1,461130742	12	4518317	4539475	1
POLD4	202996_at	0,013745844	-0,889610153	11	66875595	66877593	-1
REL	206036_s_at	0,005990477	-2,697413941	2	60962256	61003682	1
MTIF3	NA	NA	NA	13	26907780	26922711	-1

USP24	212381_at	0,183372848	-0,440699563	1	55304620	55453350	-1
SENP8	NA	NA	NA	15	70197808	70220358	1
MYO9A	219027_s_at	0,300002225	-0,456511744	15	69905405	70197476	-1
TIMM9	218316_at	0,935116913	0,0413165	14	57945123	57963985	-1
ATF7	214184_at	0,515035018	0,120949591	12	52196026	52306403	-1
CD164	208654_s_at	0,031926044	-0,652401504	6	109794414	109810340	-1
ZNF324	205182_s_at	0,653733105	-0,100934186	19	63670275	63676577	1
ABCB8	206317_s_at	0,29184733	-0,240460952	7	150356443	150375802	1
ATAD2B	213387_at	0,015593687	-1,288500193	2	23825038	24003438	-1
KLHL6	NA	NA	NA	3	184688013	184756193	-1
EIF2C3	219426_at	0,023776207	-0,933891936	1	36169359	36294650	1
MCM3AP	212269_s_at	0,368054404	-0,257800658	21	46479476	46529664	-1
HSP90AB1	214359_s_at	0,151182074	-0,376322422	6	44322827	44329592	1
C9orf102	NA	NA	NA	9	97677721	97770943	1
CDC2L1	212401_s_at	0,155868395	-0,475831231	1	1624180	1645637	-1
SERINC5	212812_at	0,065609543	-1,862007661	5	79443230	79587626	-1
PLEKHF2	218640_s_at	0,002275122	-2,623352409	8	96215208	96238089	1
MEA1	218061_at	0,609196314	-0,34331669	6	43087943	43089596	-1
STAMBP	202811_at	0,649920583	-0,145153305	2	73909594	73943519	1
NEK6	NA	NA	NA	9	126060070	126154542	1
SLC25A42	NA	NA	NA	19	19035808	19084694	1
BRWD1	214820_at	0,013409185	-0,57662224	21	39479274	39607426	-1
TNFSF9	206907_at	0,24309202	-0,811034724	19	6482037	6486933	1
BACH2	221234_s_at	0,05009086	-3,224452323	6	90692969	91063182	-1
RALGPS2	NA	NA	NA	1	176961002	177115546	1
C6orf153	NA	NA	NA	6	43097363	43105315	1
ZNF292	212366_at	0,033969854	-0,75987905	6	87921988	88030125	1
GCNT2	211020_at	0,186878212	-0,301817524	6	10636697	10737587	1
TRAPPC9	56829_at	0,271978474	0,110451717	8	140811770	141537860	-1
PIK3AP1	NA	NA	NA	10	98343059	98470269	-1
SDF4	217855_x_at	0,038968329	0,660440766	1	1142151	1157244	-1
B3GALT6	NA	NA	NA	1	1157492	1160284	1
CD2AP	203593_at	0,013528075	-1,663531995	6	47553484	47702958	1

KLF12	214276_at	0,37560376	-0,128778696	13	73158150	73606067	-1
RABGGTB	209181_s_at	0,076264856	-0,723836437	1	76024474	76033352	1
SLC6A16	219820_at	0,445231217	-0,126538249	19	54484701	54520286	-1
CUX1	214743_at	0,01295095	-2,152089303	7	101247602	101680064	1
GAPVD1	212804_s_at	0,502643348	-0,225319831	9	127063932	127167111	1
CYB5B	201633_s_at	0,064059623	-0,75197738	16	68015999	68057668	1
SAT1	203455_s_at	0,000303527	-2,387063298	X	23711225	23714248	1
AP2B1	200615_s_at	0,340895527	-0,388357243	17	30938395	31077549	1
DGUOK	203816_at	0,001112051	-0,941038998	2	74007461	74039596	1
SEC62	208942_s_at	0,019267118	-1,438121295	3	171167274	171198855	1
PDCD2	204025_s_at	0,000388296	-1,340821812	6	170728375	170735673	-1
NUS1	215207_x_at	0,524160202	-0,179293305	6	118103310	118138583	1
SLC2A6	220091_at	0,097261778	-0,85019277	9	135326038	135334039	-1
POLD1	203422_at	0,095674748	-0,435863196	19	55579405	55613083	1
GDI2	200009_at	0,052073375	-0,604674622	10	5847192	5895379	-1
C2orf29	NA	NA	NA	2	101235810	101253208	1
KIAA2013	NA	NA	NA	1	11902709	11909067	-1
ZNF701	220242_x_at	0,93491709	0,010169589	19	57765340	57779861	1
HINT3	NA	NA	NA	6	126319629	126341265	1
MELK	204825_at	0,301838723	-0,426850642	9	36562905	36667679	1
EIF4A1	211787_s_at	0,070593467	-0,556542438	17	7416781	7423048	1
PEX12	205094_at	0,223600595	0,182701025	17	30925928	30929687	-1
POLD3	212836_at	0,015770986	-0,565069981	11	73981277	74031413	1
EIF2C2	NA	NA	NA	8	141610446	141714827	-1
BIRC5	202095_s_at	0,005990477	-0,72281552	17	73721872	73733311	1
HLA-DPB1	NA	NA	NA	6	33151738	33162954	1
LCP1	208885_at	0,011651037	-3,129309696	13	45598060	45654395	-1
SLC23A2	209236_at	0,057811602	-1,025146856	20	4781002	4930145	-1
HLA-DPA1	211991_s_at	0,428458413	-0,817985731	6	33140772	33149356	-1
C19orf15	221316_at	0,445461749	0,093546659	19	43518298	43553422	1
MRPL16	217980_s_at	0,265369594	-0,484228807	11	59330189	59334921	-1
ANAPC4	NA	NA	NA	4	24987946	25029218	1
DHX40	218277_s_at	0,285325561	-0,595712995	17	54997668	55040484	1

MAPK1IP1L	212497_at	0,677979586	-0,183579562	14	54588115	54606665	1
ARHGDIB	201288_at	0,000154333	-3,953875566	12	14986217	15005829	-1
RAB3GAP1	213531_s_at	0,011097171	-0,871061796	2	135526323	135644029	1
HOXC4	206194_at	0,066244574	-0,709946139	12	52733928	52736081	1
GMFB	202544_at	0,021375544	-0,828462876	14	54010959	54025494	-1
SAP30BP	217965_s_at	0,021610878	-0,571435407	17	71174994	71215734	1
RUFY1	218243_at	0,064990887	-0,703821144	5	178910177	178969625	1
CYP2W1	220562_at	0,236242577	0,266306399	7	989361	995802	1
SOBP	218974_at	0,000270945	-3,380042157	6	107918010	108089206	1
CTPS	202613_at	0,352418952	-0,225292055	1	41217594	41250822	1
MAST3	213045_at	0,084496136	-0,728869819	19	18069603	18123499	1
ZFAT	NA	NA	NA	8	135559213	135794463	-1
ZMYND15	NA	NA	NA	17	4590086	4596157	1
CENPV	NA	NA	NA	17	16186573	16197537	-1
RSBN1	213694_at	0,014485401	-1,006431691	1	114105977	114156593	-1
REXO1	NA	NA	NA	19	1766245	1799452	-1
FBXO30	NA	NA	NA	6	146160964	146177614	-1
CYFIP2	215785_s_at	0,008579655	-1,860334638	5	156628940	156755184	1
SLC2A1	201250_s_at	0,102676171	-0,245201265	1	43164102	43197088	-1
ELF4	31845_at	0,018609335	-1,823988985 X		129026586	129072153	-1
THAP4	220417_s_at	0,724305029	0,134797969	2	242172493	242225328	-1
ATG4B	204902_s_at	0,171794108	-0,258367481	2	242225700	242261945	1
IL16	209827_s_at	0,030438041	-0,833590936	15	79374522	79392157	1
CD38	205692_s_at	0,290622752	-1,07104963	4	15389029	15459806	1
SYK	207540_s_at	8,36E-05	-3,204043587	9	92603891	92698305	1
DOK3	220320_at	0,021876108	-0,433891613	5	176863357	176869459	-1
TALDO1	201463_s_at	0,295574498	-0,302617104	11	737432	755024	1
BAI2	204966_at	0,440485757	-0,187135741	1	31965305	32002235	-1
IRF8	204057_at	2,01E-05	-4,371444812	16	84490275	84513713	1
LRRK1	219441_s_at	0,000403574	-1,188225881	15	99276983	99427840	1
IARS2	217900_at	0,849371621	0,124750907	1	218334078	218388006	1
RNF138	218738_s_at	0,026320736	-0,853975022	18	27926645	27965522	1
FBXO31	NA	NA	NA	16	85920443	85974864	-1

GNGT2	NA	NA	NA	17	44638596	44641742	-1
ABI3	NA	NA	NA	17	44642588	44655586	1
REV1	218428_s_at	0,001356794	-1,729523767	2	99383370	99472912	-1
WAS	205400_at	0,013786195	-0,954810511	X	48427153	48434759	1
PRAGMIN	NA	NA	NA	8	8212668	8276667	-1
NAP1L1	212967_x_at	0,144353363	-0,530339344	12	74726221	74764717	-1
ITPRIP	NA	NA	NA	10	106061889	106083653	-1
KLF16	NA	NA	NA	19	1803398	1814564	-1
HSD17B12	217869_at	0,930361437	-0,054664615	11	43658719	43834745	1
SERTAD1	NA	NA	NA	19	45620248	45623772	-1
SEMA4A	219259_at	0,058156503	-1,171613674	1	154390012	154414159	1
COX19	NA	NA	NA	7	971012	981761	-1
IL10RB	209575_at	0,646262834	-0,253637651	21	33560542	33591390	1
YKT6	217784_at	0,48174135	-0,197492751	7	44207103	44220418	1
PSMC1	204219_s_at	0,087399523	-0,537336437	14	89792647	89808719	1
C6orf225	NA	NA	NA	6	112515367	112530686	1
BCL6	203140_at	8,90E-06	-5,019885068	3	188921859	188936942	-1
TUBE1	NA	NA	NA	6	112498673	112515349	-1
ZNF480	222283_at	0,916380161	0,019419913	19	57492263	57520987	1
CTNNB1	201533_at	0,180302087	-0,615694514	3	41215946	41256943	1
ENO2	201313_at	0,258329355	0,891557462	12	6893875	6903120	1
CCNF	204826_at	0,043818626	-0,405725912	16	2419396	2448860	1
RECQL5	221686_s_at	0,205157486	0,177161274	17	71156540	71174864	-1
P2RY11	NA	NA	NA	19	10083197	10087065	1
EIF2AK1	217736_s_at	0,082067722	-0,523731821	7	6029988	6065302	-1
SCNN1D	208458_at	0,703782777	0,049222961	1	1207439	1217272	1
HLA-DOA	206313_at	0,081729245	-0,372089114	6	33079937	33085367	-1
UBE2J2	NA	NA	NA	1	1179155	1199097	-1
AKIRIN1	217893_s_at	0,818716501	0,115567443	1	39229504	39243566	1
HOXA5	213844_at	0,098373951	-0,388436655	7	27147521	27149812	-1
PRICKLE4	218233_s_at	0,627300752	-0,184499529	6	41856478	41865611	1
TTC5	NA	NA	NA	14	19827144	19843976	-1
KIAA2026	NA	NA	NA	9	5909008	5998003	-1

C17orf89	NA	NA	NA	17	76827706	76829693	1
RGS9	206518_s_at	0,340270129	-0,331378461	17	60564011	60654283	1
TOMM7	201812_s_at	0,855668512	-0,045103093	7	22818776	22828946	-1
ARHGEF1	203055_s_at	0,129135647	-0,360049794	19	47079107	47103444	1
MED11	NA	NA	NA	17	4581472	4583645	1
RASAL1	219752_at	0,125647041	-0,578234203	12	112021701	112058404	-1
MAP1LC3B	208786_s_at	0,233548131	-0,633880692	16	85983320	85995881	1
ANGPTL6	NA	NA	NA	19	10064013	10074425	-1
ING4	218234_at	0,417766178	0,10545686	12	6629707	6642565	-1
MRPS10	218106_s_at	0,178469987	-0,44169271	6	42282517	42293581	-1
BMPR1A	204832_s_at	0,041837546	-0,630702035	10	88506376	88674925	1
ZNF608	NA	NA	NA	5	124000509	124108704	-1
PPAN	221649_s_at	0,416772654	-0,188497657	19	10077965	10082975	1
PHTF1	210191_s_at	0,716614272	-0,109481063	1	114041360	114102879	-1
ZNF665	220760_x_at	0,100818107	-0,440153345	19	58358364	58388431	-1
CEP250	209495_at	0,200125383	-0,242709635	20	33506564	33563217	1
DHCR24	200862_at	0,401886115	-0,636781435	1	55087888	55125509	-1
RBM16	203250_at	0,011043907	-1,125093615	6	155096204	155196886	1
C17orf56	NA	NA	NA	17	76816674	76827450	-1
SEPSECS	NA	NA	NA	4	24732820	24771083	-1
PTP4A2	208617_s_at	0,094351065	-0,560915105	1	32146380	32176575	-1
LASS4	218922_s_at	0,255799281	-0,425880717	19	8180257	8233302	1
SLC9A1	209453_at	0,404225009	-0,213387201	1	27297894	27353990	-1
THOC7	218334_at	0,393402614	-0,287756525	3	63794586	63824637	-1
PPAN-P2RY11	214546_s_at	0,538366646	0,22250492	19	10078071	10086414	1
NHEDC1	NA	NA	NA	4	104025643	104160325	-1
TMEM128	NA	NA	NA	4	4288170	4300835	-1
MRPS27	212145_at	0,072667549	-0,56043586	5	71551111	71651809	-1
C19orf63	NA	NA	NA	19	55671548	55678420	1
DDI2	214583_at	0,280645889	-0,538845884	1	15816657	15859335	1
CYP2R1	207786_at	0,83368818	0,114144393	11	14856131	14870327	-1
ARPC3	208736_at	0,036000019	-0,627955303	12	109357089	109372541	-1
RPRD1A	218209_s_at	0,829020674	-0,153489711	18	31823789	31901371	-1

SPPL2A	NA	NA	NA	15	48787022	48845202	-1
SETD3	212465_at	0,959526109	-0,018454475	14	98933836	99016979	-1
COTL1	221059_s_at	0,000691173	-4,289424007	16	83156703	83209170	-1
NROB2	206410_at	0,419815462	0,124171877	1	27110566	27113047	-1
SRFBP1	NA	NA	NA	5	121325555	121392194	1
TFB1M	219169_s_at	0,000606217	-1,435507789	6	155620482	155677318	-1
RASSF2	203185_at	0,000748914	-3,064536596	20	4708669	4743769	-1
HOXA1	214639_s_at	0,015671836	-1,852010627	7	27099137	27102150	-1
SYF2	202553_s_at	0,595939243	0,158944682	1	25421354	25431600	-1
CCNK	219273_at	0,990439017	0,002196186	14	99017492	99047605	1
VWCE	NA	NA	NA	11	60782334	60819364	-1
LHFP	218656_s_at	0,22423424	-1,617971067	13	38815029	39075356	-1
KAT2B	203845_at	0,710895629	-0,318445244	3	20056528	20170900	1
HLA-DMA	NA	NA	NA	6	33024373	33028831	-1
CD52	34210_at	0,000116841	-4,845247549	1	26516998	26519601	1
VAMP5	204929_s_at	0,133440365	0,511271606	2	85665042	85674022	1
SLC25A33	NA	NA	NA	1	9522115	9565418	1
ZNF23	213934_s_at	0,079661293	-0,478980188	16	70039001	70053618	-1
IRF1	202531_at	0,380500296	-0,388826728	5	131846679	131854326	-1
HECTD3	218632_at	0,326968079	-0,209263374	1	45240807	45249614	-1
HINFP	206495_s_at	0,354623761	-0,177872767	11	118497498	118510975	1
TCTE3	NA	NA	NA	6	169882140	169893563	-1
SLC41A1	NA	NA	NA	1	204024844	204048784	-1
UBA52	221700_s_at	0,158223492	-0,300285091	19	18543614	18549270	1
TOX4	201683_x_at	0,274095774	-0,292970048	14	21015175	21037159	1
ADORA2A	205013_s_at	0,002108884	-1,964574679	22	23153530	23168325	1
MTERF	NA	NA	NA	7	91339957	91347952	-1
NGDN	213794_s_at	0,368833272	-0,261480356	14	23008738	23017242	1
PTCD2	219658_at	0,385322068	0,166865151	5	71651956	71690936	1
AMFR	202204_s_at	0,015832675	-0,808778847	16	54952865	55016945	-1
ATXN2	217586_x_at	0,239387819	-0,268283016	12	110374401	110521863	-1
SNX3	200067_x_at	0,000144819	-1,262022737	6	108639410	108689156	-1
SYPL1	201260_s_at	7,81E-05	-1,841208746	7	105518187	105540293	-1

BPNT1	NA	NA	NA	1	218297447	218329814	-1
MRPL14	NA	NA	NA	6	44189350	44203169	-1
NUDC	210574_s_at	0,452787103	-0,198243371	1	27120811	27145474	1
SLC9A7	218085_at	0,074507428	-0,726621655	X	46351317	46503416	-1
SPI1	205312_at	0,00330809	-1,481966485	11	47332985	47356703	-1
TMEM48	218073_s_at	0,110841582	-0,771656772	1	54005976	54076763	-1
FAM71E1	NA	NA	NA	19	55661857	55671815	-1
RAB2B	NA	NA	NA	14	20997023	21014961	-1
VAMP8	202546_at	0,008282887	-2,875170181	2	85658228	85662665	1
TAF4B	216226_at	0,017563199	-1,28945246	18	22060407	22225647	1
AFF3	205735_s_at	0,473775148	-0,27517516	2	99530147	100125469	-1
DCUN1D2	219116_s_at	0,253648695	-0,264369424	13	113158135	113193024	-1
TSSC1	217968_at	0,565680924	-0,126903306	2	3171750	3360605	-1
CDCA7	NA	NA	NA	2	173927807	173941964	1
LST1	NA	NA	NA	6	31662604	31664665	1
LIG4	206235_at	0,211554239	-0,850810603	13	107657791	107665883	-1
SC5DL	211423_s_at	0,038493198	-1,365369944	11	120668787	120689329	1
SPTAN1	208611_s_at	0,029559035	-0,794186354	9	130354687	130435762	1
ADIPOR2	201346_at	0,110354554	-0,672302259	12	1670508	1768106	1
COX7A2	201597_at	0,338821942	-1,922439525	6	76004223	76010245	-1
TRAF3IP2	215411_s_at	0,018455338	-0,775021646	6	111986836	112033755	-1
C14orf153	NA	NA	NA	14	103099084	103128277	1
LYL1	210044_s_at	0,135154593	-0,890551436	19	13070847	13074681	-1
SLAMF6	NA	NA	NA	1	158721444	158759666	-1
TBC1D5	201814_at	0,069009628	-0,57479623	3	17174903	17757403	-1
LRRC23	206076_at	0,772021488	-0,083991609	12	6884213	6893667	1
TTC1	201434_at	0,254450073	-0,229760423	5	159368758	159425128	1
LTB	207339_s_at	0,194193836	-2,251219691	6	31656314	31658181	-1
FNBP1	213940_s_at	0,038510524	-1,043772953	9	131689287	131845294	-1
PLEK	203471_s_at	0,000933929	-1,939469954	2	68445826	68478089	1
PCDHGC4	NA	NA	NA	5	140844925	140872730	1
TMCO3	220240_s_at	0,412272958	-0,546923275	13	113193309	113252545	1
ZBTB2	NA	NA	NA	6	151726943	151754370	-1

FOXP4	NA	NA	NA	6	41622142	41678100	1
RAD23B	201223_s_at	0,142594021	-0,308071341	9	109085365	109134291	1
CYTH4	219183_s_at	0,381168543	-0,157914414	22	36008370	36041328	1
UROD	208971_at	0,528367125	0,154023309	1	45250417	45253928	1
BAG5	202985_s_at	0,054113864	-0,894791183	14	103092642	103098367	-1
DDX24	200694_s_at	0,073665698	-0,957361733	14	93587021	93617311	-1
CORO1A	209083_at	0,00088484	-2,493775753	16	30102427	30107898	1
C6orf70	NA	NA	NA	6	169893646	169923542	1
RRAS2	212589_at	0,007831771	-3,636410398	11	14256042	14336607	-1
SCO1	NA	NA	NA	17	10524379	10541562	-1
TMEM63B	NA	NA	NA	6	44203354	44231234	1
KIAA1407	NA	NA	NA	3	115165674	115258150	-1
ANUBL1	NA	NA	NA	10	45431049	45487802	-1
MDN1	212693_at	9,57E-05	-1,745860579	6	90409952	90586163	-1
MOAP1	212508_at	0,101084293	-1,164096206	14	92718294	92721002	-1
NR4A1	202340_x_at	0,398993672	-0,283468853	12	50731458	50739554	1
PSD4	203317_at	0,155668095	-0,531577111	2	113648031	113677148	1
RBM4B	209497_s_at	0,911512822	0,037329054	11	66189045	66201851	-1
RNH1	216798_at	0,266858547	0,177727542	11	484512	496821	-1
UBXN11	NA	NA	NA	1	26481360	26517343	-1
CCL3L3	NA	NA	NA	17	31546375	31548255	-1
FGD2	NA	NA	NA	6	37081401	37104822	1
NCKAP1L	209734_at	0,000842441	-2,427405379	12	53177762	53223166	1
TTC15	203122_at	0,542123469	0,16448267	2	3362453	3462349	1
PAQR8	NA	NA	NA	6	52334904	52380452	1
CD72	215925_s_at	0,002120382	-2,364074486	9	35599976	35608408	-1
STXBP4	NA	NA	NA	17	50401125	50596448	1
ZCCHC7	NA	NA	NA	9	37110469	37348146	1
LAPTM5	201720_s_at	0,003554393	-3,308613973	1	30977903	31003254	-1
CD74	209619_at	0,221361715	-0,633934035	5	149761395	149772516	-1
SPSB2	NA	NA	NA	12	6850360	6852713	-1
TLR10	NA	NA	NA	4	38450629	38460984	-1
COX11	214277_at	0,236487154	-0,210963245	17	50384262	50401053	-1

KATNAL1	NA	NA	NA	13	29674767	29779163	-1
IFI27L1	NA	NA	NA	14	93617392	93638808	1
C17orf48	220606_s_at	0,060920549	-0,462907709	17	10541652	10555600	1
ANKRD13A	NA	NA	NA	12	108921618	108961620	1
QTRTD1	219178_at	0,512119477	-0,301204975	3	115258301	115289959	1
BXDC1	NA	NA	NA	6	111409984	111453487	1
MYO1G	NA	NA	NA	7	44968786	44985193	-1
ECHDC1	219974_x_at	0,109669724	-0,47432207	6	127651550	127706447	-1
ZEB2	203603_s_at	0,470620217	-0,434783603	2	144862053	144994386	-1
DAPP1	219290_x_at	0,020647479	-0,666667776	4	100957013	101010334	1
TMEM106C	201764_at	0,523373411	-0,30194544	12	46644259	46648928	1
AKAP1	201675_at	0,073793911	-0,386249137	17	52517552	52553709	1
GIT2	204982_at	0,080546246	-0,960687447	12	108851992	108918483	-1
CD79A	205049_s_at	4,04E-06	-4,646583325	19	47073030	47077279	1
DAGLB	NA	NA	NA	7	6415285	6454110	-1
NCF1	214084_x_at	5,97E-05	-3,777883724	7	73826245	73841595	1
NUFIP1	205135_s_at	0,027726544	-1,149678134	13	44411384	44461571	-1
KIAA1704	220171_x_at	0,220935285	-0,502243835	13	44461687	44500405	1
TFB2M	218605_at	0,725120898	0,179791604	1	244770489	244796186	-1
CD22	217422_s_at	0,001503753	-3,616626608	19	40511919	40530104	1
TM2D1	213882_at	0,086423639	-0,252473962	1	61919307	61963683	-1
FCRLA	NA	NA	NA	1	159943386	159950766	1
NADK	208918_s_at	0,027630405	-0,995129241	1	1672531	1699769	-1
SASH3	204923_at	1,28E-05	-2,902099221	X	128741641	128756858	1
TMED8	NA	NA	NA	14	76877867	76913149	-1
CCL3L1	NA	NA	NA	17	31647955	31649843	-1
TCL1A	209995_s_at	0,000522414	-4,891835509	14	95246057	95250286	-1
PSIP1	209337_at	0,00330809	-1,433497893	9	15454064	15500982	-1
C1orf71	NA	NA	NA	1	244796429	244897049	1
DHRS12	204801_s_at	0,096292016	0,362441544	13	51240132	51276294	-1
RAD54L	204558_at	0,022197074	-0,646302922	1	46486004	46516732	1
HNRNPC	200014_s_at	0,008704134	-0,777300621	14	20747135	20807478	-1
PCDHGC3	211066_x_at	0,069267191	-1,111208007	5	140835753	140872730	1

HOXA6	208557_at	0,812158763	0,058503377	7	27151641	27153893	-1
LARP4	212714_at	0,217445812	-0,620983658	12	49080917	49160055	1
ZNF532	220617_s_at	0,009471397	-1,490692988	18	54681041	54804689	1
MAGOHB	218894_s_at	0,209869224	-0,736354645	12	10648061	10657450	-1
SYTL1	NA	NA	NA	1	27541100	27553008	1
CD84	211192_s_at	0,201127104	-0,819932471	1	158782419	158815889	-1
SWAP70	209307_at	0,000388296	-4,818446234	11	9642204	9731084	1
HIST1H4L	208580_x_at	0,01756439	-0,72399003	6	27948905	27949268	-1
ABHD13	NA	NA	NA	13	107668764	107684604	1
SFT2D1	NA	NA	NA	6	166653506	166675981	-1
C14orf174	NA	NA	NA	14	76913515	76927340	1
SCFD1	215548_s_at	0,011126628	-0,609658693	14	30161272	30274769	1
AKAP13	221718_s_at	0,011673527	-1,774082552	15	83724875	84093590	1
THAP8	NA	NA	NA	19	41217727	41237504	-1
WDR62	215218_s_at	0,223536282	-0,197598811	19	41237623	41287852	1
TRIM5	210705_s_at	0,269688108	-0,625011191	11	5641364	5662869	-1
KIAA0746	212314_at	0,000368355	-4,580629637	4	25358147	25473708	-1
HIST1H3I	214646_at	0,295564679	-0,120770561	6	27947602	27948078	-1
CD37	204192_at	6,06E-05	-4,805741274	19	54530489	54535675	1
ALOX5	204446_s_at	0,000107524	-3,956356834	10	45189635	45261571	1
LY86	205859_at	0,003129365	-1,948854404	6	6533933	6600215	1
RUNDC2B	NA	NA	NA	16	29277934	29290055	1
TRIM22	213293_s_at	0,000107524	-3,960716281	11	5667495	5688669	1
DEPDC5	205223_at	0,342332722	-0,165819626	22	30480069	30633001	1
CASP8AP2	NA	NA	NA	6	90596379	90640876	1
CD180	206206_at	0,010061362	-0,851497206	5	66513872	66528368	-1
BCAT1	214452_at	0,014590489	-3,637535299	12	24855545	24993499	-1
NIN	NA	NA	NA	14	50256231	50367589	-1
S1PR2	208537_at	0,492321151	0,174570426	19	10193109	10202948	-1
AIM1	212543_at	7,34E-06	-3,802105654	6	107066423	107125028	1
ELL3	219518_s_at	5,86E-05	-4,328182904	15	41852090	41856794	-1
BLK	206255_at	0,005412766	-3,068690184	8	11388930	11459517	1
BCL7A	203796_s_at	8,38E-05	-1,70503615	12	120944244	120984333	1

EBF1	NA	NA	NA	5	158058006	158459347	-1
RTN4IP1	NA	NA	NA	6	107125596	107184066	-1
POU2F2	211771_s_at	0,177714996	-0,408940436	19	47284490	47328470	-1
DTX1	NA	NA	NA	12	111980045	112020216	1
CD27	206150_at	3,79E-06	-3,610731312	12	6424312	6431145	1
PVRIG	219812_at	0,000324098	-2,929099158	7	99654807	99657047	1
QRSL1	218949_s_at	0,001936706	-2,541580498	6	107184146	107222103	1
CD79B	205297_s_at	0,000297981	-3,228679847	17	59359830	59363436	-1
BLNK	207655_s_at	5,97E-05	-4,26424887	10	97941445	98021316	-1
C13orf18	44790_s_at	0,002831918	-3,961612095	13	45814137	45859636	-1
PAX5	221969_at	1,86E-06	-4,48421863	9	36828531	37024476	-1
OR4F5	NA	NA	NA	1	58954	59871	1
OR4F29	NA	NA	NA	1	356723	358460	1
OR4F16	NA	NA	NA	1	610959	611897	-1
SAMD11	NA	NA	NA	1	850984	869824	1
NOC2L	202115_s_at	0,405463944	-0,414176683	1	869446	884542	-1
KLHL17	NA	NA	NA	1	885830	890958	1
PLEKHN1	NA	NA	NA	1	891740	900351	1
HES4	NA	NA	NA	1	924207	925333	-1
ISG15	205483_s_at	0,266849353	-1,173018214	1	938742	939782	1
AGRN	212283_at	0,2809029	0,206459527	1	945366	981355	1
C1orf159	219337_at	0,205256943	0,223929206	1	1007068	1041332	-1
TTLL10	NA	NA	NA	1	1104940	1111104	1
TNFRSF18	NA	NA	NA	1	1128751	1131952	-1
TNFRSF4	214228_x_at	0,290454175	0,159719006	1	1136569	1139375	-1
FAM132A	NA	NA	NA	1	1167696	1171965	-1
DVL1	203230_at	0,990155981	-0,005770877	1	1260521	1274358	-1
MXRA8	213422_s_at	0,570298214	0,087934734	1	1277934	1283778	-1
VWA1	218731_s_at	0,096452335	0,253164354	1	1360772	1366009	1
ATAD3C	NA	NA	NA	1	1387910	1395401	1
MIB2	NA	NA	NA	1	1540747	1555848	1
MMP23B	207118_s_at	0,995979009	0,001227487	1	1557423	1559893	1
TMEM52	NA	NA	NA	1	1838890	1840567	-1

C1orf222	NA	NA	NA	1	1843256	1849228	-1
KIAA1751	216807_at	0,330224808	0,127103392	1	1874612	1925136	-1
GABRD	208457_at	0,529430175	0,07511768	1	1940703	1952050	1
PRKCZ	202178_at	0,914715665	0,046666111	1	1971769	2106694	1
C1orf86	NA	NA	NA	1	2110847	2116074	-1
SKI	204270_at	0,928832182	0,011713896	1	2149994	2229316	1
PEX10	206352_s_at	0,056117807	0,480171499	1	2326101	2333870	-1
PLCH2	206080_at	0,468832181	0,169310037	1	2397614	2426824	1
HES5	NA	NA	NA	1	2450044	2451544	-1
MMEL1	NA	NA	NA	1	2511941	2554289	-1
ACTRT2	NA	NA	NA	1	2927906	2929327	1
PRDM16	220928_s_at	0,505316205	-0,14902541	1	2975604	3345045	1
ARHGEF16	208009_s_at	0,329718977	0,147538009	1	3369982	3387537	1
MEGF6	213942_at	0,503575541	0,098533568	1	3394366	3517919	-1
TPRG1L	NA	NA	NA	1	3531416	3536555	1
WDR8	219322_s_at	0,492959804	-0,277145515	1	3537199	3556497	-1
TP73	220804_s_at	0,705396014	0,071072234	1	3558989	3639716	1
KIAA0495	NA	NA	NA	1	3642408	3653746	-1
CCDC27	NA	NA	NA	1	3658822	3678069	1
KIAA0562	204074_s_at	0,432709603	0,184108771	1	3721204	3763657	-1
DFFB	206752_s_at	0,245414819	-0,401182098	1	3763705	3791853	1
C1orf174	222000_at	0,645753982	-0,247292903	1	3795557	3806709	-1
AJAP1	215790_at	0,408257585	0,13341925	1	4614965	4743711	1
NPHP4	213471_at	0,319745225	0,353464968	1	5845457	5975118	-1
GPR153	221902_at	0,320593217	0,205637126	1	6231443	6243622	-1
HES2	216674_at	0,258513156	0,187682658	1	6397883	6402566	-1
ESPN	NA	NA	NA	1	6407435	6443591	1
PLEKHG5	NA	NA	NA	1	6448739	6502656	-1
NOL9	218754_at	0,613396994	-0,258395416	1	6507792	6537168	-1
TAS1R1	NA	NA	NA	1	6538021	6562404	1
THAP3	NA	NA	NA	1	6607839	6618232	1
PER3	221045_s_at	0,808025117	0,041398202	1	7767350	7827824	1
UTS2	220785_at	0,907464052	0,013754816	1	7830262	7836159	-1

SLC45A1	NA	NA	NA	1	8306977	8326814	1
CA6	206873_at	0,341974935	0,120483991	1	8928509	8957738	1
SLC2A7	NA	NA	NA	1	8985946	9008991	-1
GPR157	220901_at	0,641251213	0,084750299	1	9087063	9111816	-1
H6PD	206933_s_at	0,351576921	0,165059546	1	9217450	9253983	1
SPSB1	219677_at	0,92442849	-0,049219922	1	9275571	9352178	1
TMEM201	NA	NA	NA	1	9571567	9587594	1
RBP7	NA	NA	NA	1	9979861	9998665	1
PGD	201118_at	0,448659791	-0,268865804	1	10381672	10402788	1
CASZ1	220015_at	0,66338971	0,05203335	1	10619248	10779294	-1
C1orf127	NA	NA	NA	1	10929120	10946845	-1
MASP2	207041_at	0,442851496	0,107159169	1	11009167	11029872	-1
ANGPTL7	206423_at	0,734724369	0,049445667	1	11171985	11178625	1
PTCHD2	NA	NA	NA	1	11461882	11520227	1
FBXO2	219305_x_at	0,10070196	0,27823181	1	11631035	11637326	-1
FBXO44	NA	NA	NA	1	11637019	11645971	1
FBXO6	NA	NA	NA	1	11646768	11656998	1
MAD2L2	NA	NA	NA	1	11657124	11663780	-1
C1orf187	NA	NA	NA	1	11674368	11702923	1
NPPA	209957_s_at	0,222533207	0,206228813	1	11828363	11830422	-1
NPPB	206801_at	0,556028322	0,125684457	1	11840108	11841579	-1
MIIP	218551_at	0,417235012	0,225243189	1	12002099	12014693	1
TNFRSF8	206729_at	0,045681402	0,956730282	1	12046021	12126851	1
TNFRSF1B	203508_at	0,024193588	0,594632198	1	12149647	12191864	1
DHRS3	202481_at	0,844130329	-0,031274836	1	12550526	12600407	-1
AADACL4	NA	NA	NA	1	12627153	12649684	1
AADACL3	NA	NA	NA	1	12698705	12711313	1
C1orf158	NA	NA	NA	1	12728750	12743689	1
PRAMEF12	216001_at	0,532349501	0,17809845	1	12757571	12760636	1
PRAMEF1	208312_s_at	0,224205648	0,233012114	1	12774133	12778810	1
HNRNPCL1	216302_at	0,628695755	-0,070579578	1	12829848	12831165	-1
PRAMEF2	NA	NA	NA	1	12839528	12844351	1
PRAMEF4	217365_at	0,634364816	-0,077356726	1	12861632	12868612	-1

PRAMEF10	217273_at	0,418972193	0,153187539	1	12875314	12880681	-1
PRAMEF7	NA	NA	NA	1	12900100	12902820	1
PRAMEF6	NA	NA	NA	1	12920889	12929993	-1
PRAMEF22	NA	NA	NA	1	12958130	12960968	1
PRAMEF3	NA	NA	NA	1	13200783	13204279	-1
PRAMEF5	NA	NA	NA	1	13232406	13241644	1
PRAMEF8	NA	NA	NA	1	13259233	13263352	-1
PRAMEF9	NA	NA	NA	1	13291781	13300778	1
PRAMEF13	NA	NA	NA	1	13320001	13325243	-1
PRAMEF18	NA	NA	NA	1	13346640	13350156	-1
PRAMEF16	NA	NA	NA	1	13367841	13370847	1
PRAMEF21	NA	NA	NA	1	13394550	13399530	1
PRAMEF14	NA	NA	NA	1	13540856	13546098	-1
PRAMEF19	NA	NA	NA	1	13567476	13570992	-1
PRAMEF17	NA	NA	NA	1	13588675	13591651	1
PRAMEF20	NA	NA	NA	1	13609494	13620390	1
PDPN	204879_at	0,240198047	0,176335041	1	13782839	13817039	1
RP1-21O18.1	215138_s_at	0,179684785	0,182622353	1	14797800	15317131	1
TMEM51	218815_s_at	0,352025717	0,143261634	1	15352816	15419459	1
CTRC	206297_at	0,519764995	0,087931467	1	15637525	15645740	1
CELA2A	206447_at	0,358173545	0,139154337	1	15655811	15671170	1
AGMAT	221648_s_at	0,766291309	-0,1366979	1	15771739	15784192	-1
PLEKHM2	212146_at	0,012063576	-0,471920116	1	15880613	15933851	1
SLC25A34	NA	NA	NA	1	15935396	15940471	1
TMEM82	NA	NA	NA	1	15941504	15947064	1
FBLIM1	NA	NA	NA	1	15957842	15985671	1
hCG_25371	NA	NA	NA	1	16006244	16006781	-1
ZBTB17	203602_s_at	0,393582714	-0,259105893	1	16140951	16175101	-1
C1orf64	NA	NA	NA	1	16203318	16205771	1
HSPB7	218934_s_at	0,243359187	0,186935305	1	16213111	16217538	-1
CLCNKA	207047_s_at	0,654221337	0,063677807	1	16221073	16233132	1
CLCNKB	205985_x_at	0,964492943	0,00945042	1	16242834	16256390	1
FAM131C	NA	NA	NA	1	16256851	16272714	-1

ARHGEF19	NA	NA	NA	1	16397186	16411691	-1
NBPF1	NA	NA	NA	1	16762989	16812569	-1
CROCC	206274_s_at	0,240020709	0,186526807	1	17121032	17172061	1
MFAP2	203417_at	0,718747413	0,047153625	1	17173584	17180668	-1
ATP13A2	218608_at	0,845039586	-0,069423286	1	17185040	17210854	-1
PADI2	209791_at	0,074018834	0,288963742	1	17265843	17318535	-1
PADI1	220962_s_at	0,24127398	0,150999959	1	17404208	17445088	1
PADI3	220779_at	0,180007614	0,304698186	1	17448180	17483315	1
PADI4	220001_at	0,532506025	0,076807378	1	17507279	17563082	1
PADI6	NA	NA	NA	1	17571328	17600782	1
ARHGEF10L	221656_s_at	0,319745225	0,162076998	1	17738917	17896957	1
ACTL8	214957_at	0,128313725	0,1860996	1	17954431	18026145	1
IGSF21	NA	NA	NA	1	18306827	18577563	1
KLHDC7A	NA	NA	NA	1	18680011	18685080	1
PAX7	208060_at	0,428705491	0,100533452	1	18830087	18935219	1
TAS1R2	NA	NA	NA	1	19038680	19058742	-1
ALDH4A1	211552_s_at	0,424313751	0,174890906	1	19070513	19101659	-1
AKR7L	NA	NA	NA	1	19465063	19473022	-1
AKR7A3	206469_x_at	0,358272418	-0,226842241	1	19481644	19487867	-1
CAPZB	201949_x_at	0,048035052	-0,358635714	1	19537860	19684579	-1
NBL1	37005_at	0,131508176	0,240272394	1	19842313	19857532	1
HTR6	NA	NA	NA	1	19864367	19878642	1
RNF186	219739_at	0,88934491	-0,02524568	1	20013109	20014358	-1
OTUD3	213216_at	0,237607717	-0,177330388	1	20081475	20112025	1
PLA2G2E	221389_at	0,616843434	-0,084716057	1	20119387	20122697	-1
PLA2G2A	203649_s_at	0,186984034	0,202634821	1	20174518	20179496	-1
PLA2G5	206178_at	0,288764681	0,154630547	1	20269288	20290981	1
PLA2G2D	220423_at	0,547447103	0,093330849	1	20311019	20318595	-1
PLA2G2F	221416_at	0,83959995	0,04247284	1	20338410	20349466	1
PLA2G2C	NA	NA	NA	1	20363071	20374274	-1
UBXN10	NA	NA	NA	1	20385165	20392529	1
CAMK2N1	218309_at	0,488641996	-0,095847517	1	20681471	20685315	-1
CDA	205627_at	0,621314317	0,091015977	1	20788031	20817988	1

KIF17	222144_at	0,81873129	0,022503143	1	20863096	20917097	-1
SH2D5	NA	NA	NA	1	20918812	20931720	-1
EIF4G3	201935_s_at	0,003178115	-1,378317317	1	21005559	21375927	-1
ALPL	215783_s_at	0,878024762	-0,053183494	1	21708445	21777492	1
RAP1GAP	203911_at	0,386921276	0,159615779	1	21795302	21868386	-1
LDLRAD2	NA	NA	NA	1	22011345	22024301	1
HSPG2	201655_s_at	0,179697219	0,312456925	1	22021324	22136337	-1
CELA3B	206151_x_at	0,891021161	-0,025697947	1	22176005	22188434	1
CELA3A	211738_x_at	0,818404572	0,053443833	1	22200736	22211622	1
WNT4	208606_s_at	0,336947085	0,147191739	1	22316385	22342106	-1
ZBTB40	203958_s_at	0,234897551	0,214678512	1	22650931	22730237	1
EPHA8	NA	NA	NA	1	22762591	22802674	1
C1QA	218232_at	0,347272171	0,117104822	1	22835705	22838762	1
C1QC	NA	NA	NA	1	22842734	22847190	1
C1QB	202953_at	0,45873892	0,129597623	1	22852269	22860616	1
EPHB2	210651_s_at	0,105204694	0,34550654	1	22909918	23114410	1
LUZP1	221832_s_at	0,274330648	0,215169585	1	23284038	23367925	-1
HTR1D	207368_at	0,493264118	0,102079067	1	23390975	23393809	-1
TCEA3	NA	NA	NA	1	23580142	23623848	-1
ASAP3	219103_at	0,28242157	-0,269794537	1	23627643	23683258	-1
CNR2	206586_at	0,883430947	0,052049243	1	24073047	24112404	-1
PNRC2	217779_s_at	0,007126957	-0,841956274	1	24158917	24162518	1
FUSIP1	204299_at	0,000428299	-0,863412444	1	24165526	24179408	-1
MYOM3	NA	NA	NA	1	24255118	24311252	-1
GRHL3	NA	NA	NA	1	24518468	24554395	1
C1orf201	NA	NA	NA	1	24556076	24600536	-1
RCAN3	219864_s_at	0,537279027	-0,104260672	1	24701974	24735015	1
C1orf130	NA	NA	NA	1	24755189	24808403	1
RUNX3	204198_s_at	0,311745767	-0,411130638	1	25098589	25164088	-1
LDLRAP1	221790_s_at	0,000257073	1,64112143	1	25742663	25767964	1
MAN1C1	218918_at	0,107791377	0,476752819	1	25816546	25983845	1
SEPN1	NA	NA	NA	1	25999254	26017300	1
EXTL1	206329_at	0,379652317	0,153589942	1	26220858	26235542	1

SLC30A2	NA	NA	NA	1	26237101	26245191	-1
TRIM63	NA	NA	NA	1	26250385	26266708	-1
GRRP1	220430_at	0,829505526	-0,043439066	1	26358098	26361706	1
CATSPER4	NA	NA	NA	1	26389706	26401620	1
AIM1L	220289_s_at	0,37031458	-0,127763736	1	26520937	26542929	-1
ZNF683	NA	NA	NA	1	26560712	26571853	-1
LIN28	219823_at	0,735241851	0,034932318	1	26609856	26628806	1
C1orf172	NA	NA	NA	1	27148648	27159484	-1
TRNP1	NA	NA	NA	1	27192782	27199964	1
FAM46B	NA	NA	NA	1	27204098	27211914	-1
MAP3K6	219278_at	0,529433531	0,150704115	1	27554257	27565924	-1
FCN3	205866_at	0,635835302	0,063407579	1	27568188	27573902	-1
AHDC1	205002_at	0,237853106	-0,317674762	1	27733343	27802730	-1
IFI6	204415_at	0,477442278	0,126890812	1	27865159	27871311	-1
C1orf38	210785_s_at	0,43494481	-0,630294076	1	28071642	28085780	1
XKR8	218753_at	0,451372882	0,086177364	1	28159091	28167191	1
OPRD1	207792_at	0,904274505	0,024348564	1	29011241	29062795	1
TMEM200B	NA	NA	NA	1	29318527	29322994	-1
MATN1	206904_at	0,273593488	0,20226068	1	30958583	30969474	-1
SDC3	NA	NA	NA	1	31118567	31154067	-1
NKAIN1	219438_at	0,683158094	0,05396274	1	31425180	31433587	-1
FABP3	214285_at	0,225745065	0,177237546	1	31610687	31618510	-1
SERINC2	NA	NA	NA	1	31658550	31680112	1
TINAGL1	219058_x_at	0,56869702	0,061859415	1	31814747	31825874	1
HCRTR1	207619_at	0,654458625	0,054227711	1	31857228	31865301	1
COL16A1	204345_at	0,871675557	0,021462738	1	31890435	31942355	-1
SPOCD1	NA	NA	NA	1	32028612	32054167	-1
FAM167B	NA	NA	NA	1	32485405	32487048	1
TSSK3	NA	NA	NA	1	32600449	32602513	1
ZBTB8A	NA	NA	NA	1	32777359	32844129	1
SYNC	221276_s_at	0,923083331	-0,024778367	1	32918548	32933460	-1
KIAA1522	NA	NA	NA	1	32980099	33013158	1
FNDC5	NA	NA	NA	1	33100464	33108934	-1

HPCA	205454_at	0,343690338	0,132629309	1	33124685	33132834	1
TMEM54	NA	NA	NA	1	33132783	33139540	-1
ADC	NA	NA	NA	1	33319301	33358582	1
ZNF362	NA	NA	NA	1	33494761	33538907	1
A3GALT2	NA	NA	NA	1	33544954	33559286	-1
ZSCAN20	NA	NA	NA	1	33710819	33734582	1
CSMD2	NA	NA	NA	1	33752196	34404030	-1
HMGB4	NA	NA	NA	1	34098663	34102979	1
C1orf94	NA	NA	NA	1	34415858	34457319	1
GJB5	206156_at	0,493402861	-0,108203256	1	34993308	34996699	1
GJB4	216579_at	0,306588883	0,135840467	1	34999365	35000515	1
GJB3	215243_s_at	0,373395715	0,120747914	1	35019377	35024552	1
GJA4	40687_at	0,323604122	0,098376125	1	35031186	35033935	1
DLGAP3	NA	NA	NA	1	35103624	35143571	-1
TFAP2E	NA	NA	NA	1	35811558	35833516	1
C1orf216	NA	NA	NA	1	35952064	35957377	-1
CLSPN	NA	NA	NA	1	35974405	36008138	-1
EIF2C4	219190_s_at	0,664022757	0,096202334	1	36046415	36093775	1
TEKT2	210323_at	0,398993672	0,122502352	1	36322263	36326463	1
C1orf113	220193_at	0,3258138	0,169519104	1	36545305	36563074	1
FAM176B	221710_x_at	0,454041122	0,15036829	1	36560219	36562342	-1
C1orf102	NA	NA	NA	1	36656094	36688639	-1
CSF3R	203591_s_at	0,727547837	0,050843361	1	36704231	36721096	-1
C1orf149	218165_at	0,325842095	-0,304335871	1	37730763	37752951	-1
RSPO1	NA	NA	NA	1	37849538	37873078	-1
EPHA10	NA	NA	NA	1	37954233	38003411	-1
MANEAL	NA	NA	NA	1	38032361	38039392	1
YRDC	218647_s_at	0,068981457	-0,427542496	1	38041201	38046452	-1
C1orf122	NA	NA	NA	1	38046556	38047713	1
MTF1	205322_s_at	0,365513472	0,265054474	1	38047826	38097879	-1
INPP5B	213643_s_at	0,034240207	-0,497128567	1	38098956	38185316	-1
POU3F1	210475_at	0,176261441	0,177234383	1	38282110	38285037	-1
GJA9	221415_s_at	0,376762152	0,113973114	1	39112326	39119876	-1

RHBDL2	NA	NA	NA	1	39124066	39180043	-1
KIAA0754	NA	NA	NA	1	39647763	39654741	1
HEYL	220662_s_at	0,819555025	-0,035259992	1	39861690	39877935	-1
NT5C1A	NA	NA	NA	1	39897380	39910297	-1
HPCAL4	219671_at	0,091675738	0,192929606	1	39917232	39929676	-1
MYCL1	215491_at	0,366379583	0,175459154	1	40133685	40140274	-1
COL9A2	213622_at	0,914375757	0,04653608	1	40538750	40555526	-1
RIMS3	204730_at	0,578162249	-0,422412608	1	40858939	40903915	-1
KCNQ4	221083_at	0,290654508	0,150288648	1	41022271	41076947	1
CITED4	NA	NA	NA	1	41099315	41100605	-1
SLFNL1	NA	NA	NA	1	41253856	41259976	-1
EDN2	206758_at	0,118153506	0,209122169	1	41717033	41722884	-1
HIVEP3	220042_x_at	0,888003017	0,028604959	1	41748271	42156782	-1
GUCA2B	207502_at	0,406995024	0,17417335	1	42391679	42394082	1
GUCA2A	207003_at	0,950262171	0,007881769	1	42400949	42402982	-1
RIMKLA	NA	NA	NA	1	42619064	42653437	1
RP4-692D3.1	NA	NA	NA	1	42772129	42892444	1
CLDN19	NA	NA	NA	1	42971351	42978512	-1
CCDC23	NA	NA	NA	1	43045320	43055510	-1
ERMAP	219905_at	0,263688569	0,201202839	1	43055363	43083247	1
FAM183A	NA	NA	NA	1	43386181	43394654	1
TMEM125	NA	NA	NA	1	43508994	43512260	1
MPL	216825_s_at	0,081772353	0,307709226	1	43576062	43592722	1
KIAA0467	215364_s_at	0,160503619	-0,236008834	1	43661384	43690891	1
HYI	221435_x_at	0,145719369	0,206015666	1	43689416	43692505	-1
PTPRF	200637_s_at	0,010929141	0,635855621	1	43769134	43861930	1
ARTN	210237_at	0,221926007	0,225664809	1	44171579	44175471	1
CCDC24	NA	NA	NA	1	44229867	44234787	1
SLC6A9	207043_s_at	0,053898968	0,313544155	1	44234742	44269721	-1
KLF17	NA	NA	NA	1	44357109	44373399	1
RNF220	219988_s_at	0,361031259	-0,216599576	1	44643547	44889983	1
PLK3	204958_at	0,846892346	-0,062426258	1	45038623	45044254	1
TCTEX1D4	NA	NA	NA	1	45044172	45045544	-1

PTCH2	221292_at	0,463789179	0,156699184	1	45060674	45081203	-1
ZSWIM5	NA	NA	NA	1	45254661	45444837	-1
CCDC17	NA	NA	NA	1	45858303	45862260	-1
GPBP1L1	217877_s_at	0,094351065	-0,383479752	1	45865567	45899398	-1
TSPAN1	209114_at	0,300766464	0,164114327	1	46418799	46424217	1
FAAH	204231_s_at	0,426334296	0,178913218	1	46632575	46652104	1
DMBX1	NA	NA	NA	1	46745255	46752485	1
KNCN	NA	NA	NA	1	46783903	46789474	-1
MKNK1	209467_s_at	0,433752088	0,268093807	1	46795677	46842473	-1
MOBK12C	NA	NA	NA	1	46845974	46855150	-1
ATPAF1	NA	NA	NA	1	46870996	46906686	-1
CYP4B1	210096_at	0,608036889	0,062246492	1	47037257	47057608	1
CYP4A11	211231_x_at	0,135154593	0,202815677	1	47167433	47180004	-1
CYP4X1	NA	NA	NA	1	47261827	47289010	1
CYP4Z1	NA	NA	NA	1	47305747	47356579	1
CYP4A22	NA	NA	NA	1	47375694	47387113	1
PDZK1IP1	219630_at	0,987969735	0,002526617	1	47421848	47428358	-1
TAL1	216925_s_at	0,49803024	0,075995971	1	47454551	47468030	-1
FOXO3	220621_at	0,530326688	0,057377943	1	47654331	47656311	1
SLC5A9	NA	NA	NA	1	48460991	48486903	1
SPATA6	220298_s_at	0,522690819	-0,064869593	1	48536865	48710432	-1
BEND5	NA	NA	NA	1	48966129	49015090	-1
ELAVL4	206051_at	0,985223131	-0,002053512	1	50347225	50439648	1
DMRTA2	NA	NA	NA	1	50655812	50661729	-1
TTC39A	217101_at	0,288049491	0,333912806	1	51525370	51560526	-1
RAB3B	205925_s_at	0,239417394	0,132756431	1	52157420	52228936	-1
KTI12	NA	NA	NA	1	52270365	52272060	-1
ZFYVE9	204893_s_at	0,281966571	0,197693665	1	52380634	52584946	1
ECHDC2	218552_at	0,614998192	0,085012259	1	53134492	53160034	-1
PODN	NA	NA	NA	1	53300473	53323762	1
SLC1A7	210923_at	0,315622226	0,263078061	1	53325443	53380837	-1
GLIS1	216446_at	0,118461676	0,268993717	1	53744494	53972465	-1
YIPF1	214733_s_at	0,2038396	0,192157432	1	54089994	54128041	-1

DIO1	206457_s_at	0,590078891	0,055988708	1	54132449	54149347	1
HSPB11	203960_s_at	0,10182433	-0,702409909	1	54159822	54183876	-1
LRRC42	215084_s_at	0,011750907	-0,424165089	1	54184625	54206427	1
LDLRAD1	NA	NA	NA	1	54247094	54256391	-1
CDCP2	NA	NA	NA	1	54377256	54392031	-1
ACOT11	214763_at	0,305337429	0,104657861	1	54786489	54873005	1
FAM151A	NA	NA	NA	1	54847442	54861786	-1
C1orf175	214147_at	0,170970424	0,17123319	1	54880032	54948527	1
PARS2	NA	NA	NA	1	54995159	55002775	-1
TTC22	215107_s_at	0,485523123	0,062231401	1	55022812	55039459	-1
C1orf177	NA	NA	NA	1	55044324	55080513	1
TMEM61	NA	NA	NA	1	55219053	55230554	1
BSND	NA	NA	NA	1	55237205	55247053	1
PCSK9	NA	NA	NA	1	55277808	55303111	1
PRKAA2	207709_at	0,36671109	0,121220712	1	56883578	56953596	1
C1orf168	NA	NA	NA	1	56957066	57057632	-1
C8B	206979_at	0,726631563	0,059494911	1	57167471	57204276	-1
DAB1	220611_at	0,110988562	0,230864927	1	57236167	58488799	-1
RPS26P15	NA	NA	NA	1	58294297	58294767	-1
MYSM1	NA	NA	NA	1	58898178	58938335	-1
CYP2J2	205073_at	0,505294926	0,118729779	1	60131568	60165011	-1
C1orf87	NA	NA	NA	1	60228654	60312014	-1
INADL	214493_s_at	0,443943097	0,213328491	1	61980737	62402180	1
L1TD1	219955_at	0,267285675	0,158929098	1	62433084	62450588	1
KANK4	NA	NA	NA	1	62474425	62557671	-1
DOCK7	NA	NA	NA	1	62692985	62926557	-1
ANGPTL3	219803_at	0,765870576	0,03406777	1	62835775	62843768	1
FOXD3	208500_x_at	0,60866523	0,098143194	1	63561318	63562754	1
CACHD1	NA	NA	NA	1	64709064	64931329	1
DNAJC6	204720_s_at	0,723263189	-0,229753388	1	65503018	65654140	1
TCTEX1D1	NA	NA	NA	1	66990730	67017058	1
INSL5	221091_at	0,928201718	0,015029419	1	67036012	67039527	-1
C1orf141	NA	NA	NA	1	67330447	67366808	-1

IL23R	NA	NA	NA	1	67404757	67498250	1
DIRAS3	215506_s_at	0,249459616	0,16736227	1	68284233	68289048	-1
GPR177	221958_s_at	0,562555114	0,070827303	1	68336739	68470841	-1
LRRC7	NA	NA	NA	1	69998446	70361759	1
PTGER3	213933_at	0,068506662	0,310323729	1	71090624	71286079	-1
TNNI3K	220415_at	0,800879857	0,029794698	1	74473673	74782696	1
C1orf173	NA	NA	NA	1	74806383	74912010	-1
LHX8	NA	NA	NA	1	75366707	75399806	1
ST6GALNAC3	NA	NA	NA	1	76312992	76869220	1
ST6GALNAC5	220979_s_at	0,26632902	0,172677503	1	77105774	77302325	1
AK5	219308_s_at	0,277740837	0,209059615	1	77520330	77798242	1
NEXN	NA	NA	NA	1	78126788	78182168	1
GIPC2	219970_at	0,981907138	0,003314962	1	78284177	78375700	1
PTGFR	207177_at	0,468789272	0,065647986	1	78729316	78778974	1
IFI44L	204439_at	0,527666902	-0,464404161	1	78858741	78880657	1
IFI44	214453_s_at	0,767914152	-0,240614437	1	78888104	78902345	1
ELTD1	219134_at	0,522781511	0,058440425	1	79128037	79245083	-1
LPHN2	206953_s_at	0,027506123	1,895063988	1	82038670	82230695	1
SAMD13	NA	NA	NA	1	84536637	84589067	1
DNASE2B	220380_at	0,985018803	-0,002610193	1	84636803	84653279	1
LPAR3	220816_at	0,445671088	0,095338819	1	85052090	85104430	-1
MCOLN2	NA	NA	NA	1	85163854	85235384	-1
MCOLN3	220484_at	0,265568994	0,170010715	1	85256353	85286757	-1
C1orf52	NA	NA	NA	1	85490244	85497913	-1
DDAH1	209094_at	0,731354753	-0,4591633	1	85556756	85703411	-1
CYR61	210764_s_at	0,730048486	-0,065771508	1	85819048	85821978	1
CLCA2	206166_s_at	0,159569888	0,184975428	1	86662413	86694829	1
CLCA1	210107_at	0,154797055	0,278497443	1	86707114	86738565	1
CLCA4	220026_at	0,99268911	0,001292182	1	86785347	86819025	1
CLCA3P	NA	NA	NA	1	86872547	86893647	1
GBP3	NA	NA	NA	1	89244948	89261137	-1
GBP1	202269_x_at	0,430348737	0,076645573	1	89290593	89303479	-1
GBP7	NA	NA	NA	1	89370022	89414311	-1

GBP4	NA	NA	NA	1	89420044	89437150	-1
GBP5	NA	NA	NA	1	89498853	89511119	-1
GBP6	NA	NA	NA	1	89602024	89626307	1
LRRC8B	212978_at	0,136625165	-0,457669722	1	89796860	89831803	1
BARHL2	NA	NA	NA	1	90950167	90955382	-1
HFM1	NA	NA	NA	1	91498911	91643014	-1
TGFBR3	204731_at	0,098373951	0,339802693	1	91920575	92124243	-1
BRDT	206787_at	0,419892166	0,124396476	1	92187720	92252573	1
EPHX4	NA	NA	NA	1	92268146	92301681	1
BTBD8	NA	NA	NA	1	92318481	92385985	1
C1orf146	NA	NA	NA	1	92456161	92483955	1
FNBP1L	215017_s_at	0,689948357	-0,083486496	1	93737613	93792806	1
ARHGAP29	203910_at	0,498090938	0,108824038	1	94407051	94475895	-1
F3	204363_at	0,981609849	0,002669435	1	94767461	94779903	-1
SLC44A3	NA	NA	NA	1	95058765	95133197	1
CNN3	201445_at	0,59802274	-0,066635993	1	95135095	95165289	-1
TMEM56	NA	NA	NA	1	95355572	95431462	1
RWDD3	205087_at	0,295411421	-0,292865019	1	95472299	95485369	1
PAP2D	NA	NA	NA	1	99128389	99243037	-1
PALMD	218736_s_at	0,66745438	0,042082619	1	99884182	99932847	1
FRRS1	NA	NA	NA	1	99946847	100003937	-1
LRRC39	NA	NA	NA	1	100386999	100416359	-1
GPR88	220313_at	0,728168707	0,046219614	1	100776316	100780171	1
S1PR1	204642_at	0,29330214	0,150011166	1	101475043	101479662	1
OLFM3	NA	NA	NA	1	102040718	102235136	-1
AMY2A	NA	NA	NA	1	103961522	103969923	1
AMY1A	NA	NA	NA	1	103999664	104008696	1
AMY1B	NA	NA	NA	1	104031564	104040412	-1
AMY1C	NA	NA	NA	1	104093964	104102833	1
C1orf59	NA	NA	NA	1	108992433	109005671	-1
FNDC7	NA	NA	NA	1	109066556	109086888	1
C1orf62	NA	NA	NA	1	109160046	109201239	-1
CLCC1	207855_s_at	0,096292016	0,489928405	1	109273653	109307634	-1

WDR47	203855_at	0,130857597	-0,858692007	1	109314359	109386258	-1
TAF13	205966_at	0,451204371	0,093510945	1	109408521	109420147	-1
KIAA1324	NA	NA	NA	1	109458056	109547377	1
CELSR2	36499_at	0,477325579	-0,126713728	1	109594164	109619901	1
PSRC1	201896_s_at	0,119009576	-0,601779061	1	109623701	109627294	-1
MYBPHL	NA	NA	NA	1	109636510	109651186	-1
SORT1	212807_s_at	0,124467655	0,536901118	1	109653715	109742086	-1
SYPL2	NA	NA	NA	1	109810623	109826287	1
ATXN7L2	NA	NA	NA	1	109828084	109836879	1
AMIGO1	NA	NA	NA	1	109850969	109853859	-1
GSTM2	204550_x_at	0,763942534	0,13781289	1	110012214	110019431	1
GSTM1	NA	NA	NA	1	110031965	110037890	1
GSTM5	205752_s_at	0,062919473	0,30753142	1	110056388	110062411	1
GSTM3	202554_s_at	0,541079402	0,099847393	1	110078077	110084563	-1
EPS8L3	219404_at	0,602575239	0,079074361	1	110094225	110108087	-1
CSF1	209716_at	0,214680947	0,164546708	1	110254980	110273878	1
ALX3	207690_at	0,129704864	0,264248092	1	110404520	110414845	-1
UBL4B	NA	NA	NA	1	110456585	110458092	1
SLC6A17	NA	NA	NA	1	110494631	110546347	1
KCNC4	208251_at	0,858885223	0,023226983	1	110555588	110578189	1
SLC16A4	205234_at	0,504104993	-0,080404457	1	110707028	110735159	-1
PROK1	NA	NA	NA	1	110795311	110801499	1
KCNA10	208560_at	0,141379117	0,264914609	1	110861362	110863320	-1
KCNA2	208564_at	0,423680487	0,153785148	1	110947299	110949868	-1
C1orf88	NA	NA	NA	1	111690771	111697158	1
OVGP1	205432_at	0,10687726	0,310623688	1	111758460	111771922	-1
C1orf162	NA	NA	NA	1	111818127	111822657	1
RAP1A	202362_at	0,94467695	-0,063380547	1	111963928	112057624	1
KCND3	211827_s_at	0,118264695	0,223710964	1	112119977	112333300	-1
CTTNBP2NL	NA	NA	NA	1	112740383	112803739	1
WNT2B	206458_s_at	0,573739157	0,062759588	1	112811563	112865428	1
PPM1J	NA	NA	NA	1	113054139	113059473	-1
FAM19A3	NA	NA	NA	1	113064712	113071380	1

MAGI3	NA	NA	NA	1	113734998	114030068	1
PTPN22	206060_s_at	0,018741464	-1,591824519	1	114157960	114215857	-1
BCL2L15	NA	NA	NA	1	114220959	114231692	-1
SYT6	NA	NA	NA	1	114433437	114497995	-1
AMPD1	206121_at	0,139816005	2,113031867	1	115017245	115039699	-1
TSPAN2	214606_at	0,966896402	0,004443703	1	115392155	115433638	-1
NGF	206814_at	0,71190986	0,046385887	1	115630060	115682380	-1
VANGL1	219330_at	0,205097485	0,3535644	1	115986097	116042368	1
CASQ2	207317_s_at	0,266399959	0,176217911	1	116044147	116112929	-1
NHLH2	215228_at	0,34730427	0,162471482	1	116180521	116185270	-1
SLC22A15	NA	NA	NA	1	116320642	116413548	1
C1orf161	NA	NA	NA	1	116455899	116479384	1
IGSF3	202421_at	0,443943097	0,135232742	1	116918554	117011837	-1
CD2	205831_at	0,503187757	0,086845004	1	117098609	117113374	1
PTGFRN	NA	NA	NA	1	117254212	117334495	1
IGSF2	207167_at	0,838313716	0,042097401	1	117345905	117380690	1
TRIM45	219923_at	0,442066786	0,133741533	1	117455210	117465934	-1
VTCN1	219768_at	0,617796233	0,06540626	1	117487732	117555072	-1
SPAG17	NA	NA	NA	1	118297811	118529357	-1
TBX15	NA	NA	NA	1	119227189	119333702	-1
HAO2	220801_s_at	0,792144934	0,040606263	1	119712925	119738274	1
HSD3B2	206294_at	0,179749993	0,194252828	1	119759296	119767174	1
HSD3B1	204515_at	0,346059709	0,14308672	1	119851349	119859204	1
ZNF697	NA	NA	NA	1	119963523	119991913	-1
HMGCS2	204607_at	0,315937087	0,169896449	1	120092525	120113041	-1
REG4	NA	NA	NA	1	120138231	120155726	-1
NBPF7	NA	NA	NA	1	120178911	120189302	-1
ADAM30	221446_at	0,811733276	0,035373067	1	120237679	120240636	-1
FAM72B	NA	NA	NA	1	120640528	120657204	1
FCGR1B	214511_x_at	0,20602321	0,166265311	1	120728657	120737417	-1
SEC22B	NA	NA	NA	1	143807764	143828279	1
HFE2	NA	NA	NA	1	144124635	144128902	1
ANKRD35	NA	NA	NA	1	144260566	144279883	1

CD160	207840_at	0,440294549	0,090845102	1	144407155	144426922	-1
PDZK1	205380_at	0,79433623	-0,058562259	1	144439083	144475430	1
GPR89A	220642_x_at	0,02629946	0,851431564	1	144475952	144538460	-1
GPR89C	NA	NA	NA	1	144595225	144635406	1
RP11-94I2.2	NA	NA	NA	1	144743899	144779602	-1
FAM108A3	NA	NA	NA	1	144786833	144791604	1
FMO5	205776_at	0,178469987	0,239974134	1	145124462	145163546	-1
GJA5	214466_at	0,487824361	0,104949446	1	145694956	145712108	-1
GJA8	208489_at	0,788534669	0,045994037	1	145841560	145848017	1
GPR89B	NA	NA	NA	1	145867130	145932377	1
NBPF11	214693_x_at	0,279563122	0,693508809	1	146042424	146076705	-1
PPIAL4A	217136_at	0,762992844	-0,037525985	1	146421384	146422043	-1
NBPF14	NA	NA	NA	1	146470266	146492472	-1
NBPF20	NA	NA	NA	1	146618473	146713553	-1
NBPF16	NA	NA	NA	1	147006066	147024935	1
FCGR1A	NA	NA	NA	1	148020912	148030698	1
CA14	219464_at	0,612753383	0,104567993	1	148488047	148504102	1
ECM1	209365_s_at	0,937495009	-0,019162922	1	148747207	148752660	1
ADAMTSL4	NA	NA	NA	1	148788522	148800037	1
GOLPH3L	218361_at	0,63840658	0,150859844	1	148885330	148936257	-1
HORMAD1	NA	NA	NA	1	148937166	148959976	-1
CTSK	202450_s_at	0,61370547	0,12506188	1	149035311	149047436	-1
BNIPL	NA	NA	NA	1	149275658	149286699	1
C1orf56	221222_s_at	0,091313403	0,446468535	1	149286883	149290520	1
TMOD4	NA	NA	NA	1	149409087	149415171	-1
SELENBP1	214433_s_at	0,216001912	0,379661419	1	149603404	149611788	-1
CGN	NA	NA	NA	1	149750497	149777792	1
TNRC4	215045_at	0,343719792	0,092333936	1	149941454	149955914	-1
LINGO4	NA	NA	NA	1	150039389	150044506	-1
RORC	206419_at	0,412047546	0,098777163	1	150045171	150070972	-1
THEM5	NA	NA	NA	1	150084844	150092797	-1
HRNR	NA	NA	NA	1	150451182	150463293	-1
FLG	215704_at	0,933020569	-0,01215998	1	150541275	150564303	-1

FLG2	NA	NA	NA	1	150587837	150599106	-1
CRNN	220090_at	0,587836655	0,089483551	1	150648343	150653352	-1
LCE5A	NA	NA	NA	1	150749944	150751277	1
CRCT1	220620_at	0,597448345	0,078189341	1	150753602	150755105	1
LCE3E	NA	NA	NA	1	150804754	150805872	-1
LCE3D	NA	NA	NA	1	150818484	150819604	-1
LCE3C	NA	NA	NA	1	150839832	150840116	1
LCE3A	NA	NA	NA	1	150861934	150862203	-1
LCE2C	NA	NA	NA	1	150914395	150915674	1
LCE2A	NA	NA	NA	1	150937464	150938542	1
LCE4A	NA	NA	NA	1	150948147	150948534	1
KPRP	NA	NA	NA	1	150997130	151001153	1
LCE1F	NA	NA	NA	1	151015472	151015828	1
LCE1E	NA	NA	NA	1	151025377	151027526	1
LCE1C	NA	NA	NA	1	151043935	151045731	-1
LCE1B	NA	NA	NA	1	151051071	151052209	1
LCE1A	NA	NA	NA	1	151066573	151066905	1
SMCP	206406_at	0,227695742	0,198710412	1	151117422	151124147	1
SPRR4	NA	NA	NA	1	151209752	151211693	1
SPRR1A	213796_at	0,314045485	0,158506342	1	151223181	151224914	1
SPRR3	218990_s_at	0,826835814	-0,033579683	1	151240847	151242956	1
SPRR1B	205064_at	0,995350154	-0,000882024	1	151270303	151272000	1
SPRR2A	NA	NA	NA	1	151295220	151296612	-1
SPRR2B	220664_at	0,993798161	-0,001028733	1	151309341	151310708	-1
SPRR2E	NA	NA	NA	1	151332235	151333625	-1
SPRR2F	NA	NA	NA	1	151351236	151352613	-1
SPRR2G	NA	NA	NA	1	151388682	151389235	-1
LELP1	NA	NA	NA	1	151442543	151444220	1
LOR	207720_at	0,945534811	-0,011357844	1	151498803	151501224	1
PGLYRP3	NA	NA	NA	1	151536962	151549818	-1
PGLYRP4	220944_at	0,154855362	0,254537758	1	151569220	151587646	-1
S100A9	203535_at	0,7356967	0,045226759	1	151596954	151600127	1
S100A12	205863_at	0,142157051	0,194574799	1	151612808	151614699	-1

S100A8	202917_s_at	0,927824209	0,015810757	1	151629132	151630173	-1
S100A7A	205916_at	0,55733072	0,061309363	1	151655624	151662325	1
S100A7L2	NA	NA	NA	1	151676095	151679127	-1
S100A7	NA	NA	NA	1	151696844	151699761	-1
S100A3	206027_at	0,463102412	0,065163102	1	151786433	151788358	-1
S100A2	204268_at	0,390215379	0,154216721	1	151800208	151804930	-1
S100A16	NA	NA	NA	1	151845991	151852138	-1
S100A14	218677_at	0,102478061	0,302278082	1	151853355	151855414	-1
S100A1	205334_at	0,079874872	0,441143425	1	151867497	151871137	1
SLC27A3	222217_s_at	0,943185478	0,032446973	1	152014392	152019257	1
C1orf189	NA	NA	NA	1	152438472	152445433	-1
AQP10	NA	NA	NA	1	152560216	152564425	1
SHE	NA	NA	NA	1	152718581	152741213	-1
TDRD10	NA	NA	NA	1	152741319	152787247	1
EFNA1	202023_at	0,318162994	0,171739266	1	153366973	153374010	1
MEX3A	NA	NA	NA	1	154308428	154318413	-1
BGLAP	206956_at	0,761577308	-0,098233885	1	154478629	154479736	1
PAQR6	219236_at	0,027516286	0,581889816	1	154479831	154484467	-1
VHLL	NA	NA	NA	1	154535039	154535714	-1
RHBG	220510_at	0,195906647	0,263200942	1	154605627	154621635	1
C1orf61	205103_at	0,45873892	0,1212651	1	154640679	154665808	-1
HAPLN2	220142_at	0,339873685	0,121300982	1	154855710	154862141	1
BCAN	91920_at	0,296260361	0,117680662	1	154878364	154895944	1
CRABP2	202575_at	0,192684538	0,155775304	1	154936027	154941999	-1
SH2D2A	207351_s_at	0,352019176	0,144027047	1	155042659	155053226	-1
NTRK1	208605_s_at	0,758556979	-0,038204317	1	155052166	155118266	1
INSRR	215776_at	0,164438103	0,165994551	1	155077289	155095290	-1
PEAR1	NA	NA	NA	1	155130147	155152850	1
C1orf92	NA	NA	NA	1	155157324	155169504	1
ETV3L	NA	NA	NA	1	155328460	155336224	-1
FCRL4	NA	NA	NA	1	155810163	155834494	-1
CD1A	210325_at	0,397297093	0,276523367	1	156490551	156494683	1
CD1C	205987_at	0,571915777	0,091681233	1	156526187	156531188	1

CD1B	206749_at	0,436131569	0,132073267	1	156564364	156567945	-1
CD1E	208592_s_at	0,817929877	0,029844731	1	156590164	156593967	1
OR10K1	NA	NA	NA	1	156701976	156702917	1
OR10R2	NA	NA	NA	1	156716292	156717299	1
OR6Y1	NA	NA	NA	1	156783542	156784519	-1
OR10X1	NA	NA	NA	1	156815333	156816313	-1
OR10Z1	NA	NA	NA	1	156842853	156843794	1
SPTA1	206937_at	0,576736102	0,082384158	1	156847120	156923130	-1
OR6K2	NA	NA	NA	1	156936092	156937066	-1
OR6K3	NA	NA	NA	1	156953582	156954577	-1
OR6K6	NA	NA	NA	1	156991230	156992261	1
OR6N2	NA	NA	NA	1	157013096	157014049	-1
MNDA	204959_at	0,812741509	0,048056475	1	157067792	157085894	1
PYHIN1	NA	NA	NA	1	157167966	157213468	1
CADM3	213948_x_at	0,201474096	0,228816911	1	157408044	157438426	1
DARC	208335_s_at	0,394614298	0,117744836	1	157441134	157442914	1
OR10J3	NA	NA	NA	1	157550084	157551073	-1
OR10J1	221346_at	0,316916069	0,114621038	1	157676173	157677135	1
OR10J5	NA	NA	NA	1	157771492	157772421	-1
APCS	206350_at	0,167436889	0,173765229	1	157824240	157825285	1
CRP	205753_at	0,333274374	0,154993447	1	157948703	157951003	-1
FCRL6	NA	NA	NA	1	158038797	158052671	1
SLAMF8	219386_s_at	0,739476266	0,056341767	1	158063103	158073906	1
VSIG8	NA	NA	NA	1	158090730	158099071	-1
CCDC19	220308_at	0,490849912	-0,100197274	1	158108778	158136530	-1
IGSF9	NA	NA	NA	1	158163455	158182010	-1
SLAMF9	NA	NA	NA	1	158187908	158190634	-1
KCNJ10	206692_at	0,461926068	0,077632514	1	158274657	158306585	-1
KCNJ9	207527_at	0,814751673	0,038078495	1	158317984	158325836	1
ATP1A2	203296_s_at	0,592708572	0,057685633	1	158352172	158380005	1
ATP1A4	NA	NA	NA	1	158387976	158423391	1
CASQ1	219645_at	0,171558665	0,256596967	1	158426989	158438300	1
NHLH1	214628_at	0,989407871	0,002661048	1	158603498	158609229	1

VANGL2	NA	NA	NA	1	158636988	158665088	1
CD244	220307_at	0,283043013	0,160279926	1	159066574	159099269	-1
ITLN1	NA	NA	NA	1	159112954	159121584	-1
ITLN2	NA	NA	NA	1	159181440	159191213	-1
PVRL4	NA	NA	NA	1	159308120	159325966	-1
KLHDC9	NA	NA	NA	1	159334778	159336760	1
FCER1G	204232_at	0,910468858	0,031242831	1	159451711	159455662	1
NR1I3	207007_at	0,887594626	0,022865332	1	159466080	159474624	-1
PCP4L1	NA	NA	NA	1	159495141	159521864	1
C1orf192	NA	NA	NA	1	159601145	159604288	-1
FCGR2A	203561_at	0,83976949	0,05317808	1	159741844	159755984	1
FCGR3A	204006_s_at	0,206811282	0,273908079	1	159778173	159786442	-1
OLFML2B	213125_at	0,650331194	0,088852123	1	160219606	160260268	-1
C1orf111	NA	NA	NA	1	160610431	160613275	-1
C1orf226	NA	NA	NA	1	160618144	160623232	1
SH2D1B	NA	NA	NA	1	160631680	160648552	-1
C1orf110	NA	NA	NA	1	161090711	161105229	-1
RGS5	209070_s_at	0,402784076	0,153069597	1	161378716	161439496	-1
LMX1A	NA	NA	NA	1	163437729	163591641	-1
RXRG	205954_at	0,456031472	0,097728428	1	163636974	163681054	-1
FAM78B	NA	NA	NA	1	164305880	164402830	-1
GPA33	205929_at	0,692824849	0,074967575	1	165288706	165326492	-1
DUSP27	NA	NA	NA	1	165330711	165365026	1
CD247	210031_at	0,141782685	-0,387116773	1	165666505	165754450	-1
CREG1	201200_at	0,018998332	2,576712391	1	165776874	165789680	-1
ADCY10	217305_s_at	0,632764716	0,062746246	1	166045506	166149964	-1
GPR161	214104_at	0,255577069	0,135032757	1	166320621	166372248	-1
XCL2	214567_s_at	0,179645258	0,212906338	1	166776627	166779859	-1
XCL1	206365_at	0,486537837	0,079393468	1	166812480	166817939	1
ATP1B1	201243_s_at	0,892983848	-0,047700903	1	167342571	167368584	1
C1orf114	206721_at	0,96176535	0,012522619	1	167630738	167663294	-1
SELP	206049_at	0,375643532	0,187148315	1	167824711	167866001	-1
SELL	204563_at	0,828383234	0,12046918	1	167926432	167947461	-1

SELE	206211_at	0,243723224	0,178503662	1	167958406	167969803	-1
PRRX1	205991_s_at	0,386872212	0,195561857	1	168899937	168975165	1
C1orf129	221182_at	0,886700566	-0,014985209	1	169171260	169234571	1
FMO3	206496_at	0,360787042	0,101669654	1	169326660	169353583	1
FMO1	205666_at	0,727514272	0,054619532	1	169484287	169521737	1
FMO4	206263_at	0,272542513	0,212870137	1	169550110	169577847	1
MYOC	210155_at	0,939396536	-0,012053369	1	169871180	169888396	-1
TNFSF18	221371_at	0,428705491	0,104499558	1	171276983	171286726	-1
ANKRD45	216496_s_at	0,390134123	0,102963147	1	171844098	171905624	-1
SERPINC1	210049_at	0,801531528	-0,028703602	1	172139565	172153096	-1
RC3H1	NA	NA	NA	1	172166975	172228833	-1
GPR52	221313_at	0,937727619	-0,012654196	1	172683835	172685306	1
TNN	215271_at	0,372901209	0,090682179	1	173303617	173383825	1
TNR	206990_at	0,169341365	0,212942725	1	173558558	173979375	-1
PAPPA2	213332_at	0,783109229	0,037949268	1	174698930	175078595	1
ASTN1	213197_at	0,715282143	0,053155997	1	175096826	175400647	-1
FAM5B	214822_at	0,073793911	0,297208927	1	175407256	175518181	1
SEC16B	NA	NA	NA	1	176164865	176205673	-1
RASAL2	219026_s_at	0,529320125	0,057241043	1	176330253	176710181	1
C1orf49	NA	NA	NA	1	176748833	176758407	1
TDRD5	NA	NA	NA	1	177827648	177927021	1
FAM163A	209353_s_at	0,207163486	0,174927216	1	177978921	178051956	1
IFRG15	NA	NA	NA	1	178100539	178100934	-1
LHX4	NA	NA	NA	1	178466065	178510811	1
KIAA1614	215367_at	0,160178022	0,285496392	1	179148936	179181862	1
CACNA1E	208432_s_at	0,87248109	0,020961245	1	179719339	180037339	1
ZNF648	NA	NA	NA	1	180290328	180297470	-1
TEDDM1	NA	NA	NA	1	180633875	180636374	-1
C1orf14	220996_s_at	0,352025717	0,108664067	1	181135623	181189176	-1
LAMC2	207517_at	0,25985448	0,342175401	1	181421797	181480885	1
NMNAT2	209755_at	0,924890539	0,023965858	1	181484002	181654360	-1
NCF2	209949_at	0,940923352	-0,02414021	1	181791320	181826339	-1
APOBEC4	NA	NA	NA	1	181882033	181889071	-1

HMCN1	NA	NA	NA	1	183970306	184426708	1
PRG4	206007_at	0,475641001	0,093357172	1	184532041	184550311	1
OCLM	NA	NA	NA	1	184636327	184637210	1
PTGS2	204748_at	0,598456288	0,062628641	1	184907592	184916179	-1
RGS21	NA	NA	NA	1	190552745	190603038	1
B3GALT2	210121_at	0,926533845	-0,009504508	1	191414799	191422347	-1
KCNT2	NA	NA	NA	1	194461536	194844122	-1
CFH	215388_s_at	0,638659214	0,05878294	1	194887764	194983257	1
CFHR3	207874_s_at	0,276088635	0,810460242	1	195010553	195029496	1
CFHR1	NA	NA	NA	1	195055484	195067942	1
CFHR2	206910_x_at	0,746079499	0,047929857	1	195179557	195194979	1
CFHR5	208088_s_at	0,656770482	0,070690822	1	195213327	195245429	1
F13B	207810_at	0,857886635	0,017946235	1	195274944	195303020	-1
CRB1	220522_at	0,270736293	0,218151104	1	195504031	195714208	1
	NA	NA	NA	1	195745380	195788865	-1
NEK7	212530_at	0,003926404	0,971009563	1	196468306	196555392	1
ATP6V1G3	NA	NA	NA	1	196758975	196776698	-1
NR5A2	208337_s_at	0,30482015	0,191692211	1	198263393	198413175	1
FAM58B	NA	NA	NA	1	198449279	198450266	1
CACNA1S	217515_s_at	0,42144019	0,144063376	1	199275263	199348317	-1
PKP1	221854_at	0,195484685	0,161589373	1	199519203	199568740	1
TNNT2	215389_s_at	0,265583105	0,238564086	1	199594765	199613428	-1
PHLDA3	218634_at	0,858397958	0,025162907	1	199701245	199704922	-1
NAV1	NA	NA	NA	1	199884073	200061078	1
SHISA4	NA	NA	NA	1	200124655	200128050	1
RNPEP	NA	NA	NA	1	200218389	200241898	1
ELF3	201003_x_at	0,142594021	0,786497075	1	200243696	200251754	1
LGR6	NA	NA	NA	1	200429741	200555512	1
SYT2	214903_at	0,086357801	0,274361565	1	200831511	200946168	-1
PPFIA4	214978_s_at	0,583497608	0,089930784	1	201286934	201314487	1
MYOG	207282_s_at	0,378317326	0,121673727	1	201318880	201322000	-1
ADORA1	216220_s_at	0,235553166	0,27004595	1	201363459	201403156	1
MYBPH	206304_at	0,936971468	0,011658397	1	201403562	201411565	-1

CHI3L1	209396_s_at	0,209869224	0,191472105	1	201414682	201422545	-1
CHIT1	208168_s_at	0,279278586	0,108253013	1	201452418	201465399	-1
PRELP	37022_at	0,258463212	0,178668314	1	201711506	201727103	1
OPTC	NA	NA	NA	1	201729894	201744700	1
C1orf157	NA	NA	NA	1	202268198	202277011	-1
SOX13	209736_at	0,266399959	0,201518344	1	202308869	202363494	1
ETNK2	219268_at	0,575402195	0,109375734	1	202366814	202387645	-1
REN	206367_at	0,70552316	-0,056484898	1	202390571	202402088	-1
KISS1	205563_at	0,638091137	0,071686027	1	202426092	202432242	-1
GOLT1A	NA	NA	NA	1	202433911	202449843	-1
PLEKHA6	205093_at	0,275812505	0,161474544	1	202454604	202595667	-1
LRRN2	205154_at	0,245168482	0,144981051	1	202852924	202921220	-1
NFASC	213438_at	0,231501393	0,138312291	1	203064446	203258572	1
CNTN2	206970_at	0,250582308	0,194711436	1	203278963	203313761	1
TMEM81	NA	NA	NA	1	203318880	203320211	-1
TMCC2	213096_at	0,158825107	0,450832329	1	203463714	203509093	1
KLHDC8A	219331_s_at	0,224888155	0,166156202	1	203572271	203592662	-1
LEMD1	NA	NA	NA	1	203617136	203657804	-1
PCTK3	214797_s_at	0,662632506	0,1010124	1	203740350	203768541	1
MFSD4	NA	NA	NA	1	203804785	203837960	1
SLC45A3	NA	NA	NA	1	203893604	203916253	-1
PM20D1	NA	NA	NA	1	204063776	204085868	-1
SLC26A9	NA	NA	NA	1	204148799	204179211	-1
AVPR1B	208260_at	0,648090048	0,088722917	1	204390567	204398262	1
C1orf186	222334_at	0,687685902	0,076960989	1	204405495	204455270	-1
CTSE	205927_s_at	0,882496511	0,037060197	1	204484082	204498727	1
SRGAP2	213329_at	0,806849448	-0,10620984	1	204582823	204704406	1
DYRK3	210151_s_at	0,552637139	-0,169830226	1	204875504	204889165	1
IL10	207433_at	0,982613878	-0,004625889	1	205007571	205012462	-1
IL19	220745_at	0,190964435	0,194776776	1	205038838	205082947	1
IL24	206569_at	0,170078781	0,167824194	1	205137412	205144107	1
FAIM3	221601_s_at	0,451499577	-0,442892439	1	205144354	205161966	-1
PIGR	204213_at	0,18244447	0,177232327	1	205168495	205186430	-1

C4BPB	208209_s_at	0,365546132	0,206055272	1	205328835	205339961	1
C4BPA	205654_at	0,749152673	0,046664555	1	205344230	205384940	1
CR2	205544_s_at	0,528482062	-0,70211449	1	205694293	205729863	1
CR1	206244_at	0,602460188	0,117700122	1	205736096	205881733	1
CR1L	NA	NA	NA	1	205885081	205963659	1
CD34	209543_s_at	0,194836999	0,275437409	1	206126506	206151306	-1
LOC642587	NA	NA	NA	1	207668791	207672517	1
LAMB3	209270_at	0,234039924	0,243200068	1	207854838	207892443	-1
GOS2	213524_s_at	0,251954166	0,211194684	1	207915388	207916356	1
HSD11B1	205404_at	0,693027449	0,058974071	1	207926173	207974918	1
TRAF3IP3	205804_s_at	0,773468917	0,071503032	1	207996147	208022288	1
IRF6	202597_at	0,276540082	0,199086401	1	208027885	208046102	-1
C1orf107	220251_at	0,412149583	0,358828751	1	208067956	208097531	1
KCNH1	207635_s_at	0,518402467	0,078591597	1	208923178	209374080	-1
RD3	NA	NA	NA	1	209717404	209732882	-1
TMEM206	218814_s_at	0,945232992	-0,0146545	1	210604439	210654890	-1
FAM71A	NA	NA	NA	1	210864439	210866740	1
BATF3	220358_at	0,645734591	-0,194029098	1	210926383	210939950	-1
C1orf227	NA	NA	NA	1	211070106	211087614	-1
VASH2	219740_at	0,139290624	0,459718175	1	211190600	211230875	1
PTPN14	205503_at	0,477430798	0,076018828	1	212597634	212791265	-1
KCNK2	210261_at	0,59654403	0,071889635	1	213245508	213477059	1
USH2A	207706_at	0,959048406	0,007153845	1	213862859	214663361	-1
ESRRG	209966_x_at	0,436131569	-0,091053085	1	214743211	215329599	-1
SLC30A10	NA	NA	NA	1	218154229	218168616	-1
C1orf115	218546_at	0,877125426	0,027878959	1	218930251	218939122	1
MOSC2	219527_at	0,221169768	0,167926011	1	218988299	219024222	1
HLX	214438_at	0,313514861	0,307000141	1	219119382	219125018	1
HHIPL2	220283_at	0,387676147	0,095573812	1	220762225	220788067	-1
MIA3	212310_at	0,571135707	0,164448261	1	220858067	220907974	1
FAM177B	NA	NA	NA	1	220977181	220990625	1
DISP1	NA	NA	NA	1	221168406	221245958	1
TLR5	210166_at	0,828052778	0,024097958	1	221350207	221383247	-1

SUSD4	219389_at	0,245414819	0,173070281	1	221460784	221604167	-1
C1orf65	NA	NA	NA	1	221633391	221635435	1
CNIH3	214841_at	0,54221489	0,079419637	1	222870802	222994872	1
	NA	NA	NA	1	223183986	223222249	1
LEFTY1	206268_at	0,183131542	0,23000861	1	224140605	224143459	-1
MIXL1	NA	NA	NA	1	224478006	224480136	1
C1orf95	213925_at	0,361047073	0,160718646	1	224803124	224859926	1
CDC42BPA	203794_at	0,057339564	0,361652159	1	225244189	225572449	-1
ZNF678	NA	NA	NA	1	225817867	225910754	1
MPN2	NA	NA	NA	1	226070041	226100794	1
WNT9A	NA	NA	NA	1	226175320	226202222	-1
WNT3A	NA	NA	NA	1	226261375	226315584	1
OBSCN	NA	NA	NA	1	226462484	226633198	1
TRIM17	220279_at	0,803351858	0,077030644	1	226662264	226670977	-1
HIST3H3	208572_at	0,428244306	0,147278112	1	226679169	226679649	-1
RAB4A	203581_at	0,492417459	-0,684926172	1	227473502	227507141	1
SPHAR	NA	NA	NA	1	227506752	227507874	1
ACTA1	203872_at	0,973050564	-0,006124334	1	227633615	227636466	-1
PGBD5	219225_at	0,86520918	-0,064380411	1	228524015	228579990	-1
AGT	202834_at	0,693159482	0,050870392	1	228904892	228916564	-1
CAPN9	208063_s_at	0,481603259	0,078592162	1	228949753	229004141	1
C1orf198	NA	NA	NA	1	229039489	229070900	-1
FAM89A	NA	NA	NA	1	229221545	229242608	-1
TRIM67	NA	NA	NA	1	229365297	229423937	1
EGLN1	221497_x_at	0,249138244	0,513945938	1	229568054	229627413	-1
SIPA1L2	NA	NA	NA	1	230600334	230717866	-1
PCNXL2	39650_s_at	0,216463739	0,24233034	1	231186505	231498082	-1
KIAA1804	NA	NA	NA	1	231530137	231587517	1
SLC35F3	NA	NA	NA	1	232107302	232526885	1
GNG4	205184_at	0,355627062	0,238651269	1	233777608	233880677	-1
NID1	202008_s_at	0,219823346	0,201162213	1	234205753	234295104	-1
ACTN2	203863_at	0,367854524	0,143851857	1	234916422	234993863	1
RYR2	NA	NA	NA	1	235272325	236063911	1

ZP4	NA	NA	NA	1	236112333	236120558	-1
CHRM3	214596_at	0,406858179	0,131690838	1	237858996	238139343	1
FMN2	NA	NA	NA	1	238321604	238705112	1
RGS7	206290_s_at	0,769690311	0,045668613	1	239005440	239587101	-1
MAP1LC3C	221697_at	0,300858955	0,24918233	1	240225415	240228998	-1
PLD5	NA	NA	NA	1	240318895	240754621	-1
C1orf100	NA	NA	NA	1	242582560	242619016	1
KIF26B	220002_at	0,875472592	-0,030434504	1	243384910	243933051	1
SMYD3	218788_s_at	0,89756256	-0,124448136	1	243979267	244647334	-1
AHCTF1	214766_s_at	0,288049491	-0,545204512	1	245069023	245148302	-1
ZNF695	208273_at	0,333121378	0,123159793	1	245215248	245237978	-1
ZNF670	NA	NA	NA	1	245266710	245308692	-1
ZNF669	220215_at	0,29310444	0,168000988	1	245329916	245334251	-1
C1orf229	NA	NA	NA	1	245340085	245342342	-1
ZNF124	206928_at	0,975941404	0,013830046	1	245385826	245401941	-1
OR2B11	NA	NA	NA	1	245680954	245681907	-1
OR2W5	NA	NA	NA	1	245721053	245722015	1
OR2G2	NA	NA	NA	1	245818285	245819238	1
OR13G1	NA	NA	NA	1	245902043	245902966	-1
OR14A16	NA	NA	NA	1	246044725	246045654	-1
OR11L1	NA	NA	NA	1	246070853	246071821	-1
TRIM58	215047_at	0,246561906	0,44519988	1	246087124	246110063	1
OR2W3	NA	NA	NA	1	246125512	246126456	1
OR2T8	NA	NA	NA	1	246150943	246151881	1
OR2L13	NA	NA	NA	1	246167116	246330847	1
OR2L8	NA	NA	NA	1	246178783	246179721	1
OR2AK2	NA	NA	NA	1	246195257	246196264	1
OR2L2	NA	NA	NA	1	246268097	246269230	1
OR2L3	NA	NA	NA	1	246290607	246291545	1
OR2M5	NA	NA	NA	1	246375073	246376011	1
OR2M2	NA	NA	NA	1	246409911	246410954	1
OR2M3	NA	NA	NA	1	246432993	246433931	1
OR2T33	NA	NA	NA	1	246502777	246503739	-1

OR2M7	NA	NA	NA	1	246553555	246554493	-1
OR2T4	NA	NA	NA	1	246591506	246592552	1
OR2T6	NA	NA	NA	1	246617533	246618459	1
OR2T1	NA	NA	NA	1	246635919	246637028	1
OR2T3	NA	NA	NA	1	246703275	246704231	1
OR2T5	NA	NA	NA	1	246718513	246719460	1
OR2G6	NA	NA	NA	1	246751571	246752521	1
OR2T29	NA	NA	NA	1	246788468	246789397	-1
OR2T34	NA	NA	NA	1	246803725	246804681	-1
OR2T10	NA	NA	NA	1	246822754	246823692	-1
OR2T11	NA	NA	NA	1	246856102	246857052	-1
OR2T35	NA	NA	NA	1	246868211	246869182	-1
OR2T27	NA	NA	NA	1	246879855	246880808	-1
OR14I1	NA	NA	NA	1	246911293	246912228	-1
PGBD2	NA	NA	NA	1	247167065	247179968	1
RP11-631M21	NA	NA	NA	10	82997	85178	-1
IDI2	NA	NA	NA	10	1054847	1061799	-1
ADARB2	220648_at	0,272965272	0,167805758	10	1218073	1769670	-1
NCRNA00168	NA	NA	NA	10	1558825	1589184	1
AKR1C1	209699_x_at	0,32459554	0,153031623	10	4995454	5010158	1
AKR1CL1	NA	NA	NA	10	5186655	5217150	-1
AKR1C4	210558_at	0,850115218	-0,031225726	10	5228798	5250912	1
UCN3	NA	NA	NA	10	5396976	5406169	1
CALML5	220414_at	0,443990286	0,110562701	10	5530660	5531510	-1
CALML3	210019_at	0,439970038	0,080030414	10	5556924	5558225	1
C10orf18	218331_s_at	0,006533512	-2,304372697	10	5766807	5846949	1
IL2RA	211269_s_at	0,169119515	0,247877544	10	6093512	6144278	-1
ITIH5	219064_at	0,319745225	0,124512555	10	7641641	7748940	-1
ITIH2	204987_at	0,403785442	0,166595386	10	7785242	7831489	1
TAF3	NA	NA	NA	10	7900679	8096720	1
USP6NL	204761_at	0,018224174	-1,284695415	10	11542515	11614280	-1
ECHDC3	219298_at	0,182752446	0,259931023	10	11824362	11846071	1
C10orf47	NA	NA	NA	10	11905403	11954282	1

SEC61A2	219499_at	0,820947999	0,031856356	10	12211704	12246832	1
CCDC3	NA	NA	NA	10	12978631	13083710	-1
UCMA	NA	NA	NA	10	13303773	13316337	-1
PHYH	203335_at	0,078201074	1,293008578	10	13359802	13382136	-1
BEND7	NA	NA	NA	10	13520490	13584982	-1
FAM107B	NA	NA	NA	10	14600565	14856902	-1
OLAH	219975_x_at	0,973264442	-0,004489192	10	15125951	15155664	1
NMT2	205005_s_at	0,220595185	0,449881989	10	15187777	15250701	-1
C1QL3	NA	NA	NA	10	16595748	16604010	-1
CUBN	206775_at	0,123668987	0,211321864	10	16905971	17211822	-1
ST8SIA6	NA	NA	NA	10	17402682	17536260	-1
PTPLA	219654_at	0,878419227	0,026894699	10	17671964	17699379	-1
MRC1L1	NA	NA	NA	10	17891368	17993184	1
SLC39A12	NA	NA	NA	10	18280827	18372218	1
CACNB2	207776_s_at	0,86025964	-0,024776547	10	18469612	18870694	1
PLXDC2	NA	NA	NA	10	20145378	20609121	1
NEBL	207279_s_at	0,234866672	0,158097323	10	21110093	21226537	-1
C10orf113	NA	NA	NA	10	21454698	21475433	-1
C10orf114	NA	NA	NA	10	21823427	21826197	-1
ARMC3	NA	NA	NA	10	23256966	23366520	1
PTF1A	NA	NA	NA	10	23521466	23523187	1
C10orf67	NA	NA	NA	10	23645526	23673778	-1
KIAA1217	NA	NA	NA	10	24023681	24876778	1
GPR158	NA	NA	NA	10	25504296	25931164	1
MYO3A	221400_at	0,856588209	0,035782872	10	26263008	26541471	1
GAD2	206780_at	0,030138269	0,436599106	10	26545600	26633493	1
PTCHD3	NA	NA	NA	10	27727206	27743227	-1
MKX	NA	NA	NA	10	28001809	28074753	-1
ARMC4	221077_at	0,33720272	0,178337768	10	28141103	28327983	-1
MPP7	NA	NA	NA	10	28379928	28611073	-1
LYZL1	NA	NA	NA	10	29617996	29640164	1
SVIL	202566_s_at	0,123668987	0,226210093	10	29786283	30064736	-1
KIAA1462	213316_at	0,199232745	0,121502716	10	30343390	30376806	-1

LYZL2	NA	NA	NA	10	30940714	30958653	-1
ZNF438	NA	NA	NA	10	31173569	31313361	-1
C10orf68	220749_at	0,24841893	0,212490137	10	32896657	33211798	1
CUL2	203078_at	0,620573647	-0,06301204	10	35338804	35419300	-1
CCNY	NA	NA	NA	10	35575959	35898672	1
GJD4	NA	NA	NA	10	35934344	35937869	1
ZNF33A	NA	NA	NA	10	38339584	38389001	1
RET	215771_x_at	0,046041379	0,246565344	10	42892523	42945805	1
RASGEF1A	NA	NA	NA	10	43009990	43082373	-1
FXD4	NA	NA	NA	10	43187098	43191789	1
ZNF485	NA	NA	NA	10	43421881	43433358	1
ZNF32	209538_at	0,97905053	0,028704868	10	43459313	43464332	-1
C10orf10	209182_s_at	0,199662253	0,332744064	10	44791715	44794336	-1
ZNF22	218005_at	0,180377006	-0,737448328	10	44815928	44820780	1
OR13A1	NA	NA	NA	10	45118108	45131062	-1
AGAP4	221850_x_at	0,541141171	0,124757106	10	45641056	45662927	-1
SYT15	NA	NA	NA	10	46375450	46390607	-1
GPRIN2	NA	NA	NA	10	46413552	46420574	1
PPYR1	210956_at	0,281883725	0,19636995	10	46503540	46508326	1
ANXA8L1	203074_at	0,977754076	-0,005844452	10	46577995	46594046	-1
ANXA8L2	NA	NA	NA	10	47216926	47233047	1
FAM21B	NA	NA	NA	10	47414029	47469423	1
ANXA8	NA	NA	NA	10	47875231	47891375	1
ZNF488	NA	NA	NA	10	47975095	47993872	1
RBP3	210318_at	0,924337783	0,015323294	10	48001493	48010997	-1
GDF2	221136_at	0,365471717	0,107667076	10	48033098	48036859	-1
GDF10	206159_at	0,667369094	0,049081547	10	48045795	48059172	-1
FRMPD2L1	NA	NA	NA	10	48464046	48483638	-1
FRMPD2	NA	NA	NA	10	49034611	49152723	-1
MAPK8	210477_x_at	0,203907844	0,351065405	10	49279693	49313189	1
C10orf128	NA	NA	NA	10	50033896	50066413	-1
C10orf71	NA	NA	NA	10	50177193	50205538	1
DRGX	NA	NA	NA	10	50244167	50269913	-1

PGBD3	NA	NA	NA	10	50393250	50402332	-1
CHAT	221197_s_at	0,60588362	0,073533099	10	50487147	50543156	1
SLC18A3	207150_at	0,405108347	0,105411027	10	50488353	50490772	1
OGDHL	219277_s_at	0,012230692	1,395865507	10	50612717	50640375	-1
AGAP8	NA	NA	NA	10	50894694	50916541	-1
AGAP7	NA	NA	NA	10	51134168	51156333	-1
MSMB	207430_s_at	0,429305291	0,096860587	10	51219559	51232601	1
ASAH2	NA	NA	NA	10	51617078	51678319	-1
PRKG1	211380_s_at	0,190852858	0,339683542	10	52420951	53725280	1
DKK1	204602_at	0,08150249	0,245266796	10	53744047	53747423	1
MBL2	207256_at	0,956902236	0,007348546	10	54195146	54201466	-1
PCDH15	NA	NA	NA	10	55250866	56231057	-1
BICC1	213429_at	0,738824525	0,052670482	10	59942910	60258851	1
PHYHIPL	NA	NA	NA	10	60606353	60677062	1
SLC16A9	NA	NA	NA	10	61080529	61165766	-1
CDC2	203214_x_at	0,003695861	-1,176894232	10	62205690	62223930	1
TMEM26	NA	NA	NA	10	62836414	62883214	-1
C10orf107	NA	NA	NA	10	63092725	63196107	1
LRRTM3	NA	NA	NA	10	68355798	68530873	1
DNAJC12	218976_at	0,095373004	-1,672494342	10	69226433	69267943	-1
SIRT1	218878_s_at	0,141032137	-0,730245811	10	69314433	69348149	1
MYPN	NA	NA	NA	10	69539256	69641780	1
ATO7	NA	NA	NA	10	69660387	69661861	-1
TET1	NA	NA	NA	10	69990123	70124245	1
STOX1	NA	NA	NA	10	70257387	70322821	1
TACR2	214348_at	0,202095796	0,178494184	10	70833964	70846680	-1
NEUROG3	207965_at	0,493704832	0,097753452	10	71001797	71003128	-1
C10orf35	NA	NA	NA	10	71060009	71063361	1
COL13A1	211809_x_at	0,425303795	0,075583199	10	71231650	71388909	1
H2AFY2	218445_at	0,116129293	0,194217729	10	71482363	71542046	1
NPFFR1	221387_at	0,37215579	0,147147536	10	71684719	71707727	-1
NODAL	NA	NA	NA	10	71862077	71871429	-1
PRF1	214617_at	0,631084126	0,056402987	10	72027110	72032537	-1

ADAMTS14	NA	NA	NA	10	72102565	72192203	1
C10orf27	NA	NA	NA	10	72201001	72215163	-1
SGPL1	212322_at	0,458828408	-0,302295502	10	72245722	72309873	1
PCBD1	203557_s_at	0,771366378	-0,124244993	10	72313273	72318547	-1
UNC5B	41856_at	0,103099018	0,254566977	10	72642353	72729722	1
SLC29A3	219344_at	0,245108266	0,148493866	10	72749016	72793153	1
CDH23	NA	NA	NA	10	72826697	73245710	1
C10orf54	NA	NA	NA	10	73177319	73203343	-1
PSAP	200871_s_at	0,057607043	0,797503866	10	73246061	73281088	-1
CHST3	32094_at	0,279563122	0,163780112	10	73394126	73443318	1
SPOCK2	202523_s_at	0,203886188	0,164586598	10	73488799	73518773	-1
OIT3	NA	NA	NA	10	74323345	74362793	1
PLA2G12B	NA	NA	NA	10	74364944	74384516	-1
NUDT13	214136_at	0,727634999	-0,080983192	10	74540216	74561587	1
ZMYND17	NA	NA	NA	10	74853343	74863325	-1
NDST2	203916_at	0,247623478	0,330975793	10	75231675	75241348	-1
C10orf55	NA	NA	NA	10	75339740	75341994	-1
DUPD1	NA	NA	NA	10	76467600	76488278	-1
COMTD1	NA	NA	NA	10	76663735	76665776	-1
C10orf11	NA	NA	NA	10	77212525	77987136	1
KCNMA1	214921_at	0,390134123	0,159940617	10	78299366	79067583	-1
ZMIZ1	212124_at	0,630878519	0,88065367	10	80631347	80746279	1
ZCCHC24	212419_at	0,024651099	0,427664475	10	80812087	80875389	-1
EIF5AL1	201123_s_at	0,140933026	-3,1370334	10	80942363	80946202	1
SFTPA2	218835_at	0,628783237	0,080746294	10	80985614	80990169	-1
SFTPA1	NA	NA	NA	10	81040722	81045208	1
SFTPA2B	NA	NA	NA	10	81305573	81310114	-1
SFTPA1B	NA	NA	NA	10	81360664	81363921	1
PLAC9	NA	NA	NA	10	81882238	81894766	1
MAT1A	205813_s_at	0,281491332	0,159293636	10	82021556	82039414	-1
DYDC1	NA	NA	NA	10	82085841	82106480	-1
DYDC2	NA	NA	NA	10	82106538	82117809	1
C10orf58	NA	NA	NA	10	82158222	82182733	1

SH2D4B	NA	NA	NA	10	82287638	82396296	1
NRG3	NA	NA	NA	10	83625077	84735341	1
C10orf99	NA	NA	NA	10	85923534	85935030	1
PCDH21	213369_at	0,984279063	0,003247468	10	85944497	85967102	1
LRIT2	NA	NA	NA	10	85970221	85975264	-1
LRIT1	211353_at	0,311118859	0,128127643	10	85981256	85991197	-1
RGR	207070_at	0,198307225	0,190997523	10	85994789	86008924	1
KIAA1128	209379_s_at	0,417375926	0,180154324	10	86078390	86268256	1
GRID1	208445_s_at	0,04052367	-0,709146941	10	87349292	88116230	-1
OPN4	NA	NA	NA	10	88404294	88416197	1
LDB3	213371_at	0,459527376	-0,145756444	10	88418301	88449790	1
MMRN2	219091_s_at	0,88866718	0,020644458	10	88685576	88707352	-1
SNCG	209877_at	0,519203341	0,135235646	10	88708395	88712995	1
C10orf116	203571_s_at	0,959048406	0,007309431	10	88718168	88720646	1
FAM22A	NA	NA	NA	10	88975185	88984715	1
FAM22D	NA	NA	NA	10	89107457	89120432	1
MINPP1	209585_s_at	0,290321188	0,783416843	10	89254633	89303125	1
PAPSS2	203058_s_at	0,130317144	0,260879133	10	89409456	89497442	1
LIPF	206334_at	0,544751845	0,079751733	10	90414074	90428552	1
LIPK	NA	NA	NA	10	90474281	90502493	1
LIPN	NA	NA	NA	10	90511143	90527979	1
IFIT2	217502_at	0,974262796	-0,007519174	10	91051686	91059013	1
IFIT3	204747_at	0,49961823	0,195298043	10	91077733	91090288	1
IFIT1L	NA	NA	NA	10	91127793	91134942	1
IFIT1	203153_at	0,804169883	-0,054739156	10	91142302	91153725	1
IFIT5	203596_s_at	0,277740837	0,166441784	10	91164419	91170733	1
SLC16A12	NA	NA	NA	10	91180036	91285293	-1
HTR7	207927_at	0,330224808	0,237468969	10	92490555	92607651	-1
PCGF5	NA	NA	NA	10	92970349	93034000	1
PPP1R3C	204284_at	0,540991953	0,065917024	10	93378179	93382838	-1
CYP26C1	NA	NA	NA	10	94811011	94818444	1
MYOF	211864_s_at	0,054447005	0,304320709	10	95056176	95232029	-1
CEP55	218542_at	0,068907485	-0,652240973	10	95246399	95278839	1

GPR120	NA	NA	NA	10	95316412	95337356	1
PDE6C	211093_at	0,817575008	-0,022064473	10	95362335	95415420	1
LGI1	206349_at	0,582813898	0,068279181	10	95507668	95547906	1
PLCE1	205111_s_at	0,572945258	0,059490005	10	95743736	96078139	1
CYP2C18	215103_at	0,39227051	0,103984829	10	96433368	96485514	1
CYP2C19	216058_s_at	0,252863685	0,207263664	10	96512453	96602661	1
CYP2C9	220017_x_at	0,272787876	0,207679633	10	96688430	96739137	1
CYP2C8	208147_s_at	0,77167931	0,029554296	10	96786519	96819244	-1
C10orf129	NA	NA	NA	10	96943947	96976152	1
SORBS1	211705_s_at	0,357644624	0,251298379	10	97061520	97311161	-1
CC2D2B	NA	NA	NA	10	97749873	97782431	1
ZNF518A	204291_at	0,656174976	-0,208902971	10	97879462	97913507	1
DNTT	210487_at	0,378324915	-0,123929204	10	98054075	98088311	1
C10orf12	219601_s_at	0,453105359	-0,072096886	10	98731031	98735575	1
SLIT1	208221_s_at	0,721709512	0,048146747	10	98750601	98935653	-1
ARHGAP19	37577_at	0,074507428	-0,843621429	10	98971920	99042403	-1
ANKRD2	221232_s_at	0,83368818	0,040193665	10	99322246	99333631	1
NPL2	NA	NA	NA	10	99334108	99362549	1
C10orf62	NA	NA	NA	10	99339474	99340681	1
MORN4	NA	NA	NA	10	99364300	99383903	-1
PI4K2A	209346_s_at	0,315622226	0,146906358	10	99390433	99426177	1
SFRP5	207468_s_at	0,338354113	0,137594949	10	99516508	99521760	-1
GOLGA7B	NA	NA	NA	10	99599986	99617772	1
CRTAC1	221204_s_at	0,13344576	0,291150998	10	99614748	99780575	-1
LOXL4	NA	NA	NA	10	99997433	100017997	-1
PYROXD2	NA	NA	NA	10	100133314	100164931	-1
HPSE2	220927_s_at	0,147775122	0,219025567	10	100208867	100985609	-1
CNNM1	220166_at	0,881684369	-0,019625735	10	101078846	101144077	1
NKX2-3	NA	NA	NA	10	101282680	101286271	1
ABCC2	206155_at	0,841814796	0,049542601	10	101532493	101601571	1
DNMBP	212838_at	0,115602034	-1,511699372	10	101625324	101759666	-1
CPN1	206256_at	0,480140042	0,096676895	10	101792055	101831632	-1
PKD2L1	221061_at	0,223921354	0,151479452	10	102037893	102080233	-1

WNT8B	207612_at	0,025713151	0,413396728	10	102212802	102233389	1
PAX2	206229_x_at	0,158515628	0,225834425	10	102495458	102579688	1
PDZD7	220555_s_at	0,147065047	0,347191749	10	102767079	102780869	-1
SFXN3	220974_x_at	0,167654384	0,350619503	10	102780986	102790988	1
TD1	NA	NA	NA	10	102839068	102880893	-1
TLX1	207179_at	0,795212585	-0,053645254	10	102880252	102887536	1
LBX1	208380_at	0,341997282	0,156740119	10	102976723	102978707	-1
KCNIP2	221321_s_at	0,931257922	0,008555389	10	103575721	103593667	-1
ELOVL3	NA	NA	NA	10	103976133	103979336	1
CYP17A1	205502_at	0,059797428	0,321687899	10	104580278	104587280	-1
AS3MT	NA	NA	NA	10	104619200	104651646	1
INA	204465_s_at	0,080687894	0,373362782	10	105026910	105040093	1
PCGF6	NA	NA	NA	10	105052543	105100881	-1
TAF5	210053_at	0,440905898	-0,274438095	10	105117714	105138812	1
NEURL	204889_s_at	0,314743174	0,116197075	10	105244038	105342293	1
SH3PXD2A	207661_s_at	0,35904743	0,134347462	10	105343774	105605154	-1
COL17A1	204636_at	0,735232163	0,062748647	10	105781036	105835628	-1
C10orf79	220919_s_at	0,86520918	-0,017720228	10	105879636	105982110	-1
CCDC147	NA	NA	NA	10	106103512	106204838	1
ADRA2A	209869_at	0,061758198	0,302305478	10	112826911	112830560	1
HABP2	206010_at	0,242078424	0,21434118	10	115302775	115339348	1
C10orf81	219857_at	0,862775502	0,029879515	10	115501203	115532181	1
VWA2	NA	NA	NA	10	115989008	116039741	1
AFAP1L2	NA	NA	NA	10	116044573	116154505	-1
ATRNL1	213744_at	0,094626485	0,213737737	10	116843114	117698486	1
GFRA1	205696_s_at	0,713170258	0,032982826	10	117812943	118022966	-1
C10orf96	NA	NA	NA	10	118073930	118129531	1
PNLIPRP3	NA	NA	NA	10	118177370	118227459	1
PNLIP	205912_at	0,35653229	0,10042406	10	118295418	118317357	1
PNLIPRP1	206694_at	0,465976556	0,122273353	10	118340480	118358676	1
PNLIPRP2	NA	NA	NA	10	118370455	118394644	1
C10orf82	NA	NA	NA	10	118413197	118419471	-1
HSPA12A	214434_at	0,154855362	0,152615451	10	118420693	118492075	-1

KIAA1598	221802_s_at	0,337078091	0,095976233	10	118634298	118754866	-1
VAX1	NA	NA	NA	10	118878022	118887802	-1
KCNK18	NA	NA	NA	10	118946990	118959800	1
EMX2	221950_at	0,95308785	0,008969879	10	119291946	119299043	1
FAM45A	221804_s_at	0,378736036	0,554096979	10	120853601	120887213	1
GRK5	204396_s_at	0,16839842	-0,390908984	10	120957187	121205121	1
RGS10	204319_s_at	0,014422158	-0,603082125	10	121249329	121292212	-1
BAG3	217911_s_at	0,002668115	1,47332506	10	121400872	121427321	1
PPAPDC1A	NA	NA	NA	10	122206456	122339357	1
FGFR2	203639_s_at	0,003336913	0,706246726	10	123227845	123347962	-1
NSMCE4A	211376_s_at	0,247686983	0,374851936	10	123706593	123724700	-1
TACC2	202289_s_at	0,173656124	0,160259522	10	123738679	124004047	1
BTBD16	NA	NA	NA	10	124020811	124087666	1
PLEKHA1	219024_at	0,907298751	-0,041126307	10	124124210	124181856	1
DMBT1	208250_s_at	0,429775271	0,164705097	10	124310171	124393242	1
C10orf120	NA	NA	NA	10	124447215	124449328	-1
CUZD1	220275_at	0,814857845	0,072949879	10	124581664	124595681	-1
FAM24A	NA	NA	NA	10	124660207	124662617	1
PSTK	NA	NA	NA	10	124729546	124739896	1
GPR26	NA	NA	NA	10	125415861	125444113	1
CHST15	203066_at	0,076957679	1,644546669	10	125757174	125796231	-1
LHPP	218523_at	0,135776123	-0,51591097	10	126140402	126292699	1
CTBP2	210554_s_at	0,205073326	-1,053684249	10	126666408	126839614	-1
MMP21	NA	NA	NA	10	127445012	127454380	-1
DHX32	218198_at	0,000314983	1,025003062	10	127514899	127559874	-1
ADAM12	204943_at	0,160269689	0,306268694	10	127693415	128067055	-1
C10orf90	NA	NA	NA	10	128103561	128200000	-1
DOCK1	203187_at	0,284907592	0,196122937	10	128658955	129140770	1
C10orf141	NA	NA	NA	10	128823680	128884412	-1
NPS	NA	NA	NA	10	129237603	129240925	1
FOXI2	NA	NA	NA	10	129425942	129429440	1
MGMT	204880_at	0,520395695	0,333801712	10	131155456	131455358	1
EBF3	NA	NA	NA	10	131523537	131652081	-1

TCERG1L	NA	NA	NA	10	132780645	132999974	-1
JAKMIP3	NA	NA	NA	10	133768303	133830527	1
DPYSL4	205492_s_at	0,608650793	0,097765331	10	133850394	133869256	1
STK32C	NA	NA	NA	10	133870986	133971467	-1
C10orf91	NA	NA	NA	10	134108704	134111815	1
NKX6-2	NA	NA	NA	10	134448310	134449527	-1
C10orf92	220539_at	0,434746204	0,098126998	10	134471886	134521226	-1
C10orf93	NA	NA	NA	10	134592681	134606054	-1
GPR123	NA	NA	NA	10	134751399	134795169	1
KNDC1	NA	NA	NA	10	134823961	134889906	1
UTF1	208275_x_at	0,524096291	0,082205769	10	134893768	134895052	1
VENTX	207376_at	0,201940365	0,312098609	10	134901398	134905423	1
TUBGCP2	202476_s_at	0,097075971	0,39016925	10	134943128	134972634	-1
ZNF511	NA	NA	NA	10	134972413	134976656	1
CALY	219896_at	0,71882422	-0,055222538	10	134988923	135000401	-1
PRAP1	NA	NA	NA	10	135010901	135016177	1
ECHS1	201135_at	0,052262167	0,490652708	10	135025980	135036898	-1
PAOX	50400_at	0,000314983	0,784097739	10	135042731	135055188	1
SPRN	NA	NA	NA	10	135084160	135088111	-1
CYP2E1	209975_at	0,183787837	0,157381178	10	135190857	135202610	1
SYCE1	NA	NA	NA	10	135217395	135232866	-1
DUX1	NA	NA	NA	10	135340268	135341873	1
SCGB1C1	NA	NA	NA	11	183080	184573	1
ODF3	NA	NA	NA	11	186761	190258	1
NLRP6	NA	NA	NA	11	268570	275304	1
ATHL1	219359_at	0,19416288	0,356071644	11	280694	285412	1
B4GALNT4	NA	NA	NA	11	359804	371792	1
PKP3	209873_s_at	0,141789011	0,320078322	11	384217	394908	1
SIGIRR	218921_at	0,214549451	0,46155321	11	395716	407397	-1
ANO9	NA	NA	NA	11	407930	432011	-1
PTDSS2	221005_s_at	0,929728701	-0,036387982	11	440280	481387	1
HRAS	212983_at	0,120619319	-0,511157288	11	522242	525550	-1
LRRC56	NA	NA	NA	11	527527	544916	1

IRF7	208436_s_at	0,723058895	-0,279878687	11	602555	605999	-1
MUPCDH	219796_s_at	0,203907844	0,377071549	11	606575	615007	-1
SCT	221198_at	0,593321942	0,18646779	11	616313	617173	-1
DRD4	208215_x_at	0,167904408	0,264189283	11	627305	630703	1
EFCAB4A	NA	NA	NA	11	817585	821991	1
CD151	204306_s_at	0,000266172	1,264090032	11	822952	828835	1
AP2A2	212159_x_at	0,248175062	-0,453242304	11	915841	1002240	1
MUC6	214133_at	0,282629406	0,154172714	11	1002824	1026706	-1
MUC2	NA	NA	NA	11	1064902	1094419	1
MUC5B	222268_x_at	0,056643143	0,270960338	11	1200872	1239982	1
BRSK2	215010_s_at	0,415532001	0,099727862	11	1367705	1439908	1
HCCA2	NA	NA	NA	11	1447269	1458691	-1
DUSP8	206374_at	0,429593692	0,160630041	11	1531857	1549726	-1
KRTAP5-1	NA	NA	NA	11	1562148	1563089	-1
KRTAP5-2	NA	NA	NA	11	1574983	1576100	-1
KRTAP5-3	NA	NA	NA	11	1585371	1586269	-1
KRTAP5-5	NA	NA	NA	11	1607609	1608736	1
KRTAP5-6	NA	NA	NA	11	1675001	1675561	1
SYT8	NA	NA	NA	11	1812250	1815326	1
TNNI2	206393_at	0,960705489	0,012786285	11	1817479	1819484	1
TNNT3	NA	NA	NA	11	1897445	1916514	1
IGF2	202409_at	0,225548668	0,153477524	11	2106923	2127409	-1
IGF2AS	NA	NA	NA	11	2118313	2126470	1
INS-IGF2	NA	NA	NA	11	2124432	2139015	-1
INS	206598_at	0,309719259	0,120955851	11	2137585	2139015	-1
TH	208291_s_at	0,792078445	-0,057841005	11	2141735	2149611	-1
ASCL2	207607_at	0,844480579	0,024505998	11	2246304	2248758	-1
TSPAN32	220558_x_at	0,801064567	-0,032558494	11	2279819	2296006	1
RPL26P30	NA	NA	NA	11	2312921	2313585	-1
TRPM5	NA	NA	NA	11	2382336	2400851	-1
KCNQ1	211217_s_at	0,524964494	0,144694146	11	2422797	2826916	1
CDKN1C	213348_at	0,007745183	0,398361897	11	2861441	2863551	-1
PHLDA2	209803_s_at	0,990155981	0,001287269	11	2906079	2907226	-1

OSBPL5	NA	NA	NA	11	3064922	3143116	-1
MRGPRE	NA	NA	NA	11	3205617	3210192	-1
ZNF195	204234_s_at	0,191223523	-0,49621846	11	3336575	3356991	-1
ART5	NA	NA	NA	11	3616312	3620122	-1
ART1	207919_at	0,28597587	0,236634871	11	3622937	3642222	1
OR52B4	NA	NA	NA	11	4345157	4346101	-1
OR52K2	NA	NA	NA	11	4427146	4428090	1
OR52M1	NA	NA	NA	11	4522997	4523950	1
C11orf40	NA	NA	NA	11	4549229	4555626	-1
OR52I2	NA	NA	NA	11	4564619	4565671	1
OR52I1	NA	NA	NA	11	4571845	4572819	1
TRIM68	219405_at	0,28397361	-0,302863509	11	4576478	4586013	-1
OR51E1	NA	NA	NA	11	4630136	4631485	1
OR51F1	NA	NA	NA	11	4746785	4747723	-1
OR51F2	NA	NA	NA	11	4799192	4800220	1
OR51A7	NA	NA	NA	11	4885176	4886114	1
OR51G2	NA	NA	NA	11	4892525	4893469	-1
OR51G1	NA	NA	NA	11	4901180	4902145	-1
OR51A2	NA	NA	NA	11	4932578	4933519	-1
OR52E2	NA	NA	NA	11	5036456	5037433	-1
OR52A4	NA	NA	NA	11	5098470	5099384	-1
OR52A1	221329_at	0,373548924	0,145382505	11	5129237	5130175	-1
HBB	217232_x_at	0,105976379	0,246644991	11	5203272	5204877	-1
HBD	206834_at	0,122750671	0,39015291	11	5210635	5212434	-1
HBG1	213515_x_at	0,341974935	0,130350577	11	5226078	5227663	-1
HBG2	NA	NA	NA	11	5230997	5232587	-1
HBE1	205919_at	0,095838495	0,695010444	11	5246156	5247949	-1
OR51B4	NA	NA	NA	11	5278820	5279752	-1
OR51B2	NA	NA	NA	11	5301104	5302158	-1
OR51B5	NA	NA	NA	11	5320392	5321330	-1
OR51B6	NA	NA	NA	11	5329314	5330252	1
OR51M1	NA	NA	NA	11	5367205	5368185	1
OR51Q1	NA	NA	NA	11	5400007	5400960	1

OR51I1	NA	NA	NA	11	5418376	5419320	-1
OR51I2	NA	NA	NA	11	5431295	5432233	1
OR52D1	NA	NA	NA	11	5466513	5467469	1
UBQLN3	220422_at	0,251343524	0,149153269	11	5485106	5487729	-1
UBQLNL	NA	NA	NA	11	5492199	5494532	-1
OR52H1	NA	NA	NA	11	5522367	5523329	-1
OR52B6	NA	NA	NA	11	5558683	5559690	1
TRIM6	NA	NA	NA	11	5573923	5590764	1
TRIM6-TRIM3	221044_s_at	0,069384429	-0,896619923	11	5574462	5622204	1
TRIM34	NA	NA	NA	11	5597750	5622204	1
OR52N5	NA	NA	NA	11	5755466	5756440	-1
OR52N1	NA	NA	NA	11	5765660	5766622	-1
OR52N2	NA	NA	NA	11	5798142	5799107	1
OR52E6	NA	NA	NA	11	5818762	5819703	-1
OR52E8	NA	NA	NA	11	5834555	5835508	-1
OR52E4	NA	NA	NA	11	5862099	5863037	1
OR56A3	NA	NA	NA	11	5925153	5926100	1
OR52L1	NA	NA	NA	11	5963747	5964736	-1
OR56A4	NA	NA	NA	11	5979857	5980954	-1
OR56A1	NA	NA	NA	11	6004554	6005510	-1
OR52W1	NA	NA	NA	11	6177030	6177992	1
C11orf42	NA	NA	NA	11	6183374	6188938	1
CCKBR	210381_s_at	0,181978755	0,479417731	11	6237542	6249932	1
PRKCDBP	213010_at	0,847884073	0,044352776	11	6296752	6298316	-1
APBB1	202652_at	0,286576556	0,181197222	11	6372931	6397220	-1
	NA	NA	NA	11	6475107	6498666	1
DNHD1	NA	NA	NA	11	6543911	6549825	1
DCHS1	222101_s_at	0,254680073	-0,162911907	11	6599134	6633656	-1
OR2AG1	NA	NA	NA	11	6762845	6763795	1
OR6A2	NA	NA	NA	11	6772332	6773715	-1
OR10A5	NA	NA	NA	11	6823490	6824443	1
OR10A2	NA	NA	NA	11	6847562	6848473	1
OR10A4	NA	NA	NA	11	6854455	6855402	1

OR2D2	NA	NA	NA	11	6869381	6870307	-1
OR2D3	NA	NA	NA	11	6898809	6899801	1
ZNF214	220497_at	0,453419291	0,074624074	11	6977125	6998162	-1
NLRP14	NA	NA	NA	11	6998276	7049333	1
RBMXL2	207208_at	0,551390826	0,111225753	11	7066741	7068955	1
SYT9	NA	NA	NA	11	7229757	7446849	1
OLFML1	217525_at	0,295626106	0,113615768	11	7463331	7489140	1
OR5P2	NA	NA	NA	11	7774097	7775065	-1
OR10A3	NA	NA	NA	11	7916699	7917643	-1
TUB	210737_at	0,259160361	0,212158437	11	8016756	8084228	1
RIC3	220282_at	0,184953113	0,226805067	11	8087071	8147148	-1
LMO1	206718_at	0,417375926	0,147973603	11	8202433	8241982	-1
C11orf16	220344_at	0,35482629	0,107887918	11	8898199	8911129	-1
NRIP3	219557_s_at	0,433795998	0,099069636	11	8960953	8982124	-1
SCUBE2	219197_s_at	0,394451671	0,115512469	11	8998511	9069731	-1
DENND5A	212561_at	0,709430974	-0,361334557	11	9116948	9243447	-1
AMPD3	207992_s_at	0,27669681	0,317952775	11	10428800	10485702	1
LYVE1	219059_s_at	0,152258311	0,198110237	11	10535989	10546941	-1
MRVI1	NA	NA	NA	11	10551214	10672111	-1
DKK3	202196_s_at	0,731728283	0,036836005	11	11941119	11987493	-1
MICALCL	NA	NA	NA	11	12265023	12337267	1
PARVA	217890_s_at	0,541141171	0,071862712	11	12355722	12507986	1
ARNTL	209824_s_at	0,379714023	0,344150372	11	13255901	13365389	1
PTH	206977_at	0,856539657	0,020667247	11	13470177	13474143	-1
SPON1	209437_s_at	0,971740913	-0,005841317	11	13940490	14246232	1
CALCA	217495_x_at	0,237853106	0,197804277	11	14944792	14950408	-1
CALCB	214636_at	0,211332837	0,185700095	11	15051722	15056753	1
INSC	NA	NA	NA	11	15090546	15225330	1
PIK3C2A	213070_at	0,023020067	-1,029647813	11	17064698	17147930	-1
KCNJ11	NA	NA	NA	11	17363371	17366782	-1
ABCC8	210246_s_at	0,573551474	0,074516741	11	17371008	17455025	-1
USH1C	205137_x_at	0,228671829	0,186250714	11	17472018	17522539	-1
MYOD1	206657_s_at	0,247623478	0,184049904	11	17697686	17700254	1

KCNC1	208477_at	0,967830415	-0,006079283	11	17714090	17750755	1
SAAL1	NA	NA	NA	11	18058466	18084214	-1
MRGPRX3	NA	NA	NA	11	18099078	18116603	1
MRGPRX4	NA	NA	NA	11	18150960	18152401	1
SAA4	207096_at	0,104752698	0,264115094	11	18209479	18214910	-1
SAA2	214456_x_at	0,346059709	0,160963543	11	18223365	18226744	-1
SAA1	NA	NA	NA	11	18244348	18248102	1
LDHAL6A	NA	NA	NA	11	18434007	18457723	1
TMEM86A	NA	NA	NA	11	18676927	18682908	1
IGSF22	NA	NA	NA	11	18682428	18704353	-1
PTPN5	NA	NA	NA	11	18706051	18769965	-1
MRGPRX1	NA	NA	NA	11	18911936	18913125	-1
MRGPRX2	NA	NA	NA	11	19032578	19038804	-1
CSRP3	205553_s_at	0,649192135	0,039366751	11	19160154	19180177	-1
NAV2	218330_s_at	9,57E-05	2,23152224	11	19691488	20099723	1
DBX1	NA	NA	NA	11	20134336	20138446	-1
SLC6A5	210810_s_at	0,649415468	0,071887887	11	20577522	20633186	1
NELL1	206089_at	0,152350025	0,312604428	11	20647712	21553577	1
SLC17A6	220551_at	0,628021567	0,056751373	11	22316243	22357619	1
SVIP	NA	NA	NA	11	22800174	22807958	-1
LUZP2	NA	NA	NA	11	24475132	25060762	1
ANO3	215241_at	0,399081959	0,088070665	11	26310254	26641412	1
MUC15	NA	NA	NA	11	26538428	26550356	-1
BBOX1	205363_at	0,833268365	-0,040173409	11	27019085	27105930	1
MPPED2	205413_at	0,121088232	0,204149047	11	30388347	30558616	-1
DCDC5	NA	NA	NA	11	30843062	31105751	-1
PAX6	205646_s_at	0,354386454	0,101094482	11	31767034	31789455	-1
WIT1	NA	NA	NA	11	32416251	32418212	1
CCDC73	NA	NA	NA	11	32580202	32772763	-1
QSER1	NA	NA	NA	11	32871368	32958392	1
HIPK3	207764_s_at	0,944949921	-0,038424654	11	33235744	33332515	1
C11orf41	214772_at	0,737735397	-0,187701223	11	33520453	33652224	1
ABTB2	213497_at	0,112159351	0,302586507	11	34129111	34335378	-1

ELF5	220624_s_at	0,576051774	0,085438466	11	34456918	34491906	-1
EHF	219850_s_at	0,799764842	-0,037106994	11	34599244	34639657	1
PAMR1	213661_at	0,745717571	0,063434516	11	35409950	35503752	-1
LDLRAD3	NA	NA	NA	11	35922188	36209417	1
C11orf55	NA	NA	NA	11	36247410	36251485	-1
COMMD9	218072_at	0,674804775	0,178502139	11	36250418	36267575	-1
PRR5L	219383_at	0,144584303	0,188188351	11	36354131	36443330	1
RAG1	206591_at	0,657019221	-0,17700903	11	36546139	36557851	1
C11orf74	NA	NA	NA	11	36572669	36637393	1
ALKBH3	NA	NA	NA	11	43858971	43898389	1
ACCSL	NA	NA	NA	11	44026107	44038103	1
ACCS	NA	NA	NA	11	44044433	44062145	1
EXT2	202012_s_at	0,002709451	0,936601236	11	44073675	44223556	1
ALX4	208330_at	0,636282699	0,060598549	11	44242734	44288292	-1
TP53I11	214667_s_at	0,354497906	0,245122537	11	44910475	44929184	-1
PRDM11	220571_at	0,300139424	0,174069447	11	45072140	45203479	1
SYT13	221859_at	0,454806436	0,119583134	11	45218429	45264383	-1
CHST1	205567_at	0,130669381	0,199379074	11	45627003	45643748	-1
MAPK8IP1	213014_at	0,156525305	0,259285502	11	45863778	45884592	1
CREB3L1	213059_at	0,237949069	0,212536407	11	46255804	46299548	1
MDK	209035_at	0,426164531	0,183322215	11	46359194	46361951	1
CHRM4	221357_at	0,142277352	0,200828175	11	46363216	46364683	-1
F2	205754_at	0,794164135	0,054893749	11	46697331	46717631	1
LRP4	212850_s_at	0,719322555	0,05908657	11	46834994	46896652	-1
C11orf49	203257_s_at	0,380584528	0,18496402	11	46914827	47142508	1
PACSIN3	218744_s_at	0,097378645	0,392859966	11	47155654	47164534	-1
MYBPC3	208040_s_at	0,230104542	0,255229446	11	47309533	47330829	-1
RAPSN	211570_s_at	0,677496414	0,077829556	11	47415891	47427306	-1
C1QTNF4	NA	NA	NA	11	47567792	47572537	-1
AGBL2	220390_at	0,709779401	0,058356882	11	47637719	47692878	-1
PTPRJ	210173_at	0,415839972	-0,146569364	11	47958686	48148970	1
OR4B1	NA	NA	NA	11	48194938	48195867	1
OR4X1	NA	NA	NA	11	48241989	48242906	1

OR4S1	NA	NA	NA	11	48284351	48285280	1
OR4C3	NA	NA	NA	11	48303069	48304058	1
OR4C13	NA	NA	NA	11	49930551	49931480	1
OR4C12	NA	NA	NA	11	49959684	49960613	-1
OR4A5	NA	NA	NA	11	51268024	51268971	-1
OR4C46	NA	NA	NA	11	51371858	51372787	1
TRIM48	220534_at	0,263585668	0,150971276	11	54786234	54795171	1
OR4A16	NA	NA	NA	11	54867253	54868239	1
OR4C16	NA	NA	NA	11	55096180	55097112	1
OR4C11	NA	NA	NA	11	55127493	55128425	-1
OR4P4	NA	NA	NA	11	55162410	55163348	1
OR4S2	NA	NA	NA	11	55174956	55175891	1
OR5L1	NA	NA	NA	11	55335519	55336454	1
OR5D18	NA	NA	NA	11	55343682	55344623	1
SPRYD5	NA	NA	NA	11	55410032	55415862	1
OR5I1	208521_at	0,923787392	0,020235839	11	55459508	55460452	-1
OR10AG1	NA	NA	NA	11	55491610	55492515	-1
OR5F1	NA	NA	NA	11	55517733	55518677	-1
OR8H2	NA	NA	NA	11	55629095	55630033	1
OR8H3	NA	NA	NA	11	55646425	55647363	1
OR8J3	NA	NA	NA	11	55660823	55661770	-1
OR5T2	NA	NA	NA	11	55756158	55757237	-1
OR5T1	NA	NA	NA	11	55799691	55800671	1
OR8K3	NA	NA	NA	11	55842359	55843297	1
OR5R1	NA	NA	NA	11	55941310	55942284	-1
OR5M3	NA	NA	NA	11	55993626	55994549	-1
OR5M11	NA	NA	NA	11	56066392	56067309	-1
OR5M10	NA	NA	NA	11	56100826	56101773	-1
OR5M1	NA	NA	NA	11	56136607	56137554	-1
OR5AP2	NA	NA	NA	11	56165541	56166491	-1
OR9G4	NA	NA	NA	11	56266880	56267863	-1
OR5AK2	NA	NA	NA	11	56512965	56513894	1
LRRC55	NA	NA	NA	11	56705797	56714154	1

APLNR	213592_at	0,202508697	0,226095507	11	56757643	56761489	-1
PRG3	220811_at	0,594721101	0,102616051	11	56900819	56905199	-1
PRG2	211743_s_at	0,975087727	0,005258563	11	56911410	56914706	-1
RTN4RL2	NA	NA	NA	11	56984915	57000960	1
SMTNL1	NA	NA	NA	11	57065555	57074684	1
SERPING1	200986_at	0,621257552	0,06343712	11	57121603	57138902	1
CTNND1	208407_s_at	0,197742754	0,134561524	11	57285810	57343228	1
OR9Q1	NA	NA	NA	11	57547929	57705635	1
OR6Q1	NA	NA	NA	11	57555001	57555954	1
OR9I1	NA	NA	NA	11	57642548	57643492	-1
OR1S2	NA	NA	NA	11	57727252	57728229	-1
OR1S1	NA	NA	NA	11	57738793	57739770	1
OR10Q1	NA	NA	NA	11	57751964	57752923	-1
OR10W1	NA	NA	NA	11	57790840	57792308	-1
OR5B17	NA	NA	NA	11	57882174	57883118	-1
OR5B3	NA	NA	NA	11	57926514	57927458	-1
OR5B2	NA	NA	NA	11	57946381	57947310	-1
OR5B12	NA	NA	NA	11	57963256	57964200	-1
OR5B21	NA	NA	NA	11	58031225	58032154	-1
GLYAT	222083_at	0,222533207	0,221174044	11	58232806	58256023	-1
GLYATL1	NA	NA	NA	11	58467298	58481092	1
DTX4	212611_at	0,054251018	-1,009440669	11	58696388	58732636	1
MPEG1	NA	NA	NA	11	58732559	58737070	-1
OR5AN1	NA	NA	NA	11	58888508	58889443	1
OR5A2	NA	NA	NA	11	58946028	58947002	-1
OR5A1	NA	NA	NA	11	58967218	58968165	1
OR4D6	NA	NA	NA	11	58981010	58981954	1
OR4D11	NA	NA	NA	11	59027625	59028560	1
OR4D9	NA	NA	NA	11	59038962	59039906	1
PATL1	NA	NA	NA	11	59160770	59182994	-1
OR10V1	NA	NA	NA	11	59236965	59237894	-1
GIF	207033_at	0,420235754	0,09308717	11	59353322	59369550	-1
PLAC1L	NA	NA	NA	11	59564324	59572093	1

MS4A3	210254_at	0,378765871	0,129833472	11	59580677	59595164	1
MS4A4A	219607_s_at	0,449758072	0,069772502	11	59804715	59833021	1
MS4A14	NA	NA	NA	11	59920063	59941805	1
MS4A5	220790_s_at	0,466337019	0,119354396	11	59953638	59971841	1
MS4A12	220834_at	0,669476905	0,080250814	11	60016827	60031479	1
MS4A13	NA	NA	NA	11	60039462	60066770	1
MS4A8B	NA	NA	NA	11	60223623	60239860	1
MS4A15	NA	NA	NA	11	60280916	60300780	1
MS4A10	NA	NA	NA	11	60309397	60325354	1
GPR44	216464_x_at	0,247623478	0,252225361	11	60374974	60380020	-1
SLC15A3	219593_at	0,066295903	-1,029801495	11	60461134	60475833	-1
CD6	213958_at	0,109751755	0,24598529	11	60495750	60544425	1
CD5	206485_at	0,22423424	0,179261161	11	60626543	60651900	1
PGA3	213265_at	0,495799244	0,080948494	11	60727560	60736926	1
PGA4	NA	NA	NA	11	60746397	60755755	1
C11orf66	NA	NA	NA	11	61005168	61014975	1
SYT7	NA	NA	NA	11	61039361	61104874	-1
DAGLA	214128_at	0,343864557	0,120473108	11	61204486	61271049	1
C11orf9	204073_s_at	0,268293253	0,194785256	11	61279437	61312565	1
FADS3	216080_s_at	0,442621774	-0,575842378	11	61397574	61415582	-1
RAB3IL1	219579_at	0,209334392	0,192790727	11	61421349	61441573	-1
BEST1	207671_s_at	0,834509103	0,037802879	11	61474408	61488981	1
SCGB1D1	207910_at	0,928871882	0,01143784	11	61714286	61717585	1
SCGB2A1	205979_at	0,461160334	0,109005132	11	61732716	61737984	1
SCGB1D2	206799_at	0,537876137	-0,09236108	11	61766300	61768856	1
SCGB1D4	NA	NA	NA	11	61820330	61823112	-1
SCGB1A1	205725_at	0,305698255	0,105942279	11	61943099	61947243	1
LRRN4CL	NA	NA	NA	11	62210450	62213776	-1
CHRM1	NA	NA	NA	11	62432727	62445588	-1
SLC22A6	216599_x_at	0,205097485	0,20142411	11	62500645	62509045	-1
SLC22A8	221298_s_at	0,424811656	0,194284058	11	62516872	62539887	-1
SLC22A25	NA	NA	NA	11	62687872	62753700	-1
SLC22A10	NA	NA	NA	11	62814006	62835822	1

SLC22A9	NA	NA	NA	11	62893837	62934307	1
HRASLS5	NA	NA	NA	11	62987385	63015242	-1
LGALS12	NA	NA	NA	11	63030132	63040815	1
HRASLS2	221122_at	0,013107444	1,018613625	11	63076818	63087431	-1
RCOR2	NA	NA	NA	11	63435278	63440892	-1
NAT11	222369_at	0,193789335	-0,488605626	11	63463044	63481020	1
FLRT1	210414_at	0,446124673	0,134036696	11	63627938	63643221	1
C11orf20	219883_at	0,397911277	0,190441266	11	63824439	63828815	1
SLC22A11	220100_at	0,691935712	0,07190023	11	64079674	64095575	1
NRXN2	209983_s_at	0,470097446	0,138167663	11	64130222	64247236	-1
PYGM	205577_at	0,725501155	-0,045969314	11	64270606	64284763	-1
CDC42BPG	NA	NA	NA	11	64348237	64368617	-1
GPHA2	NA	NA	NA	11	64458519	64459936	-1
C11orf85	NA	NA	NA	11	64462505	64495934	-1
BATF2	NA	NA	NA	11	64511993	64521093	-1
ARL2	202564_x_at	0,67773047	0,149234074	11	64538162	64546232	1
SNX15	205482_x_at	0,357657158	-0,167451429	11	64551486	64564620	1
SAC3D1	205449_at	0,838106832	-0,126751727	11	64564952	64568876	1
NAALADL1	207895_at	0,490625995	0,111502871	11	64568871	64582585	-1
SPDYC	NA	NA	NA	11	64694283	64697264	1
SLC22A20	NA	NA	NA	11	64737885	64766133	1
TIGD3	NA	NA	NA	11	64878858	64881660	1
LTBP3	219922_s_at	0,190852858	0,554714252	11	65062850	65082006	-1
KCNK7	220412_x_at	0,999334777	-0,000214877	11	65116902	65120043	-1
SIPA1	204164_at	0,166434055	-0,323342931	11	65162171	65174965	1
DKFZp761E19	NA	NA	NA	11	65299949	65304398	-1
OVOL1	206604_at	0,211506372	0,221313245	11	65311105	65321261	1
EFEMP2	206580_s_at	0,36005488	0,180442502	11	65390488	65396852	-1
CTSW	214450_at	0,468789272	0,081780424	11	65403860	65407788	1
FOSL1	204420_at	0,206811282	0,231469689	11	65416268	65424573	-1
C11orf68	221534_at	0,089696129	0,449088308	11	65440857	65443107	-1
DRAP1	203258_at	0,325322114	0,338427207	11	65443304	65445607	1
TSGA10IP	NA	NA	NA	11	65469691	65484010	1

CATSPER1	NA	NA	NA	11	65540799	65550560	-1
CD248	219025_at	0,801002465	0,036600495	11	65838534	65841091	-1
SLC29A2	204717_s_at	0,28514398	0,424394231	11	65886568	65895867	-1
NPAS4	NA	NA	NA	11	65945051	65950753	1
CTSF	203657_s_at	0,092996619	0,460785306	11	66087511	66092623	-1
SPTBN2	205155_s_at	0,34730427	-0,287747559	11	66209299	66245446	-1
C11orf80	204922_at	0,41421868	0,340701983	11	66268783	66367375	1
PC	204476_s_at	0,339665219	0,254797212	11	66372573	66482423	-1
SYT12	NA	NA	NA	11	66547467	66574906	1
RHOD	31846_at	0,220121909	0,121858559	11	66580897	66596060	1
SSH3	219241_x_at	0,048178069	0,253933345	11	66827577	66836647	1
CLCF1	219500_at	0,784608664	0,039316408	11	66888215	66897782	-1
ATPGD1	NA	NA	NA	11	66939725	66949654	1
CORO1B	NA	NA	NA	11	66962094	66967839	-1
GPR152	NA	NA	NA	11	66975348	66976776	-1
CABP4	NA	NA	NA	11	66979394	66983267	1
CABP2	207745_at	0,446041137	0,074407552	11	67042994	67047475	-1
NUDT8	NA	NA	NA	11	67151985	67153977	-1
ALDH3B2	204941_s_at	0,656870187	0,05404501	11	67186209	67205261	-1
NDUFS8	203189_s_at	0,735593213	0,120884967	11	67554685	67560690	1
CHKA	204233_s_at	0,790555376	-0,083840077	11	67576902	67645434	-1
SAPS3	217928_s_at	0,402836911	-0,130583546	11	67984775	68139378	1
GAL	214240_at	0,889660813	0,023846445	11	68208559	68215219	1
MRGPRD	NA	NA	NA	11	68504066	68505031	-1
	NA	NA	NA	11	68528438	68537426	-1
TPCN2	NA	NA	NA	11	68572926	68614648	1
CCND1	208711_s_at	0,244090682	0,195522511	11	69165054	69178423	1
FGF19	NA	NA	NA	11	69222187	69228287	-1
FGF4	NA	NA	NA	11	69296978	69299352	-1
FGF3	214571_at	0,868266157	-0,026194599	11	69333917	69343129	-1
ANO1	218804_at	0,932783872	0,008303822	11	69602294	69713282	1
PPFIA1	202066_at	0,206972672	-0,41536146	11	69794471	69908150	1
CTTN	201059_at	0,38289002	0,505251813	11	69922292	69960338	1

SHANK2	215829_at	0,116247339	0,207058395	11	69991609	70185520	-1
KRTAP5-7	NA	NA	NA	11	70915961	70916858	1
KRTAP5-8	208532_x_at	0,205256943	0,181969925	11	70926719	70927901	1
KRTAP5-9	NA	NA	NA	11	70937114	70938301	1
KRTAP5-11	NA	NA	NA	11	70970549	70971569	-1
DEFB108B	NA	NA	NA	11	71221894	71226256	1
IL18BP	NA	NA	NA	11	71387606	71391222	1
FOLR3	206371_at	0,487801809	0,103258013	11	71524419	71528582	1
FOLR1	204437_s_at	0,573621126	-0,086307817	11	71578250	71584989	1
FOLR2	204829_s_at	0,781606651	0,053331881	11	71605488	71610637	1
PDE2A	204134_at	0,859256761	0,028502873	11	71964833	72063060	-1
P2RY2	206277_at	0,309035015	0,115562006	11	72606992	72625045	1
P2RY6	208373_s_at	0,106135997	0,204100701	11	72653218	72686498	1
PLEKHB1	209504_s_at	0,428374049	0,197509545	11	73034871	73051512	1
DNAJB13	NA	NA	NA	11	73339012	73358980	1
UCP3	219827_at	0,603519453	0,102850252	11	73388985	73397778	-1
P4HA3	NA	NA	NA	11	73655350	73700347	-1
KCNE3	NA	NA	NA	11	73843534	73856248	-1
CHRD12	220583_at	0,67773047	0,050462877	11	74085122	74119834	-1
NEU3	206948_at	0,61121199	0,083992506	11	74377598	74396391	1
OR2AT4	NA	NA	NA	11	74477444	74478406	-1
SLCO2B1	211557_x_at	0,068308431	0,29254583	11	74539811	74594947	1
ARRB1	218832_x_at	0,875472592	0,021744905	11	74654130	74740521	-1
GDPD5	213343_s_at	0,446489849	-0,295078063	11	74823334	74914515	-1
MAP6	NA	NA	NA	11	74975611	75057127	-1
MOGAT2	NA	NA	NA	11	75106582	75119979	1
DGAT2	NA	NA	NA	11	75157456	75190225	1
WNT11	206737_at	0,055339418	0,308823525	11	75575018	75595222	-1
TSKU	218245_at	0,115109664	0,216090522	11	76171933	76186846	1
B3GNT6	NA	NA	NA	11	76423083	76430668	1
CAPN5	205166_at	0,252417245	0,135954755	11	76455640	76514849	1
OMP	NA	NA	NA	11	76491534	76492025	1
MYO7A	211104_s_at	0,202386092	0,277376887	11	76516964	76603932	1

GDPD4	NA	NA	NA	11	76605251	76676111	-1
AQP11	NA	NA	NA	11	76978328	76998342	1
KCTD14	219545_at	0,511950179	0,088266794	11	77404409	77411968	-1
THRSP	NA	NA	NA	11	77452555	77457045	1
KCTD21	NA	NA	NA	11	77559943	77577312	-1
USP35	NA	NA	NA	11	77577606	77603401	1
GAB2	203853_s_at	0,182042778	0,286119485	11	77603990	77806414	-1
CCDC89	NA	NA	NA	11	85072541	85074968	-1
SYTL2	220613_s_at	0,554279717	-0,173313369	11	85082912	85146692	-1
CCDC81	220389_at	0,442389504	-0,074678494	11	85763426	85811798	1
PRSS23	202458_at	0,978304866	0,003047106	11	86189139	86199923	1
RAB38	219412_at	0,130719294	0,209373898	11	87486079	87548247	-1
GRM5	207235_s_at	0,275812505	0,133303019	11	87880626	88420838	-1
TYR	206630_at	0,306000808	0,188271818	11	88550688	88668575	1
NOX4	219773_at	0,790330101	0,04953531	11	88699160	88864301	-1
FOLH1B	211303_x_at	0,627194573	0,062347475	11	89032113	89071534	1
TRIM49	221154_at	0,581972075	0,080034832	11	89170471	89181391	-1
LOC729384	NA	NA	NA	11	89296880	89305879	1
FAT3	NA	NA	NA	11	91724910	92269284	1
MTNR1B	208516_at	0,930361437	-0,011750785	11	92342437	92355596	1
CCDC67	NA	NA	NA	11	92703531	92811284	1
C11orf75	219806_s_at	0,747393826	0,254750502	11	92851286	92925437	-1
HEPHL1	NA	NA	NA	11	93394026	93487022	1
FOLR4	NA	NA	NA	11	93678451	93680506	1
PIWIL4	NA	NA	NA	11	93940182	93994234	1
AMOTL1	NA	NA	NA	11	94141156	94249566	1
TMEM133	NA	NA	NA	11	100368021	100369876	1
PGR	208305_at	0,836425228	0,025274546	11	100414313	100506465	-1
TRPC6	217287_s_at	0,512050936	0,0804753	11	100827584	100959869	-1
C11orf70	NA	NA	NA	11	101423409	101459360	1
MMP7	204259_at	0,839008761	-0,037907648	11	101896449	101906688	-1
MMP20	207599_at	0,777631348	0,034238085	11	101952776	102001273	-1
MMP27	220783_at	0,748370183	-0,044256792	11	102067625	102081678	-1

MMP8	207329_at	0,772391382	0,033949017	11	102088540	102100868	-1
MMP10	205680_at	0,947440328	-0,00847956	11	102146444	102156554	-1
MMP3	205828_at	0,793075751	0,031267101	11	102211738	102219552	-1
MMP12	204580_at	0,7383575	0,039607395	11	102238674	102250922	-1
MMP13	205959_at	0,691935712	0,056030044	11	102318934	102331672	-1
DYNC2H1	219469_at	0,848576402	0,04523666	11	102485370	102855801	1
DDI1	NA	NA	NA	11	103412518	103415132	1
CASP4	209310_s_at	0,050461777	0,385887686	11	104318804	104344535	-1
CASP1	209970_x_at	0,141899369	0,535959943	11	104401445	104411067	-1
CARD16	NA	NA	NA	11	104417263	104421261	-1
CARD17	NA	NA	NA	11	104468406	104477368	-1
CARD18	NA	NA	NA	11	104513879	104515663	-1
GRIA4	208464_at	0,635571139	0,052331653	11	104986010	105289441	1
GUCY1A2	219802_at	0,423680487	-0,317063552	11	106063120	106394381	-1
CWF19L2	NA	NA	NA	11	106702293	106830406	-1
ELMOD1	NA	NA	NA	11	106967284	107042715	1
LOC643923	NA	NA	NA	11	106967681	106969159	1
SLN	205374_at	0,269026607	0,155428718	11	107083311	107087997	-1
RAB39	NA	NA	NA	11	107304487	107339418	1
ZC3H12C	NA	NA	NA	11	109469297	109547776	1
ARHGAP20	NA	NA	NA	11	109952976	110088661	-1
C11orf92	NA	NA	NA	11	110669380	110675749	-1
BCO2	NA	NA	NA	11	111551418	111594862	1
NCAM1	212843_at	0,003639739	1,07512764	11	112337205	112654368	1
TTC12	219587_at	0,325842095	0,18978855	11	112690461	112742324	1
ANKK1	NA	NA	NA	11	112763723	112776350	1
DRD2	216938_x_at	0,139747716	0,195341812	11	112785527	112851091	-1
TMPRSS5	221032_s_at	0,033550464	0,468831584	11	113063483	113082305	-1
HTR3B	221084_at	0,447275519	0,119167086	11	113280799	113322493	1
ZBTB16	205883_at	0,18704299	0,227324093	11	113435641	113626608	1
NNMT	202237_at	0,167194847	0,536823936	11	113671745	113688448	1
FAM55D	220645_at	0,337078091	0,15723902	11	113946523	113971694	-1
APOA5	NA	NA	NA	11	116165296	116167794	-1

APOA4	206894_at	0,393398982	0,134381119	11	116196628	116199221	-1
APOC3	205820_s_at	0,587998718	0,092561205	11	116205834	116208997	1
APOA1	204450_x_at	0,301343474	0,226167894	11	116211679	116213548	-1
TAGLN	205547_s_at	0,883430947	0,048404692	11	116575250	116580718	1
BACE1	217904_s_at	0,56869702	0,089045244	11	116661624	116692182	-1
CEP164	204250_s_at	0,424313751	-0,131150245	11	116703781	116789192	1
DSCAML1	NA	NA	NA	11	116803699	117173186	-1
FXD2	205674_x_at	0,205651676	0,213290818	11	117196000	117204017	-1
FXD6	217897_at	0,117902158	0,2757181	11	117212903	117252577	-1
TMPRSS13	NA	NA	NA	11	117276570	117305325	-1
SCN4B	NA	NA	NA	11	117509302	117528747	-1
SCN2B	210363_s_at	0,122569478	0,246442716	11	117538729	117552546	-1
MPZL2	203779_s_at	0,274715193	0,16714693	11	117629344	117640219	-1
CD3E	205456_at	0,371798146	0,140325259	11	117680662	117692100	1
CD3D	213539_at	0,716081936	0,06068775	11	117714999	117718669	-1
CD3G	206804_at	0,986346232	-0,004639452	11	117720311	117729261	1
TREH	207378_at	0,857099892	0,030986932	11	118034152	118055591	-1
BCL9L	NA	NA	NA	11	118272059	118286823	-1
UPK2	207862_at	0,81873129	0,037501854	11	118332236	118334479	1
FOXR1	NA	NA	NA	11	118347627	118357205	1
ABCG4	207593_at	0,831845586	0,042490215	11	118524960	118538585	1
PDZD3	220303_at	0,909917203	0,016687255	11	118561405	118566130	1
CCDC153	NA	NA	NA	11	118566189	118569381	-1
MCAM	210869_s_at	0,640346889	-0,237771656	11	118684444	118693050	-1
THY1	208850_s_at	0,442389504	-0,815626981	11	118794098	118799064	-1
TRIM29	202504_at	0,097103308	0,263063397	11	119487204	119514073	-1
POU2F3	207109_at	0,901468908	0,013451514	11	119616161	119695863	1
GRIK4	208552_at	0,336582234	0,137810923	11	120036238	120362179	1
TBCEL	222365_at	0,222533207	0,205066658	11	120400040	120463333	1
TECTA	221296_at	0,220315346	0,200957918	11	120478585	120566725	1
UBASH3B	NA	NA	NA	11	122031640	122190391	1
CRTAM	206914_at	0,784010214	0,034118318	11	122214465	122248557	1
C11orf63	220141_at	0,613025488	0,062156848	11	122258683	122335640	1

BSX	NA	NA	NA	11	122353567	122357589	-1
ASAM	NA	NA	NA	11	122448230	122571217	-1
GRAMD1B	NA	NA	NA	11	122901738	122998728	1
SCN3B	204722_at	0,608764657	0,105061155	11	123005105	123030525	-1
OR6X1	NA	NA	NA	11	123129498	123130436	-1
OR6M1	NA	NA	NA	11	123181326	123182267	-1
TMEM225	NA	NA	NA	11	123258843	123261550	-1
OR10S1	NA	NA	NA	11	123352613	123353608	-1
OR10G4	NA	NA	NA	11	123391492	123392427	1
OR10G7	NA	NA	NA	11	123413983	123414918	-1
OR8G2	NA	NA	NA	11	123600608	123601522	1
OR8G5	NA	NA	NA	11	123639933	123640973	1
OR8D1	NA	NA	NA	11	123684946	123685872	-1
OR8D2	NA	NA	NA	11	123694368	123695303	-1
OR8B2	NA	NA	NA	11	123757508	123758449	-1
OR8B3	NA	NA	NA	11	123771516	123772457	-1
OR8B4	NA	NA	NA	11	123799048	123799977	-1
OR8B8	NA	NA	NA	11	123815256	123816191	-1
OR8B12	NA	NA	NA	11	123917828	123918760	-1
OR8A1	NA	NA	NA	11	123945175	123946155	1
PANX3	NA	NA	NA	11	123986663	123995462	1
VSIG2	NA	NA	NA	11	124122580	124127319	-1
ESAM	NA	NA	NA	11	124128229	124137433	-1
ROBO3	219550_at	0,203813977	0,24157552	11	124240492	124256572	1
HEPACAM	NA	NA	NA	11	124294355	124311518	-1
HEPN1	NA	NA	NA	11	124294356	124295783	1
SLC37A2	NA	NA	NA	11	124438442	124464341	1
PKNOX2	63305_at	0,396484726	0,099157035	11	124539769	124808495	1
FEZ1	203562_at	0,24127398	0,243254045	11	124820858	124871333	-1
ACRV1	207990_x_at	0,094192879	0,225590637	11	125047439	125056152	-1
PATE1	NA	NA	NA	11	125121398	125124953	1
CDON	207230_at	0,083399347	0,296416615	11	125331923	125438397	-1
KIRREL3	NA	NA	NA	11	125799613	126375701	-1

KCNJ1	210402_at	0,209176449	0,134049063	11	128213125	128242478	-1
KCNJ5	208397_x_at	0,132192041	0,274471376	11	128266523	128293174	1
C11orf45	NA	NA	NA	11	128274670	128280802	-1
TP53AIP1	220402_at	0,795522961	0,030262814	11	128310475	128318032	-1
RICS	210791_s_at	0,107775594	0,338658544	11	128343052	128399222	-1
BARX2	210419_at	0,271591979	0,271148364	11	128751091	128827384	1
TMEM45B	NA	NA	NA	11	129190951	129235108	1
ADAMTS15	NA	NA	NA	11	129824079	129848926	1
NTM	222020_s_at	0,298832915	0,209902896	11	130745581	131711926	1
SPATA19	NA	NA	NA	11	133215727	133220602	-1
IGSF9B	215255_at	0,597967878	0,067116313	11	133290395	133332090	-1
JAM3	212813_at	0,043724924	0,265692859	11	133444030	133526861	1
GLB1L2	213713_s_at	0,415740028	0,368731109	11	133707016	133751428	1
IQSEC3	NA	NA	NA	12	56803	150755	1
SLC6A12	206058_at	0,676341282	0,051775734	12	169513	192753	-1
HSN2	NA	NA	NA	12	847257	848561	1
WNT5B	221029_s_at	0,025925184	1,457252085	12	1596483	1626638	1
LRTM2	NA	NA	NA	12	1799956	1816179	1
CACNA1C	211592_s_at	0,490588439	0,073523741	12	2032725	2677376	1
NRIP2	215104_at	0,503131113	0,122200726	12	2804775	2814450	-1
DYRK4	212954_at	0,150407781	-0,273395919	12	4569505	4593302	1
GALNT8	220929_at	0,76540983	-0,036143241	12	4700013	4752153	1
KCNA6	205616_at	0,58287616	0,130114919	12	4788603	4792839	1
KCNA1	208479_at	0,465346152	-0,101960966	12	4889334	4897683	1
KCNA5	206762_at	0,144312912	0,351084751	12	5023346	5026210	1
ANO2	220111_s_at	0,405108347	0,091743191	12	5542081	5925659	-1
CD9	201005_at	0,650567503	-0,857786626	12	6179816	6217688	1
PLEKHG6	220073_s_at	0,77845089	0,042335667	12	6289863	6307932	1
SCNN1A	215026_x_at	0,071586794	0,264248364	12	6326274	6354976	-1
LTBR	203005_at	0,828704153	-0,037383119	12	6363618	6370993	1
ACRBP	NA	NA	NA	12	6617503	6626841	-1
C12orf53	NA	NA	NA	12	6673218	6680073	-1
CD4	203547_at	0,033690623	0,336039974	12	6768912	6800237	1

GPR162	205056_s_at	0,114402637	0,362803973	12	6801224	6806844	1
LEPREL2	204854_at	0,495662769	0,11923091	12	6807833	6819279	1
ATN1	208871_at	0,123251171	0,286011895	12	6903887	6921745	1
C1S	208747_s_at	0,945887594	0,013360262	12	7038278	7048597	1
C1R	212067_s_at	0,098137612	0,261318198	12	7057768	7058863	-1
RBP5	NA	NA	NA	12	7167554	7172733	-1
CLSTN3	204375_at	0,99980708	-4,39E-05	12	7174234	7202808	1
ACSM4	NA	NA	NA	12	7348195	7372236	1
CD163L1	NA	NA	NA	12	7398823	7488016	-1
CD163	203645_s_at	0,370980866	0,100144912	12	7514676	7547681	-1
APOBEC1	207158_at	0,165367203	0,149250544	12	7693263	7709769	-1
GDF3	220053_at	0,488379877	0,075484774	12	7733648	7739627	-1
DPPA3	NA	NA	NA	12	7755356	7761422	1
CLEC4C	NA	NA	NA	12	7773278	7793336	-1
NANOG	220184_at	0,810584734	0,060701668	12	7833262	7839922	1
SLC2A14	222088_s_at	0,79708958	0,033349105	12	7857664	7916762	-1
C3AR1	209906_at	0,146800175	0,227817914	12	8102186	8110222	-1
CLEC4A	221724_s_at	0,091070557	-0,229364191	12	8167495	8182470	1
ZNF705A	NA	NA	NA	12	8216417	8223909	1
CLEC4D	NA	NA	NA	12	8557403	8566229	1
CLEC4E	219859_at	0,879417127	-0,031093168	12	8577168	8584825	-1
MFAP5	213765_at	0,203133926	0,273619931	12	8689807	8706700	-1
RIMKLB	NA	NA	NA	12	8741785	8821054	1
A2ML1	NA	NA	NA	12	8866417	8920646	1
KLRG1	210288_at	0,077407805	-0,23475781	12	9033488	9054610	1
A2M	217757_at	0,36641957	0,130844257	12	9111571	9159825	-1
KLRB1	214470_at	0,821822759	0,037455149	12	9639137	9651764	-1
KLRF1	220646_s_at	0,82671362	0,021078044	12	9871344	9888871	1
CLEC12A	NA	NA	NA	12	10015281	10029461	1
CLEC1B	220496_at	0,267285675	0,172944713	12	10036927	10043166	-1
CLEC12B	NA	NA	NA	12	10054498	10061814	1
CLEC9A	NA	NA	NA	12	10074543	10109832	1
CLEC1A	219761_at	0,386968166	0,179815875	12	10114347	10142872	-1

OLR1	210004_at	0,999751726	-0,000104178	12	10202166	10216057	-1
C12orf59	NA	NA	NA	12	10222824	10235670	1
KLRC1	NA	NA	NA	12	10489894	10498251	-1
KLRA1	NA	NA	NA	12	10632344	10643701	-1
TAS2R7	221396_at	0,516336012	0,0580291	12	10845398	10846493	-1
TAS2R8	221398_at	0,692455435	0,081817007	12	10849917	10850846	-1
TAS2R9	221461_at	0,085512631	0,358468571	12	10852960	10854034	-1
TAS2R13	221395_at	0,407653585	0,109562464	12	10951792	10953428	-1
TAS2R14	221391_at	0,656870187	0,063303079	12	10982120	10983073	-1
TAS2R50	NA	NA	NA	12	11029779	11030778	-1
TAS2R20	NA	NA	NA	12	11039828	11041741	-1
TAS2R19	NA	NA	NA	12	11065538	11066437	-1
TAS2R31	NA	NA	NA	12	11074253	11075273	-1
TAS2R46	NA	NA	NA	12	11105231	11106160	-1
TAS2R43	NA	NA	NA	12	11135153	11136179	-1
TAS2R30	NA	NA	NA	12	11177151	11178110	-1
TAS2R42	NA	NA	NA	12	11229866	11230810	-1
PRB3	206998_x_at	0,092781026	0,456127232	12	11310124	11313908	-1
PRB4	216881_x_at	0,136202936	0,247660948	12	11351282	11354633	-1
PRB1	NA	NA	NA	12	11396024	11399791	-1
PRB2	211531_x_at	0,00830437	0,505587237	12	11435741	11439768	-1
BCL2L14	221241_s_at	0,019210219	0,365611211	12	12115145	12143896	1
GPR19	207183_at	0,488057544	0,135695763	12	12705263	12706671	-1
GPRC5A	203108_at	0,487189952	0,116485492	12	12935223	12957867	1
HEBP1	218450_at	0,054351687	1,448259099	12	13019065	13044488	-1
KIAA1467	213234_at	0,274010981	-0,216080296	12	13088582	13127650	1
EMP1	213895_at	0,55938138	0,072019646	12	13240924	13260975	1
GRIN2B	210411_s_at	0,055197517	0,473000821	12	13605411	14024319	-1
ATF7IP	218987_at	0,039917957	-0,892258939	12	14409878	14542964	1
PLBD1	218454_at	0,37151315	-0,103259448	12	14547864	14612058	-1
GUCY2C	206312_at	0,741057822	0,063325744	12	14656843	14740696	-1
C12orf69	NA	NA	NA	12	14848851	14858383	-1
ART4	207220_at	0,686549891	0,077848202	12	14873512	14887680	-1

MGP	202291_s_at	0,952869923	0,007952034	12	14926094	14930095	-1
ERP27	NA	NA	NA	12	14958245	14982722	-1
PDE6H	206841_at	0,907579593	0,014210031	12	15017245	15026066	1
RERG	NA	NA	NA	12	15151984	15265571	-1
PTPRO	208121_s_at	0,490507095	-0,125694049	12	15366754	15641602	1
EPS8	202609_at	0,470097446	-0,235846521	12	15664342	15833601	-1
LMO3	204424_s_at	0,223921354	0,222207052	12	16592574	16652291	-1
RERGL	220276_at	0,400815497	0,101228688	12	18125070	18134381	-1
CAPZA3	NA	NA	NA	12	18782312	18783389	1
PLEKHA5	220952_s_at	0,002670221	0,624477859	12	19173995	19420601	1
PDE3A	206389_s_at	0,861961071	0,027478349	12	20413464	20725148	1
LST-3TM12	NA	NA	NA	12	21059897	21134307	1
SLCO1B1	210366_at	0,589822869	-0,047802676	12	21175404	21283997	1
SLCO1A2	211481_at	0,114294702	0,213060482	12	21311651	21439638	-1
IAPP	207062_at	0,357644624	0,138183752	12	21417085	21423683	1
C12orf39	221067_s_at	0,152258311	0,207858977	12	21570523	21575477	1
GYS2	214621_at	0,891268034	0,022288449	12	21580390	21649048	-1
KCNJ8	205304_s_at	0,272392594	0,169889717	12	21809156	21819014	-1
ABCC9	208462_s_at	0,339026677	0,178937159	12	21841590	21980895	-1
ST8SIA1	210073_at	0,451665491	-0,07676501	12	22245200	22378915	-1
C12orf67	NA	NA	NA	12	24611165	24628369	-1
LOC196415	NA	NA	NA	12	25037625	25041640	-1
RASSF8	207754_at	0,512593515	0,059076861	12	26003229	26124092	1
REP15	NA	NA	NA	12	27740695	27741833	1
CCDC91	218545_at	0,05441915	-0,830902816	12	28301400	28594366	1
FAR2	220615_s_at	0,099184029	0,408194535	12	29267865	29378273	1
TSPAN11	NA	NA	NA	12	30971105	31036722	1
OVOS2	NA	NA	NA	12	31158727	31250355	-1
LOC440093	NA	NA	NA	12	31835386	31836442	-1
C12orf35	218614_at	0,207789967	-0,773439949	12	32003620	32037308	1
FGD4	NA	NA	NA	12	32546361	32684940	1
SLC2A13	NA	NA	NA	12	38435090	38785928	-1
PDZRN4	220595_at	0,437687396	-0,585613624	12	40117808	40254659	1

ADAMTS20	220717_at	0,469607964	0,090489307	12	42034279	42231991	-1
SLC38A4	220786_s_at	0,782976117	-0,029134696	12	45444811	45506006	-1
P11	206605_at	0,528591491	0,070226425	12	46389795	46405617	-1
RAPGEF3	215027_at	0,169828905	0,173361201	12	46417293	46438952	-1
SLC48A1	48106_at	0,183108991	0,33322074	12	46453258	46461720	1
COL2A1	217404_s_at	0,562598779	0,080711477	12	46653015	46684552	-1
C12orf68	NA	NA	NA	12	46863666	46865976	1
OR10AD1	NA	NA	NA	12	46882389	46883342	-1
H1FNT	NA	NA	NA	12	47009030	47010329	1
ANP32D	208571_at	0,406995024	0,123876102	12	47152715	47153110	1
C12orf54	NA	NA	NA	12	47163290	47176434	1
LALBA	207816_at	0,367657714	0,145442462	12	47247734	47250096	-1
ADCY6	209195_s_at	0,048202326	0,461867242	12	47446248	47469087	-1
CCDC65	NA	NA	NA	12	47584197	47601625	1
RHEBL1	NA	NA	NA	12	47744735	47750042	-1
DHH	NA	NA	NA	12	47769471	47774869	-1
C1QL4	NA	NA	NA	12	48012467	48017238	-1
DNAJC22	220441_at	0,8569388	0,028941343	12	48027308	48031964	1
KCNH3	NA	NA	NA	12	48219207	48238344	1
FMNL3	NA	NA	NA	12	48317991	48387464	-1
KIAA1602	NA	NA	NA	12	48471202	48508475	-1
	NA	NA	NA	12	48482774	48485440	-1
FAIM2	203618_at	0,346986238	0,132301996	12	48546947	48583987	-1
AQP2	206672_at	0,360787042	0,132650808	12	48630796	48638931	1
AQP6	216219_at	0,25985448	0,150119672	12	48652887	48657189	1
ACCN2	205156_s_at	0,124822562	0,34797371	12	48737754	48763661	1
SMARCD1	209518_at	0,017288325	-0,760658015	12	48765250	48780761	1
GPD1	213706_at	0,50308762	0,124291962	12	48784068	48791363	1
DIP2B	NA	NA	NA	12	49185035	49428717	1
TMPRSS12	NA	NA	NA	12	49522968	49567934	1
HIGD1C	NA	NA	NA	12	49634049	49650556	1
POU6F1	205878_at	0,11652576	0,261055435	12	49869232	49897744	-1
SMAGP	209679_s_at	0,003662257	0,893760403	12	49925400	49950469	-1

CELA1	NA	NA	NA	12	50008494	50026730	-1
SCN8A	207049_at	0,291095242	0,131666071	12	50271287	50488574	1
FIGNL2	NA	NA	NA	12	50497943	50502475	-1
ANKRD33	NA	NA	NA	12	50568011	50571705	1
ACVRL1	210838_s_at	0,145507227	0,209505014	12	50587469	50603412	1
ACVR1B	208218_s_at	0,256065747	0,109112991	12	50631753	50677127	1
GRASP	NA	NA	NA	12	50687015	50695938	1
KRT80	NA	NA	NA	12	50849047	50872051	-1
KRT7	209016_s_at	0,886192975	0,021687003	12	50913221	50928976	1
KRT81	213711_at	0,216046247	0,165453578	12	50965964	50971566	-1
KRT86	215189_at	0,294022637	0,169494971	12	50981916	50989214	1
KRT83	207669_at	0,24449855	0,228063329	12	50994352	51001438	-1
KRT85	207670_at	0,413883247	0,0891086	12	51040057	51047576	-1
KRT84	NA	NA	NA	12	51057863	51065684	-1
KRT82	NA	NA	NA	12	51074002	51086443	-1
KRT75	207065_at	0,714467198	0,040591584	12	51104121	51114377	-1
KRT6B	213680_at	0,311839555	0,129578664	12	51126702	51132177	-1
KRT6C	NA	NA	NA	12	51148567	51153836	-1
KRT6A	214580_x_at	0,655311187	0,044306582	12	51167225	51173448	-1
KRT5	201820_at	0,118292719	0,2206433	12	51194626	51200510	-1
KRT71	NA	NA	NA	12	51223960	51233170	-1
KRT74	NA	NA	NA	12	51245870	51253876	-1
KRT72	NA	NA	NA	12	51265640	51281559	-1
KRT73	NA	NA	NA	12	51287621	51298610	-1
KRT2	207908_at	0,239719084	0,25238169	12	51324609	51332226	-1
KRT77	NA	NA	NA	12	51369910	51383514	-1
KRT76	207878_at	0,94842194	0,015829095	12	51448206	51457372	-1
KRT3	217325_at	0,335420619	0,25694935	12	51469736	51476159	-1
KRT4	213240_s_at	0,76189017	-0,037195412	12	51486600	51494602	-1
KRT79	NA	NA	NA	12	51501498	51514344	-1
KRT78	NA	NA	NA	12	51519013	51529045	-1
KRT8	209008_x_at	0,424164867	0,155211994	12	51577238	51585127	-1
KRT18	201596_x_at	0,959048406	-0,011612876	12	51628922	51632952	1

TENC1	212494_at	0,187344586	0,18853345	12	51727077	51744430	1
IGFBP6	203851_at	0,605584763	-0,13608193	12	51777703	51782395	1
SOAT2	210677_at	0,399010759	0,201594716	12	51783541	51804590	1
RARG	204189_at	0,113614492	0,208348026	12	51890620	51912303	-1
AMHR2	206892_at	0,202252153	0,216495071	12	52103908	52111579	1
NPFF	NA	NA	NA	12	52186741	52187689	-1
HOXC13	219832_s_at	0,149824768	0,229086602	12	52618843	52626595	1
HOXC12	NA	NA	NA	12	52634981	52636617	1
HOXC11	206745_at	0,495820272	0,076757097	12	52653177	52656470	1
HOXC10	218959_at	0,362419107	0,174218069	12	52665213	52670330	1
HOXC9	NA	NA	NA	12	52680144	52683388	1
HOXC8	221350_at	0,671838138	0,081955522	12	52689157	52692814	1
HOXC6	206858_s_at	0,581288658	-0,190952155	12	52696909	52710874	1
HOXC5	206739_at	0,464292302	0,099261993	12	52713099	52715412	1
SMUG1	218685_s_at	0,77574368	-0,09329868	12	52861519	52869024	-1
GPR84	NA	NA	NA	12	53042496	53044525	-1
ZNF385A	NA	NA	NA	12	53049187	53064748	-1
ITGA5	201389_at	0,07314717	0,285210583	12	53075312	53099317	-1
PDE1B	206444_at	0,615815204	0,06179025	12	53229671	53259290	1
PPP1R1A	205478_at	0,199369409	0,210936254	12	53259291	53268710	-1
DCD	NA	NA	NA	12	53324642	53328416	-1
KIAA0748	NA	NA	NA	12	53630196	53661889	-1
OR10A7	NA	NA	NA	12	53901076	53902026	1
OR6C74	NA	NA	NA	12	53927339	53928277	1
OR6C6	NA	NA	NA	12	53974339	53975283	-1
OR6C3	NA	NA	NA	12	54011752	54012687	1
OR6C75	NA	NA	NA	12	54045162	54046100	1
OR6C65	NA	NA	NA	12	54080580	54081518	1
OR6C76	NA	NA	NA	12	54106305	54107243	1
OR6C2	NA	NA	NA	12	54132265	54133203	1
OR6C70	NA	NA	NA	12	54149251	54150189	-1
OR6C68	NA	NA	NA	12	54172414	54173367	1
OR6C4	NA	NA	NA	12	54231278	54232207	1

OR10P1	NA	NA	NA	12	54316943	54317884	1
METTL7B	NA	NA	NA	12	54361686	54364662	1
MMP19	204574_s_at	0,180731436	0,215122012	12	54515481	54523002	-1
IKZF4	208472_at	0,29660287	0,170811722	12	54700956	54718486	1
APOF	207262_at	0,860861782	0,021337868	12	55040622	55042850	-1
MIP	220863_at	0,370272637	0,131291213	12	55130151	55134696	-1
GLS2	205531_s_at	0,941219223	0,029230121	12	55151003	55168448	-1
RBMS2	NA	NA	NA	12	55201993	55269875	1
HSD17B6	37512_at	0,087636082	-0,342879759	12	55443375	55467841	1
SDR9C7	NA	NA	NA	12	55603884	55614312	-1
RDH16	206753_at	0,300521561	0,18486305	12	55631482	55637685	-1
GPR182	NA	NA	NA	12	55674622	55676736	1
TAC3	21992_at	0,057504055	0,248200565	12	55690051	55696592	-1
MYO1A	211916_s_at	0,691949995	0,06880055	12	55708568	55730160	-1
LRP1	200785_s_at	0,221926007	0,255436696	12	55808549	55893409	1
R3HDM2	203831_at	0,216897303	-0,242454479	12	55933814	55977083	-1
SLC26A10	214951_at	0,245147057	0,212413232	12	56299960	56306201	1
B4GALNT1	206435_at	0,304278202	0,203371647	12	56305818	56313252	-1
AVIL	210507_s_at	0,272661265	0,261956188	12	56477710	56496119	-1
AVPR1A	206251_s_at	0,219547471	0,128324407	12	61826483	61832857	-1
SRGAP1	NA	NA	NA	12	62524808	62823841	1
C12orf56	NA	NA	NA	12	62947030	63070612	-1
HMGA2	208025_s_at	0,418294195	0,096329504	12	64504507	64646338	1
IRAK3	213817_at	0,891293582	-0,013393907	12	64869284	64928652	1
GRIP1	214018_at	0,784010214	0,040842097	12	65029066	65359020	-1
IFNG	210354_at	0,935971845	0,018172531	12	66834817	66839788	-1
IL26	221111_at	0,869213727	0,018771529	12	66881396	66905838	-1
IL22	221165_s_at	0,255075699	0,158404881	12	66928292	66933548	-1
LYZ	213975_s_at	0,769690311	0,032402764	12	68028431	68034280	1
LRRC10	NA	NA	NA	12	68288611	68291209	-1
TSPAN8	203824_at	0,550948401	0,070793455	12	69805144	69838046	-1
LGR5	210393_at	0,662731743	0,063259408	12	70120080	70264889	1
TPH2	NA	NA	NA	12	70618893	70712488	1

KCNC2	NA	NA	NA	12	73720163	73889778	-1
CAPS2	NA	NA	NA	12	73957276	74070969	-1
GLIPR1L2	NA	NA	NA	12	74071156	74104087	1
PHLDA1	217998_at	0,072077047	0,332709847	12	74705494	74711823	-1
CSRP2	211126_s_at	0,159812702	0,290862154	12	75776627	75796930	-1
SYT1	203999_at	0,002108884	0,852477189	12	78135414	78368974	1
C12orf64	NA	NA	NA	12	79126114	79297001	1
MYF6	206372_at	0,16384289	0,318929304	12	79625577	79627382	1
MYF5	207424_at	0,458828408	0,071109323	12	79634839	79637578	1
LIN7A	206440_at	0,052699385	0,616682591	12	79715302	79855825	-1
ACSS3	219616_at	0,397555817	0,156762677	12	79995940	80173713	1
PPFIA2	206973_at	0,881343738	0,023796281	12	80177487	80677240	-1
SLC6A15	206376_at	0,590365203	0,064819167	12	83777398	83830705	-1
TSPAN19	NA	NA	NA	12	83932225	83954186	-1
LRRIQ1	NA	NA	NA	12	83954230	84163014	1
ALX1	206837_at	0,847386761	0,029411238	12	84198167	84219693	1
KITLG	216974_at	0,656870187	0,044396686	12	87410697	87498369	-1
C12orf12	NA	NA	NA	12	89870123	89873084	-1
EPYC	206439_at	0,539497312	-0,057705221	12	89881591	89922934	-1
KERA	220504_at	0,569483696	0,061627041	12	89968399	89976262	-1
LUM	201744_s_at	0,973443224	0,004145458	12	90021363	90029673	-1
DCN	211896_s_at	0,537546726	-1,054247844	12	90063166	90100937	-1
CLLU1OS	NA	NA	NA	12	91338001	91346055	-1
CLLU1	NA	NA	NA	12	91341866	91348861	1
C12orf74	NA	NA	NA	12	91620971	91626196	1
SOCS2	203373_at	0,010888435	3,017734789	12	92487729	92494109	1
NTN4	NA	NA	NA	12	94575714	94708667	-1
HAL	217521_at	0,534335812	-0,084784354	12	94891273	94914202	-1
C12orf63	NA	NA	NA	12	95565884	95683179	1
ANKS1B	219989_s_at	0,350936038	0,177778563	12	97653202	98902563	-1
FAM71C	NA	NA	NA	12	98565662	98567958	1
SLC17A8	NA	NA	NA	12	99275125	99339968	1
NR1H4	206340_at	0,314045485	0,130843053	12	99391810	99481774	1

GAS2L3	NA	NA	NA	12	99491620	99542821	1
ANO4	NA	NA	NA	12	99712716	100046539	1
SLC5A8	NA	NA	NA	12	100073402	100128120	-1
SPIC	NA	NA	NA	12	100394788	100404906	1
MYBPC1	214087_s_at	0,32166407	0,200868901	12	100512878	100603789	1
GNPTAB	212959_s_at	0,318774485	-0,621676095	12	100663408	100748763	-1
DRAM	218627_at	0,067706582	0,251306484	12	100795236	100841532	1
PMCH	206942_s_at	0,407357163	0,098231288	12	101114367	101115744	-1
IGF1	209542_x_at	0,084060323	0,571436275	12	101313806	101398454	-1
PAH	217583_at	0,551543613	-0,070287591	12	101756234	101835511	-1
ASCL1	209987_s_at	0,1627955	0,184808679	12	101875594	101878421	1
NT5DC3	218786_at	0,450897809	0,124595273	12	102690218	102758914	-1
GLT8D2	221447_s_at	0,264280909	0,162352088	12	102906895	102968045	-1
CHST11	219634_at	0,000194211	1,540590912	12	103370614	103676013	1
SLC41A2	NA	NA	NA	12	103722491	103846562	-1
C12orf45	NA	NA	NA	12	103904228	103912635	1
ALDH1L2	NA	NA	NA	12	103942332	104002366	-1
RFX4	NA	NA	NA	12	105501163	105680711	1
RIC8B	219446_at	0,004190592	0,770388052	12	105692529	105807224	1
MTERFD3	NA	NA	NA	12	105895199	105905059	-1
ASCL4	NA	NA	NA	12	106692292	106694545	1
WSCD2	NA	NA	NA	12	107047641	107168444	1
CMKLR1	210659_at	0,242985995	0,182917167	12	107209477	107257212	-1
TMEM119	NA	NA	NA	12	107507756	107515913	-1
DAO	206878_at	0,950245707	0,013362236	12	107797986	107818839	1
SVOP	NA	NA	NA	12	107828787	107856860	-1
ACACB	49452_at	0,380990589	0,17906377	12	108061585	108190414	1
MYO1H	NA	NA	NA	12	108310871	108370561	1
C12orf34	NA	NA	NA	12	108656955	108692682	1
TRPV4	219516_at	0,392324163	0,268692456	12	108705277	108755595	-1
C12orf76	NA	NA	NA	12	108963366	108989883	-1
ANAPC7	NA	NA	NA	12	109296332	109325815	-1
TCTN1	218584_at	0,079867394	0,285174369	12	109536263	109571318	1

CCDC63	NA	NA	NA	12	109769194	109829721	1
MYL2	209742_s_at	0,343804582	0,15425472	12	109833032	109842764	-1
CUX2	213920_at	0,545315768	-1,165376352	12	109956212	110272739	1
ALDH2	201425_at	0,277181962	-0,87023011	12	110688729	110732167	1
TRAFD1	202837_at	0,55602886	0,189196769	12	111047764	111075795	1
C12orf51	211034_s_at	0,019732139	0,453754428	12	111082494	111228421	-1
OAS3	218400_at	0,558328775	0,109329698	12	111860632	111895437	1
PLBD2	NA	NA	NA	12	112280761	112311584	1
SDS	205695_at	0,313194424	0,191421877	12	112314633	112326075	-1
SDSL	NA	NA	NA	12	112344599	112360464	1
TBX5	211886_s_at	0,134845649	0,214841733	12	113276118	113330630	-1
MAP1LC3B2	208785_s_at	0,220714	-0,46106782	12	115481569	115498808	1
TESC	218872_at	0,090916095	-0,750804475	12	115961111	116021634	-1
FBXO21	214891_at	0,094482429	0,26136895	12	116065968	116112683	-1
NOS1	207310_s_at	0,469322029	0,166083547	12	116135362	116283965	-1
KSR2	NA	NA	NA	12	116375222	116777724	-1
FLJ20674	220137_at	0,997359622	-0,000354397	12	116987864	117034763	-1
KIAA1853	NA	NA	NA	12	117903779	118085240	1
HSPB8	221667_s_at	0,838242822	-0,0261382	12	118100978	118116934	1
CCDC60	NA	NA	NA	12	118256900	118463235	1
PXN	211823_s_at	0,645698568	0,114920656	12	119132640	119187892	-1
CABP1	208320_at	0,441669225	-0,262329846	12	119562805	119589510	1
ACADS	202366_at	0,095655055	0,381784167	12	119648050	119662193	1
UNQ1887	NA	NA	NA	12	119685418	119826534	-1
HNF1A	210515_at	0,203601067	0,152198067	12	119900932	119924698	1
OASL	210797_s_at	0,090429766	0,389533088	12	119942478	119961163	-1
P2RX4	204088_at	0,069011755	1,616243637	12	120132047	120156292	1
KDM2B	NA	NA	NA	12	120351282	120503272	-1
MORN3	NA	NA	NA	12	120573676	120591943	-1
HPD	206024_at	0,153175051	0,15702662	12	120761816	120781152	-1
WDR66	NA	NA	NA	12	120840863	120926216	1
MLXIP	202519_at	0,552783808	-0,154363479	12	121177744	121194942	1
LRRC43	NA	NA	NA	12	121218219	121253971	1

IL31	NA	NA	NA	12	121222530	121224699	-1
B3GNT4	221240_s_at	0,36005488	0,151737111	12	121254181	121258037	1
NIACR1	205220_at	0,991494333	-0,002290432	12	121751793	121753857	-1
GPR81	NA	NA	NA	12	121778106	121781082	-1
PITPNM2	220719_at	0,788057928	0,053450986	12	122033980	122160928	-1
SBNO1	218737_at	0,29184733	-0,259808386	12	122346408	122400941	-1
SETD8	220200_s_at	0,071256108	-0,778511341	12	122434657	122459853	1
RILPL2	NA	NA	NA	12	122465889	122487217	-1
SNRNP35	205300_s_at	0,258168545	-0,14418941	12	122508604	122516894	1
RILPL1	NA	NA	NA	12	122522316	122584453	-1
TCTN2	206438_x_at	0,450130853	0,293802605	12	122721644	122758901	1
DNAH10	NA	NA	NA	12	122812995	122986220	1
FAM101A	NA	NA	NA	12	123339663	123366521	1
NCOR2	208888_s_at	0,340541381	0,243876595	12	123374914	123586102	-1
AACS	218434_s_at	0,485121706	0,552238028	12	124115878	124193824	1
TMEM132B	NA	NA	NA	12	124377115	124709542	1
GLT1D1	NA	NA	NA	12	127904034	128035462	1
TMEM132D	NA	NA	NA	12	128122224	128954166	-1
FZD10	219764_at	0,45981026	0,089131381	12	129212985	129216238	1
PIWIL1	214868_at	0,341997282	0,088521384	12	129388567	129422826	1
RIMBP2	215697_at	0,306717123	0,162499365	12	129446634	129568363	-1
GPR133	NA	NA	NA	12	130004790	130189786	1
MMP17	206234_s_at	0,235476883	0,220278262	12	130878894	130902272	1
ULK1	209333_at	0,1121007	0,295688459	12	130945232	130973649	1
EP400	212375_at	0,043993507	-0,254574175	12	131000461	131130958	1
GALNT9	NA	NA	NA	12	131246870	131256526	-1
P2RX2	221372_s_at	0,217445812	0,141590638	12	131705476	131709045	1
POLE	216026_s_at	0,123251171	-0,335404559	12	131710421	131774018	-1
PXMP2	219076_s_at	0,049181886	-0,371091567	12	131774265	131791650	1
PGAM5	NA	NA	NA	12	131797509	131805825	1
ZNF605	NA	NA	NA	12	132008120	132042941	-1
ZNF84	204453_at	0,991673319	-0,003496052	12	132124239	132146261	1
TPTE2	NA	NA	NA	13	18895017	19008903	-1

GJA3	208590_x_at	0,169788854	0,30747309	13	19610394	19633183	-1
GJB2	NA	NA	NA	13	19659605	19665114	-1
GJB6	NA	NA	NA	13	19694101	19703067	-1
IL17D	NA	NA	NA	13	20175482	20195237	1
XPO4	218479_s_at	0,399832277	-0,270164103	13	20249468	20374913	-1
LATS2	NA	NA	NA	13	20445175	20533722	-1
EFHA1	212410_at	0,020783295	-1,083866749	13	20964839	21076309	-1
SGCG	207302_at	0,798792482	-0,030229218	13	22653091	22797304	1
SACS	213262_at	0,367861738	-0,735438096	13	22800966	22840626	-1
TNFRSF19	NA	NA	NA	13	23042723	23148232	1
RP11-45B20.2	NA	NA	NA	13	23363428	23369125	-1
SPATA13	NA	NA	NA	13	23632887	23776048	1
C1QTNF9	NA	NA	NA	13	23781716	23794669	1
ATP12A	207367_at	0,874047401	0,029281888	13	24152695	24183918	1
PABPC3	208113_x_at	0,388096653	-0,161756764	13	24568276	24570705	1
ATP8A2	219659_at	0,192377821	0,228267997	13	24844209	25493420	1
CDK8	204831_at	0,193153801	-0,474324571	13	25726756	25876569	1
WASF3	204042_at	0,943157193	0,04109765	13	26029840	26161082	1
GSX1	NA	NA	NA	13	27264780	27266089	1
PDX1	210937_s_at	0,22943547	0,281952595	13	27392157	27397394	1
PRHOXNB	NA	NA	NA	13	27450243	27460774	-1
FLT3	206674_at	0,661085176	0,097449137	13	27475411	27572729	-1
PAN3	NA	NA	NA	13	27646417	27767472	1
C13orf33	NA	NA	NA	13	30378328	30397678	1
C13orf26	NA	NA	NA	13	30404834	30447153	1
B3GALTL	NA	NA	NA	13	30672112	30804413	1
FRY	214318_s_at	0,754289588	-0,036407163	13	31503437	31768776	1
KL	205978_at	0,794550357	0,024204013	13	32488571	32538279	1
SOHLH2	220129_at	0,272392594	1,155868846	13	35640354	35686676	-1
SPG20	212526_at	0,174517214	0,657018757	13	35773775	35818453	-1
C13orf36	NA	NA	NA	13	36146049	36169976	1
CSNK1A1L	NA	NA	NA	13	36575397	36577803	-1
FREM2	NA	NA	NA	13	38159173	38359268	1

STOML3	NA	NA	NA	13	38438062	38462983	-1
KIAA0564	214231_s_at	0,141566787	-0,250525958	13	41038961	41433221	-1
TNFSF11	211153_s_at	0,242969831	0,194853661	13	42043795	42080148	1
SERP2	NA	NA	NA	13	43845978	43869850	1
KCTD4	NA	NA	NA	13	44664988	44673175	-1
CPB2	206651_s_at	0,298174392	0,175188252	13	45525323	45577212	-1
HTR2A	207135_at	0,468789272	0,090892361	13	46305514	46368176	-1
P2RY5	218589_at	0,878192329	0,022728745	13	47883182	47887947	-1
CYSLTR2	220813_at	0,106377775	0,240271604	13	48178952	48181499	1
KCNRG	NA	NA	NA	13	49487391	49493059	1
DLEU7	NA	NA	NA	13	50184760	50315886	-1
FAM124A	NA	NA	NA	13	50694508	50753617	1
SERPINE3	NA	NA	NA	13	50813169	50834240	1
CCDC70	221167_s_at	0,503817061	0,089407203	13	51334118	51338373	1
UTP14C	203614_at	0,378324474	-0,3447121	13	51496828	51505702	1
NEK5	NA	NA	NA	13	51536899	51601215	-1
NEK3	211089_s_at	0,223501169	0,293777698	13	51604780	51631997	-1
LECT1	206309_at	0,779590478	0,039036063	13	52175400	52211948	-1
OLFM4	212768_s_at	0,295411421	0,103454458	13	52500973	52524193	1
PRR20	NA	NA	NA	13	56613053	56616074	1
PCDH17	205656_at	0,220539689	0,182195893	13	57103790	57201066	1
KLHL1	216391_s_at	0,3259239	0,181043101	13	69172726	69580460	-1
TBC1D4	203386_at	0,714924168	-0,409618225	13	74756810	74954251	-1
LMO7	202674_s_at	0,552584798	-0,346560162	13	75092571	75332003	1
KCTD12	212188_at	0,590283547	0,153460719	13	76352305	76358541	-1
SCEL	206884_s_at	0,390543304	-0,084793937	13	77007860	77116645	1
SLAIN1	NA	NA	NA	13	77170471	77236378	1
EDNRB	204271_s_at	0,054447005	0,295555117	13	77367617	77447665	-1
POU4F1	211341_at	0,963683131	0,007776608	13	78071228	78075696	-1
NDFIP2	NA	NA	NA	13	78953288	79026222	1
SPRY2	204011_at	0,434706873	0,069420932	13	79808112	79813087	-1
SLITRK1	NA	NA	NA	13	83349344	83354529	-1
GPC5	207174_at	0,721061131	-0,043701882	13	90848930	92317491	1

DCT	205338_s_at	0,284378133	0,185121447	13	93889836	93929924	-1
SOX21	208468_at	0,456791854	0,165232701	13	94159877	94162390	-1
DZIP1	204556_s_at	0,2809029	0,199046293	13	95028457	95094958	-1
UGCGL2	218801_at	0,059133605	0,486646544	13	95251835	95503638	-1
IPO5	211953_s_at	0,052611469	-1,266144403	13	97403930	97474551	1
FARP1	201910_at	0,037650337	0,572037459	13	97593435	97900024	1
RNF113B	NA	NA	NA	13	97626040	97627522	-1
GPR183	205419_at	0,472650299	-0,424784108	13	98744790	98757695	-1
ZIC5	NA	NA	NA	13	99413276	99422179	-1
ZIC2	NA	NA	NA	13	99432320	99437020	1
PCCA	203860_at	0,010967209	1,066633746	13	99539338	99980690	1
TMTC4	NA	NA	NA	13	100054091	100125104	-1
NALCN	NA	NA	NA	13	100504131	100866814	-1
FGF14	221310_at	0,939128963	0,011930092	13	101173036	101852125	-1
C13orf39	NA	NA	NA	13	102136098	102144855	-1
KDELC1	219479_at	0,158825923	1,227174742	13	102234632	102249358	-1
BIVM	NA	NA	NA	13	102249400	102291882	1
SLC10A2	207095_at	0,209869224	0,173598404	13	102494351	102517197	-1
DAOA	NA	NA	NA	13	104916365	104941384	1
FAM155A	214825_at	0,084620793	0,261588339	13	106618880	107317084	-1
MYO16	215119_at	0,479954028	0,086898553	13	108046501	108658356	1
COL4A1	211980_at	0,096292016	0,249384299	13	109599311	109757497	-1
COL4A2	211964_at	0,306588883	0,132486725	13	109757632	109963375	1
RAB20	219622_at	0,82064411	-0,045768807	13	109973414	110012072	-1
CARKD	217940_s_at	0,367202125	-0,777113613	13	110066009	110090344	1
C13orf16	NA	NA	NA	13	110771016	110794595	1
SOX1	208533_at	0,764669762	0,051443027	13	111769914	111774021	1
C13orf28	NA	NA	NA	13	112078670	112137002	1
C13orf35	NA	NA	NA	13	112349359	112386812	1
ATP11A	215842_s_at	0,563800012	-0,178043203	13	112392644	112589483	1
MCF2L	35147_at	0,147097675	0,20741371	13	112704069	112792498	1
F7	207300_s_at	0,189382202	0,375475928	13	112808106	112822996	1
F10	205620_at	0,734239269	0,061094372	13	112825114	112851844	1

GRTP1	206712_at	0,591857099	0,057769536	13	113026506	113066464	-1
ATP4B	207546_at	0,229066152	0,236995684	13	113351120	113360502	-1
GRK1	208041_at	0,861533015	0,023923721	13	113369595	113373975	1
GAS6	202177_at	0,063142484	0,857906268	13	113546913	113590396	1
FAM70B	NA	NA	NA	13	113599044	113651873	-1
OR11H12	NA	NA	NA	14	18447594	18448574	1
POTEG	NA	NA	NA	14	18623365	18654942	1
OR4Q3	NA	NA	NA	14	19285427	19286368	1
OR4M1	NA	NA	NA	14	19318322	19319263	1
OR4K5	NA	NA	NA	14	19458606	19459577	1
OR4K15	NA	NA	NA	14	19513518	19514564	1
OR4K14	NA	NA	NA	14	19552260	19553192	-1
OR4K13	NA	NA	NA	14	19571843	19572757	-1
OR4L1	NA	NA	NA	14	19598044	19598982	1
OR4K17	NA	NA	NA	14	19655406	19656437	1
OR11G2	NA	NA	NA	14	19735335	19736372	1
OR11H6	NA	NA	NA	14	19761709	19762701	1
OR11H4	NA	NA	NA	14	19780791	19781765	1
RNASE10	NA	NA	NA	14	20048471	20049121	1
RNASE11	NA	NA	NA	14	20120891	20128257	-1
RNASE12	NA	NA	NA	14	20128279	20128722	-1
OR6S1	NA	NA	NA	14	20178695	20179690	-1
FAM12A	208142_at	0,282915056	0,116779664	14	20283939	20286379	1
FAM12B	220759_at	0,436131569	0,077643051	14	20306426	20308947	1
RNASE6	213566_at	0,809598249	-0,031549626	14	20319050	20320466	1
RNASE1	201785_at	0,12706753	0,322245869	14	20339355	20340876	-1
RNASE3	206851_at	0,277761543	0,161390171	14	20429402	20430347	1
RNASE13	NA	NA	NA	14	20570819	20572784	-1
RNASE7	NA	NA	NA	14	20580225	20582232	1
RNASE8	NA	NA	NA	14	20595892	20596356	1
FLJ10357	58780_s_at	0,039109592	0,349174881	14	20608367	20627876	1
RPGRIP1	206608_s_at	0,470351522	0,093575869	14	20825976	20889300	1
CHD8	212571_at	0,002390072	-0,840610452	14	20923198	20975244	-1

SALL2	213283_s_at	0,027440909	0,456656926	14	21059071	21075177	-1
OR10G3	NA	NA	NA	14	21107774	21108715	-1
OR10G2	NA	NA	NA	14	21171906	21172838	-1
OR4E2	NA	NA	NA	14	21203137	21204078	1
CDH24	NA	NA	NA	14	22586709	22594875	-1
CEBPE	214523_at	0,507692123	0,147827833	14	22656355	22658314	-1
SLC22A17	218675_at	0,231030369	0,224799192	14	22885367	22891319	-1
EFS	204400_at	0,260698619	0,273746861	14	22895451	22904682	-1
IL25	220971_at	0,576117878	0,105444296	14	22911858	22915452	1
CMTM5	NA	NA	NA	14	22915857	22918821	1
MYH6	204737_s_at	0,43292946	0,118766263	14	22921039	22947322	-1
MYH7	216265_x_at	0,418972193	0,120933947	14	22951787	22974710	-1
JPH4	NA	NA	NA	14	23107087	23117834	-1
DHRS2	206463_s_at	0,209502779	0,188968863	14	23175422	23184688	1
LRRC16B	NA	NA	NA	14	23591046	23608777	1
CPNE6	215700_x_at	0,249419656	0,186386165	14	23610596	23617136	1
FITM1	NA	NA	NA	14	23670608	23671898	1
CIDEB	221188_s_at	0,082134121	0,550194266	14	23844233	23850416	-1
LTB4R	210128_s_at	0,298372586	0,213635577	14	23852357	23855992	1
KIAA1305	220911_s_at	0,225745065	0,127421112	14	23937832	23958334	1
CMA1	214533_at	0,178583787	0,23494362	14	24044552	24047311	-1
CTSG	205653_at	0,734724369	-0,033752179	14	24112564	24115306	-1
STXBP6	220995_at	0,106148944	0,278160369	14	24351133	24588935	-1
NOVA1	205794_s_at	0,746496961	0,047208053	14	25984929	26136800	-1
FOXG1	207658_s_at	0,249870277	0,158724406	14	28306038	28308622	1
PRKD1	217705_at	0,77381509	0,033392961	14	29115436	29466650	-1
HEATR5A	NA	NA	NA	14	30832103	30927932	-1
AKAP6	205359_at	0,115109664	0,272512766	14	31868274	32372018	1
EGLN3	219232_s_at	0,944672624	-0,007827386	14	33463172	33490035	-1
INSM2	NA	NA	NA	14	35072999	35076011	1
SFTA3	NA	NA	NA	14	36012244	36052741	-1
NKX2-1	211024_s_at	0,19329735	0,143644845	14	36055353	36059167	-1
NKX2-8	207451_at	0,443553146	0,198020014	14	36118967	36121537	-1

FOXA1	NA	NA	NA	14	37128940	37134240	-1
TTC6	NA	NA	NA	14	37334265	37381247	1
CLEC14A	NA	NA	NA	14	37793070	37795325	-1
LRFN5	NA	NA	NA	14	41147090	41443499	1
FSCB	NA	NA	NA	14	44043294	44046208	-1
C14orf28	NA	NA	NA	14	44436257	44446210	1
MDGA2	NA	NA	NA	14	46379045	46882145	-1
C14orf182	NA	NA	NA	14	49518180	49543988	-1
CDKL1	207766_at	0,773748768	-0,029907172	14	49866470	49932367	-1
ATL1	NA	NA	NA	14	50096500	50169141	1
ABHD12B	NA	NA	NA	14	50408628	50441438	1
PYGL	202990_at	0,434163005	0,140508393	14	50441687	50480984	-1
GNG2	NA	NA	NA	14	51396800	51506268	1
NID2	204114_at	0,767763501	0,0331709	14	51541270	51605696	-1
PTGDR	215894_at	0,840036092	0,026378473	14	51804181	51813192	1
PTGER2	206631_at	0,273723216	0,122266225	14	51850863	51865074	1
FERMT2	209209_s_at	0,22329942	0,191012359	14	52393743	52487460	-1
BMP4	211518_s_at	0,674293285	0,050771665	14	53486204	53493304	-1
SAMD4A	215495_s_at	0,272754788	0,273210189	14	54104387	54325595	1
TBPL2	NA	NA	NA	14	54950681	54977016	-1
PELI2	219132_at	0,222756956	0,471544439	14	55654846	55837784	1
OTX2	NA	NA	NA	14	56337178	56346937	-1
C14orf105	220084_at	0,968954308	0,004452971	14	57006348	57030323	-1
SLC35F4	NA	NA	NA	14	57100393	57133368	-1
TOMM20L	NA	NA	NA	14	57932385	57945172	1
GPR135	214503_x_at	0,196871732	0,168208529	14	58999993	59001812	-1
C14orf135	219972_s_at	0,213748352	-0,498987155	14	59628382	59671285	1
C14orf39	NA	NA	NA	14	59972428	60022502	-1
SIX6	207250_at	0,534452013	0,08137468	14	60045775	60048278	1
SIX1	205817_at	0,169452127	0,276730666	14	60182506	60185933	-1
TMEM30B	213285_at	0,606312489	0,094148369	14	60813841	60818283	-1
PRKCH	206099_at	0,882773522	-0,021709709	14	60858268	61087451	1
SYT16	NA	NA	NA	14	61532294	61638180	1

KCNH5	NA	NA	NA	14	62243698	62581708	-1
GPHB5	NA	NA	NA	14	62849395	62854316	-1
PLEKHG3	212823_s_at	0,4923156	0,134690726	14	64240946	64280813	1
SPTB	208416_s_at	0,224888155	0,238906259	14	64282754	64359619	-1
RAB15	59697_at	0,268247173	0,274913017	14	64482287	64508551	-1
PLEK2	218644_at	0,476602294	0,082298429	14	66923453	66948581	-1
C14orf83	NA	NA	NA	14	67006736	67051774	-1
PLEKHH1	NA	NA	NA	14	67069761	67126008	1
EXD2	218363_at	0,001561949	0,615260438	14	68746231	68778825	1
GALNTL1	NA	NA	NA	14	68796668	68890936	1
SLC10A1	207185_at	0,043676452	0,377184043	14	69312305	69333707	-1
SLC8A3	NA	NA	NA	14	69580687	69725540	-1
SYNJ2BP	219156_at	0,080372755	0,381610013	14	69902966	69953560	-1
ADAM21	207665_at	0,18355581	0,20537514	14	69993970	69996375	1
ADAM20	207423_s_at	0,537760248	0,11046194	14	70058831	70071485	-1
PCNX	213159_at	0,558402958	-0,166706476	14	70443875	70651852	1
SIPA1L1	202255_s_at	0,120688615	0,396530015	14	71065795	71275875	1
RGS6	214538_x_at	0,044342297	0,467690376	14	71469539	72102991	1
PAPLN	NA	NA	NA	14	72773958	72811101	1
ACOT4	NA	NA	NA	14	73128163	73132223	1
ACOT6	NA	NA	NA	14	73153301	73156345	1
C14orf45	220173_at	0,556987786	0,072297973	14	73586210	73602548	1
VSX2	NA	NA	NA	14	73775928	73799194	1
C14orf115	220536_at	0,431235129	0,115055057	14	73884919	73896464	1
TMEM90A	NA	NA	NA	14	73942349	73962558	-1
LTBP2	204682_at	0,191664951	0,171118184	14	74034639	74148787	-1
PROX2	NA	NA	NA	14	74391588	74400290	-1
RPS6KL1	NA	NA	NA	14	74442099	74458898	-1
PGF	215179_x_at	0,693436067	-0,075539812	14	74478290	74492044	-1
MLH3	217216_x_at	0,362272887	0,164508762	14	74550220	74587988	-1
FLVCR2	219316_s_at	0,730303852	0,051925067	14	75114745	75184263	1
ESRRB	NA	NA	NA	14	75907479	76036961	1
C14orf166B	NA	NA	NA	14	76362630	76406302	1

ZDHC22	NA	NA	NA	14	76667366	76677887	-1
TMEM63C	NA	NA	NA	14	76717923	76795591	1
NGB	220337_at	0,788792026	0,076526554	14	76801587	76807408	-1
C14orf148	NA	NA	NA	14	76942749	76958985	-1
ISM2	NA	NA	NA	14	77010490	77034912	-1
STON2	NA	NA	NA	14	80806662	80934680	-1
FLRT2	204359_at	0,592546028	0,082041992	14	85066241	85164023	1
GPR65	214467_at	0,000776903	-1,924746918	14	87541249	87548168	1
KCNK10	220727_at	0,171133195	0,306633776	14	87720993	87863004	-1
SPATA7	219583_s_at	0,539941128	0,069022639	14	87921765	87974557	1
EML5	NA	NA	NA	14	88150954	88328910	-1
TTC8	NA	NA	NA	14	88360731	88414088	1
KCNK13	221325_at	0,799909305	0,034095305	14	89597861	89721948	1
TTC7B	NA	NA	NA	14	90076685	90352514	-1
GPR68	211249_at	0,570998432	0,139606581	14	90768629	90789977	-1
CATSPERB	220293_at	0,973635856	0,005807006	14	91116871	91268166	-1
FBLN5	203088_at	0,54046505	-0,06470884	14	91405508	91483788	-1
SLC24A4	NA	NA	NA	14	91858678	92032349	1
RIN3	60471_at	0,244090682	0,247403445	14	92049878	92225089	1
CHGA	204697_s_at	0,11612008	0,182823531	14	92459198	92471391	1
PRIMA1	NA	NA	NA	14	93254397	93324519	-1
FAM181A	NA	NA	NA	14	93455011	93465697	1
C14orf48	NA	NA	NA	14	93533395	93544962	1
OTUB2	219369_s_at	0,220956798	0,271289321	14	93562477	93585029	1
IFI27	202411_at	0,688607586	0,078589499	14	93646832	93652786	1
PPP4R4	220673_s_at	0,733820137	0,048204602	14	93710402	93815825	1
SERPINA10	220626_at	0,699164934	0,037673576	14	93819403	93829349	-1
SERPINA6	206325_at	0,160115232	0,183686098	14	93840338	93859441	-1
SERPINA1	211429_s_at	0,103131211	0,300416022	14	93914451	93926782	-1
SERPINA11	NA	NA	NA	14	93978554	93988875	-1
SERPINA12	NA	NA	NA	14	94023373	94053934	-1
SERPINA4	213874_at	0,47521042	0,163744654	14	94097536	94105996	1
SERPINA5	209443_at	0,234897551	0,172356521	14	94117564	94129205	1

SERPINA3	202376_at	0,46860543	0,137148169	14	94148467	94160143	1
SERPINA13	NA	NA	NA	14	94176815	94183084	1
CLMN	221042_s_at	0,710227513	-0,051641979	14	94727618	94855955	-1
C14orf49	221101_at	0,189821995	0,157056243	14	94953584	95011926	-1
TCL6	219840_s_at	0,024573125	-0,429290861	14	95187268	95209542	1
TCL1B	206413_s_at	0,440009702	-0,832516095	14	95222516	95228720	1
BDKRB2	205870_at	0,329342553	0,158863984	14	95740950	95780542	1
BDKRB1	207510_at	0,269694394	0,24073591	14	95792312	95800853	1
AK7	NA	NA	NA	14	95928201	96024865	1
C14orf177	NA	NA	NA	14	98247703	98253850	1
BCL11B	219528_s_at	0,296814436	0,342715479	14	98705377	98807575	-1
HHIPL1	NA	NA	NA	14	99181233	99205364	1
CYP46A1	220331_at	0,445318467	0,182696285	14	99220508	99263391	1
EML1	204797_s_at	0,40367981	0,158381851	14	99329498	99478150	1
DEGS2	NA	NA	NA	14	99682509	99695712	-1
SLC25A29	NA	NA	NA	14	99827206	99842613	-1
C14orf68	NA	NA	NA	14	99859432	99866468	1
BEGAIN	220795_s_at	0,87147408	-0,022167397	14	100073240	100105884	-1
DLK1	209560_s_at	0,267176661	0,178864371	14	100263006	100271213	1
DIO3	207154_at	0,102680628	0,226280328	14	101097441	101099542	1
RAGE	205130_at	0,320624254	0,189992963	14	101764931	101841284	-1
ANKRD9	NA	NA	NA	14	102042951	102045881	-1
AMN	220989_s_at	0,1532008	0,317074523	14	102458747	102467282	1
CDC42BPB	217849_s_at	0,002426301	0,604040372	14	102468469	102593495	-1
C14orf73	NA	NA	NA	14	102636234	102646649	1
TNFAIP2	202510_s_at	0,8482977	-0,035500476	14	102662417	102673529	1
KLC1	212877_at	0,000229962	-1,715738154	14	103165278	103237641	1
TDRD9	NA	NA	NA	14	103506687	103588755	1
ASPG	NA	NA	NA	14	103621801	103648678	1
KIF26A	NA	NA	NA	14	103674813	103716988	1
C14orf180	NA	NA	NA	14	104117101	104127228	1
TMEM179	NA	NA	NA	14	104131465	104142142	-1
INF2	218144_s_at	0,985405015	-0,002018681	14	104226988	104256992	1

AKT1	207163_s_at	0,046023545	-0,685039814	14	104306731	104333125	-1
KIAA0284	213242_x_at	0,074118018	0,28660927	14	104402699	104434132	1
AHNAK2	212992_at	0,514593044	0,074395883	14	104474636	104515739	-1
C14orf79	213512_at	0,265126837	0,151238326	14	104523661	104532900	1
JAG2	209784_s_at	0,619744725	0,101577708	14	104679121	104706206	-1
NUDT14	NA	NA	NA	14	104710321	104718685	-1
BRF1	215676_at	0,466920145	0,082909267	14	104746668	104785267	-1
BTBD6	NA	NA	NA	14	104786053	104788474	1
PACS2	212778_at	0,36989498	0,210978389	14	104852126	104935529	1
MTA1	211783_s_at	0,015436304	-1,735844191	14	104957231	105008107	1
CRIP2	208978_at	0,254542984	0,258741338	14	105012176	105017545	1
CRIP1	205081_at	0,157016808	-1,580646827	14	105024594	105026171	1
C14orf80	NA	NA	NA	14	105028749	105036610	1
TMEM121	219663_s_at	0,197566485	0,211064073	14	105063998	105067584	1
POTEB	NA	NA	NA	15	19305253	19336667	-1
OR4N4	NA	NA	NA	15	19883837	19884787	1
LOC283767	NA	NA	NA	15	20287610	20296164	1
CYFIP1	208923_at	6,78E-05	2,42563626	15	20444125	20555044	1
NIPA1	NA	NA	NA	15	20594720	20637877	-1
GOLGA8E	222149_x_at	0,360437451	0,356823592	15	20986537	20999861	1
MAGEL2	NA	NA	NA	15	21439789	21442268	-1
NDN	209550_at	0,135098859	1,291020266	15	21481647	21483543	-1
C15orf2	221300_at	0,769837048	-0,054695267	15	22471634	22479686	1
ATP10A	214255_at	0,31825399	0,152913898	15	23474952	23659442	-1
GABRB3	205850_s_at	0,776592882	0,052461614	15	24339786	24570020	-1
GABRA5	215531_s_at	0,080557568	0,22513898	15	24663151	24679797	1
OCA2	206498_at	0,445091718	0,139349398	15	25673616	26018053	-1
GOLGA8G	NA	NA	NA	15	26563798	26577158	-1
APBA2	209870_s_at	0,021863297	1,264949672	15	27001145	27197807	1
TJP1	214168_s_at	0,089306828	0,755971482	15	27779648	27901998	-1
TRPM1	206479_at	0,551429765	0,067761255	15	29080829	29181216	-1
CHRNA7	NA	NA	NA	15	30110018	30248541	1
GREM1	218469_at	0,547209684	0,064214985	15	30797497	30814158	1

FMN1	NA	NA	NA	15	30853637	31147377	-1
RYR3	206306_at	0,891497566	-0,017349291	15	31390469	31945595	1
CHRM5	221347_at	0,736770089	0,05381327	15	32097720	32144579	1
GOLGA8A	208797_s_at	0,14175854	0,479807067	15	32458561	32487180	-1
GOLGA8B	NA	NA	NA	15	32604588	32613203	-1
GJD2	221407_at	0,717132164	0,064971772	15	32831971	32833981	-1
ACTC1	205132_at	0,223144954	-0,172324656	15	32867589	32875219	-1
RPL36AP8	NA	NA	NA	15	33022542	33022953	1
C15orf41	NA	NA	NA	15	34720098	34889739	1
TMCO5A	NA	NA	NA	15	36014749	36030915	1
C15orf53	NA	NA	NA	15	36776091	36779531	1
C15orf54	NA	NA	NA	15	37330211	37334340	1
THBS1	201107_s_at	0,112801061	0,298681095	15	37660572	37676960	1
GPR176	206673_at	0,975757715	-0,006164018	15	37880223	38000385	-1
EIF2AK4	NA	NA	NA	15	38013639	38115089	1
PAK6	219461_at	0,320624254	-0,122735662	15	38319368	38356979	1
C15orf56	NA	NA	NA	15	38330160	38332402	-1
C15orf52	NA	NA	NA	15	38410945	38420460	-1
DISP2	NA	NA	NA	15	38437726	38450548	1
CHST14	NA	NA	NA	15	38550505	38552646	1
PPP1R14D	220082_at	0,23169718	0,171528151	15	38894943	38908199	-1
SPINT1	202826_at	0,983241224	0,004987044	15	38923538	38937145	1
RHOV	NA	NA	NA	15	38952194	38953731	-1
DLL4	NA	NA	NA	15	39008839	39018529	1
ITPKA	205874_at	0,285591132	0,176109314	15	39573414	39583039	1
LTK	207106_s_at	0,223921354	0,175700216	15	39583132	39593369	-1
TYRO3	211431_s_at	0,561698487	0,084563365	15	39638524	39658818	1
MGA	212945_s_at	0,216929312	-0,279273398	15	39739902	39849433	1
SPTBN5	220067_at	0,657963168	-0,056378744	15	39927636	39973567	-1
PLA2G4E	NA	NA	NA	15	40063244	40089737	-1
PLA2G4D	NA	NA	NA	15	40147173	40174044	-1
PLA2G4F	NA	NA	NA	15	40220688	40236102	-1
CAPN3	210944_s_at	0,010456312	0,390385395	15	40427593	40491807	1

CDAN1	NA	NA	NA	15	40803052	40816709	-1
CCNDBP1	NA	NA	NA	15	41264832	41274688	1
EPB42	210746_s_at	0,333459467	0,152848221	15	41276720	41300773	-1
TGM5	207911_s_at	0,514241289	0,124469502	15	41312667	41346347	-1
TGM7	NA	NA	NA	15	41355771	41381745	-1
STRC	217588_at	0,328825289	0,189898414	15	41679053	41698290	-1
FRMD5	NA	NA	NA	15	41953022	42274721	-1
C15orf43	NA	NA	NA	15	43036192	43058713	1
DUOX2	219727_at	0,179645258	0,14759497	15	43172144	43193651	-1
DUOXA2	NA	NA	NA	15	43193816	43197596	1
DUOXA1	NA	NA	NA	15	43196977	43209349	-1
SLC28A2	207249_s_at	0,408879208	0,148899099	15	43331726	43355425	1
GATM	203178_at	0,211122251	-1,319187742	15	43440614	43458272	-1
C15orf48	NA	NA	NA	15	43510055	43512939	1
C15orf21	NA	NA	NA	15	43590626	43636220	1
SQRDL	217995_at	0,009207777	1,100776011	15	43714548	43770771	1
FBN1	202766_s_at	0,077332718	0,404956093	15	46487797	46725210	-1
SHC4	NA	NA	NA	15	46903226	47042933	-1
SECISBP2L	212450_at	0,17698386	0,759092569	15	47068259	47125922	-1
FGF7	205782_at	0,899953895	-0,025103837	15	47502751	47566815	1
ATP8B4	220416_at	0,531556618	0,079546857	15	47937727	48198711	-1
SLC27A2	205769_at	0,346986238	0,085844226	15	48261714	48315862	1
HDC	207067_s_at	0,319866507	0,177290188	15	48321436	48345218	-1
USP50	NA	NA	NA	15	48580051	48626194	-1
TNFAIP8L3	NA	NA	NA	15	49136090	49184765	-1
CYP19A1	203475_at	0,374034171	0,120459131	15	49288961	49418086	-1
GLDN	NA	NA	NA	15	49421005	49487502	1
SCG3	219196_at	0,771509241	0,033222823	15	49760842	49800515	1
LYSMD2	NA	NA	NA	15	49802553	49817608	-1
BCL2L10	221320_at	0,427577544	0,10048437	15	50189114	50192264	-1
MYO5C	218966_at	0,725501155	-0,09701695	15	50271811	50375262	-1
ONECUT1	210745_at	0,35482629	0,121672323	15	50836645	50869501	-1
WDR72	NA	NA	NA	15	51593230	51839151	-1

UNC13C	NA	NA	NA	15	52092393	52708098	1
DYX1C1	NA	NA	NA	15	53497245	53587724	-1
PRTG	NA	NA	NA	15	53698888	53822469	-1
RFX7	218430_s_at	0,339873685	-0,57817924	15	54170023	54322775	-1
CGNL1	NA	NA	NA	15	55455997	55630213	1
GCOM1	212241_at	0,764669762	-0,107375814	15	55671406	55797045	1
ALDH1A2	207015_s_at	0,750249809	-0,053052228	15	56032919	56145198	-1
AQP9	205568_at	0,140265316	0,168269481	15	56217700	56265402	1
LIPC	206606_at	0,151639357	0,218527083	15	56511467	56648364	1
LDHAL6B	210712_at	0,586504782	0,064677073	15	57286334	57288006	1
GCNT3	219508_at	0,272392594	-0,10766471	15	57696080	57699494	1
FOXB1	208513_at	0,481011236	0,10563459	15	58083713	58085434	1
ANXA2	213503_x_at	0,097392382	1,987879301	15	58426642	58477477	-1
FAM148B	NA	NA	NA	15	60243029	60244774	-1
TLN2	212701_at	0,091412404	0,30023883	15	60726802	60923883	1
TPM1	206117_at	0,415131444	0,095810117	15	61121891	61151167	1
LACTB	NA	NA	NA	15	61201085	61221313	1
FBXL22	NA	NA	NA	15	61676649	61681680	1
DAPK2	206324_s_at	0,055011293	0,258083283	15	61986288	62125574	-1
CSNK1G1	220640_at	0,254751706	0,148319471	15	62244769	62435495	-1
ZNF609	212617_at	0,258463212	-0,178277349	15	62578672	62765320	1
RBPM52	NA	NA	NA	15	62819146	62854823	-1
MTFMT	NA	NA	NA	15	63081901	63109018	-1
OSTbeta	NA	NA	NA	15	63129366	63132592	1
RASL12	219167_at	0,159277514	0,195966517	15	63132728	63147441	-1
hCG_1645727	NA	NA	NA	15	63156207	63157583	1
CILP	206227_at	0,07615566	0,236351299	15	63275397	63290864	-1
IGDCC3	NA	NA	NA	15	63406518	63457431	-1
IGDCC4	NA	NA	NA	15	63460878	63502463	-1
SLC24A1	210421_s_at	0,159875303	0,207633227	15	63701323	63735652	1
MEGF11	NA	NA	NA	15	63974693	64333129	-1
LCTL	NA	NA	NA	15	64627590	64644889	-1
LBXCOR1	NA	NA	NA	15	65904995	65913228	1

ITGA11	NA	NA	NA	15	66381096	66511546	-1
NOX5	220641_at	0,156628362	0,260439456	15	67009918	67136127	1
SPESP1	NA	NA	NA	15	67009919	67026202	1
GLCE	213552_at	0,633792741	-0,072137647	15	67240027	67351598	1
PAQR5	220333_at	0,774562855	0,027268268	15	67378348	67487030	1
UACA	NA	NA	NA	15	68733947	68842904	-1
LARP6	218651_s_at	0,170233281	0,191032046	15	68910943	68933552	-1
THAP10	219596_at	0,223769559	0,301821694	15	68960735	68971807	-1
LRRC49	219338_s_at	0,531928363	0,119363397	15	68972041	69129490	1
LOC196993	214418_at	0,818475308	0,024135877	15	69189637	69194893	-1
THSD4	219153_s_at	0,366379583	0,155163443	15	69220842	69862776	1
RPL17P39	NA	NA	NA	15	69420500	69421162	-1
NR2E3	208385_at	0,233391707	0,294318733	15	69889948	69897654	1
GRAMD2	NA	NA	NA	15	70239202	70277180	-1
BRUNOL6	NA	NA	NA	15	70364123	70399579	-1
TMEM202	NA	NA	NA	15	70477722	70487762	1
GOLGA6B	207575_at	0,733047565	0,057597782	15	70734092	70746791	1
HCN4	206946_at	0,188489567	0,214239717	15	71400988	71448230	-1
C15orf60	NA	NA	NA	15	71522552	71639407	1
NPTN	216783_at	0,709779401	0,04340171	15	71639410	71712806	-1
CD276	NA	NA	NA	15	71763675	71793912	1
C15orf59	NA	NA	NA	15	71819194	71830869	-1
LOXL1	203570_at	0,803660301	0,031558932	15	72005842	72031531	1
GOLGA6	NA	NA	NA	15	72149251	72161944	-1
ISLR2	NA	NA	NA	15	72209998	72216196	1
ISLR	207191_s_at	0,10757743	0,250421699	15	72253140	72256265	1
STRA6	221701_s_at	0,07867981	0,282807055	15	72258860	72282245	-1
CCDC33	220908_at	0,686536179	0,044573865	15	72315720	72415535	1
SEMA7A	210083_at	0,195906647	0,163999766	15	72489376	72513329	-1
CLK3	202140_s_at	0,710445098	-0,100949925	15	72687766	72709511	1
CYP1A1	205749_at	0,462987641	0,149506634	15	72798943	72804930	-1
CYP1A2	207608_x_at	0,475843295	0,093927664	15	72828237	72835994	1
LMAN1L	220420_at	0,160706898	0,536106849	15	72892247	72905152	1

SCAMP5	212699_at	0,341489974	0,20133247	15	73074954	73100889	1
CSPG4	204736_s_at	0,882735195	0,025911457	15	73753718	73792244	-1
ODF3L1	NA	NA	NA	15	73803374	73807082	1
NRG4	NA	NA	NA	15	74022899	74091842	-1
C15orf27	NA	NA	NA	15	74139354	74284359	1
SCAPER	216399_s_at	0,134235499	0,4027408	15	74427592	74963247	-1
PSTPIP1	211178_s_at	0,503596482	-0,067063715	15	75074609	75116726	1
SGK269	220008_at	0,064045694	0,323349557	15	75187526	75364388	-1
LINGO1	NA	NA	NA	15	75692424	75711764	-1
TBC1D2B	212796_s_at	0,091303736	-0,535730655	15	76074383	76156912	-1
SH2D7	NA	NA	NA	15	76171982	76183448	1
CIB2	205008_s_at	0,271290818	0,282366205	15	76184046	76210933	-1
ACSBG1	206465_at	0,121879668	0,204016754	15	76250242	76313954	-1
DNAJA4	NA	NA	NA	15	76343551	76361591	1
CRABP1	205350_at	0,526802857	0,083492895	15	76419750	76427622	1
CHRNA5	206533_at	0,031389354	0,671191182	15	76644961	76673515	1
CHRNA3	211587_x_at	0,097125044	0,339468125	15	76674706	76700377	-1
CHRN4	207516_at	0,461252602	0,096447799	15	76703691	76720642	-1
ADAMTS7	220705_s_at	0,212243852	0,372515329	15	76838600	76890828	-1
BCL2A1	205681_at	0,072211335	-1,124037076	15	78040290	78050698	-1
FAH	202862_at	0,225188605	0,462118142	15	78232396	78265737	1
ARNT2	202986_at	0,217528705	0,179173871	15	78483747	78677333	1
KIAA1199	212942_s_at	0,845159387	0,032866888	15	78858767	79031054	1
C15orf26	NA	NA	NA	15	79213699	79228571	1
LOC440295	213212_x_at	0,589272971	0,097458634	15	80509240	80518642	1
CPEB1	219578_s_at	0,645734591	0,047643371	15	81009006	81113783	-1
AP3B2	205678_at	0,711396287	0,05678815	15	81125088	81175689	-1
HOMER2	217080_s_at	0,091675738	0,248915963	15	81314789	81412477	-1
TM6SF1	219892_at	0,864883593	0,033965249	15	81567384	81596680	1
BNC1	206581_at	0,743630251	0,04267394	15	81715659	81744472	-1
SH3GL3	205637_s_at	0,39227051	0,145475569	15	81907287	82078495	1
ADAMTSL3	213974_at	0,792780122	-0,043025189	15	82113842	82499598	1
WDR73	213031_s_at	0,567249081	0,16225132	15	82987003	82998525	-1

NMB	205204_at	0,241183105	0,256351216	15	82999364	83002806	-1
ALPK3	214846_s_at	0,633792741	0,078062342	15	83160915	83217714	1
SLC28A1	207560_at	0,136569917	0,347022299	15	83228917	83290033	1
PDE8A	212522_at	0,468895768	-0,431821195	15	83326209	83483377	1
AGBL1	NA	NA	NA	15	84486246	85373287	1
NTRK3	215025_at	0,016050559	0,364550223	15	86220992	86600665	-1
DET1	219641_at	0,998459962	0,001326887	15	86856718	86890888	-1
HAPLN3	NA	NA	NA	15	87221523	87239774	-1
RLBP1	206154_at	0,492782429	0,102669066	15	87554102	87565926	-1
RHCG	219554_at	0,470620217	0,106213421	15	87815642	87840803	-1
KIF7	NA	NA	NA	15	87972211	87992578	-1
PLIN	205913_at	0,423763491	0,119342496	15	88008602	88023595	-1
PEX11A	205160_at	0,176903437	0,182746919	15	88027288	88034962	-1
WDR93	NA	NA	NA	15	88035032	88087873	1
MESP1	NA	NA	NA	15	88094110	88095552	-1
MESP2	NA	NA	NA	15	88120593	88122989	1
ANPEP	202888_s_at	0,370241946	0,09068835	15	88129130	88159076	-1
C15orf38	217548_at	0,271290818	0,131004209	15	88244836	88257163	-1
IDH2	210046_s_at	0,118264695	-1,91033212	15	88428214	88446712	-1
CIB1	201953_at	0,28903094	0,355045348	15	88574481	88578168	-1
C15orf58	NA	NA	NA	15	88578491	88586316	1
TTLL13	NA	NA	NA	15	88593768	88603316	1
ZNF774	NA	NA	NA	15	88696481	88705719	1
CRTC3	218648_at	0,392446826	0,472569378	15	88874202	88989581	1
FURIN	201945_at	0,082175106	0,246049233	15	89212889	89227691	1
FES	205418_at	0,184393521	0,380963071	15	89228713	89240010	1
MAN2A2	202032_s_at	0,021978174	0,758019242	15	89248424	89266819	1
SV2B	205551_at	0,822025773	-0,035820753	15	89570107	89639654	1
C15orf32	NA	NA	NA	15	90815911	90845351	1
FAM174B	51158_at	0,03731998	0,254149541	15	90961682	91000035	-1
RGMA	NA	NA	NA	15	91387641	91433437	-1
MCTP2	220603_s_at	0,005405666	-0,875292091	15	92642499	92823267	1
SPATA8	NA	NA	NA	15	95127680	95129849	1

ARRDC4	NA	NA	NA	15	96304947	96318064	1
FAM169B	NA	NA	NA	15	96797914	96875134	-1
LOC145814	NA	NA	NA	15	97329032	97366314	-1
SYNM	212730_at	0,052699385	0,338557484	15	97462809	97493323	1
LYSMD4	NA	NA	NA	15	98085133	98091149	-1
LASS3	NA	NA	NA	15	98758123	98902448	-1
ALDH1A3	203180_at	0,445461749	0,101929481	15	99237532	99274354	1
PCSK6	211262_at	0,24599818	0,129795787	15	99661656	99847710	-1
TARSL2	NA	NA	NA	15	100011478	100082168	-1
OR4F6	NA	NA	NA	15	100163446	100164384	1
OR4F15	NA	NA	NA	15	100175913	100176851	1
	NA	NA	NA	15 NT_113925.1	69046	80406	1
RHBDF1	218686_s_at	0,29146559	0,160213649	16	48058	62591	-1
MPG	203686_at	0,540991953	0,211020157	16	67018	75845	1
C16orf35	210672_s_at	0,292254207	-0,291097175	16	75800	128672	-1
HBZ	206647_at	0,65995849	0,086835397	16	142854	144504	1
HBM	NA	NA	NA	16	155973	156767	1
HBA2	204018_x_at	0,141566787	0,247161276	16	162875	163708	1
HBA1	NA	NA	NA	16	166679	167520	1
HBQ1	220807_at	0,139558487	0,321679213	16	170335	171178	1
RGS11	206107_at	0,617290026	0,086841372	16	258311	265915	-1
ARHGDIG	206888_s_at	0,404220905	0,146467945	16	270607	273004	1
PDIA2	206691_s_at	0,206111398	0,247601317	16	273119	277210	1
AXIN1	212849_at	0,938095758	-0,015953918	16	277441	342465	-1
NME4	212739_s_at	0,121535028	1,88177291	16	387193	390755	1
RAB11FIP3	203933_at	0,774036659	0,048975748	16	415669	512482	1
C16orf11	NA	NA	NA	16	550423	555530	1
FLJ36208	NA	NA	NA	16	557033	559496	1
PIGQ	204144_s_at	0,258930126	0,200372808	16	560005	574110	1
WFIKKN1	NA	NA	NA	16	621013	624117	1
FBXL16	NA	NA	NA	16	682503	695809	-1
METRN	219051_x_at	0,216929312	0,736281485	16	705174	707481	1
FAM173A	219709_x_at	0,047552576	0,65625138	16	711159	712591	1

CCDC78	NA	NA	NA	16	712583	716460	-1
HAGHL	NA	NA	NA	16	716959	719716	1
NARFL	218742_at	0,53610867	0,103671639	16	719768	730998	-1
MSLN	204885_s_at	0,23767293	0,142368951	16	751134	758866	1
MSLNL	NA	NA	NA	16	759429	772927	-1
RPUSD1	NA	NA	NA	16	774975	778384	-1
CHTF18	NA	NA	NA	16	778623	788075	1
GNG13	220806_x_at	0,740166809	0,037932462	16	788042	790734	-1
LOC388199	NA	NA	NA	16	795444	803862	1
LMF1	219135_s_at	0,022899939	0,586268441	16	843635	960985	-1
SOX8	NA	NA	NA	16	971809	976980	1
SSTR5	214555_at	0,411353451	0,127727083	16	1068870	1069964	1
C1QTNF8	NA	NA	NA	16	1078227	1086245	-1
CACNA1H	205845_at	0,201901292	0,170285423	16	1143242	1211773	1
TPSG1	220339_s_at	0,046354464	0,304145562	16	1211652	1215255	-1
TPSB2	207134_x_at	0,255075699	0,231136985	16	1218337	1220186	-1
TPSAB1	NA	NA	NA	16	1230679	1232556	1
TPSD1	214568_at	0,42833729	0,084998588	16	1246274	1248495	1
BAIAP3	204874_x_at	0,18398338	0,198058754	16	1324664	1339443	1
C16orf91	NA	NA	NA	16	1409945	1419346	-1
TMEM204	219315_s_at	0,598456288	0,126502092	16	1524232	1545244	1
IGFALS	215712_s_at	0,82104494	0,038047958	16	1780420	1783710	-1
C16orf73	NA	NA	NA	16	1823990	1850456	-1
HS3ST6	NA	NA	NA	16	1901465	1908232	-1
SEPX1	217977_at	0,450360565	0,198795416	16	1928235	1933295	-1
NDUFB10	NA	NA	NA	16	1949520	1951977	1
SLC9A3R2	209830_s_at	0,271003387	0,178906883	16	2016930	2028484	1
RAB26	219562_at	0,097571126	0,54106526	16	2138652	2144142	1
DNASE1L2	207192_at	0,73048543	0,056095657	16	2226469	2228713	1
DCI	209759_s_at	0,052699385	0,747595822	16	2229897	2241604	-1
NTN3	207640_x_at	0,856375903	0,039133927	16	2461501	2464147	1
TBC1D24	NA	NA	NA	16	2465148	2493500	1
ATP6V0C	36994_at	0,113583535	0,294310728	16	2503954	2510220	1

AMDHD2	219082_at	0,765262131	0,102807368	16	2510428	2519733	1
PRSS27	NA	NA	NA	16	2702424	2710553	-1
PRSS33	NA	NA	NA	16	2773955	2776709	-1
PRSS21	220051_at	0,310179059	0,142537675	16	2807165	2811721	1
ZG16B	NA	NA	NA	16	2820174	2822286	1
PRSS22	205847_at	0,125218391	0,311477586	16	2842729	2848172	-1
FLYWCH2	NA	NA	NA	16	2873319	2889357	1
FLYWCH1	NA	NA	NA	16	2901981	2941210	1
KREMEN2	219692_at	0,612971094	-0,215128478	16	2954218	2958382	1
CLDN9	214635_at	0,202940735	0,341884603	16	3002207	3004507	1
CLDN6	208474_at	0,188224419	0,225860828	16	3004714	3008189	-1
TNFRSF12A	218368_s_at	0,893361221	0,014134723	16	3010361	3012385	1
HCFC1R1	218537_at	0,545901786	0,178744076	16	3012627	3014288	-1
THOC6	218848_at	0,301710537	-0,363776632	16	3014094	3017752	1
CCDC64B	NA	NA	NA	16	3017869	3025543	-1
MMP25	207890_s_at	0,858983715	-0,035357964	16	3036683	3050728	1
IL32	203828_s_at	0,263685039	0,401849569	16	3055314	3059669	1
ZSCAN10	NA	NA	NA	16	3078896	3082862	-1
OR1F1	221402_at	0,23622042	0,159583211	16	3194248	3195186	1
OR2C1	221460_at	0,938212695	-0,018168247	16	3345890	3346925	1
C16orf90	NA	NA	NA	16	3483485	3485422	-1
CLUAP1	204577_s_at	0,203128004	0,132998702	16	3490964	3526586	1
DNASE1	210165_at	0,418294195	-0,194284468	16	3642941	3648097	1
ADCY9	204497_at	0,008036299	0,817101603	16	3952653	4106187	-1
SRL	NA	NA	NA	16	4179376	4232082	-1
GLIS2	NA	NA	NA	16	4322226	4329599	1
VASN	NA	NA	NA	16	4361850	4373530	1
C16orf5	218183_at	0,065609543	0,69651311	16	4500677	4528817	-1
ANKS3	NA	NA	NA	16	4686514	4724164	-1
C16orf71	222089_s_at	0,482443485	0,130245228	16	4724290	4739398	1
Sep 12	NA	NA	NA	16	4767675	4778348	-1
ROGDI	218394_at	0,475160113	0,121986583	16	4786970	4792675	-1
PPL	203407_at	0,231406366	0,124489678	16	4872509	4927137	-1

SEC14L5	210169_at	0,599854571	0,074194022	16	4948319	5009157	1
A2BP1	221217_s_at	0,450125813	0,09442482	16	6009133	7700847	1
ABAT	209460_at	0,162090331	-0,410614354	16	8675928	8785933	1
GRIN2A	206534_at	0,376287128	0,122601069	16	9762923	10184112	-1
ATF7IP2	219870_at	0,036267019	-0,251599184	16	10430226	10484996	1
EMP2	204975_at	0,003717921	0,46136061	16	10533476	10582040	-1
FAM18A	NA	NA	NA	16	10768034	10820122	-1
TNP2	207736_s_at	0,508695614	0,07209225	16	11269215	11270661	-1
PRM3	NA	NA	NA	16	11273850	11274953	-1
PRM2	210122_at	0,810108767	0,032917342	16	11276994	11277838	-1
PRM1	206358_at	0,535688744	0,078210884	16	11282194	11282693	-1
SNN	218032_at	0,008316744	-0,674917469	16	11669802	11680507	1
SNX29	NA	NA	NA	16	12053556	12575647	1
CPPED1	218610_s_at	0,442851496	-0,118523487	16	12661157	12805245	-1
PLA2G10	222145_at	0,073105229	-0,545254342	16	14673906	14696027	-1
NPIP	214870_x_at	0,36563429	-0,1992336	16	14938801	14953432	1
NTAN1	213062_at	0,34680835	0,487102922	16	15039215	15057334	-1
C16orf45	212736_at	0,649415468	0,102361385	16	15435826	15589418	1
TMC7	220021_at	0,965667352	-0,007098098	16	18902828	18982004	1
COQ7	209745_at	0,196246493	0,135006194	16	18986428	18998855	1
ITPRIPL2	NA	NA	NA	16	19032783	19040453	1
SYT17	205613_at	0,153849747	-0,627761069	16	19087139	19186055	1
TMC5	219580_s_at	0,310133614	0,085279633	16	19329558	19417936	1
C16orf62	203173_s_at	0,340577738	0,350901028	16	19474541	19619945	1
GPRC5B	203632_s_at	0,2505164	0,117343207	16	19777794	19803652	-1
GP2	214325_at	0,232796922	0,200656464	16	20229312	20246336	-1
PDILT	NA	NA	NA	16	20277993	20323534	-1
ACSM5	89977_at	0,233373988	0,182360594	16	20328357	20359791	1
ACSM2A	214069_at	0,523844116	0,111384898	16	20370360	20406492	1
ACSM2B	NA	NA	NA	16	20455581	20495196	-1
ACSM1	215432_at	0,702096476	0,05247906	16	20542060	20610079	-1
ACSM3	205942_s_at	0,092188547	0,531113519	16	20682813	20715980	1
ZP2	207933_at	0,642087596	0,064396043	16	21116274	21130369	-1

ANKS4B	NA	NA	NA	16	21152517	21171251	1
NCRNA00169	NA	NA	NA	16	21219671	21237413	1
NPIPL3	211996_s_at	0,114199231	-0,660341091	16	21320951	21344159	-1
IGSF6	206420_at	0,31985252	0,115730993	16	21560107	21571473	-1
VWA3A	NA	NA	NA	16	22011363	22075788	1
HS3ST2	219697_at	0,425362142	0,150711073	16	22733361	22835160	1
USP31	NA	NA	NA	16	22980229	23068092	-1
SCNN1G	NA	NA	NA	16	23101541	23135701	1
ERN2	214372_x_at	0,344638957	0,164505242	16	23609126	23632322	-1
CHP2	206149_at	0,188270559	0,182464807	16	23673449	23677757	1
PRKCB	207957_s_at	0,395642838	-1,217263322	16	23754823	24139063	1
TNRC6A	NA	NA	NA	16	24648550	24745049	1
SLC5A11	NA	NA	NA	16	24765053	24830445	1
AQP8	206784_at	0,352025717	0,126711561	16	25135786	25147754	1
HS3ST4	NA	NA	NA	16	25610848	25611973	1
C16orf82	NA	NA	NA	16	26985529	26987991	1
NSMCE1	NA	NA	NA	16	27143816	27187614	-1
IL4R	203233_at	0,009714681	-2,096936124	16	27232752	27283600	1
GSG1L	NA	NA	NA	16	27706351	27982331	-1
SBK1	NA	NA	NA	16	28211341	28242671	1
NPIPL1	NA	NA	NA	16	28376193	28389260	-1
IL27	NA	NA	NA	16	28418184	28425656	-1
NUPR1	209230_s_at	0,38045975	0,265444915	16	28456163	28457996	-1
CCDC101	221822_at	0,834960317	-0,085361054	16	28472758	28510610	1
QPRT	204044_at	0,21739888	0,849967623	16	29597942	29616816	1
C16orf54	NA	NA	NA	16	29661285	29664841	-1
SEZ6L2	218720_x_at	0,783487655	0,061292811	16	29790329	29818074	-1
ASPHD1	214993_at	0,750249809	-0,040486702	16	29819648	29824878	1
TMEM219	NA	NA	NA	16	29880852	29891874	1
DOC2A	205744_at	0,615358926	0,074832243	16	29924336	29929902	-1
C16orf92	NA	NA	NA	16	29942156	29943524	1
FAM57B	NA	NA	NA	16	29943249	29949687	-1
YPEL3	NA	NA	NA	16	30011136	30015022	-1

GDPD3	219722_s_at	0,93491709	-0,0160011	16	30023632	30032379	-1
MAPK3	212046_x_at	0,798160632	0,044963471	16	30032927	30042131	-1
ZNF48	NA	NA	NA	16	30314558	30318216	1
ZNF771	219781_s_at	0,398993672	0,148765449	16	30326978	30338236	1
PHKG2	203709_at	0,917589892	-0,029230428	16	30667238	30676183	1
ZNF629	213196_at	0,036000019	0,393047183	16	30697271	30706024	-1
BCL7C	219072_at	0,696028287	0,078623711	16	30806617	30812900	-1
CTF1	206813_at	0,464863439	0,088409212	16	30815429	30822382	1
HSD3B7	NA	NA	NA	16	30904033	30907972	1
STX1B	NA	NA	NA	16	30910869	30929276	-1
BCKDK	202030_at	0,396644975	0,309712004	16	31027223	31031422	1
PRSS8	202525_at	0,661052322	0,051627382	16	31050255	31054652	-1
PRSS36	NA	NA	NA	16	31057750	31068888	-1
TRIM72	NA	NA	NA	16	31119324	31144011	1
PYCARD	221666_s_at	0,24599818	0,880708266	16	31120308	31121752	-1
PYDC1	NA	NA	NA	16	31134784	31135899	-1
ITGAM	205786_s_at	0,947086609	-0,0135292	16	31178789	31251714	1
ITGAX	210184_at	0,472015154	0,190261438	16	31274010	31301819	1
ITGAD	NA	NA	NA	16	31312134	31345327	1
TGFB111	209651_at	0,268612968	0,261811307	16	31390985	31396780	1
SLC5A2	207771_at	0,354045185	0,123403457	16	31401940	31409590	1
ERAF	219672_at	0,271003387	0,172452079	16	31446704	31447625	1
TP53TG3	220167_s_at	0,987633448	-0,003969974	16	32592350	32595554	-1
LOC729355	NA	NA	NA	16	33168192	33172228	1
MYLK3	NA	NA	NA	16	45293695	45339722	-1
ABCC12	NA	NA	NA	16	46674385	46738182	-1
N4BP1	48612_at	0,123474299	0,26047608	16	47130138	47201621	-1
CBLN1	205747_at	0,031903488	0,460077277	16	47870196	47873193	-1
C16orf78	NA	NA	NA	16	47965309	47990822	1
ZNF423	217237_at	0,72340803	0,032905672	16	48082022	48418419	-1
HEATR3	219289_at	0,134936239	-0,477354683	16	48657382	48696893	1
PAPD5	NA	NA	NA	16	48745569	48826722	1
ADCY7	203741_s_at	0,038021246	-1,026061002	16	48879324	48909544	1

NKD1	NA	NA	NA	16	49139742	49226142	1
SNX20	NA	NA	NA	16	49264387	49272667	-1
NOD2	220066_at	0,22091305	0,141064973	16	49288551	49324488	1
CYLD	221905_at	0,026850918	0,422056934	16	49333462	49393347	1
SALL1	206893_at	0,635835302	0,046574385	16	49727387	49742684	-1
TOX3	215108_x_at	0,669126436	0,03859245	16	51029418	51138307	-1
RPGRIP1L	213959_s_at	0,696229599	0,053538195	16	52191319	52295272	-1
FTO	209702_at	0,498004329	0,163399991	16	52295376	52705882	1
IRX6	NA	NA	NA	16	53915972	53922173	1
MMP2	201069_at	0,777652338	0,034735701	16	54070589	54098104	1
LPCAT2	NA	NA	NA	16	54100455	54174655	1
CAPNS2	NA	NA	NA	16	54158085	54159093	1
SLC6A2	215715_at	0,68147244	-0,091060841	16	54248057	54295201	1
CES1	209616_s_at	0,412902991	0,173203027	16	54394264	54424576	-1
GNAO1	204763_s_at	0,468993015	0,117373588	16	54783649	54948651	1
MT4	NA	NA	NA	16	55156462	55160370	1
MT3	NA	NA	NA	16	55180768	55182501	1
MT2A	212185_x_at	0,544215106	0,153916653	16	55200012	55200896	1
MT1E	212859_x_at	0,063405962	0,35410289	16	55217086	55218525	1
MT1M	217546_at	0,609195099	0,086948707	16	55224035	55225399	1
MT1A	NA	NA	NA	16	55230079	55231500	1
MT1G	204745_x_at	0,094841722	0,318289746	16	55258154	55259478	-1
MT1H	206461_x_at	0,370052731	0,219973599	16	55261227	55262542	1
SLC12A3	208354_s_at	0,625026973	0,059786474	16	55456643	55504850	1
CETP	206210_s_at	0,921070575	-0,026223116	16	55553263	55575257	1
NLRC5	NA	NA	NA	16	55580911	55674937	1
CPNE2	NA	NA	NA	16	55684011	55739377	1
PLLP	204519_s_at	0,462452817	0,099848584	16	55847511	55876071	-1
CCL22	207861_at	0,749170029	-0,166447406	16	55950219	55957602	1
CX3CL1	823_at	0,23918677	0,116383291	16	55963915	55976457	1
CCL17	207900_at	0,688607586	0,059179313	16	55996180	56007475	1
DOK4	207747_s_at	0,179645258	0,161533075	16	56063374	56077828	-1
GPR56	212070_at	0,259486009	0,186447559	16	56211459	56256445	1

GPR97	220404_at	0,351635004	0,124046281	16	56259672	56280791	1
CCDC135	NA	NA	NA	16	56286227	56322868	1
CNGB1	211099_s_at	0,135154593	0,242681534	16	56475206	56562513	-1
TEPP	NA	NA	NA	16	56567840	56579521	1
MMP15	203365_s_at	0,462916298	0,123719439	16	56616783	56638306	1
CCDC113	NA	NA	NA	16	56841364	56875241	1
KLKBL4	NA	NA	NA	16	56871402	56886452	-1
NDRG4	209159_s_at	0,482443485	-0,12286987	16	57055118	57105024	1
SLC38A7	218727_at	0,179435018	0,298624769	16	57257799	57276175	-1
CDH8	217574_at	0,607023358	0,065066127	16	60244736	60627537	-1
LOC283867	NA	NA	NA	16	63875903	64167704	-1
CDH5	204677_at	0,28699398	0,150138554	16	64958064	64996190	1
CMTM1	NA	NA	NA	16	65157795	65170539	1
CMTM2	NA	NA	NA	16	65170852	65179679	1
CMTM3	NA	NA	NA	16	65195703	65205296	1
CMTM4	NA	NA	NA	16	65206154	65288111	-1
NAE1	202268_s_at	0,703363629	-0,083577704	16	65394282	65422380	-1
CA7	207504_at	0,76540983	0,047625474	16	65435783	65445551	1
PDP2	NA	NA	NA	16	65471937	65479356	1
CDH16	206517_at	0,568776574	-0,053971993	16	65499526	65510267	-1
CES3	220335_x_at	0,763453083	0,041305881	16	65552639	65566553	1
CES8	NA	NA	NA	16	65580134	65601162	1
KCTD19	NA	NA	NA	16	65880894	65918162	-1
LRRC36	220003_at	0,46879587	0,089411311	16	65918248	65976605	1
TPPP3	218876_at	0,483643948	0,126505175	16	65981213	65984922	-1
ZDHC1	NA	NA	NA	16	65985829	66007878	-1
HSD11B2	204130_at	0,968658933	-0,009327157	16	66022537	66028957	1
LCAT	209402_s_at	0,116542177	0,287672686	16	66531288	66535516	-1
DPEP3	220179_at	0,324191951	0,220462241	16	66567067	66571867	-1
DPEP2	219452_at	0,947962075	-0,008040188	16	66578798	66590857	-1
ZFP90	NA	NA	NA	16	67131162	67158540	1
CDH3	203256_at	0,597492866	0,078799855	16	67236277	67290443	1
CDH1	201130_s_at	0,118492709	0,524711016	16	67328696	67426945	1

HAS3	NA	NA	NA	16	67697661	67710123	1
VPS4A	217913_at	0,246890928	0,215284383	16	67902788	67916447	1
TMED6	NA	NA	NA	16	67934661	67943190	-1
CLEC18C	NA	NA	NA	16	68765429	68778299	1
DDX19A	202578_s_at	0,2987736	0,208240698	16	68938325	68964785	1
IL34	NA	NA	NA	16	69237969	69252085	1
MTSS1L	213978_at	0,430171608	0,192337359	16	69252608	69277455	-1
VAC14	218169_at	0,091076488	-0,352189101	16	69278843	69392562	-1
HYDIN	220098_at	0,176964146	0,191398855	16	69398790	69822070	-1
CALB2	205428_s_at	0,106620225	0,29427233	16	69950127	69981842	1
ZNF19	NA	NA	NA	16	70065477	70080755	-1
CHST4	220446_s_at	0,487115117	0,100777887	16	70117560	70129917	1
TAT	206916_x_at	0,618936336	0,05378201	16	70158255	70168496	-1
MARVELD3	NA	NA	NA	16	70217571	70233369	1
HP	206697_s_at	0,25152388	0,138120306	16	70646009	70652458	1
HPR	208471_at	0,854327348	-0,023871787	16	70654626	70668646	1
PMFBP1	221022_s_at	0,940069285	-0,012803285	16	70710499	70763525	-1
HTA	NA	NA	NA	16	71684025	71685174	1
CLEC18B	NA	NA	NA	16	73000030	73012791	-1
MLKL	NA	NA	NA	16	73263262	73292290	-1
FA2H	219429_at	0,710895629	0,05179261	16	73304359	73366224	-1
ZNRF1	NA	NA	NA	16	73590416	73702393	1
LDHD	NA	NA	NA	16	73703259	73708166	-1
ZFP1	NA	NA	NA	16	73739922	73763633	1
CTRB2	214411_x_at	0,386626524	0,140670914	16	73795495	73798573	-1
CTRB1	205971_s_at	0,644692768	0,050641484	16	73810385	73816323	1
CNTNAP4	NA	NA	NA	16	74868677	75150636	1
ADAMTS18	NA	NA	NA	16	75873526	76026512	-1
NUDT7	NA	NA	NA	16	76313912	76333655	1
VAT1L	NA	NA	NA	16	76379984	76571505	1
CLEC3A	NA	NA	NA	16	76613944	76623499	1
WWOX	219077_s_at	0,427191214	-0,249717191	16	76691052	77804065	1
CDYL2	NA	NA	NA	16	79195176	79395676	-1

GCSH	213133_s_at	0,28903094	-0,293067484	16	79673430	79687481	-1
PKD1L2	NA	NA	NA	16	79691985	79811476	-1
BCMO1	220087_at	0,417954426	0,104967954	16	79829797	79882248	1
PLCG2	204613_at	0,000369181	-2,812050953	16	80362768	80549400	1
SDR42E1	NA	NA	NA	16	80588752	80602594	-1
HSD17B2	204818_at	0,800597072	0,041270423	16	80626364	80689638	1
MPHOSPH6	203740_at	0,892822042	-0,036513498	16	80739268	80761330	-1
CDH13	NA	NA	NA	16	81218079	82387702	1
MLYCD	218869_at	0,290579597	0,306383441	16	82490231	82507288	1
OSGIN1	219475_at	0,06244812	0,416589063	16	82540173	82557438	1
NECAB2	215005_at	0,48935991	0,085041686	16	82559738	82593880	1
SLC38A8	NA	NA	NA	16	82600890	82633263	-1
WFDC1	219478_at	0,805107062	0,040368649	16	82885902	82920951	1
ATP2C2	214798_at	0,177715448	0,229857698	16	82959634	83055294	1
KIAA1609	221843_s_at	0,336996945	0,173705376	16	83068608	83095794	-1
KLHL36	219453_at	0,988883499	0,002677754	16	83239632	83253417	1
CRISPLD2	221541_at	0,485089701	0,079039203	16	83411113	83500615	1
KIAA0513	204546_at	0,559158545	0,077965583	16	83618911	83685337	1
FAM92B	NA	NA	NA	16	83689466	83703615	-1
KIAA0182	212056_at	0,552024998	0,434417361	16	84204425	84267313	1
GINS2	221521_s_at	0,056117807	-0,643757664	16	84268781	84280081	-1
FOXC2	214520_at	0,731672267	0,041006372	16	85158443	85159948	1
FOXL1	216572_at	0,434852089	0,094843189	16	85169616	85172805	1
ZCCHC14	212655_at	0,79708958	-0,203608521	16	85997353	86082961	-1
JPH3	220188_at	0,82507764	0,023570187	16	86194000	86289263	1
CA5A	207421_at	0,152163884	0,208213798	16	86479126	86527613	-1
IL17C	NA	NA	NA	16	87232502	87234383	1
SNAI3	NA	NA	NA	16	87271591	87280383	-1
LOC390748	NA	NA	NA	16	87455535	87460515	-1
CDH15	206328_at	0,249138244	0,359159528	16	87765664	87789401	1
CPNE7	219707_at	0,393398982	0,155074026	16	88169677	88191155	1
DPEP1	205983_at	0,8142781	0,035132138	16	88214501	88232338	1
SPATA2L	214965_at	0,223921354	0,394354085	16	88290266	88295600	-1

SPIRE2	NA	NA	NA	16	88422408	88465228	1
DBNDD1	222234_s_at	0,686549891	0,067413821	16	88598780	88613438	-1
GAS8	204921_at	0,130669381	0,263092258	16	88616509	88638880	1
	NA	NA	NA	16 NT_113929.1	77878	79135	1
RPH3AL	221614_s_at	0,250973356	0,288143467	17	62293	202576	-1
FAM101B	NA	NA	NA	17	289997	295959	-1
FAM57A	218898_at	0,100245279	-0,756030301	17	582597	592825	1
NXN	219489_s_at	0,32686037	0,113462892	17	649335	829760	-1
TUSC5	NA	NA	NA	17	1129707	1151031	1
PITPNA	201192_s_at	0,084739968	-1,062150636	17	1368033	1412835	-1
SCARF1	206995_x_at	0,978556321	0,003070527	17	1483902	1495791	-1
RILP	NA	NA	NA	17	1496194	1500142	-1
SERPINF2	205075_at	0,157195151	0,216137332	17	1592880	1605309	1
SERPINF1	202283_at	0,519200607	-0,190579754	17	1612009	1627618	1
HIC1	208461_at	0,664270651	-0,161535164	17	1905143	1909731	1
MNT	204206_at	0,122302704	-0,28130225	17	2234104	2251008	-1
LOC284009	NA	NA	NA	17	2257025	2265480	-1
GARNL4	213280_at	0,927824209	-0,098467124	17	2646482	2887785	1
OR1D5	221341_s_at	0,395983786	-0,106903592	17	2912713	2913705	-1
OR1G1	221375_at	0,103389895	0,27287174	17	2976654	2977595	-1
OR1A1	221388_at	0,590400382	0,104613595	17	3065665	3066594	1
OR3A2	221386_at	0,428705491	0,13858201	17	3127934	3129018	-1
OR3A1	221353_at	0,685098299	-0,046747971	17	3141679	3142626	-1
OR3A4	NA	NA	NA	17	3160355	3161401	1
OR1E1	214515_at	0,542123469	0,082092818	17	3247510	3248454	-1
OR3A3	221426_s_at	0,447363255	0,087773081	17	3270612	3271577	1
OR1E2	208587_s_at	0,315761326	0,160626734	17	3282914	3283885	-1
SPATA22	NA	NA	NA	17	3290063	3321790	-1
ASPA	206030_at	0,529379138	-0,092785415	17	3326046	3349450	1
TRPV3	NA	NA	NA	17	3363236	3408039	-1
TRPV1	219632_s_at	0,437796465	0,098964162	17	3415490	3459454	-1
ITGAE	205055_at	0,075591157	-0,870381088	17	3564668	3651286	-1
CAMKK1	NA	NA	NA	17	3710358	3743086	-1

SPNS3	NA	NA	NA	17	4283968	4338248	1
GGT6	NA	NA	NA	17	4406978	4410625	-1
SMTNL2	NA	NA	NA	17	4434043	4458363	1
ALOX15	207328_at	0,428435393	0,089398718	17	4480963	4491709	-1
CXCL16	NA	NA	NA	17	4583577	4589972	-1
TM4SF5	206242_at	0,990733843	0,002355683	17	4621936	4633253	1
GLTPD2	NA	NA	NA	17	4638994	4640425	1
CHRNE	207274_at	0,109091518	0,213025734	17	4741840	4747148	-1
GP1BA	207389_at	0,968923621	-0,006389867	17	4776372	4779067	1
GPR172B	220756_s_at	0,872659971	0,020548547	17	4876621	4879451	-1
ZFP3	NA	NA	NA	17	4922478	4940393	1
ZNF232	219123_at	0,132068161	-1,093623407	17	4949755	4967121	-1
USP6	206405_x_at	0,652840404	0,050909025	17	4972411	5019048	1
C17orf87	NA	NA	NA	17	5054429	5078861	-1
RABEP1	214552_s_at	0,217598376	-0,456785505	17	5126282	5229856	1
NLRP1	211824_x_at	0,04034691	0,826302026	17	5345443	5428556	-1
WSCD1	213155_at	0,010466487	0,807032665	17	5914658	5968471	1
AIPL1	219977_at	0,297005687	0,173010025	17	6267783	6279243	-1
FAM64A	221591_s_at	0,184673126	0,84469451	17	6288519	6295108	1
PITPNM3	221254_s_at	0,991300155	0,001649069	17	6299347	6400601	-1
SLC13A5	NA	NA	NA	17	6528762	6557388	-1
XAF1	206133_at	0,311099633	0,160135811	17	6599880	6619690	1
ALOX12	207206_s_at	0,117182455	0,208786288	17	6840108	6854779	1
SLC16A11	NA	NA	NA	17	6885673	6887966	-1
CLEC10A	206682_at	0,870004298	0,022913351	17	6918580	6924324	-1
ASGR2	206130_s_at	0,55994129	-0,156007237	17	6945365	6958852	-1
ASGR1	206743_s_at	0,085525405	0,280912097	17	7017474	7023386	-1
CLDN7	202790_at	0,487505469	0,12294104	17	7103946	7106519	-1
SLC2A4	206603_at	0,238119398	0,160267126	17	7125778	7132091	1
YBX2	219704_at	0,347545792	0,168944569	17	7132295	7138600	-1
KCTD11	NA	NA	NA	17	7195932	7198987	1
TMEM95	NA	NA	NA	17	7199221	7201262	1
TNK1	217149_x_at	0,737734526	0,105652774	17	7225089	7233816	1

SPEM1	NA	NA	NA	17	7264403	7265675	1
C17orf74	NA	NA	NA	17	7269659	7271611	1
TNFSF12	205611_at	0,814497802	0,040888276	17	7393099	7401931	1
TNFSF12-TNFSF12	211495_x_at	0,277537364	0,135170112	17	7393140	7405649	1
SOX15	206122_at	0,216929312	0,212109968	17	7432222	7434212	-1
ATP1B2	204311_at	0,84269086	0,042759067	17	7494979	7501814	1
EFNB3	210883_x_at	0,236276517	0,117062033	17	7549245	7555418	1
DNAH2	NA	NA	NA	17	7563764	7677783	1
GUCY2D	207884_at	0,815335115	0,041283464	17	7846713	7864382	1
ALOX15B	206714_at	0,524709825	-0,096353294	17	7883083	7893177	1
ALOX12B	207381_at	0,919829034	0,023441384	17	7916679	7931746	-1
HES7	NA	NA	NA	17	7965024	7968127	-1
ARHGEF15	205507_at	0,280894293	0,179525766	17	8154315	8166554	1
ODF4	NA	NA	NA	17	8183913	8190088	1
KRBA2	NA	NA	NA	17	8212698	8215583	-1
CCDC42	NA	NA	NA	17	8573977	8588879	-1
MFSD6L	NA	NA	NA	17	8641206	8643311	-1
PIK3R6	NA	NA	NA	17	8646780	8711719	-1
PIK3R5	220566_at	0,470786431	0,09735367	17	8724138	8756559	-1
NTN1	208005_at	0,715282143	0,040467596	17	8865584	9088042	1
USP43	NA	NA	NA	17	9489675	9573729	1
GLP2R	221312_at	0,30558196	0,145193245	17	9670106	9733747	1
RCVRN	206203_at	0,968560626	0,00599458	17	9741752	9749409	-1
GAS7	207704_s_at	0,045355499	0,469129034	17	9754651	10042593	-1
MYH13	208208_at	0,257564077	0,334106908	17	10144908	10217047	-1
MYH8	34471_at	0,36301844	0,095958015	17	10234367	10265992	-1
MYH4	208148_at	0,982778037	0,00368349	17	10287332	10313601	-1
MYH1	205951_at	0,177714996	0,131740618	17	10336349	10362584	-1
MYH2	204631_at	0,174091205	0,174934321	17	10365190	10393742	-1
MYH3	205940_at	0,788139876	-0,045955746	17	10472568	10501340	-1
TMEM220	217693_x_at	0,48261833	-0,112665793	17	10557364	10574371	-1
hCG_1776018	NA	NA	NA	17	10666517	10682143	-1
DNAH9	210345_s_at	0,251126882	0,19982844	17	11442473	11813790	1

MAP2K4	203266_s_at	0,377946854	-0,228979873	17	11864860	11987776	1
RICH2	205414_s_at	0,46081278	-0,260798357	17	12633554	12835685	1
HS3ST3A1	219985_at	0,145677843	0,214041677	17	13339731	13445969	-1
CDRT15	NA	NA	NA	17	14079898	14080875	-1
HS3ST3B1	221062_at	0,63159487	0,043113768	17	14145231	14190217	1
FLJ45831	NA	NA	NA	17	14611625	14636625	-1
PMP22	210139_s_at	0,311745767	0,096177277	17	15073821	15106614	-1
TEKT3	NA	NA	NA	17	15147854	15185624	-1
CDRT4	216751_at	0,984724252	-0,005252505	17	15280063	15311650	-1
CDRT1	215999_at	0,017066909	0,361840064	17	15432702	15463743	-1
TBC1D26	NA	NA	NA	17	15576316	15588823	1
ADORA2B	205891_at	0,368813038	0,125691494	17	15788956	15819935	1
C17orf76	NA	NA	NA	17	16286053	16335889	-1
ZNF287	220055_at	0,120619319	0,185621095	17	16395426	16413189	-1
CCDC144A	NA	NA	NA	17	16534364	16619036	1
RASD1	NA	NA	NA	17	17338476	17340432	-1
MYO15A	220288_at	0,301140074	0,204346722	17	17952745	18023841	1
LLGL1	206123_at	0,053466874	0,402522404	17	18069661	18088914	1
LGALS9C	NA	NA	NA	17	18320824	18338984	1
CCDC144B	216045_at	0,67027929	0,048209187	17	18427447	18469570	-1
TRIM16L	204341_at	0,355944206	0,323445425	17	18566127	18580156	1
SLC5A10	NA	NA	NA	17	18796203	18864728	1
FAM83G	NA	NA	NA	17	18815106	18848785	-1
MFAP4	212713_at	0,313960702	0,194473853	17	19227348	19231086	-1
RNF112	NA	NA	NA	17	19255116	19261181	1
SLC47A1	219525_at	0,385322068	0,190913774	17	19377759	19422938	1
SLC47A2	NA	NA	NA	17	19522220	19560635	-1
ALDH3A1	205623_at	0,354678265	0,165028839	17	19581889	19592200	-1
ULK2	204063_s_at	0,539997155	0,127103139	17	19618058	19711822	-1
CYTSB	NA	NA	NA	17	19930927	20158660	1
LGALS9B	NA	NA	NA	17	20293768	20311440	-1
CCDC144NL	NA	NA	NA	17	20707300	20740045	-1
C17orf103	NA	NA	NA	17	21082775	21097171	-1

KCNJ12	207110_at	0,481212098	0,084212829	17	21220292	21263772	1
FAM27L	NA	NA	NA	17	21749497	21750630	1
KSR1	213767_at	0,255075699	0,163766827	17	22823163	22974845	1
NOS2	210037_s_at	0,415563726	0,092608495	17	23107919	23151682	-1
LOC201229	213195_at	0,558402958	0,120176552	17	23229467	23244536	-1
SEBOX	204534_at	0,429775271	0,11885107	17	23715417	23719114	-1
VTN	NA	NA	NA	17	23718425	23721500	-1
SARM1	NA	NA	NA	17	23723114	23752192	1
FOXN1	207683_at	0,833455588	0,042804419	17	23875086	23889302	1
UNC119	203271_s_at	0,986016118	-0,003479948	17	23897852	23903770	-1
FLJ25006	NA	NA	NA	17	23959109	23965338	-1
SEZ6	NA	NA	NA	17	24306049	24357207	-1
PIPOX	221605_s_at	0,185852843	0,157476707	17	24394044	24408362	1
MYO18A	NA	NA	NA	17	24424654	24531533	-1
TIAF1	202039_at	0,123047994	-0,444069694	17	24424665	24426753	-1
CORO6	NA	NA	NA	17	24965900	24972620	-1
EFCAB5	NA	NA	NA	17	25292812	25459596	1
SLC6A4	207519_at	0,411826422	0,119825096	17	25549032	25586841	-1
TMIGD1	NA	NA	NA	17	25667492	25685191	-1
CPD	201940_at	0,019703573	1,083048639	17	25730110	25819825	1
TBC1D29	208008_at	0,300766464	0,095537567	17	25910710	25914637	1
ADAP2	219358_s_at	0,608206108	-0,249463511	17	26272880	26310337	1
NF1	212678_at	0,135059938	-0,436445394	17	26446121	26728821	1
OMG	207093_s_at	0,436692605	0,152486554	17	26645794	26648481	-1
RAB11FIP4	NA	NA	NA	17	26742768	26889352	1
LRRC37B	NA	NA	NA	17	27372268	27404632	1
CDK5R1	204995_at	0,152929646	-0,236278437	17	27838218	27842384	1
TMEM98	NA	NA	NA	17	28279041	28292780	1
SPACA3	NA	NA	NA	17	28342995	28349005	1
ACCN1	206690_at	0,914715665	0,019987413	17	28364218	29507938	-1
CCL2	216598_s_at	0,971960517	-0,004024507	17	29606409	29608335	1
CCL7	208075_s_at	0,505648787	0,070004436	17	29621353	29623369	1
CCL11	210133_at	0,174411272	0,203923325	17	29636800	29639312	1

AMAC1	NA	NA	NA	17	30543652	30545490	-1
SLFN5	NA	NA	NA	17	30594199	30618881	1
SLFN11	NA	NA	NA	17	30701437	30724833	-1
SLFN12	219885_at	0,950245707	-0,011865501	17	30762192	30783656	-1
SLFN13	NA	NA	NA	17	30786228	30799885	-1
RASL10B	NA	NA	NA	17	31082871	31094653	1
GAS2L2	NA	NA	NA	17	31095650	31104010	-1
C17orf50	NA	NA	NA	17	31112029	31116211	1
MMP28	219909_at	0,263688569	0,192598763	17	31116989	31146753	-1
C17orf66	NA	NA	NA	17	31206073	31220008	-1
CCL5	204655_at	0,060992078	0,772928078	17	31222608	31231490	-1
LYZL6	207343_at	0,560112465	0,062305654	17	31285638	31290623	-1
CCL16	207354_at	0,298558441	0,169924776	17	31327648	31332636	-1
CCL14	205392_s_at	0,291901312	0,145692096	17	31334805	31337852	-1
CCL15	210390_s_at	0,500143363	-0,064603758	17	31348777	31353125	-1
CCL23	210548_at	0,143855814	0,160648035	17	31364210	31369118	-1
CCL18	32128_at	0,804787779	-0,02565943	17	31415756	31422954	1
TBC1D3B	209403_at	0,633703679	0,116501156	17	31517174	31528101	-1
TBC1D3C	NA	NA	NA	17	31605198	31616140	-1
DHRS11	218756_s_at	0,208937607	0,451584466	17	32022339	32031346	1
LHX1	206230_at	0,175495201	0,164114895	17	32368612	32374607	1
C17orf78	NA	NA	NA	17	32807098	32823775	1
SNIP	NA	NA	NA	17	33939785	34015709	-1
FBXO47	NA	NA	NA	17	34346244	34377181	-1
STAC2	NA	NA	NA	17	34620315	34635500	-1
NEUROD2	210271_at	0,26449396	0,118970309	17	35013547	35017701	-1
PPP1R1B	NA	NA	NA	17	35036705	35046403	1
TCAP	205766_at	0,592334236	0,093528402	17	35075125	35076333	1
PNMT	206793_at	0,233819903	0,221485847	17	35078033	35080254	1
GSDMA	NA	NA	NA	17	35372752	35387545	1
CSF3	207442_at	0,500202327	0,093683213	17	35425214	35427592	1
RAPGEFL1	218657_at	0,507985626	-0,088276522	17	35591394	35605426	1
RARA	203750_s_at	0,145743974	0,273467739	17	35718972	35767420	1

TNS4	222265_at	0,290454175	0,284831819	17	35885606	35911380	-1
CCR7	206337_at	0,774866968	-0,214289027	17	35963547	35975250	-1
KRT222P	NA	NA	NA	17	36065398	36074942	-1
KRT25	NA	NA	NA	17	36157799	36165091	-1
KRT26	NA	NA	NA	17	36176016	36181937	-1
KRT27	NA	NA	NA	17	36186586	36192312	-1
KRT28	NA	NA	NA	17	36201974	36209737	-1
KRT10	207023_x_at	0,024917797	-0,845041197	17	36227895	36232373	-1
TMEM99	NA	NA	NA	17	36228900	36246052	1
KRT12	207811_at	0,989838312	0,002126699	17	36270956	36276988	-1
KRT20	213953_at	0,86520918	0,019192277	17	36285719	36295005	-1
KRT23	218963_s_at	0,457310301	-0,08898859	17	36332478	36347362	-1
KRT39	NA	NA	NA	17	36368195	36376670	-1
KRTAP3-2	NA	NA	NA	17	36408971	36409664	-1
KRTAP3-1	NA	NA	NA	17	36418299	36418892	-1
KRTAP1-5	NA	NA	NA	17	36435804	36436980	-1
KRTAP1-3	220978_at	0,261491431	0,145205164	17	36443662	36444633	-1
KRTAP1-1	220976_s_at	0,463021251	0,117808334	17	36450337	36451239	-1
KRTAP4-12	NA	NA	NA	17	36532869	36533945	-1
KRTAP4-5	NA	NA	NA	17	36558702	36559580	-1
KRTAP4-4	NA	NA	NA	17	36569431	36570509	-1
KRTAP4-3	NA	NA	NA	17	36577009	36577950	-1
KRTAP4-2	NA	NA	NA	17	36587224	36587986	-1
KRTAP4-1	NA	NA	NA	17	36593878	36594673	-1
KRTAP9-2	NA	NA	NA	17	36636426	36637430	1
KRTAP9-9	220972_s_at	0,490220065	0,060752393	17	36636431	36666142	1
KRTAP9-3	NA	NA	NA	17	36642241	36643232	1
KRTAP9-8	NA	NA	NA	17	36647796	36648782	1
KRTAP9-4	NA	NA	NA	17	36659465	36660431	1
KRTAP17-1	NA	NA	NA	17	36724695	36725473	-1
KRT34	206969_at	0,536673347	-0,072553346	17	36787447	36792162	-1
KRT31	206677_at	0,63369168	0,07262926	17	36803502	36807370	-1
KRT37	207649_at	0,264280909	0,248118925	17	36830335	36834348	-1

KRT38	NA	NA	NA	17	36846147	36851122	-1
KRT32	207146_at	0,564435274	-0,068613081	17	36869291	36877164	-1
KRT35	216921_s_at	0,766741005	0,045428191	17	36886467	36890918	-1
KRT36	214576_at	0,148953832	0,255921214	17	36895914	36899642	-1
KRT13	207935_s_at	0,48929755	0,109038363	17	36910759	36915391	-1
KRT15	204734_at	0,960066087	0,008995856	17	36923524	36928666	-1
KRT19	201650_at	0,928139249	0,016780169	17	36933395	36938167	-1
KRT9	208188_at	0,119953497	0,314588275	17	36975622	36981836	-1
KRT14	209351_at	0,243723224	0,175508419	17	36992059	36996673	-1
KRT16	209800_at	0,275585588	0,323466124	17	37019556	37022545	-1
KRT17	205157_s_at	0,147916132	0,248793355	17	37029220	37034335	-1
GAST	208138_at	0,841208537	0,035549305	17	37122139	37125747	1
HAP1	211222_s_at	0,050440669	0,336177361	17	37132417	37144424	-1
SC65	204078_at	0,321151346	0,287541872	17	37211731	37221977	-1
FKBP10	219249_s_at	0,285401132	0,203011641	17	37222727	37232995	1
NT5C3L	NA	NA	NA	17	37234949	37246017	-1
KLHL10	NA	NA	NA	17	37247569	37258125	1
TTC25	NA	NA	NA	17	37340414	37371195	1
ZNF385C	NA	NA	NA	17	37431120	37434233	-1
DHX58	219364_at	0,38887884	0,090878659	17	37506948	37518277	-1
KAT2A	202182_at	0,599037583	-0,098714408	17	37518655	37526908	-1
HSPB9	NA	NA	NA	17	37528395	37528874	1
GHDC	NA	NA	NA	17	37594632	37599739	-1
STAT5A	203010_at	0,317834435	0,194639672	17	37693091	37717484	1
PTRF	208789_at	0,184654293	0,200130269	17	37808001	37828800	-1
EZH1	203249_at	0,493128593	0,145974545	17	38105819	38150574	-1
RAMP2	205779_at	0,295338486	0,123590649	17	38166738	38168585	1
AOC3	204894_s_at	0,884908187	0,024158309	17	38256727	38263667	1
G6PC	206952_at	0,301019628	0,139423398	17	38306341	38318912	1
VAT1	208626_s_at	0,685794712	-0,088741293	17	38420148	38427985	-1
RND2	213467_at	0,540171738	0,131670192	17	38430784	38437584	1
MEOX1	205619_s_at	0,561512947	0,072901327	17	39073283	39094788	-1
SOST	NA	NA	NA	17	39186625	39191682	-1

DUSP3	201538_s_at	0,071349213	0,228947495	17	39199015	39211872	-1
MPP3	206186_at	0,264636062	0,160278597	17	39233693	39266064	-1
CD300LG	NA	NA	NA	17	39280070	39296521	1
MPP2	207984_s_at	0,032110953	0,321930512	17	39308253	39340639	-1
NAGS	NA	NA	NA	17	39437558	39441962	1
SLC4A1	205592_at	0,414453553	0,111796052	17	39682566	39700993	-1
RUNDC3A	206196_s_at	0,442735789	0,09386447	17	39741490	39750764	1
ITGA2B	206493_at	0,299472677	0,447865208	17	39805076	39822399	-1
FZD2	210220_at	0,699455194	0,16876186	17	39990451	39992433	1
FLJ35848	NA	NA	NA	17	40098012	40104116	1
ADAM11	207880_at	0,813222691	0,035847564	17	40192094	40214740	1
GJC1	208460_at	0,021093967	-0,625439392	17	40231342	40263705	-1
HIGD1B	219719_at	0,991139014	0,003173126	17	40280805	40283374	1
GFAP	203540_at	0,117830643	0,287368299	17	40338519	40348394	-1
KIF18B	NA	NA	NA	17	40358974	40380608	-1
C1QL1	205575_at	0,048202326	0,4135984	17	40392587	40401170	-1
C17orf46	NA	NA	NA	17	40687543	40695262	-1
SH3D20	NA	NA	NA	17	40862501	40867570	-1
CRHR1	208593_x_at	0,188547307	0,1389622	17	41217449	41268973	1
IMP5	NA	NA	NA	17	41278053	41280107	1
MAPT	203930_s_at	0,078143304	0,229234256	17	41327624	41461547	1
STH	NA	NA	NA	17	41432483	41432869	1
LRRC37A	220219_s_at	0,24815346	0,317517744	17	41728274	41770918	1
LRRC37A2	NA	NA	NA	17	41945392	41988330	1
WNT3	221455_s_at	0,902029864	0,016013341	17	42196855	42251081	-1
WNT9B	NA	NA	NA	17	42283967	42309436	1
RPRML	NA	NA	NA	17	42410521	42411613	-1
MYL4	210088_x_at	0,08101127	-0,250574869	17	42641427	42656044	1
ITGB3	204625_s_at	0,297690286	0,158088324	17	42686207	42745076	1
TBX21	220684_at	0,215438479	0,24790871	17	43165609	43178484	1
SP6	NA	NA	NA	17	43277279	43288239	-1
ATAD4	219127_at	0,495239315	0,072587455	17	43384332	43390109	-1
CDK5RAP3	218740_s_at	0,637531348	0,232668495	17	43403428	43414146	1

HOXB1	208224_at	0,145517345	0,253839419	17	43961806	43963271	-1
HOXB2	205453_at	0,277740837	0,186969905	17	43975016	43977392	-1
HOXB5	205601_s_at	0,300327358	0,208163995	17	44023618	44026102	-1
HOXB6	205366_s_at	0,10687726	0,266347323	17	44028098	44037333	-1
HOXB13	209844_at	0,82897645	0,044016371	17	44157124	44161110	-1
TLL6	NA	NA	NA	17	44194601	44226685	-1
GIP	207899_at	0,870299344	0,023905833	17	44390917	44400954	-1
B4GALNT2	NA	NA	NA	17	44565328	44602121	1
PHOSPHO1	NA	NA	NA	17	44655731	44663127	-1
NGFR	205858_at	0,287111254	0,16760449	17	44927666	44947360	1
NXPH3	221991_at	0,289789944	0,143736434	17	45008478	45012717	1
TAC4	NA	NA	NA	17	45270670	45280378	-1
DLX3	NA	NA	NA	17	45422368	45427587	-1
SAMD14	213866_at	0,179001246	0,251943314	17	45545034	45562166	-1
SGCA	210632_s_at	0,907554877	0,02267067	17	45598390	45608288	1
COL1A1	202312_s_at	0,133413034	0,293561773	17	45616456	45633999	-1
TMEM92	NA	NA	NA	17	45706832	45713843	1
XYLT2	219401_at	0,87147408	-0,031852452	17	45778392	45793511	1
CHAD	206869_at	0,963569636	-0,008206254	17	45896852	45901226	-1
RSAD1	218307_at	0,041614023	0,5087014	17	45911189	45918335	1
EPN3	220318_at	0,541874935	0,0818476	17	45965047	45976110	1
CACNA1G	211802_x_at	0,211148643	0,232369185	17	45993448	46059541	1
ABCC3	208161_s_at	0,339873685	0,162095544	17	46067227	46124062	1
WFIKKN2	NA	NA	NA	17	46267604	46274708	1
MBTD1	207115_x_at	0,853150504	-0,041622437	17	46623944	46649738	-1
CA10	220889_s_at	0,744168695	-0,035159908	17	47062673	47592376	-1
TOM1L1	204485_s_at	0,938235796	-0,010441193	17	50333203	50394309	1
ANKFN1	NA	NA	NA	17	51585835	51915006	1
NOG	NA	NA	NA	17	52026274	52027546	1
C17orf67	NA	NA	NA	17	52224273	52248249	-1
CUEDC1	219468_s_at	0,590175624	-0,103053662	17	53295336	53335749	-1
DYNLL2	NA	NA	NA	17	53515798	53521810	1
OR4D1	NA	NA	NA	17	53587514	53588446	1

OR4D2	NA	NA	NA	17	53602016	53602939	1
LPO	210682_at	0,774744041	0,036722665	17	53670847	53700878	1
MPO	203948_s_at	0,277259805	0,182129373	17	53702216	53713295	-1
RNF43	218704_at	0,223144954	0,253447695	17	53786036	53849893	-1
Sep 04	210348_at	0,145743974	0,255380013	17	53952615	53964410	-1
YPEL2	NA	NA	NA	17	54763835	54833877	1
CA4	206208_at	0,341634784	0,166153735	17	55582131	55591686	1
C17orf64	NA	NA	NA	17	55854655	55863545	1
RPL23AP74	NA	NA	NA	17	56501993	56502554	1
TBX2	205993_s_at	0,226202903	0,215943052	17	56832039	56841609	1
C17orf82	NA	NA	NA	17	56843894	56845423	1
TBX4	220634_at	0,178161628	0,190179215	17	56888589	56916446	1
EFCAB3	NA	NA	NA	17	57811646	57847569	1
MRC2	209280_at	0,158534376	0,405811015	17	58058494	58124685	1
MARCH10	NA	NA	NA	17	58132407	58239437	-1
TANC2	208425_s_at	0,49482061	0,105409893	17	58440630	58858799	1
CYB561	209163_at	0,046023545	0,494527728	17	58863397	58877454	-1
ACE	209749_s_at	0,573621126	0,091670763	17	58908166	58928711	1
MAP3K3	203514_at	0,495370949	0,13906916	17	59053533	59127402	1
CSH2	208342_x_at	0,118028699	0,244523251	17	59303104	59304821	-1
GH2	211508_s_at	0,171694403	0,208165218	17	59311304	59312955	-1
CSH1	208293_x_at	0,731235579	0,058636073	17	59326005	59327719	-1
CSHL1	NA	NA	NA	17	59340697	59342350	-1
GH1	206886_x_at	0,290461022	-0,127667621	17	59348295	59349930	-1
SCN4A	206981_at	0,231030369	0,223139815	17	59369646	59404010	-1
ICAM2	213620_s_at	0,398320467	0,260057619	17	59433687	59451726	-1
RPL31P57	NA	NA	NA	17	59739368	59739782	-1
PECAM1	NA	NA	NA	17	59753595	59817743	-1
LRRC37A3	206088_at	0,534273502	0,070320354	17	60280950	60345365	-1
AXIN2	NA	NA	NA	17	60955143	60988227	-1
CCDC46	213644_at	0,209036355	0,130525582	17	61062120	61618435	-1
APOH	205216_s_at	0,478753125	0,114993168	17	61638609	61656018	-1
CACNG5	221401_at	0,521068622	0,124514354	17	62303913	62311819	1

CACNG4	62987_r_at	0,131252932	0,316606169	17	62391475	62459980	1
CACNG1	206612_at	0,354156178	0,136927061	17	62471168	62483375	1
FAM20A	NA	NA	NA	17	64044860	64108690	-1
ABCA9	NA	NA	NA	17	64482368	64568731	-1
SOX9	202936_s_at	0,018256704	0,511009281	17	67628756	67634156	1
SSTR2	217455_s_at	0,238333742	0,211183156	17	68672755	68679689	1
CDC42EP4	218062_x_at	0,080210569	0,375740017	17	68791358	68819738	-1
SDK2	220628_s_at	0,30517809	0,254345218	17	68845407	68945808	-1
DNAI2	220636_at	0,10069586	0,210638912	17	69782007	69822618	1
KIF19	NA	NA	NA	17	69833946	69863554	1
BTBD17	NA	NA	NA	17	69864150	69869553	-1
GPR142	NA	NA	NA	17	69875240	69880334	1
GPRC5C	219327_s_at	0,665729917	0,039723015	17	69939262	69955163	1
CD300A	209933_s_at	0,203363711	0,207588854	17	69974117	69992528	1
CD300LB	NA	NA	NA	17	70028908	70039208	-1
CD300C	207270_x_at	0,19591212	0,168290488	17	70048842	70053877	-1
C17orf77	NA	NA	NA	17	70092652	70101943	1
CD300E	NA	NA	NA	17	70120307	70131396	-1
RAB37	NA	NA	NA	17	70178865	70255069	1
CD300LF	NA	NA	NA	17	70202047	70220703	-1
GRIN2C	210400_at	0,206170668	0,231456597	17	70349759	70367602	-1
FADS6	NA	NA	NA	17	70385068	70401300	-1
USH1G	NA	NA	NA	17	70423771	70430946	-1
OTOP2	NA	NA	NA	17	70431965	70441235	1
OTOP3	NA	NA	NA	17	70443492	70457106	1
SLC16A5	206600_s_at	0,29630166	0,109188075	17	70595650	70613847	1
ITGB4	211905_s_at	0,224111236	0,235370446	17	71229111	71265494	1
GALK1	204374_s_at	0,232491944	0,270107473	17	71265613	71272875	-1
UNC13D	NA	NA	NA	17	71334901	71352393	-1
CDK3	207188_at	0,692895905	0,08388309	17	71509014	71513251	1
EVPL	204503_at	0,158720968	0,209528506	17	71514522	71535102	-1
FOXJ1	205906_at	0,251304272	0,216400134	17	71644009	71648161	-1
QRICH2	NA	NA	NA	17	71781725	71815356	-1

SPHK1	219257_s_at	0,343322554	0,213037997	17	71892297	71895536	1
AANAT	207225_at	0,74278886	0,046749977	17	71975246	71977794	1
CYGB	NA	NA	NA	17	72035035	72045377	-1
PRCD	NA	NA	NA	17	72047767	72052047	1
ST6GALNAC2	204542_at	0,494244102	0,096635314	17	72073056	72093524	-1
ST6GALNAC1	NA	NA	NA	17	72132440	72151489	-1
MXRA7	212509_s_at	0,875401922	0,033922145	17	72183404	72218651	-1
MGAT5B	NA	NA	NA	17	72376393	72458066	1
FLJ45079	NA	NA	NA	17	73386704	73391764	-1
TNRC6C	NA	NA	NA	17	73556589	73612616	1
SOCS3	206360_s_at	0,222372414	0,226961443	17	73864454	73867753	-1
DNAH17	214229_at	0,711396287	-0,060642705	17	73931371	74082734	-1
CYTH1	202880_s_at	0,324191951	-0,63150744	17	74181725	74289971	-1
TIMP2	203167_at	0,000337024	1,413832652	17	74360654	74433067	-1
LGALS3BP	200923_at	0,184393521	0,274654683	17	74478932	74487656	-1
C1QTNF1	220975_s_at	0,747041682	0,035118358	17	74531846	74557465	1
ENGASE	220349_s_at	0,025621112	0,364941928	17	74582614	74596276	1
hCG_1776007	NA	NA	NA	17	74743415	74931797	-1
ENPP7	NA	NA	NA	17	75319477	75330616	1
CBX2	215989_at	0,935706532	-0,01875588	17	75366588	75375974	1
TBC1D16	NA	NA	NA	17	75528414	75624242	-1
CCDC40	220593_s_at	0,754959994	0,104466462	17	75625030	75689007	1
CARD14	220598_at	0,29310444	0,158959127	17	75766876	75797446	1
KIAA1618	NA	NA	NA	17	75849262	75909858	1
RNF213	NA	NA	NA	17	75928321	75984681	1
NPTX1	204684_at	0,488740683	0,084089816	17	76055228	76064999	-1
CHMP6	218743_at	0,894704991	-0,031016045	17	76580290	76588528	1
BAIAP2	207832_at	0,386589609	0,167495989	17	76623557	76705827	1
AATK	205986_at	0,063335135	0,264700226	17	76705160	76721740	-1
AZI1	214742_at	0,737637062	0,040092334	17	76777988	76811346	-1
C17orf55	NA	NA	NA	17	76891219	76897643	-1
TMEM105	NA	NA	NA	17	76899669	76919069	-1
BAHCC1	NA	NA	NA	17	76987561	77047953	1

FSCN2	207204_at	0,898382098	0,022555149	17	77110012	77114632	1
C17orf70	221800_s_at	0,730912078	-0,07458997	17	77117387	77130023	-1
NPLOC4	217796_s_at	0,024367578	0,436357512	17	77134357	77214543	-1
TSPAN10	NA	NA	NA	17	77219754	77226184	1
NPB	NA	NA	NA	17	77453446	77453916	1
RFNG	212968_at	0,067700835	0,275517917	17	77599067	77602939	-1
GPS1	217782_s_at	0,484153505	0,17883485	17	77603052	77608635	1
DUS1L	217912_at	0,230970243	0,347776845	17	77609040	77616969	-1
FASN	217006_x_at	0,165507568	0,35161058	17	77629503	77649395	-1
SLC16A3	217691_x_at	0,215891668	0,168030724	17	77779582	77790658	1
CD7	214049_x_at	0,121789061	0,249852886	17	77866035	77868769	-1
SECTM1	213716_s_at	0,220315346	0,294479234	17	77872189	77885210	-1
UTS2R	NA	NA	NA	17	77925490	77926659	1
C17orf101	64438_at	0,197566485	0,309354061	17	77943389	77969751	-1
HEXDC	NA	NA	NA	17	77969541	77993805	1
WDR45L	209076_s_at	0,818240854	0,061249989	17	78165727	78199700	-1
RAB40B	217597_x_at	0,213610549	0,762181445	17	78208238	78249802	-1
FN3KRP	218210_at	0,013344907	0,563687277	17	78267895	78279149	1
FN3K	219744_at	0,441390524	0,09268181	17	78286797	78302362	1
TBCD	201759_at	0,326887946	0,247192243	17	78303229	78494351	1
ZNF750	219995_s_at	0,814505856	0,027938513	17	78380599	78391220	-1
B3GNTL1	215055_at	0,169363106	0,374388436	17	78494956	78602975	-1
METRNL	NA	NA	NA	17	78630856	78646012	1
	NA	NA	NA	17 NT_113931.1	10022	11201	1
	NA	NA	NA	17 NT_113931.1	43319	44467	-1
DOC2B	NA	NA	NA	17 NT_113933.1	17840	51528	1
hCG_1741344	NA	NA	NA	17 NT_113933.1	58946	60469	-1
FLJ44838	NA	NA	NA	17 NT_113943.1	43956	49839	-1
GCGR	210565_at	0,132458179	0,272759081	17 NT_113944.1	57599	67518	1
LOC348262	NA	NA	NA	17 NT_113944.1	75788	77934	-1
COLEC12	221019_s_at	0,514593044	0,069835326	18	309356	490685	-1
CETN1	207209_at	0,945732827	0,009527294	18	570367	571524	1
CLUL1	206556_at	0,362823636	0,10058576	18	586998	640298	1

ADCYAP1	206281_at	0,630425621	0,068437183	18	894944	902173	1
EMILIN2	NA	NA	NA	18	2837028	2904090	1
MYOM1	205610_at	0,629181352	0,089019713	18	3056805	3210106	-1
FLJ35776	NA	NA	NA	18	3584112	3588350	1
TTMA	NA	NA	NA	18	5880184	5882103	-1
L3MBTL4	NA	NA	NA	18	5944705	6404910	-1
ARHGAP28	220381_at	0,266184341	0,166943697	18	6824484	6905715	1
LAMA1	222346_at	0,499161401	0,1906772	18	6931885	7107813	-1
LRRC30	NA	NA	NA	18	7221137	7222042	1
TWSG1	219201_s_at	0,665212303	-0,165509735	18	9324851	9392418	1
RAB31	217762_s_at	0,259160361	0,444900421	18	9765274	9852548	1
TXNDC2	NA	NA	NA	18	9875362	9878156	1
APCDD1	NA	NA	NA	18	10444625	10478694	1
NAPG	210048_at	0,730835735	-0,0760491	18	10516031	10540372	1
GNAL	206356_s_at	0,566427804	0,182208624	18	11679263	11871922	1
CIDEA	221295_at	0,205770407	0,241100077	18	12244318	12267594	1
SPIRE1	NA	NA	NA	18	12436511	12647912	-1
CEP192	218827_s_at	0,018355126	-0,957963999	18	12998499	13115052	1
MC5R	208565_at	0,486537837	0,077303052	18	13815765	13816742	1
MC2R	208568_at	0,144740395	0,282789709	18	13872043	13905535	-1
CTAGE1	220957_at	0,262582391	0,165630819	18	18247562	18251876	-1
LAMA3	203726_s_at	0,687294235	-0,061205274	18	19523560	19789028	1
TTC39C	NA	NA	NA	18	19826735	19966989	1
CABYR	219928_s_at	0,179855716	0,210844864	18	19972953	19995562	1
IMPACT	218637_at	0,01866495	0,745768464	18	20260680	20287490	1
KCTD1	NA	NA	NA	18	22288872	22474306	-1
AQP4	210067_at	0,667519591	0,046630736	18	22686005	22699714	-1
CHST9	NA	NA	NA	18	22749612	23019279	-1
CDH2	203440_at	0,079120101	0,426232843	18	23784933	24011189	-1
DSC3	206032_at	0,222533207	0,129135556	18	26824050	26876779	-1
DSC2	204750_s_at	0,714225466	0,040022557	18	26900004	26936375	-1
DSC1	207324_s_at	0,656870187	0,060219263	18	26963197	26996817	-1
DSG4	NA	NA	NA	18	27210738	27247877	1

DSG2	217901_at	0,316877008	0,465321916	18	27332170	27380754	1
TTR	209660_at	0,535976154	0,077936664	18	27425838	27432781	1
MCART2	NA	NA	NA	18	27593657	27594841	-1
MEP1B	207251_at	0,46797846	0,098978144	18	28023985	28054365	1
FAM59A	219377_at	0,088650513	0,56707471	18	28101461	28304445	-1
C18orf34	NA	NA	NA	18	28771364	29274683	-1
ASXL3	NA	NA	NA	18	29412539	29581397	1
NOL4	206045_s_at	0,434498007	-0,308703887	18	29685062	30057444	-1
ZNF24	212534_at	0,132439688	-0,433708006	18	31169957	31178405	-1
ZNF396	NA	NA	NA	18	31200659	31211299	-1
GALNT1	201724_s_at	0,628976151	-0,322570169	18	31488594	31545792	1
MOCOS	219959_at	0,428458413	-0,124353028	18	32021478	32102683	1
FHOD3	218980_at	0,36873753	-1,233263595	18	32131700	32614016	1
BRUNOL4	NA	NA	NA	18	33077828	33399941	-1
SYT4	NA	NA	NA	18	39101855	39111342	-1
SETBP1	205933_at	0,099525813	0,921265905	18	40535467	40898771	1
SLC14A2	208409_at	0,738423628	0,066879833	18	41448764	41517070	1
SLC14A1	205856_at	0,695412103	0,043040265	18	41558155	41585297	1
SIGLEC15	NA	NA	NA	18	41659543	41676519	1
PSTPIP2	219938_s_at	0,079061935	1,30827572	18	41817500	41906221	-1
C18orf25	217539_at	0,100896134	-0,27742975	18	42007986	42100953	1
RNF165	NA	NA	NA	18	42168185	42294781	1
KATNAL2	NA	NA	NA	18	42780785	42881661	1
TCEB3CL	NA	NA	NA	18	42802656	42804296	-1
TCEB3C	NA	NA	NA	18	42808571	42810447	-1
TCEB3B	220844_at	0,936971468	0,009536872	18	42812941	42815986	-1
ZBTB7C	217675_at	0,859498563	-0,034533247	18	43807731	43821492	-1
LIPG	219181_at	0,781645124	-0,028507688	18	45342425	45373276	1
MYO5B	NA	NA	NA	18	45603099	45975382	-1
MAPK4	204707_s_at	0,914087219	-0,018777736	18	46340482	46512194	1
MRO	NA	NA	NA	18	46578572	46600366	-1
ST8SIA3	208064_s_at	0,761411645	-0,06171822	18	53170719	53187160	1
ONECUT2	207676_at	0,421054231	0,119249009	18	53253915	53309528	1

ATP8B1	214594_x_at	0,490553564	-0,210839414	18	53464656	53550037	-1
GRP	206326_at	0,521432759	0,119227727	18	55038380	55048983	1
RAX	208242_at	0,464021842	0,106299187	18	55085247	55091605	-1
CCBE1	NA	NA	NA	18	55252124	55515570	-1
MC4R	221467_at	0,563498403	-0,091831226	18	56189544	56190981	-1
CDH20	210913_at	0,138093708	0,222185411	18	57308755	57373345	1
ZCCHC2	219062_s_at	0,000706483	-2,801546256	18	58357894	58396798	1
SERPINB5	204855_at	0,944984038	0,010364868	18	59295199	59323297	1
SERPINB12	NA	NA	NA	18	59374373	59385224	1
SERPINB13	217272_s_at	0,928677308	0,01224912	18	59405580	59417413	1
SERPINB3	209719_x_at	0,360787042	0,102841712	18	59473411	59480094	-1
SERPINB7	206421_s_at	0,316956106	0,098905626	18	59571257	59623583	1
SERPINB10	214539_at	0,345868619	0,126292001	18	59733725	59753456	1
CDH7	220679_s_at	0,77820652	-0,025096929	18	61568468	61699155	1
DSEL	NA	NA	NA	18	63324799	63334947	-1
DOK6	NA	NA	NA	18	65219271	65660373	1
CD226	207315_at	0,525361099	0,072494333	18	65681172	65775139	-1
CBLN2	NA	NA	NA	18	68354895	68362542	-1
NETO1	NA	NA	NA	18	68565767	68685790	-1
C18orf51	NA	NA	NA	18	70253943	70276159	-1
CNDP1	NA	NA	NA	18	70352672	70403241	1
ZNF516	203604_at	0,351962245	-0,193110272	18	72200607	72304045	-1
GALR1	220821_at	0,710240497	0,037711256	18	73090721	73111081	1
SALL3	NA	NA	NA	18	74841263	74859182	1
CTDP1	205035_at	0,31204765	-0,211949961	18	75540789	75615495	1
KCNG2	208550_x_at	0,418225293	0,265135888	18	75724656	75760804	1
PQLC1	218208_at	0,039768751	-0,439294755	18	75763475	75812605	-1
C18orf22	219419_at	0,175417877	0,325994225	18	75895346	75907380	1
ADNP2	203322_at	0,613025488	0,31289431	18	75967903	75999220	1
PARD6G	NA	NA	NA	18	76016106	76106388	-1
OR4F17	NA	NA	NA	19	61679	62596	1
PPAP2C	209529_at	0,168672489	0,192906564	19	232043	242435	-1
THEG	220808_at	0,774889601	0,054941201	19	313057	327009	-1

SHC2	213464_at	0,145743974	0,223694863	19	367583	411832	-1
ODF3L2	NA	NA	NA	19	414360	425983	-1
MADCAM1	208037_s_at	0,279836091	0,141896513	19	447490	456343	1
CDC34	212540_at	0,756007918	-0,133760078	19	482733	493087	1
GZMM	207460_at	0,282216842	0,132898628	19	495027	500919	1
HCN2	214893_x_at	0,203309599	0,289407547	19	540893	568159	1
FSTL3	203592_s_at	0,48460573	0,089559507	19	627389	634392	1
PRSSL1	NA	NA	NA	19	636546	646461	-1
PALM	203859_s_at	0,315428132	0,125748501	19	659953	699330	1
C19orf21	212925_at	0,209713088	0,163021687	19	702146	715318	1
PRG2	220798_x_at	0,298552295	0,160408754	19	763518	772952	-1
AZU1	214575_s_at	0,60766692	0,117597811	19	778831	783017	1
PRTN3	207341_at	0,752102369	0,041860841	19	791985	799175	1
ELANE	206871_at	0,749257744	-0,039809279	19	803291	807246	1
CFD	205382_s_at	0,045355499	1,178357497	19	810665	814624	1
MED16	43544_at	0,066867493	-0,433947792	19	818962	844218	-1
GRIN3B	NA	NA	NA	19	951437	960723	1
EFNA2	208256_at	0,489027099	0,098122768	19	1237168	1250944	1
MUM1	221290_s_at	0,390349581	-0,28520009	19	1306010	1329427	1
NDUFS7	211752_s_at	0,659398442	0,251552236	19	1334906	1346581	1
APC2	205320_at	0,361085193	0,268455883	19	1401148	1424243	1
PCSK4	NA	NA	NA	19	1432427	1441407	-1
REEP6	NA	NA	NA	19	1442165	1448924	1
ADAMTSL5	NA	NA	NA	19	1456023	1464019	-1
MEX3D	91816_f_at	0,636898013	-0,40324645	19	1505668	1519057	-1
ONECUT3	NA	NA	NA	19	1704662	1726444	1
ATP8B3	215319_at	0,348044685	0,145565102	19	1733074	1763270	-1
SCAMP4	213244_at	0,597355612	-0,16409316	19	1856373	1877012	1
ADAT3	NA	NA	NA	19	1856417	1864446	1
C19orf34	NA	NA	NA	19	1903526	1905548	-1
BTBD2	207722_s_at	0,732380516	-0,236744597	19	1936447	1966702	-1
AMH	206516_at	0,638905458	0,183376558	19	2200113	2203072	1
JSRP1	NA	NA	NA	19	2203252	2207386	-1

LINGO3	NA	NA	NA	19	2240774	2259156	-1
TMPRSS9	NA	NA	NA	19	2340784	2377086	1
DIRAS1	NA	NA	NA	19	2665565	2672369	-1
SLC39A3	NA	NA	NA	19	2683522	2691074	-1
ZNF554	NA	NA	NA	19	2770872	2787733	1
ZNF555	NA	NA	NA	19	2792482	2805036	1
ZNF556	220709_at	0,437808838	0,096152434	19	2818333	2829501	1
ZNF57	NA	NA	NA	19	2851964	2869474	1
ZNF77	NA	NA	NA	19	2884216	2895930	-1
TLE6	222219_s_at	0,960738761	0,016778703	19	2928562	2946176	1
AES	217729_s_at	0,908049244	-0,049931629	19	3003908	3013964	-1
GNA11	204248_at	0,494388462	0,255191427	19	3045408	3072468	1
GNA15	205349_at	0,426016445	0,160138957	19	3087191	3114766	1
BRUNOL5	NA	NA	NA	19	3175701	3248074	1
NFIC	206929_s_at	0,034517883	0,532094621	19	3310616	3414603	1
FZR1	209415_at	0,215438479	0,163661657	19	3473954	3489325	1
HMG20B	209113_s_at	0,305099463	0,490937669	19	3523943	3530081	1
GIPC3	NA	NA	NA	19	3536569	3541434	1
TBXA2R	207555_s_at	0,200372206	0,506840526	19	3545504	3557658	-1
PIP5K1C	212518_at	0,119336889	0,495381481	19	3581182	3651445	-1
TJP3	213412_at	0,395825503	0,151690798	19	3679374	3701682	1
RAX2	216429_at	0,189267817	0,206434383	19	3720087	3723219	-1
MATK	206267_s_at	0,175999604	0,304699182	19	3728967	3752810	-1
ZFR2	215419_at	0,779590478	0,04302735	19	3755022	3820027	-1
ATCAY	NA	NA	NA	19	3831639	3879080	1
ITGB1BP3	221051_s_at	0,227425039	0,170186563	19	3884101	3893414	1
CREB3L3	NA	NA	NA	19	4104629	4124050	1
EBI3	219424_at	0,816499266	-0,073440487	19	4180540	4188525	1
SHD	NA	NA	NA	19	4230659	4241720	1
TMIGD2	NA	NA	NA	19	4243229	4253428	-1
FSD1	219170_at	0,571135707	0,264446584	19	4255691	4274838	1
UBXN6	220757_s_at	0,809345517	-0,072703573	19	4396261	4408790	-1
HDGF2	NA	NA	NA	19	4423255	4453223	1

KIAA1881	NA	NA	NA	19	4453192	4468716	-1
LSDP5	NA	NA	NA	19	4473543	4486208	-1
LRG1	NA	NA	NA	19	4488227	4491036	-1
SEMA6B	220778_x_at	0,073970042	0,427312463	19	4493600	4509503	-1
FEM1A	NA	NA	NA	19	4742728	4746571	1
TICAM1	213191_at	0,862860312	0,056979133	19	4766992	4769451	-1
KDM4B	212495_at	0,090288129	-0,582140749	19	4920132	5104606	1
PTPRS	210823_s_at	0,879473269	0,031562229	19	5156519	5291814	-1
ZNRF4	215461_at	0,140368993	0,196202069	19	5406426	5407867	1
NRTN	210683_at	0,021123204	0,396236152	19	5774818	5779335	1
FUT6	216010_x_at	0,159810571	0,214681898	19	5781637	5790742	-1
FUT3	214088_s_at	0,670922079	0,049582785	19	5793899	5802485	-1
FUT5	211225_at	0,924871835	0,016993797	19	5816837	5821551	-1
RFX2	208031_s_at	0,460702913	0,087871941	19	5944175	6061554	-1
ACSBG2	221716_s_at	0,897638242	0,028616192	19	6086710	6144112	1
ACER1	NA	NA	NA	19	6257725	6284562	-1
CLPP	202799_at	0,718747413	-0,138105128	19	6312463	6319915	1
ALKBH7	NA	NA	NA	19	6323444	6326040	1
PSPN	221373_x_at	0,717982706	0,094647021	19	6326305	6326860	-1
SLC25A41	NA	NA	NA	19	6377048	6384790	-1
TUBB4	212664_at	0,401849074	0,308007457	19	6445330	6453330	-1
TNFSF14	207907_at	0,16248081	0,306714051	19	6615560	6621599	-1
C3	217767_at	0,478525122	0,097294039	19	6628846	6671662	-1
EMR1	207111_at	0,064216853	1,051979297	19	6838582	6891464	1
EMR4P	NA	NA	NA	19	6903511	6941857	-1
MBD3L2	NA	NA	NA	19	7000351	7002746	1
ARHGEF18	213039_at	0,017563733	-1,176445547	19	7351866	7443371	1
PEX11G	NA	NA	NA	19	7447761	7459905	-1
C19orf45	NA	NA	NA	19	7468485	7479336	1
ZNF358	219379_x_at	0,085994728	0,595030754	19	7487004	7491911	1
MCOLN1	219952_s_at	0,003926404	0,997353979	19	7493512	7504864	1
KIAA1543	NA	NA	NA	19	7566788	7589196	1
PCP2	NA	NA	NA	19	7602507	7604570	-1

RETN	220570_at	0,405463944	0,126184895	19	7639972	7641340	1
C19orf59	NA	NA	NA	19	7647943	7650719	1
FCER2	206760_s_at	0,657479622	-0,120788213	19	7659662	7672997	-1
CLEC4G	NA	NA	NA	19	7699850	7703005	-1
CD209	207278_s_at	0,20425715	0,276738832	19	7710882	7718406	-1
CLEC4M	207995_s_at	0,407805618	0,198316672	19	7734081	7740491	1
LRRC8E	220174_at	0,231952032	0,217038942	19	7859390	7872907	1
CTXN1	NA	NA	NA	19	7895384	7897029	-1
CCL25	206988_at	0,38489304	0,192836266	19	8023934	8033547	1
FBN3	NA	NA	NA	19	8036287	8118385	-1
KANK3	213715_s_at	0,405108347	0,146107542	19	8293468	8314146	-1
ANGPTL4	221009_s_at	0,318072731	0,204285779	19	8335011	8345257	1
MARCH2	210075_at	0,148571022	0,346493036	19	8384187	8409901	1
PRAM1	NA	NA	NA	19	8460940	8473495	-1
ZNF414	NA	NA	NA	19	8482219	8485032	-1
ADAMTS10	NA	NA	NA	19	8551126	8581588	-1
ACTL9	NA	NA	NA	19	8668753	8670172	-1
OR2Z1	NA	NA	NA	19	8702391	8703335	1
ZNF558	NA	NA	NA	19	8781382	8794565	-1
MBD3L1	NA	NA	NA	19	8814332	8814995	1
MUC16	NA	NA	NA	19	8820520	8953018	-1
OR1M1	NA	NA	NA	19	9064921	9065862	1
OR7G2	NA	NA	NA	19	9073945	9074982	-1
OR7G1	NA	NA	NA	19	9086274	9087439	-1
OR7D4	NA	NA	NA	19	9185575	9186513	-1
OR7E24	215463_at	0,213050771	0,187539313	19	9222720	9223739	1
ZNF699	NA	NA	NA	19	9266986	9276795	-1
ZNF559	NA	NA	NA	19	9295928	9315521	1
ZNF560	NA	NA	NA	19	9438031	9470279	-1
ZNF121	NA	NA	NA	19	9537292	9556209	-1
OLFM2	NA	NA	NA	19	9825394	9908070	-1
COL5A3	218975_at	0,438338579	0,121409612	19	9931237	9982147	-1
RDH8	220683_at	0,017751501	0,519110577	19	9984925	9993954	1

C3P1	NA	NA	NA	19	10013032	10045811	1
GLP-1	NA	NA	NA	19	10276479	10281233	-1
FDX1L	NA	NA	NA	19	10281891	10287691	-1
PDE4A	204735_at	0,415379826	-0,642330308	19	10424637	10441306	1
S1PR5	221417_x_at	0,267846287	0,11511794	19	10484623	10489112	-1
ATG4D	NA	NA	NA	19	10515647	10525094	1
AP1M2	218261_at	0,209446093	0,250248464	19	10544347	10558991	-1
SLC44A2	NA	NA	NA	19	10597229	10616232	1
YIPF2	219075_at	0,019969326	0,579805976	19	10894444	10900357	-1
C19orf52	NA	NA	NA	19	10900424	10901917	1
SPC24	NA	NA	NA	19	11118831	11127484	-1
DOCK6	222003_s_at	0,118783673	-0,24627373	19	11170971	11234157	-1
LOC55908	220437_at	0,39399764	0,086191281	19	11209817	11213619	1
TSPAN16	NA	NA	NA	19	11267824	11298672	1
EPOR	396_f_at	0,028447647	0,409740237	19	11349475	11356019	-1
RGL3	NA	NA	NA	19	11366001	11391004	-1
ACP5	204638_at	0,562984887	-0,151306958	19	11546477	11549496	-1
ZNF627	NA	NA	NA	19	11569327	11590974	1
ZNF833	NA	NA	NA	19	11645808	11658384	1
ZNF823	NA	NA	NA	19	11693080	11710760	-1
ZNF491	NA	NA	NA	19	11770391	11780306	1
ZNF69	NA	NA	NA	19	11859670	11886144	1
ZNF763	NA	NA	NA	19	11936869	11952214	1
ZNF433	NA	NA	NA	19	11986532	12007525	-1
LOC729747	NA	NA	NA	19	12015620	12028127	-1
ZNF20	213916_at	0,16715161	-0,181422626	19	12103803	12112140	-1
ZNF442	208081_s_at	0,935706532	0,015843685	19	12321185	12337475	-1
ZNF799	205928_at	0,849282245	-0,051077111	19	12361830	12373034	-1
ZNF443	NA	NA	NA	19	12401520	12412823	-1
ZNF709	NA	NA	NA	19	12435743	12456632	-1
BEST2	207432_at	0,735293538	0,051423898	19	12724407	12730272	1
RTBDN	NA	NA	NA	19	12797296	12807230	-1
MAST1	217231_s_at	0,332801881	-0,158470161	19	12810348	12846765	1

SYCE2	NA	NA	NA	19	12870894	12891086	-1
NFIX	209807_s_at	0,136625165	0,319350474	19	12967584	13070610	1
CACNA1A	214933_at	0,240198047	0,480764225	19	13178256	13478274	-1
CCDC130	208094_s_at	0,845039586	-0,043548472	19	13719753	13735106	1
ZSWIM4	NA	NA	NA	19	13767274	13804044	1
NANOS3	NA	NA	NA	19	13848950	13852571	1
PODNL1	220411_x_at	0,771241252	0,040603848	19	13904167	13910289	-1
C19orf72	221849_s_at	0,264806225	-0,213014131	19	13924319	13933256	1
RLN3	217702_at	0,233548131	0,280899391	19	14000017	14002783	1
SAMD1	NA	NA	NA	19	14060229	14062232	-1
PKN1	202161_at	0,246867931	-0,790885693	19	14405166	14443679	1
PTGER1	207650_x_at	0,111274038	0,25677093	19	14444278	14447174	-1
GIPC1	207525_s_at	0,041039572	0,809947463	19	14449571	14467944	-1
NDUFB7	202839_s_at	0,697610437	0,19658622	19	14537890	14543886	-1
EMR3	210724_at	0,715282143	0,085133167	19	14591051	14646730	-1
EMR2	207610_s_at	0,714924168	-0,054988882	19	14704205	14750353	-1
OR7C1	216690_at	0,967618909	-0,009910412	19	14770986	14771948	-1
OR7A10	217316_at	0,679907523	-0,049663745	19	14812760	14813689	-1
OR7A17	208509_s_at	0,294209055	0,230102935	19	14852238	14853167	-1
OR7C2	208507_at	0,427566952	0,136995642	19	14913301	14914260	1
SLC1A6	206882_at	0,663059017	-0,08227939	19	14921991	14944730	-1
CCDC105	NA	NA	NA	19	14982556	14995081	1
CASP14	NA	NA	NA	19	15024015	15027900	1
OR111	NA	NA	NA	19	15058877	15059944	1
SYDE1	216272_x_at	0,159127065	0,301858192	19	15079214	15086789	1
NOTCH3	203237_s_at	0,273706449	0,124034115	19	15131444	15172792	-1
EPHX3	220013_at	0,793835839	0,056835166	19	15198730	15204231	-1
WIZ	221784_at	0,12455637	0,247251487	19	15393318	15421762	-1
PGLYRP2	NA	NA	NA	19	15440456	15451315	-1
CYP4F22	NA	NA	NA	19	15480336	15524128	1
CYP4F8	210576_at	0,676341282	0,043954892	19	15587029	15601448	1
CYP4F3	206514_s_at	0,979397928	0,003652171	19	15612707	15632570	1
CYP4F12	206539_s_at	0,338433618	0,118977839	19	15644886	15668984	1

OR10H2	208543_at	0,828782344	0,02449914	19	15699834	15700862	1
OR10H3	208520_at	0,382517362	0,148071128	19	15713203	15714153	1
OR10H5	208558_at	0,238257702	0,390739099	19	15765859	15766806	1
OR10H1	NA	NA	NA	19	15778817	15779936	-1
CYP4F2	210452_x_at	0,141784323	0,233307677	19	15849834	15869884	-1
CYP4F11	206153_at	0,121928395	0,259956833	19	15884181	15906326	-1
OR10H4	NA	NA	NA	19	15920818	15921768	1
HSH2D	NA	NA	NA	19	16105838	16130381	1
CIB3	NA	NA	NA	19	16133179	16145286	-1
CALR3	NA	NA	NA	19	16450887	16468003	-1
C19orf44	NA	NA	NA	19	16468205	16493163	1
NWD1	NA	NA	NA	19	16691787	16789764	1
SIN3B	39705_at	0,75688028	0,044621012	19	16801218	16852164	1
F2RL3	NA	NA	NA	19	16860826	16863830	1
CPAMD8	NA	NA	NA	19	16864762	16998625	-1
MYO9B	217297_s_at	0,241635996	-0,483551431	19	17073528	17185104	1
PLVAP	221529_s_at	0,252863685	0,159230696	19	17323264	17349137	-1
FAM125A	NA	NA	NA	19	17391912	17397140	1
NXNL1	NA	NA	NA	19	17427234	17432725	-1
SLC27A1	NA	NA	NA	19	17442300	17477977	1
FAM129C	NA	NA	NA	19	17495110	17525648	1
UNC13A	214817_at	0,205770407	0,209630041	19	17573137	17660401	-1
B3GNT3	204856_at	0,170176049	0,227448926	19	17766919	17785385	1
INSL3	214572_s_at	0,468847351	0,148494073	19	17788322	17793320	-1
JAK3	207187_at	0,007873376	0,35602361	19	17797961	17819800	-1
SLC5A5	211123_at	0,181045797	0,183429646	19	17843782	17865897	1
CCDC124	NA	NA	NA	19	17906905	17915783	1
KCNN1	206231_at	0,292254764	0,147355061	19	17923111	17970930	1
IL12RB1	206890_at	0,463960476	-0,142337849	19	18031371	18058697	-1
PGPEP1	219891_at	0,656870187	0,122126118	19	18312408	18341763	1
GDF15	221577_x_at	0,388287974	-0,138094871	19	18357968	18360986	1
LRRC25	NA	NA	NA	19	18362954	18369415	-1
ISYNA1	222240_s_at	0,737510059	0,047313951	19	18406625	18409943	-1

C19orf50	200076_s_at	0,560208674	-0,204019339	19	18529604	18541188	1
CRLF1	206315_at	0,84269086	-0,030807133	19	18565047	18578660	-1
TMEM59L	219005_at	0,36941691	0,148982902	19	18584682	18592849	1
COMP	205713_s_at	0,644611261	0,115846342	19	18754583	18763114	-1
LASS1	NA	NA	NA	19	18849727	18867953	-1
HAPLN4	NA	NA	NA	19	19227471	19234560	-1
TM6SF2	NA	NA	NA	19	19236174	19245074	-1
GATAD2A	218131_s_at	0,048562665	-1,299397743	19	19430401	19478789	1
CILP2	NA	NA	NA	19	19510074	19518468	1
ZNF506	221626_at	0,314052929	-0,167573689	19	19765643	19793560	-1
ZNF253	206900_x_at	0,065669834	-0,635796266	19	19837714	19865293	1
ZNF93	215758_x_at	0,030241674	-0,797124964	19	19872787	19906766	1
ZNF682	216468_s_at	0,341974935	-0,084901174	19	19976227	20011277	-1
ZNF486	NA	NA	NA	19	20139083	20169984	1
ZNF826	NA	NA	NA	19	20367763	20399602	-1
ZNF626	NA	NA	NA	19	20594585	20636242	-1
ZNF430	206829_x_at	0,027206994	-0,943486141	19	20995337	21033493	1
ZNF714	NA	NA	NA	19	21056811	21099737	1
ZNF431	NA	NA	NA	19	21116728	21160645	1
ZNF708	NA	NA	NA	19	21265803	21304052	-1
ZNF493	211064_at	0,535455528	-0,074380629	19	21371771	21402137	1
ZNF429	NA	NA	NA	19	21480277	21512919	1
ZNF43	206695_x_at	0,075675358	-0,906927532	19	21779592	21810810	-1
ZNF208	208542_x_at	0,72340803	0,090563938	19	21940737	21985585	-1
ZNF257	210697_at	0,528430441	-0,098149777	19	22027106	22065745	1
ZNF676	NA	NA	NA	19	22153743	22171593	-1
ZNF98	NA	NA	NA	19	22365739	22396988	-1
ZNF492	215532_x_at	0,535358495	-0,097792632	19	22609079	22642268	1
ZNF99	NA	NA	NA	19	22730847	22744624	-1
ZNF91	206059_at	0,045281482	-1,046869763	19	23332338	23370109	-1
ZNF675	217547_x_at	0,422871368	-0,226572411	19	23627548	23661857	-1
ZNF681	NA	NA	NA	19	23713837	23733533	-1
ZNF254	206862_at	0,213888226	-0,225710373	19	24061816	24104494	1

PLEKHF1	219566_at	0,945286717	0,016106038	19	34848167	34858224	1
C19orf2	211563_s_at	0,135154593	-0,343852844	19	35125265	35198456	1
TSHZ3	NA	NA	NA	19	36457691	36532030	-1
ANKRD27	221522_at	0,650158836	-0,252450388	19	37779747	37857942	-1
RGS9BP	NA	NA	NA	19	37858153	37861046	1
SLC7A9	220135_s_at	0,260005409	0,134278803	19	38013262	38052512	-1
CCDC123	NA	NA	NA	19	38061744	38154709	-1
C19orf40	214816_x_at	0,42161289	-0,178068648	19	38155018	38159814	1
RHPN2	NA	NA	NA	19	38161338	38247634	-1
WDR88	NA	NA	NA	19	38314838	38358545	1
LRP3	204381_at	0,26520927	0,248279276	19	38377330	38390383	1
SLC7A10	220868_s_at	0,594386968	0,069830557	19	38391411	38408548	-1
CEBPA	NA	NA	NA	19	38482776	38485160	-1
PEPD	202108_at	0,177183138	0,561320785	19	38569701	38704641	-1
CHST8	221065_s_at	0,358272418	0,143006351	19	38867274	38956254	1
KIAA0355	203288_at	0,101513649	-0,711962367	19	39437296	39538311	1
WTIP	NA	NA	NA	19	39664720	39683925	1
SCGBL	NA	NA	NA	19	39776186	39777330	-1
ZNF599	NA	NA	NA	19	39940819	39955974	-1
ZNF30	NA	NA	NA	19	40109647	40127916	1
ZNF792	NA	NA	NA	19	40139098	40146793	-1
SCN1B	205508_at	0,921696775	-0,027339689	19	40213374	40223193	1
FXD3	202489_s_at	0,140944437	0,161014252	19	40298639	40307067	1
LGI4	NA	NA	NA	19	40307257	40317944	-1
FXD1	205384_at	0,759305427	0,060260414	19	40321572	40325794	1
FXD7	220131_at	0,357281375	0,134916453	19	40325994	40337045	1
HAMP	220491_at	0,199525397	0,443090054	19	40465250	40467886	1
MAG	216617_s_at	0,822930026	0,059181102	19	40474878	40496547	1
FFAR1	NA	NA	NA	19	40534295	40535197	1
FFAR3	221385_s_at	0,72854794	-0,086891073	19	40541342	40543231	1
GPR42P	NA	NA	NA	19	40554102	40555142	1
FFAR2	221345_at	0,883378205	-0,031647322	19	40632457	40633449	1
DMKN	NA	NA	NA	19	40679962	40696394	-1

ATP4A	207139_at	0,351962245	0,249112887	19	40732935	40746400	-1
ETV2	215510_at	0,72093631	0,051445682	19	40824487	40827613	1
UPK1A	214624_at	0,889776156	-0,025020455	19	40849555	40861207	1
ZBTB32	220118_at	0,907575154	-0,018372449	19	40895670	40899780	1
SNX26	213827_at	0,867749151	0,034484272	19	40958316	40971564	1
PRODH2	216696_s_at	0,121639982	0,209332251	19	40982732	40996041	-1
APLP1	209462_at	0,677966401	0,162547018	19	41051241	41062539	1
TYROBP	204122_at	0,571915777	0,099056606	19	41087143	41091026	-1
SDHAF1	44669_at	0,386872212	-0,204727165	19	41177941	41179054	1
CLIP3	212358_at	0,355058222	0,123280496	19	41197403	41215615	-1
COX7A1	204570_at	0,636208887	0,117749643	19	41333664	41335611	-1
ZFP14	NA	NA	NA	19	41519002	41561918	-1
ZNF260	NA	NA	NA	19	41693434	41711010	-1
ZNF461	NA	NA	NA	19	41820123	41849579	-1
ZNF790	NA	NA	NA	19	42000170	42021124	-1
ZNF568	NA	NA	NA	19	42099074	42134290	1
HKR1	NA	NA	NA	19	42517420	42547197	1
ZNF793	NA	NA	NA	19	42689681	42726079	1
ZNF540	NA	NA	NA	19	42734148	42796836	1
ZNF781	NA	NA	NA	19	42850490	42874992	-1
DPF1	206531_at	0,833116181	-0,041240507	19	43394187	43406628	-1
PPP1R14A	NA	NA	NA	19	43433717	43439012	-1
SPINT2	210715_s_at	0,451405691	-0,386401731	19	43447042	43474948	1
C19orf33	NA	NA	NA	19	43486644	43487486	1
GGN	NA	NA	NA	19	43566832	43570508	-1
SPRED3	NA	NA	NA	19	43572779	43578711	1
FAM98C	NA	NA	NA	19	43585615	43591568	1
RASGRP4	NA	NA	NA	19	43591538	43608785	-1
RYR1	205485_at	0,644699506	0,064560298	19	43616180	43770044	1
CAPN12	NA	NA	NA	19	43912672	43926954	-1
LGALS7	206400_at	0,386589609	0,157143892	19	43953445	43955983	-1
LGALS7B	NA	NA	NA	19	43971707	43974173	1
LGALS4	204272_at	0,321904501	0,155551272	19	43984155	43995422	-1

PAPL	NA	NA	NA	19	44266785	44293318	1
NCCRP1	NA	NA	NA	19	44379444	44384362	1
SYCN	NA	NA	NA	19	44385305	44395713	-1
IL28B	NA	NA	NA	19	44426112	44427451	-1
IL28A	NA	NA	NA	19	44450997	44452572	1
IL29	NA	NA	NA	19	44478805	44481152	1
SELV	NA	NA	NA	19	44697593	44703166	1
LGALS13	220440_at	0,397341939	0,123296242	19	44785009	44789954	1
LGALS14	220158_at	0,132192041	0,182687461	19	44886786	44891928	1
CLC	206207_at	0,098709852	0,308170747	19	44913735	44920508	-1
DYRK1B	204954_s_at	0,171298804	0,386289626	19	45007830	45016681	-1
FCGBP	203240_at	0,672007351	-0,236000638	19	45045803	45132373	-1
MAP3K10	206362_x_at	0,34002709	0,161448757	19	45389491	45413314	1
TTC9B	NA	NA	NA	19	45413805	45416138	-1
CNTD2	NA	NA	NA	19	45419962	45424404	-1
HIPK4	NA	NA	NA	19	45577018	45587934	-1
PRX	220024_s_at	0,185677698	0,285124136	19	45591511	45611111	-1
LTBP4	213176_s_at	0,086357801	0,429520668	19	45790912	45827565	1
NUMBL	NA	NA	NA	19	45863650	45888396	-1
EGLN2	220956_s_at	0,445296654	-0,136675989	19	45996888	46006177	1
CYP2A6	1494_f_at	0,125699379	0,1973615	19	46041284	46048180	-1
CYP2A13	208327_at	0,516160584	0,108836882	19	46286208	46293939	1
CYP2F1	207913_at	0,280696839	0,110509814	19	46312193	46326121	1
CYP2S1	NA	NA	NA	19	46390955	46405284	1
AXL	202685_s_at	0,164661591	0,23390216	19	46416948	46459511	1
B3GNT8	NA	NA	NA	19	46623104	46626475	-1
ATP5SL	45828_at	0,018256704	-0,599013744	19	46629064	46637650	-1
CEACAM21	214907_at	0,110202172	0,462101266	19	46774371	46785037	1
CEACAM4	207205_at	0,337078091	0,105844672	19	46817184	46825282	-1
CEACAM7	206199_at	0,304221889	0,205795186	19	46869073	46883936	-1
CEACAM5	201884_at	0,415532001	0,096413178	19	46904370	46926277	1
LYPD4	NA	NA	NA	19	47032990	47040348	-1
DMRTC2	NA	NA	NA	19	47040926	47048238	1

ERF	203643_at	0,402836911	-0,269752891	19	47443557	47451149	-1
TMEM145	NA	NA	NA	19	47509317	47521054	1
MEGF8	214778_at	0,403328893	0,113870099	19	47521601	47574761	1
LIPE	208186_s_at	0,082734128	-0,631305241	19	47597506	47623418	-1
CXCL17	NA	NA	NA	19	47624535	47638976	-1
CEACAM1	210610_at	0,185485203	0,169581389	19	47703298	47724479	-1
CEACAM8	206676_at	0,997427993	0,000349215	19	47776235	47790890	-1
PSG3	215821_x_at	0,258697415	0,15194849	19	47917634	47936508	-1
PSG8	NA	NA	NA	19	47950287	47961573	-1
PSG1	208257_x_at	0,359474575	0,15376739	19	48063198	48075711	-1
PSG6	208106_x_at	0,230267826	0,219910405	19	48098080	48113883	-1
PSG7	208191_x_at	0,280948836	0,241824306	19	48120124	48133170	-1
PSG11	NA	NA	NA	19	48203649	48222471	-1
PSG2	208134_x_at	0,465642807	0,094095155	19	48260202	48278654	-1
PSG5	204830_x_at	0,182444632	0,236226888	19	48363735	48383286	-1
PSG4	NA	NA	NA	19	48388694	48401630	-1
PSG9	207733_x_at	0,289732131	0,160684807	19	48449275	48465522	-1
CD177	NA	NA	NA	19	48549665	48559320	1
TEX101	NA	NA	NA	19	48584603	48614589	1
LYPD3	204952_at	0,243419497	0,161691531	19	48656786	48661671	-1
CADM4	222293_at	0,150190392	0,19760657	19	48818362	48835831	-1
PLAUR	210845_s_at	0,056625982	0,249571873	19	48842088	48866342	-1
IRGC	214392_at	0,33831404	0,199739278	19	48912078	48916013	1
LYPD5	NA	NA	NA	19	48992233	49016626	-1
ZNF283	NA	NA	NA	19	49023313	49044890	1
ZNF404	NA	NA	NA	19	49068355	49079956	-1
ZNF221	220847_x_at	0,20899003	0,223348173	19	49147237	49163592	1
ZNF155	221201_s_at	0,588662753	0,082102757	19	49180195	49194317	1
ZNF223	207128_s_at	0,748114146	0,04110446	19	49248004	49263982	1
ZNF284	NA	NA	NA	19	49268137	49283463	1
ZNF234	217663_at	0,283903496	0,113722302	19	49337618	49354127	1
ZNF233	NA	NA	NA	19	49455916	49471308	1
ZNF235	220350_at	0,853810791	0,025739581	19	49482440	49501010	-1

ZFP112	222237_s_at	0,996733076	0,000498618	19	49522546	49552696	-1
ZNF285A	NA	NA	NA	19	49581648	49597617	-1
ZNF229	NA	NA	NA	19	49622266	49644505	-1
ZNF180	219495_s_at	0,756684583	-0,052079801	19	49671701	49696395	-1
CEACAM20	NA	NA	NA	19	49702051	49725388	-1
PVR	214443_at	0,102907552	0,25588053	19	49839066	49858690	1
CEACAM19	NA	NA	NA	19	49866834	49879352	1
CEACAM16	NA	NA	NA	19	49894198	49905826	1
CBLC	220638_s_at	0,040705694	0,33474447	19	49972988	49995731	1
BCAM	40093_at	0,086357801	0,247955868	19	50004178	50016518	1
PVRL2	203149_at	0,848923312	0,039768699	19	50041233	50084325	1
APOE	212884_x_at	0,155090169	0,430919392	19	50100879	50104490	1
APOC1	204416_x_at	0,608615424	0,092358373	19	50109761	50114446	1
APOC4	206738_at	0,264280909	0,150984296	19	50137335	50140591	1
APOC2	204561_x_at	0,064201454	0,299849559	19	50141083	50144658	1
RELB	205205_at	0,15097043	-0,636920429	19	50196552	50233292	1
NKPD1	NA	NA	NA	19	50347001	50348950	-1
TRAPPC6A	204985_s_at	0,046676379	0,50402952	19	50358026	50373325	-1
BLOC1S3	NA	NA	NA	19	50373891	50375003	1
EXOC3L2	NA	NA	NA	19	50407719	50429309	-1
MARK4	221560_at	0,679643079	0,079781041	19	50446682	50500381	1
CKM	204810_s_at	0,362272887	0,212739493	19	50501511	50517974	-1
KLC3	NA	NA	NA	19	50535838	50546618	1
ERCC2	213468_at	0,589272971	-0,091409631	19	50546686	50565669	-1
FLJ40125	NA	NA	NA	19	50693571	50697608	1
GPR4	206236_at	0,728174916	0,059607717	19	50784865	50787557	-1
FBXO46	205310_at	0,935730351	0,020900668	19	50905727	50925991	-1
RSHL1	220965_s_at	0,473452753	0,110641169	19	50990808	51010417	-1
IRF2BP1	213771_at	0,672398805	0,114693705	19	51078706	51081216	-1
NANOS2	NA	NA	NA	19	51108312	51109876	-1
NOVA2	206477_s_at	0,149824768	0,347520832	19	51134631	51168497	-1
PGLYRP1	207384_at	0,187269989	0,173071118	19	51214281	51218163	-1
IGFL4	NA	NA	NA	19	51234846	51236114	-1

IGFL3	NA	NA	NA	19	51315168	51319771	-1
IGFL2	NA	NA	NA	19	51342879	51356386	1
IGFL1	NA	NA	NA	19	51424849	51426340	1
HIF3A	219319_at	0,168860774	0,25293885	19	51492145	51538530	1
CCDC8	NA	NA	NA	19	51605925	51608681	-1
PNMAL1	218824_at	0,625026973	0,083406843	19	51661588	51666660	-1
PNMAL2	NA	NA	NA	19	51686288	51691009	-1
PTGIR	206187_at	0,390499325	0,126098899	19	51815565	51820194	-1
GNG8	NA	NA	NA	19	51829173	51829779	-1
DACT3	NA	NA	NA	19	51842709	51849754	-1
AP2S1	211047_x_at	0,440485757	0,195782393	19	52033263	52046043	-1
GRLF1	202045_s_at	0,497317089	-0,114778002	19	52113773	52200174	1
NPAS1	216975_x_at	0,490588439	0,207615766	19	52215983	52240857	1
TMEM160	219219_at	0,589382258	-0,161753111	19	52241007	52243722	-1
C5AR1	220088_at	0,977565598	-0,003442658	19	52504944	52517167	1
GPR77	221149_at	0,72109908	0,038552229	19	52532211	52537112	1
MEIS3	NA	NA	NA	19	52598193	52614597	-1
SLC8A2	215267_s_at	0,590283547	0,104174053	19	52623735	52666934	-1
GLTSCR1	219445_at	0,607143755	-0,052807247	19	52874031	52898291	1
EHD2	221870_at	0,128503415	0,251296845	19	52908502	52938203	1
GLTSCR2	217807_s_at	0,914773571	-0,051759872	19	52940620	52952127	1
SEPW1	201194_at	0,056517597	0,683251486	19	52973654	52979755	1
TPRX1	NA	NA	NA	19	52996312	52998673	-1
CRX	217510_at	0,271290818	0,15574192	19	53016911	53038393	1
ELSPBP1	220366_at	0,573621126	-0,057878003	19	53189743	53220217	1
CABP5	221160_s_at	0,120619319	0,301170746	19	53225022	53239116	-1
PLA2G4C	209785_s_at	0,605700009	0,087578894	19	53242917	53305826	-1
ZNF114	NA	NA	NA	19	53466466	53482675	1
CCDC114	NA	NA	NA	19	53491532	53499144	-1
CYTH2	209158_s_at	0,979654605	-0,0054012	19	53664424	53674457	1
LMTK3	NA	NA	NA	19	53680340	53708258	-1
SULT2B1	205759_s_at	0,935094351	0,019448969	19	53747241	53794496	1
SPACA4	NA	NA	NA	19	53801812	53802783	1

CA11	209726_at	0,091318191	0,514874899	19	53833084	53841263	-1
NTN5	NA	NA	NA	19	53856476	53868076	-1
FUT2	210608_s_at	0,082455956	0,342353699	19	53891040	53901019	1
RASIP1	220027_s_at	0,108473493	0,261153614	19	53915654	53935782	-1
IZUMO1	NA	NA	NA	19	53935957	53941978	-1
FUT1	206109_at	0,079045898	0,384538521	19	53943080	53950459	-1
FGF21	221433_at	0,284682586	0,153801472	19	53951156	53953394	1
BCAT2	215654_at	0,091808319	0,285423676	19	53990131	54006113	-1
NUCB1	200646_s_at	0,094725475	0,852440439	19	54091637	54118340	1
DHDH	NA	NA	NA	19	54128751	54140038	1
LHB	214471_x_at	0,436131569	0,15036189	19	54211049	54212159	-1
CGB	205387_s_at	0,312449573	0,345187815	19	54217939	54219405	-1
CGB2	NA	NA	NA	19	54226942	54228307	1
CGB1	NA	NA	NA	19	54230638	54232003	-1
CGB5	NA	NA	NA	19	54238914	54240380	1
CGB8	NA	NA	NA	19	54242707	54244180	-1
CGB7	NA	NA	NA	19	54249343	54250809	-1
NTF4	NA	NA	NA	19	54256209	54258936	-1
KCNA7	NA	NA	NA	19	54262487	54268010	-1
LIN7B	219760_at	0,490870401	0,160811246	19	54309430	54313529	1
HRC	207066_at	0,064489003	0,411406905	19	54346267	54350493	-1
TEAD2	NA	NA	NA	19	54535664	54557526	-1
DKKL1	220284_at	0,806023546	0,047457593	19	54558854	54570185	1
CCDC155	NA	NA	NA	19	54583318	54613058	1
PTH2	NA	NA	NA	19	54617483	54618510	-1
FCGRT	218831_s_at	0,381947305	0,500181766	19	54708304	54721402	1
RCN3	61734_at	0,061459596	0,483170733	19	54722687	54738702	1
SCAF1	NA	NA	NA	19	54832203	54853711	1
CPT1C	NA	NA	NA	19	54886219	54908800	1
SIGLEC11	NA	NA	NA	19	55144062	55156241	-1
C19orf41	NA	NA	NA	19	55347617	55358350	-1
MYH14	219946_x_at	0,12205205	0,298708647	19	55398697	55505613	1
MYBPC2	206394_at	0,260869941	0,393149785	19	55627972	55661395	1

JOSD2	NA	NA	NA	19	55701071	55706157	-1
ASPDH	NA	NA	NA	19	55706673	55709759	-1
LRRC4B	NA	NA	NA	19	55711961	55763114	-1
SYT3	NA	NA	NA	19	55817046	55833114	-1
SHANK1	220563_s_at	0,358272418	0,190282125	19	55856896	55912007	-1
CLEC11A	205131_x_at	0,290945093	0,176243236	19	55918417	55920793	1
GPR32	221469_at	0,650556359	0,073204343	19	55965670	55966740	1
ACPT	NA	NA	NA	19	55985484	55990293	1
KLK1	216699_s_at	0,545173067	0,067351557	19	56014216	56018855	-1
KLK15	221462_x_at	0,325544463	0,176199372	19	56020357	56026591	-1
KLK3	204582_s_at	0,565680924	0,067759266	19	56049983	56055832	1
KLK2	210339_s_at	0,271930802	0,212715764	19	56068501	56075635	1
KLK4	NA	NA	NA	19	56101420	56105806	-1
KLK5	222242_s_at	0,464928361	0,09655649	19	56138371	56148156	-1
KLK6	204733_at	0,102592933	0,248166045	19	56153699	56164741	-1
KLK7	205778_at	0,47521042	0,099819828	19	56171541	56178962	-1
KLK8	206125_s_at	0,576866173	0,095769306	19	56191076	56196770	-1
KLK9	NA	NA	NA	19	56197581	56204702	-1
KLK10	215808_at	0,209869224	0,166965353	19	56207812	56215243	-1
KLK11	205470_s_at	0,338054418	0,188217027	19	56217299	56223102	-1
KLK12	220782_x_at	0,848443107	0,029226633	19	56224160	56229960	-1
KLK13	217315_s_at	0,365546132	0,222322102	19	56251275	56260179	-1
KLK14	220573_at	0,878772231	0,023875761	19	56272966	56279314	-1
SIGLEC9	210569_s_at	0,226841483	0,254584485	19	56319977	56325379	1
SIGLEC7	217159_x_at	0,258463212	0,192543083	19	56337370	56348595	1
CD33	206120_at	0,367523622	0,180454553	19	56420147	56435086	1
FLJ40235	NA	NA	NA	19	56452776	56464394	1
IGLON5	NA	NA	NA	19	56506914	56525914	1
NKG7	213915_at	0,508808294	0,103508943	19	56566686	56567772	-1
LIM2	220519_s_at	0,380144652	0,087892354	19	56574976	56583009	-1
SIGLEC8	208253_at	0,090982909	0,441265122	19	56646063	56653520	-1
CEACAM18	NA	NA	NA	19	56671650	56678423	1
SIGLEC12	NA	NA	NA	19	56686425	56696855	-1

SIGLEC6	210796_x_at	0,046023545	0,249411129	19	56714795	56726876	-1
ZNF175	205497_at	0,909989699	0,021813683	19	56766343	56784803	1
SIGLEC5	220000_at	0,485612042	0,162206895	19	56806996	56825525	-1
SIGLEC14	NA	NA	NA	19	56837618	56841944	-1
HAS1	207316_at	0,271003387	0,281407569	19	56908177	56919033	-1
FPR1	205119_s_at	0,924521744	0,015940297	19	56940838	56946962	-1
FPR2	210773_s_at	0,544025778	0,072830308	19	56956265	56965591	1
FPR3	214560_at	0,866080333	-0,035173777	19	56990223	57021146	1
ZNF836	NA	NA	NA	19	57349937	57366708	-1
ZNF528	215019_x_at	0,848895562	-0,039670802	19	57592933	57613469	1
ZNF578	NA	NA	NA	19	57648641	57711943	1
ZNF808	NA	NA	NA	19	57722721	57751115	1
ZNF137	NA	NA	NA	19	57791749	57795217	1
ZNF320	NA	NA	NA	19	58071237	58086411	-1
ZNF816A	217541_x_at	0,516021475	-0,132227505	19	58144444	58157926	-1
ZNF415	205514_at	0,600383524	-0,174197033	19	58302944	58327957	-1
ZNF347	NA	NA	NA	19	58334460	58354096	-1
ZNF677	NA	NA	NA	19	58430450	58449923	-1
VN1R2	NA	NA	NA	19	58453357	58454667	1
ZNF761	NA	NA	NA	19	58644962	58653326	1
ZNF813	217665_at	0,934964358	-0,01624875	19	58662801	58689358	1
DPRX	NA	NA	NA	19	58827122	58832075	1
NLRP12	NA	NA	NA	19	58988650	59019404	-1
PRKCG	206270_at	0,830730992	0,059799729	19	59077279	59102713	1
CACNG8	NA	NA	NA	19	59158106	59177951	1
VSTM1	NA	NA	NA	19	59235891	59259019	-1
OSCAR	NA	NA	NA	19	59289745	59295960	-1
NDUFA3	218563_at	0,87248109	-0,064706232	19	59297972	59302080	1
TMC4	NA	NA	NA	19	59355658	59368664	-1
LILRB3	210784_x_at	0,01424038	0,443263968	19	59411959	59418771	-1
LILRA6	208594_x_at	0,929267909	-0,017021653	19	59432281	59438536	-1
LILRB5	206856_at	0,306810891	0,219186948	19	59446082	59452979	-1
LILRB2	210146_x_at	0,447431051	0,095072828	19	59469487	59476818	-1

LILRA3	206881_s_at	0,285927582	0,378981659	19	59491666	59496050	-1
LILRA5	215838_at	0,945732827	-0,012472452	19	59510165	59516221	-1
LILRA4	210313_at	0,088417484	0,575923872	19	59536504	59542233	-1
TTYH1	219415_at	0,337753425	0,157236479	19	59618447	59639882	1
CDC42EP5	NA	NA	NA	19	59668022	59676234	-1
KIR3DX1	NA	NA	NA	19	59735820	59748862	1
LILRA2	207857_at	0,315864386	0,126409984	19	59777071	59790833	1
LILRA1	207872_s_at	0,259590211	0,249787446	19	59796925	59804352	1
LILRB1	207104_x_at	0,915958345	0,022877732	19	59820441	59840819	1
LILRB4	210152_at	0,110719004	0,351701912	19	59865936	59871660	1
KIR3DL3	216676_x_at	0,83368818	0,047645862	19	59927796	59939815	1
KIR2DL3	208179_x_at	0,398320467	0,091593868	19	59941786	59956316	1
KIR2DL1	210890_x_at	0,967618909	-0,008588538	19	59973077	59987590	1
KIR2DL4	211242_x_at	0,087709244	0,197892447	19	60006879	60017784	1
KIR3DL1	211687_x_at	0,56357789	0,092196274	19	60019705	60034045	1
KIR3DL2	211688_x_at	0,378324474	0,111555272	19	60053710	60070474	1
FCAR	211305_x_at	0,483719475	-0,074325363	19	60077361	60093651	1
NCR1	207860_at	0,252608628	0,148649985	19	60109338	60116251	1
NLRP7	NA	NA	NA	19	60126689	60150679	-1
NLRP2	221690_s_at	0,482824018	-1,049827183	19	60169579	60204318	1
GP6	220336_s_at	0,571915777	-0,077534425	19	60216885	60241444	-1
RDH13	NA	NA	NA	19	60247519	60272709	-1
C19orf51	NA	NA	NA	19	60361843	60369830	-1
SYT5	206162_x_at	0,38294011	0,246578257	19	60376281	60383532	-1
PTPRH	208300_at	0,993618016	-0,002141108	19	60384428	60412654	-1
TMEM86B	NA	NA	NA	19	60429924	60432444	-1
SAPS1	209229_s_at	0,284259699	-0,517753269	19	60432959	60461850	-1
TMEM224	NA	NA	NA	19	60516039	60528520	-1
COX6B2	NA	NA	NA	19	60552882	60557994	-1
IL11	206924_at	0,323624272	0,172509959	19	60567569	60573626	-1
TMEM190	NA	NA	NA	19	60580016	60581424	1
SBK2	NA	NA	NA	19	60732912	60739473	-1
ZNF579	NA	NA	NA	19	60780703	60784023	-1

NLRP9	NA	NA	NA	19	60911610	60941580	-1
NLRP11	NA	NA	NA	19	60988577	61035172	-1
NLRP4	NA	NA	NA	19	61055199	61085033	1
NLRP13	NA	NA	NA	19	61099123	61135514	-1
NLRP8	NA	NA	NA	19	61151010	61191807	1
NLRP5	NA	NA	NA	19	61202904	61264988	1
GALP	NA	NA	NA	19	61379201	61388956	1
ZSCAN5B	NA	NA	NA	19	61392870	61396157	-1
ZSCAN5A	219904_at	0,524709825	-0,159150417	19	61424491	61431471	-1
ZNF667	207120_at	0,649084371	0,052145312	19	61643012	61680555	-1
ZNF471	211923_s_at	0,925097204	0,012213075	19	61711024	61732082	1
ZFP28	NA	NA	NA	19	61742129	61759982	1
ZNF71	NA	NA	NA	19	61798504	61827362	1
ZNF835	NA	NA	NA	19	61866765	61876058	-1
USP29	220895_at	0,976730084	0,008318614	19	62323321	62335106	1
ZIM3	NA	NA	NA	19	62337276	62348382	-1
DUXA	NA	NA	NA	19	62354906	62370668	-1
AURKC	211107_s_at	0,525199048	0,114461602	19	62434189	62438728	1
ZNF749	215289_at	0,585724773	0,066397182	19	62638505	62649003	1
VN1R1	221412_at	0,185218505	0,244067762	19	62658354	62659666	-1
ZNF549	215315_at	0,670732805	0,041017525	19	62730505	62743943	1
ZNF550	215124_at	0,48246814	0,14601325	19	62750155	62759537	-1
ZNF154	217242_at	0,458828408	0,108208023	19	62903622	62912391	-1
ZNF776	NA	NA	NA	19	62954023	62961337	1
ZNF586	219711_at	0,141784323	-0,48302022	19	62972837	62983796	1
ZNF256	NA	NA	NA	19	63144013	63150889	-1
ZNF606	219635_at	0,243359187	0,16845752	19	63180252	63206526	-1
ZNF135	206142_at	0,547209684	0,07784053	19	63262424	63272588	1
ZSCAN18	217593_at	0,185725558	0,230526893	19	63287018	63301389	-1
ZNF329	219765_at	0,130224772	0,358498122	19	63329507	63353960	-1
ZNF274	204937_s_at	0,692895905	0,241606784	19	63386208	63416739	1
ZNF8	214901_at	0,894623082	-0,020650145	19	63482130	63499066	1
KIR3DS1	NA	NA	NA	19 NT_113949.1	70097	84658	1

KIR2DL5A	NA	NA	NA	19 NT_113949.1	86691	96155	1
KIR2DS5	NA	NA	NA	19 NT_113949.1	98112	113132	1
KIR2DS1	NA	NA	NA	19 NT_113949.1	115099	129113	1
	NA	NA	NA	1 NT_113870.1	99440	116351	-1
	NA	NA	NA	1 NT_113874.1	94675	111366	1
FAM110C	NA	NA	NA	2	31608	36385	-1
FAM150B	NA	NA	NA	2	269561	278308	-1
LOC391343	NA	NA	NA	2	892823	896011	-1
SNTG2	220487_at	0,818625211	0,037191289	2	936555	1253924	1
TPO	210342_s_at	0,114402637	0,24578826	2	1396242	1525502	1
PXDN	212012_at	0,128862371	0,785823566	2	1614666	1727298	-1
MYT1L	216672_s_at	0,607435666	0,056896086	2	1771892	2314052	-1
COLEC11	219873_at	0,801052654	-0,041014121	2	3620512	3669923	1
ALLC	220365_at	0,962888107	0,010847886	2	3683661	3728136	1
CMPK2	NA	NA	NA	2	6905902	6923387	-1
RNF144A	204040_at	0,581094751	0,184746345	2	6974974	7101761	1
KIDINS220	214932_at	0,492784007	0,076694708	2	8786511	8895181	-1
MBOAT2	213288_at	0,729453488	0,106078869	2	8914152	9061327	-1
ASAP2	206414_s_at	0,468895768	0,10916166	2	9264345	9463257	1
KLF11	218486_at	8,92E-05	1,86493468	2	10101133	10112414	1
C2orf48	NA	NA	NA	2	10198960	10269307	1
ATP6V1C2	NA	NA	NA	2	10779226	10842687	1
KCNF1	210263_at	0,110178583	0,3713746	2	10969514	10971802	1
C2orf50	NA	NA	NA	2	11190630	11203603	1
PQLC3	NA	NA	NA	2	11212991	11236451	1
NTSR2	206899_at	0,253641581	0,140500324	2	11715756	11727876	-1
FAM84A	NA	NA	NA	2	14690307	14693898	1
RAD51AP2	NA	NA	NA	2	17555467	17563187	-1
MSGN1	NA	NA	NA	2	17861267	17861848	1
NT5C1B	NA	NA	NA	2	18607618	18634319	-1
OSR1	NA	NA	NA	2	19414727	19421853	-1
MATN3	206091_at	0,678544996	0,039508877	2	20055294	20075936	-1
PUM2	216067_at	0,283671057	0,168678577	2	20311934	20390625	-1

GDF7	NA	NA	NA	2	20729905	20734731	1
APOB	205108_s_at	0,926777132	0,015353695	2	21077806	21120450	-1
LOC388931	NA	NA	NA	2	24086457	24100649	1
NCOA1	209107_x_at	0,532313434	0,106266907	2	24660850	24847075	1
POMC	205720_at	0,062699255	0,341480792	2	25237226	25245063	-1
DNMT3A	218457_s_at	0,012130736	0,486209937	2	25309349	25418963	-1
DTNB	215295_at	0,209446093	0,226106465	2	25453616	25750007	-1
KIF3C	203389_at	0,219651601	0,273702145	2	26002959	26058947	-1
C2orf39	NA	NA	NA	2	26478288	26533082	1
OTOF	NA	NA	NA	2	26533575	26635070	-1
C2orf70	NA	NA	NA	2	26638985	26655899	1
CIB4	NA	NA	NA	2	26657577	26717715	-1
KCNK3	205952_at	0,222055481	0,17480072	2	26769123	26806222	1
DPYSL5	NA	NA	NA	2	26924469	27024571	1
MAPRE3	203842_s_at	0,154212157	0,490380643	2	27047029	27103591	1
KHK	211028_s_at	0,334951772	0,31341806	2	27163115	27177123	1
CGREF1	205937_at	0,131252932	0,354863283	2	27176973	27195475	-1
ABHD1	NA	NA	NA	2	27200161	27207184	1
C2orf53	NA	NA	NA	2	27213219	27215836	-1
TCF23	NA	NA	NA	2	27225506	27229239	1
SLC30A3	207035_at	0,533187314	0,093242236	2	27330944	27339464	-1
DNAJC5G	NA	NA	NA	2	27351793	27357800	1
TRIM54	NA	NA	NA	2	27359104	27383811	1
KRTCAP3	NA	NA	NA	2	27518767	27520668	1
IFT172	NA	NA	NA	2	27520744	27566075	-1
FND4	218843_at	0,850115218	0,029536098	2	27568254	27571590	-1
GCKR	206867_at	0,26572903	0,184816929	2	27573210	27600055	1
PLB1	NA	NA	NA	2	28572486	28720117	1
SPDYA	NA	NA	NA	2	28887221	28926980	1
FAM179A	NA	NA	NA	2	29057668	29128600	1
C2orf71	NA	NA	NA	2	29138062	29150631	-1
ALK	208212_s_at	0,560489282	0,082540868	2	29269144	29997936	-1
LBH	221011_s_at	0,171461638	-1,131130621	2	30307901	30336403	1

CAPN13	NA	NA	NA	2	30799141	30883815	-1
GALNT14	219271_at	0,844434534	-0,175509476	2	30986837	31215075	-1
XDH	210301_at	0,583278539	0,12027587	2	31410692	31491115	-1
SRD5A2	206938_at	0,470097446	0,073777638	2	31603160	31659544	-1
SLC30A6	NA	NA	NA	2	32244437	32300313	1
NLRC4	NA	NA	NA	2	32303022	32344305	-1
RASGRP3	205801_s_at	0,012320419	-1,970039987	2	33514920	33643162	1
FEZ2	215000_s_at	0,00871757	-0,626693734	2	36632905	36678836	-1
VIT	NA	NA	NA	2	36777418	36895433	1
SULT6B1	NA	NA	NA	2	37248467	37269194	-1
FAM82A1	NA	NA	NA	2	38031110	38147784	1
CDKL4	NA	NA	NA	2	39259192	39310177	-1
TMEM178	NA	NA	NA	2	39746594	39798607	1
OXER1	NA	NA	NA	2	42843143	42844905	-1
HAAO	205657_at	0,778377432	0,038981339	2	42847734	42873219	-1
PLEKHH2	NA	NA	NA	2	43717951	43848630	1
hCG_1645220	NA	NA	NA	2	43755796	43756965	-1
ABCG5	220383_at	0,738086457	-0,033161672	2	43893115	43919462	-1
ABCG8	NA	NA	NA	2	43919607	43959109	1
SLC3A1	205799_s_at	0,788534669	-0,028391165	2	44356103	44401448	1
SIX2	206510_at	0,088310201	0,726302003	2	45085847	45090026	-1
EPAS1	200879_s_at	0,1855162	0,20197129	2	46378067	46467340	1
ATP6V1E2	NA	NA	NA	2	46592490	46600600	-1
EPCAM	201839_s_at	0,493264118	0,077350074	2	47449971	47467661	1
MSH6	211450_s_at	0,012363857	-1,180434967	2	47863725	47887596	1
FLJ46838	NA	NA	NA	2	48610026	48612560	1
STON1-GTF2A	220190_s_at	0,58899698	0,049181985	2	48649663	48760246	1
STON1	213413_at	0,362969882	0,16089305	2	48661267	48679549	1
GTF2A1L	NA	NA	NA	2	48698452	48813791	1
LHCGR	207240_s_at	0,578509895	0,049473154	2	48767417	48836367	-1
NRXN1	216096_s_at	0,19791659	0,233764223	2	50000992	51113178	-1
GPR75	220481_at	0,856177641	0,03463869	2	53933554	53940572	-1
TSPYL6	NA	NA	NA	2	54333819	54336913	-1

C2orf73	NA	NA	NA	2	54411575	54442218	1
EFEMP1	201843_s_at	0,513365856	0,07920297	2	55946606	56004436	-1
CCDC85A	NA	NA	NA	2	56264762	56466813	1
USP34	212066_s_at	0,005187961	-1,447557484	2	61268094	61551353	-1
PELI1	218319_at	0,134341366	-1,565585973	2	64173499	64192987	-1
CEP68	207971_s_at	0,389952559	0,214784314	2	65136999	65167646	1
CNRIP1	NA	NA	NA	2	68373646	68400347	-1
PROKR1	NA	NA	NA	2	68726458	68736212	1
GKN2	NA	NA	NA	2	69025868	69033606	-1
GKN1	220191_at	0,9158356	0,020753141	2	69055209	69061616	1
ANTXR1	220092_s_at	0,301952338	0,144613838	2	69093993	69329806	1
ANXA4	201301_s_at	6,52E-05	1,811651837	2	69862156	69907095	1
SNRNP27	212438_at	0,736358498	-0,049461272	2	69974594	69985853	1
ASPRV1	NA	NA	NA	2	70040730	70042901	-1
TGFA	205016_at	0,101190124	0,260863305	2	70527924	70634613	-1
ADD2	206807_s_at	0,099957523	0,2539355	2	70742770	70848837	-1
FIGLA	NA	NA	NA	2	70857950	70871283	-1
CLEC4F	NA	NA	NA	2	70889283	70901240	-1
CD207	220428_at	0,647118487	0,070048677	2	70910855	70916461	-1
VAX2	220443_s_at	0,44360266	0,135102375	2	70981228	71014084	1
ATP6V1B1	205473_at	0,433628385	0,092929159	2	71016506	71046069	1
PAIP2B	221868_at	0,465153319	0,170598705	2	71263376	71307741	-1
DYSF	218660_at	0,225580199	0,208665571	2	71534268	71767401	1
CYP26B1	219825_at	0,420213546	0,177302384	2	72209875	72228471	-1
EXOC6B	215417_at	0,767993397	0,043105033	2	72259952	72906685	-1
SPR	203458_at	0,0249651	0,623066043	2	72968056	72972794	1
EMX1	215264_at	0,278504094	0,125025658	2	72998112	73015528	1
RAB11FIP5	210879_s_at	0,660576726	0,087516963	2	73154018	73193654	-1
SMYD5	209516_at	0,80653258	0,036098681	2	73294874	73307863	1
FBXO41	221945_at	0,110841582	-0,373837172	2	73335308	73351551	-1
EGR4	207767_s_at	0,354269831	0,17640263	2	73371565	73374181	-1
NAT8	210289_at	0,250725495	0,128360759	2	73721358	73723045	-1
NAT8B	NA	NA	NA	2	73781144	73781975	-1

ACTG2	202274_at	0,227597744	-0,192974331	2	73973601	74000288	1
TET3	214754_at	0,72369296	-0,068683704	2	74126958	74188811	1
WDR54	NA	NA	NA	2	74502393	74506390	1
RTKN	NA	NA	NA	2	74506496	74522568	-1
C2orf65	NA	NA	NA	2	74638518	74728672	-1
SEMA4F	210124_x_at	0,312157186	-0,272515156	2	74734901	74762693	1
POLE4	NA	NA	NA	2	75039283	75050367	1
TACR1	208049_s_at	0,434746204	0,079859874	2	75129738	75279781	-1
FAM176A	NA	NA	NA	2	75572952	75650356	-1
REG3G	NA	NA	NA	2	79106334	79109139	1
REG1A	209752_at	0,906503432	-0,015802153	2	79201092	79204053	1
REG3A	205815_at	0,735503631	0,065401533	2	79237641	79240387	-1
LRRTM1	NA	NA	NA	2	80382514	80384998	-1
	NA	NA	NA	2	84597090	84665489	1
TCF7L1	221016_s_at	0,087038754	0,295610479	2	85214245	85391016	1
SH2D6	NA	NA	NA	2	85515429	85517663	1
SFTPB	37004_at	0,280867661	0,143443194	2	85737951	85748823	-1
GNLY	37145_at	0,351716604	0,117817005	2	85774925	85779386	1
ATO8H	NA	NA	NA	2	85834531	85868700	1
REEP1	204364_s_at	0,448973567	0,14683541	2	86294633	86418288	-1
CD8A	205758_at	0,29710498	0,206912617	2	86865239	86871638	-1
CD8B	207979_s_at	0,524427329	0,120909401	2	86895971	86942549	-1
RGPD1	201711_x_at	0,034613343	-0,652978125	2	86994417	87094610	1
PLGLB1	214415_at	0,785907471	0,024560267	2	87091098	87102480	-1
PLGLB2	NA	NA	NA	2	87828721	87840110	1
RGPD2	NA	NA	NA	2	87837832	87874341	-1
SMYD1	NA	NA	NA	2	88148497	88194018	1
FABP1	205892_s_at	0,783063191	-0,048161912	2	88203625	88208693	-1
THNSL2	219044_at	0,911185727	0,017000188	2	88250950	88267261	1
C2orf51	NA	NA	NA	2	88605284	88610217	1
TEKT4	NA	NA	NA	2	94900959	94906295	1
MAL	204777_s_at	0,992966707	-0,002181767	2	95055206	95083462	1
PROM2	NA	NA	NA	2	95303928	95320781	1

KCNIP3	NA	NA	NA	2	95326799	95415552	1
TRIM43	NA	NA	NA	2	95621493	95629198	1
LOC150763	NA	NA	NA	2	96051421	96064454	-1
ADRA2B	208544_at	0,331778535	0,275429889	2	96142350	96145615	-1
LOC285033	NA	NA	NA	2	96269704	96271428	1
NEURL3	NA	NA	NA	2	96527107	96534821	-1
FER1L5	NA	NA	NA	2	96724921	96734207	1
ANKRD23	NA	NA	NA	2	96867378	96873485	-1
FAM178B	NA	NA	NA	2	96905349	96927558	-1
ZAP70	214032_at	0,478014086	0,20566716	2	97696463	97722755	1
TMEM131	212507_at	0,108991941	-0,806789082	2	97739231	97978786	-1
CNGA3	207261_at	0,882726346	0,038152568	2	98329050	98381496	1
INPP4A	204552_at	0,002038683	1,484548174	2	98501857	98570614	1
C2orf55	NA	NA	NA	2	98776741	98919116	-1
LYG2	NA	NA	NA	2	99225141	99238002	-1
LYG1	NA	NA	NA	2	99267133	99284071	-1
LONRF2	NA	NA	NA	2	100256185	100305627	-1
NMS	NA	NA	NA	2	100453376	100466174	1
hCG_1790474	NA	NA	NA	2	100492171	100493126	1
PDCL3	219043_s_at	0,006525702	-0,686303236	2	100545859	100559633	1
NPAS2	213462_at	0,344766589	0,10451697	2	100803045	100979719	1
TBC1D8	204526_s_at	0,144353363	0,203376067	2	100990122	101134278	-1
CREG2	NA	NA	NA	2	101331655	101370489	-1
IL1R1	202948_at	0,271201501	0,119124103	2	102136834	102162766	1
IL18RAP	207072_at	0,541079402	0,110999914	2	102401686	102435457	1
SLC9A4	NA	NA	NA	2	102456194	102516863	1
SLC9A2	211116_at	0,261502842	0,222051894	2	102602598	102694241	1
POU3F3	208563_x_at	0,546596663	0,093946299	2	104838401	104839903	1
GPR45	211175_at	0,417369823	0,181515508	2	105224632	105226356	1
FHL2	202949_s_at	0,239962366	0,16585861	2	105343715	105382113	-1
NCK2	203315_at	0,076100498	1,186557183	2	105727786	105877160	1
C2orf40	NA	NA	NA	2	106048545	106061040	1
UXS1	219675_s_at	0,37031458	0,475130596	2	106076191	106177227	-1

ST6GAL2	NA	NA	NA	2	106789538	106869982	-1
SLC5A7	220722_s_at	0,64105152	0,046824156	2	107969427	107996876	1
SULT1C3	NA	NA	NA	2	108230083	108248239	1
SULT1C2	205342_s_at	0,201294735	0,161964027	2	108271527	108292803	1
SULT1C4	NA	NA	NA	2	108360853	108370702	1
LIMS1	212687_at	0,289293836	-0,578508087	2	108571199	108667321	1
EDAR	220048_at	0,235299744	0,171101064	2	108877361	108972260	-1
SH3RF3	NA	NA	NA	2	109112429	109432377	1
RGPD5	212842_x_at	0,001294507	0,803336509	2	109907624	109947885	1
LIMS3	NA	NA	NA	2	110013558	110021322	1
RGPD7	211324_s_at	0,977754076	-0,003121043	2	111012128	111052778	-1
MERTK	206028_s_at	0,436565336	0,092866988	2	112372662	112503416	1
FBLN7	NA	NA	NA	2	112612433	112662262	1
ZC3H6	NA	NA	NA	2	112749649	112814111	1
IL1F7	221470_s_at	0,850164045	-0,022209537	2	113387019	113392930	1
IL1F8	NA	NA	NA	2	113496139	113526911	-1
IL1F5	222223_s_at	0,34618714	0,096765354	2	113532686	113538792	1
IL1F10	NA	NA	NA	2	113542018	113549898	1
IL1RN	216243_s_at	0,491086755	0,099088512	2	113591941	113608064	1
PAX8	121_at	0,187747389	0,186685797	2	113690045	113752968	-1
SLC35F5	220123_at	0,464722077	-0,093550701	2	114188400	114244975	-1
EN1	220559_at	0,803204758	0,032187653	2	119316217	119322229	-1
MARCO	205819_at	0,419161989	0,117994262	2	119416215	119468706	1
C1QL2	NA	NA	NA	2	119630289	119632941	-1
STEAP3	218424_s_at	0,058741858	0,722553616	2	119697854	119739698	1
TMEM37	NA	NA	NA	2	119905916	119912566	1
SCTR	210382_at	0,925786792	-0,015988056	2	119913889	119998498	-1
hCG_17324	NA	NA	NA	2	120018515	120130707	1
EPB41L5	220977_x_at	0,215361182	0,180990574	2	120487139	120653165	1
INHBB	205258_at	0,986876692	-0,002584188	2	120820189	120825853	1
GLI2	208057_s_at	0,152509723	0,20817879	2	121266327	121466321	1
TFCP2L1	219735_s_at	0,453165693	0,148014018	2	121695004	121759245	-1
CNTNAP5	NA	NA	NA	2	124499334	125389334	1

BIN1	210201_x_at	0,205256943	0,148336937	2	127522077	127581334	-1
CYP27C1	NA	NA	NA	2	127657882	127679813	-1
MAP3K2	221695_s_at	0,56884917	0,2076325	2	127778609	127817240	-1
PROC	206259_at	0,443943097	0,133200061	2	127892487	127903288	1
LIMS2	220765_s_at	0,839130418	-0,071546799	2	128112471	128138590	-1
GPR17	215225_s_at	0,306588883	0,157465054	2	128120217	128126683	1
POLR2D	203664_s_at	0,004269321	-0,860367962	2	128320703	128332174	-1
SAP130	220367_s_at	0,010455272	-0,797112307	2	128415266	128501337	-1
HS6ST1	206997_s_at	0,410235575	0,189076998	2	128739524	128792641	-1
POTEF	NA	NA	NA	2	130547578	130594610	-1
CCDC74B	NA	NA	NA	2	130613332	130619101	-1
TUBA3E	216323_x_at	0,465993695	-0,153834896	2	130665788	130672504	-1
CFC1B	NA	NA	NA	2	130995137	131002035	1
CFC1	NA	NA	NA	2	131066805	131073552	-1
FAM123C	NA	NA	NA	2	131229547	131242177	1
ARHGEF4	211891_s_at	0,290628091	0,158850284	2	131390694	131521306	1
FAM168B	212017_at	0,2505164	-0,351438738	2	131521919	131567474	-1
POTEE	NA	NA	NA	2	131692394	131738886	1
TUBA3D	210527_x_at	0,638465489	-0,105512931	2	131950136	131956977	1
C2orf27A	206611_at	0,296671339	0,147172756	2	132196534	132241449	1
C2orf27B	NA	NA	NA	2	132269004	132275704	-1
LYPD1	212909_at	0,242097121	0,117378266	2	133118807	133145540	-1
NAP5	NA	NA	NA	2	133145842	134042501	-1
TMEM163	NA	NA	NA	2	134930030	135193040	-1
YSK4	221180_at	0,245168482	0,116539205	2	135438743	135498718	-1
THSD7B	NA	NA	NA	2	137464932	138151757	1
HNMT	204112_s_at	0,628021567	0,048284361	2	138438278	138490404	1
LRP1B	219643_at	0,823227266	0,026853034	2	140705466	142605740	-1
EPC2	NA	NA	NA	2	149119038	149261606	1
LYPD6B	NA	NA	NA	2	149603227	149780018	1
LYPD6	NA	NA	NA	2	149895359	150038384	1
TNFAIP6	206025_s_at	0,304580026	0,168441356	2	151922351	151944806	1
NEB	205054_at	0,264555439	0,217534146	2	152050099	152299235	-1

FMNL2	NA	NA	NA	2	152899997	153214594	1
RPRM	219370_at	0,283583354	0,210920694	2	154042098	154043568	-1
GALNT13	NA	NA	NA	2	154436672	155018735	1
KCNJ3	207142_at	0,231501393	0,118970864	2	155263339	155421260	1
NR4A2	204622_x_at	0,066230949	0,234610602	2	156889195	156897446	-1
ACVR1	203935_at	0,280948836	0,154199055	2	158301207	158403036	-1
CCDC148	NA	NA	NA	2	158736724	159021460	-1
PKP4	201928_at	0,079120101	0,782052049	2	159021722	159246187	1
DAPL1	NA	NA	NA	2	159360087	159380743	1
TANC1	NA	NA	NA	2	159533392	159797416	1
WDSUB1	NA	NA	NA	2	159800558	159851309	-1
CD302	203799_at	0,05728241	0,330579178	2	160333610	160362999	-1
LY75	205668_at	0,461495796	0,775045858	2	160368112	160469508	-1
PLA2R1	207415_at	0,975944905	-0,004687258	2	160506258	160627367	-1
ITGB6	208083_s_at	0,218632642	0,148738045	2	160666479	160764836	-1
TANK	209451_at	0,267435976	-0,973906389	2	161701712	161800928	1
TBR1	220025_at	0,697767043	0,080330088	2	161980866	161989819	1
SLC4A10	NA	NA	NA	2	162189091	162550032	1
DPP4	203717_at	0,264632999	0,137497551	2	162557001	162639298	-1
GCG	206422_at	0,838000297	-0,022654765	2	162707634	162717003	-1
FAP	209955_s_at	0,248288991	0,172328269	2	162735446	162808291	-1
KCNH7	215448_at	0,203813977	0,113795471	2	162936163	163403486	-1
GRB14	206204_at	0,061658334	0,520698676	2	165057569	165186606	-1
SLC38A11	NA	NA	NA	2	165463058	165520281	-1
GALNT3	203397_s_at	0,356837117	0,328708904	2	166312559	166359049	-1
SCN9A	206950_at	0,189692874	0,199339962	2	166759941	166876560	-1
XIRP2	NA	NA	NA	2	167468221	167824509	1
LASS6	212446_s_at	0,23528788	0,62894042	2	169021081	169339398	1
NOSTRIN	NA	NA	NA	2	169367353	169429811	1
DHRS9	219799_s_at	0,480126854	0,066605438	2	169629545	169660923	1
LRP2	205710_at	0,478525122	0,061823955	2	169691865	169927368	-1
UBR3	NA	NA	NA	2	170514548	170648883	1
GAD1	206670_s_at	0,276644595	0,115654821	2	171381446	171425907	1

DLX1	NA	NA	NA	2	172658454	172662648	1
RAPGEF4	205651_x_at	0,94467695	0,009601996	2	173308771	173625867	1
CHRNA1	211039_at	0,172386545	0,157519993	2	175320566	175337427	-1
CHN1	212624_s_at	0,309386912	0,212905474	2	175372338	175578361	-1
HOXD8	NA	NA	NA	2	176702723	176704974	1
TTC30A	213679_at	0,962888107	-0,010073711	2	178187272	178191940	-1
RBM45	NA	NA	NA	2	178685428	178702629	1
TTN	208195_at	0,317624424	-0,513171104	2	179098962	179380395	-1
CCDC141	NA	NA	NA	2	179408737	179457923	-1
SESTD1	NA	NA	NA	2	179681776	179764838	-1
ZNF385B	NA	NA	NA	2	180014954	180434312	-1
CWC22	NA	NA	NA	2	180517849	180580025	-1
NEUROD1	206282_at	0,443877742	0,091923539	2	182249439	182253626	-1
PPP1R1C	NA	NA	NA	2	182558796	182690664	1
NCKAP1	207738_s_at	0,118783673	0,349543452	2	183497850	183611474	-1
FLJ44048	NA	NA	NA	2	186378006	186406262	1
FAM171B	NA	NA	NA	2	187267034	187336759	1
ZSWIM2	NA	NA	NA	2	187400452	187422142	-1
CALCRL	206331_at	0,417320784	0,16432946	2	187916091	188021266	-1
TFPI	215447_at	0,579699894	0,064115374	2	188037202	188127464	-1
COL5A2	221729_at	0,389209097	0,131499456	2	189604886	189752850	-1
SLC40A1	NA	NA	NA	2	190133561	190153858	-1
ANKAR	NA	NA	NA	2	190249675	190319615	1
MSTN	207145_at	0,980716865	0,002665243	2	190628671	190635700	-1
INPP1	202794_at	0,173034422	0,271053425	2	190916684	190944552	1
MFSD6	219858_s_at	0,870170176	-0,152688953	2	190981326	191075286	1
STAT4	206118_at	0,054815387	0,320025085	2	191602551	191724170	-1
MYO1B	212365_at	0,103533298	0,401878293	2	191818375	191998287	1
SDPR	218711_s_at	0,579599659	0,062561701	2	192407281	192420226	-1
TMEFF2	NA	NA	NA	2	192522988	192767889	-1
SLC39A10	NA	NA	NA	2	196230184	196310663	1
DNAH7	214222_at	0,316171997	0,188106235	2	196310672	196641781	-1
HECW2	NA	NA	NA	2	196772222	197165580	-1

ANKRD44	NA	NA	NA	2	197567495	197771007	-1
RFTN2	NA	NA	NA	2	198143773	198248829	-1
BOLL	NA	NA	NA	2	198299856	198359183	-1
PLCL1	205934_at	0,30482015	0,192465411	2	198539545	198721293	1
AOX1	205083_at	0,222683062	0,271627124	2	201158976	201244463	1
ALS2CR12	NA	NA	NA	2	201861230	201924421	-1
ALS2CR11	NA	NA	NA	2	202060393	202192146	-1
MPP4	NA	NA	NA	2	202217865	202271662	-1
FAM117B	NA	NA	NA	2	203208456	203342725	1
NBEAL1	NA	NA	NA	2	203708718	203790962	1
CYP20A1	219565_at	0,138685842	0,355706957	2	203811409	203878808	1
ABI2	211793_s_at	0,057229877	0,718185168	2	203901248	204005137	1
ICOS	210439_at	0,501736996	0,096934936	2	204509748	204534545	1
PARD3B	NA	NA	NA	2	205118761	206188782	1
NRP2	210842_at	0,243527287	0,255802302	2	206255469	206371102	1
GPR1	214605_x_at	0,591063897	-0,052993857	2	206748285	206791016	-1
ZDBF2	NA	NA	NA	2	206847768	206887393	1
hCG_1657980	NA	NA	NA	2	207215387	207222418	1
DYTN	NA	NA	NA	2	207224590	207291365	-1
CPO	NA	NA	NA	2	207512569	207542405	1
PLEKHM3	NA	NA	NA	2	208401288	208574637	-1
CRYGB	207715_at	0,490638384	0,075438394	2	208715542	208719122	-1
CRYGA	207587_at	0,21456509	0,19814768	2	208733709	208736542	-1
C2orf80	NA	NA	NA	2	208738316	208763018	-1
PTH2R	206772_at	0,987633448	-0,003442645	2	208979801	209067476	1
CPS1	217564_s_at	0,38489304	0,119262465	2	211129583	211252076	1
ERBB4	206794_at	0,470623305	-0,070046447	2	211948687	213111597	-1
SPAG16	219109_at	0,336402767	-0,596790229	2	213857361	214983470	1
VWC2L	NA	NA	NA	2	214984537	215149052	1
MARCH4	NA	NA	NA	2	216830834	216944995	-1
IGFBP5	211958_at	0,143881464	0,305261993	2	217245073	217268516	-1
TNP1	206568_at	0,643287839	0,076259425	2	217432426	217433027	-1
TNS1	221747_at	0,318122351	0,19014382	2	218372757	218517041	-1

RUFY4	NA	NA	NA	2	218646285	218663108	1
IL8RB	207008_at	0,981058052	-0,003257783	2	218698991	218710220	1
IL8RA	207094_at	0,299103528	0,127621395	2	218735813	218739961	-1
GPBAR1	NA	NA	NA	2	218833983	218836826	1
C2orf62	NA	NA	NA	2	218929823	218941061	1
SLC11A1	210423_s_at	0,170078781	0,171459773	2	218954996	218969861	1
VIL1	205506_at	0,133463616	0,226294726	2	218996722	219022489	1
PLCD4	NA	NA	NA	2	219180876	219210148	1
CYP27A1	203979_at	0,443643919	0,138447789	2	219354949	219388259	1
PRKAG3	NA	NA	NA	2	219395350	219404756	-1
WNT6	221609_s_at	0,614839092	0,093011606	2	219432790	219447198	1
CDK5R2	205852_at	0,290097785	0,303434351	2	219532642	219535121	1
FEV	207260_at	0,839741718	0,043821823	2	219554053	219558623	-1
CRYBA2	220136_s_at	0,814505856	0,028865168	2	219563156	219566371	-1
IHH	215420_at	0,616497515	0,092522819	2	219627390	219633433	-1
NHEJ1	219418_at	0,133825982	0,5048918	2	219648292	219733767	-1
PTPRN	204945_at	0,317624424	0,138817849	2	219862589	219882387	-1
DES	214027_x_at	0,163679976	0,279167919	2	219991343	219999705	1
SPEG	NA	NA	NA	2	220007944	220066598	1
ACCN4	221226_s_at	0,281804444	0,294553025	2	220087296	220111738	1
INHA	210141_s_at	0,526879449	0,113770687	2	220145198	220148671	1
STK11IP	NA	NA	NA	2	220170840	220189417	1
SLC4A3	205918_at	0,503187757	0,067081756	2	220200536	220214946	1
EPHA4	206114_at	0,758634741	-0,061503919	2	221990991	222145254	-1
SGPP2	NA	NA	NA	2	222997566	223131861	1
MOGAT1	NA	NA	NA	2	223244701	223282893	1
ACSL3	201661_s_at	0,059257926	-0,558287503	2	223433976	223516363	1
KCNE4	222379_at	0,96769681	0,007686508	2	223625106	223628599	1
SCG2	204035_at	0,368426393	0,133493731	2	224169902	224175365	-1
AP1S3	NA	NA	NA	2	224328291	224410563	-1
FAM124B	220637_at	0,33348178	0,151459094	2	224951659	224974955	-1
KIAA1486	NA	NA	NA	2	225973846	226226978	1
TM4SF20	220639_at	0,914715665	-0,02121883	2	227935116	227952264	-1

SLC19A3	220736_at	0,558207996	0,085811002	2	228258170	228290989	-1
CCL20	205476_at	0,597652066	0,0641286	2	228386814	228390494	1
WDR69	NA	NA	NA	2	228444571	228497270	1
SPHKAP	NA	NA	NA	2	228552919	228754586	-1
PID1	219093_at	0,548620665	-0,119998193	2	229596933	229844301	-1
DNER	NA	NA	NA	2	229930589	230287530	-1
SP140L	214791_at	0,091007715	-0,991380606	2	230900138	230976689	1
GPR55	NA	NA	NA	2	231480287	231498185	-1
NMUR1	221383_at	0,493704832	0,163490033	2	232096116	232103452	-1
C2orf57	NA	NA	NA	2	232165856	232167238	1
NPPC	221348_at	0,288974779	0,116468089	2	232498379	232499203	-1
DIS3L2	NA	NA	NA	2	232534537	232910152	1
ALPP	204664_at	0,413287394	0,152413931	2	232951592	232955843	1
ALPI	211618_s_at	0,385234639	0,180909531	2	233029077	233032986	1
ECEL1	219914_at	0,302897203	0,189497171	2	233052781	233060776	-1
CHRNA3	221355_at	0,302494029	0,238538531	2	233112681	233119282	1
EFHD1	209343_at	0,393783979	0,150544137	2	233206568	233255730	1
KCNJ13	210179_at	0,190584451	0,425541	2	233339104	233349519	-1
C2orf82	NA	NA	NA	2	233443238	233449351	1
NGEF	NA	NA	NA	2	233451655	233586182	-1
NEU2	221368_at	0,736568234	-0,039144899	2	233605626	233608011	1
SAG	206671_at	0,538581862	0,080834199	2	233881207	233920440	1
UGT1A8	208596_s_at	0,044082512	0,304093675	2	234191030	234346684	1
UGT1A10	NA	NA	NA	2	234209862	234346690	1
UGT1A9	NA	NA	NA	2	234245283	234346690	1
UGT1A7	NA	NA	NA	2	234255323	234346684	1
UGT1A6	NA	NA	NA	2	234265060	234346684	1
UGT1A3	NA	NA	NA	2	234302512	234346684	1
DNAJB3	NA	NA	NA	2	234316135	234317400	-1
TRPM8	220226_at	0,533139967	-0,104269982	2	234490782	234592905	1
SH3BP4	222258_s_at	0,185485203	0,671313043	2	235525367	235629097	1
GBX2	210560_at	0,195906647	0,290793391	2	236739046	236741391	-1
ASB18	NA	NA	NA	2	236768254	236837727	-1

IQCA1	220274_at	0,140351209	0,207257638	2	236897533	237080831	-1
MLPH	218211_s_at	0,084829123	0,270489832	2	238060617	238128700	1
PRLH	221443_x_at	0,776271991	0,0576856	2	238139956	238140557	1
RAB17	218931_at	0,752384098	-0,052783878	2	238147704	238177653	-1
RBM44	NA	NA	NA	2	238372127	238408253	1
UBE2F	NA	NA	NA	2	238540439	238615423	1
ESPNL	NA	NA	NA	2	238673690	238706667	1
HES6	NA	NA	NA	2	238811647	238813409	-1
TWIST2	NA	NA	NA	2	239496916	239497176	1
NDUFA10	217860_at	0,783568183	0,081991229	2	240548829	240613471	-1
OR6B2	NA	NA	NA	2	240617581	240618519	-1
PRR21	NA	NA	NA	2	240629903	240631072	-1
OR6B3	NA	NA	NA	2	240633167	240634162	-1
MYEOV2	NA	NA	NA	2	240714653	240724437	-1
OTOS	NA	NA	NA	2	240727119	240728746	-1
GPC1	202755_s_at	0,378255681	0,154963429	2	241023788	241056168	1
GPR35	210264_at	0,350542791	0,179471345	2	241217468	241219342	1
AQP12B	NA	NA	NA	2	241264508	241270990	-1
AQP12A	NA	NA	NA	2	241279935	241286573	1
KIF1A	203849_s_at	0,714270824	0,044151468	2	241301857	241408297	-1
AGXT	210326_at	0,562984887	0,106373629	2	241456835	241467210	1
C2orf54	220149_at	0,636303077	0,071997995	2	241474138	241484246	-1
SNED1	213488_at	0,328955152	0,142518582	2	241586928	241682316	1
ANO7	NA	NA	NA	2	241776597	241813464	1
STK25	201314_at	0,372312189	-0,337874862	2	242083105	242096707	-1
BOK	NA	NA	NA	2	242146865	242162226	1
ING5	NA	NA	NA	2	242290129	242317569	1
D2HGDH	NA	NA	NA	2	242322703	242356904	1
GAL3ST2	NA	NA	NA	2	242364913	242392375	1
PDCD1	207634_at	0,129180845	0,5788925	2	242440711	242449731	-1
C2orf85	NA	NA	NA	2	242460559	242464155	1
DEFB125	NA	NA	NA	20	16351	25296	1
DEFB126	221414_s_at	0,230596127	0,216322477	20	71252	74392	1

DEFB127	NA	NA	NA	20	86186	87804	1
DEFB128	NA	NA	NA	20	116527	118264	-1
DEFB129	NA	NA	NA	20	155925	158527	1
DEFB132	NA	NA	NA	20	186377	189735	1
TBC1D20	NA	NA	NA	20	364124	391187	-1
TCF15	207306_at	0,907848396	0,029459298	20	532637	538910	-1
SRXN1	NA	NA	NA	20	575259	581890	-1
SCRT2	NA	NA	NA	20	590240	604823	-1
C20orf54	NA	NA	NA	20	688724	697228	-1
FAM110A	NA	NA	NA	20	762356	774922	1
ANGPT4	221134_at	0,295899563	0,138069206	20	801296	844960	-1
RSPO4	NA	NA	NA	20	887095	930904	-1
C20orf46	219958_at	0,09953957	0,35138172	20	1109215	1113117	-1
SNPH	205104_at	0,182454937	0,230088315	20	1194960	1237971	1
SDCBP2	NA	NA	NA	20	1238619	1257838	-1
SIRPG	220485_s_at	0,410134549	0,100193714	20	1557798	1586425	-1
SIRPA	202897_at	0,800597072	-0,037950003	20	1822813	1868540	1
TGM3	206004_at	0,652199383	0,070014467	20	2224675	2269725	1
TGM6	NA	NA	NA	20	2309554	2361399	1
TMC2	NA	NA	NA	20	2465253	2570430	1
CPXM1	NA	NA	NA	20	2722715	2729282	-1
C20orf141	NA	NA	NA	20	2743657	2744476	1
FAM113A	NA	NA	NA	20	2763971	2769332	-1
VPS16A	203459_s_at	0,49961823	0,287650799	20	2769373	2795378	1
GNRH2	208519_x_at	0,334697445	0,179552215	20	2972268	2974391	1
OXT	207576_x_at	0,352019176	0,250620667	20	3000266	3001162	1
AVP	207848_at	0,736508269	0,057280206	20	3011202	3013370	-1
ProSAPiP1	204447_at	0,243359187	0,278481469	20	3091273	3097207	-1
SLC4A11	NA	NA	NA	20	3156063	3166373	-1
C20orf194	NA	NA	NA	20	3177948	3336255	-1
GFRA4	221199_at	0,868745709	-0,02420076	20	3587939	3592046	-1
ADAM33	NA	NA	NA	20	3596620	3610738	-1
SIGLEC1	44673_at	0,351511619	0,190273069	20	3615617	3635775	-1

HSPA12B	NA	NA	NA	20	3661356	3681758	1
C20orf27	50314_i_at	0,44997042	-0,304373975	20	3682158	3696452	-1
SPEF1	216119_s_at	0,322606333	0,140480832	20	3706151	3710102	-1
CENPB	212437_at	0,414453553	0,227909692	20	3712498	3715337	-1
SMOX	210357_s_at	0,082734128	0,332647727	20	4077450	4116369	1
ADRA1D	210961_s_at	0,286707561	0,21792559	20	4149278	4177659	-1
PRNP	215707_s_at	0,100968473	0,596076329	20	4614797	4630234	1
PRND	222106_at	0,686927589	0,046751303	20	4650556	4657106	1
PROKR2	NA	NA	NA	20	5230686	5243015	-1
C20orf196	NA	NA	NA	20	5679043	5792558	1
LRRN4	NA	NA	NA	20	5969426	5982676	-1
FERMT1	218796_at	0,056515195	0,394228015	20	6003492	6052191	-1
BMP2	205289_at	0,167233736	0,200819333	20	6696745	6708910	1
HAO1	220224_at	0,693069118	0,076375412	20	7811631	7869093	-1
PLCB1	213222_at	0,002173842	0,858254956	20	8061296	8813547	1
PLCB4	203896_s_at	0,233489122	0,151002206	20	9024932	9409463	1
JAG1	209098_s_at	0,003926404	0,638763933	20	10566334	10602590	-1
ISM1	NA	NA	NA	20	13150418	13229297	1
TASP1	219443_at	0,349723709	0,216558928	20	13318036	13567583	-1
SEL1L2	NA	NA	NA	20	13778049	13919262	-1
MACROD2	NA	NA	NA	20	13924146	15981842	1
PCSK2	204869_at	0,314961889	0,094995154	20	17155631	17413223	1
BFSP1	206746_at	0,827659539	0,029568536	20	17422550	17459974	-1
RRBP1	201204_s_at	0,01600504	0,889708801	20	17542323	17610928	-1
BANF2	NA	NA	NA	20	17628593	17664513	1
OVOL2	211778_s_at	0,08582651	0,326242359	20	17952796	17986521	-1
RIN2	209684_at	0,547658293	0,062851876	20	19818210	19931100	1
CRNKL1	219913_s_at	0,399849954	0,390844141	20	19963012	19984690	-1
C20orf26	NA	NA	NA	20	19981196	20289346	1
INSM1	206502_s_at	0,144309644	0,331823675	20	20296765	20299593	1
NKX2-4	NA	NA	NA	20	21324005	21326047	-1
NKX2-2	206915_at	0,765481207	0,031629839	20	21439648	21442664	-1
PAX1	214401_at	0,782486076	0,045258497	20	21634297	21644620	1

SSTR4	214556_at	0,175114869	0,217059342	20	22964057	22965314	1
THBD	203887_s_at	0,174779117	0,223348739	20	22974270	22978301	-1
CD93	202877_s_at	0,368867658	0,103573152	20	23007993	23014977	-1
CSTL1	NA	NA	NA	20	23368322	23373567	1
CST8	220627_at	0,732380516	0,057795928	20	23419766	23424660	1
CST9L	NA	NA	NA	20	23493369	23497329	-1
CST9	NA	NA	NA	20	23531047	23534513	-1
CST3	201360_at	0,000606217	2,88005255	20	23562294	23566574	-1
CST4	206994_at	0,141019762	0,282287879	20	23614277	23617662	-1
CST1	206224_at	0,321904501	0,102682527	20	23676190	23679574	-1
CST2	208555_x_at	0,933604051	0,018300653	20	23752404	23755312	-1
CST5	207925_at	0,487455832	0,116387458	20	23804572	23808371	-1
GGTLC1	211416_x_at	0,048687976	1,12922341	20	23913687	23917416	-1
C20orf39	219310_at	0,115265597	0,364898922	20	24397835	24595167	1
CST7	210140_at	0,562486493	-0,097816513	20	24877866	24888562	1
VSX1	221124_s_at	0,857099892	0,031800607	20	25004099	25010767	-1
DEFB115	NA	NA	NA	20	29309128	29311096	1
DEFB116	NA	NA	NA	20	29354676	29360049	-1
DEFB118	NA	NA	NA	20	29420089	29424825	1
DEFB119	NA	NA	NA	20	29428628	29442067	-1
DEFB121	NA	NA	NA	20	29456361	29457651	-1
DEFB123	NA	NA	NA	20	29492072	29501721	1
DEFB124	NA	NA	NA	20	29516970	29524477	-1
REM1	210300_at	0,295899563	0,207866171	20	29526766	29536369	1
COX4I2	NA	NA	NA	20	29689352	29696461	1
MYLK2	NA	NA	NA	20	29871045	29886153	1
FOXS1	NA	NA	NA	20	29895764	29897081	-1
XKR7	NA	NA	NA	20	30019466	30049917	1
C20orf160	NA	NA	NA	20	30061914	30083644	1
TM9SF4	212194_s_at	0,276508499	0,357082423	20	30184476	30218720	1
KIF3B	203943_at	0,155102608	-0,603950955	20	30329128	30386475	1
C20orf112	NA	NA	NA	20	30498330	30534849	-1
COMMD7	NA	NA	NA	20	30754154	30795475	-1

SPAG4L	NA	NA	NA	20	31035242	31055900	-1
BPIL1	NA	NA	NA	20	31059068	31075176	1
BPIL3	NA	NA	NA	20	31083115	31095514	1
C20orf185	NA	NA	NA	20	31106891	31125095	1
C20orf186	NA	NA	NA	20	31134416	31163218	1
C20orf70	NA	NA	NA	20	31219621	31232884	1
C20orf71	NA	NA	NA	20	31268796	31279220	1
PLUNC	220542_s_at	0,055337964	0,27602052	20	31287463	31294773	1
C20orf114	NA	NA	NA	20	31334602	31361345	1
SNTA1	203516_at	0,754767578	0,110099775	20	31459424	31495359	-1
CBFA2T2	209145_s_at	0,443891983	-0,143498185	20	31541589	31701498	1
ASIP	214498_at	0,311881811	0,122940072	20	32311832	32320809	1
AHCY	200903_s_at	0,783537625	-0,08033817	20	32331737	32354784	-1
MAP1LC3A	NA	NA	NA	20	32598353	32611810	1
PIGU	NA	NA	NA	20	32612007	32728750	-1
GGT7	NA	NA	NA	20	32896184	32924322	-1
ACSS2	NA	NA	NA	20	32926406	32979423	1
MYH7B	NA	NA	NA	20	33026867	33053897	1
PROCR	203650_at	0,397055309	0,094773218	20	33223435	33228826	1
MMP24	208387_s_at	0,492880153	0,089935751	20	33278106	33328218	1
FAM83C	NA	NA	NA	20	33336948	33343639	-1
GDF5	206614_at	0,285401132	0,16755586	20	33484563	33489441	-1
ERGIC3	216032_s_at	0,007288965	1,060794563	20	33593192	33608819	1
PHF20	209422_at	0,020360823	-1,444806686	20	33823337	34001702	1
C20orf152	NA	NA	NA	20	34019943	34082036	1
EPB41L1	212339_at	0,001112051	0,594170181	20	34163762	34284135	1
DLGAP4	202571_s_at	0,16363144	0,33604409	20	34428858	34590454	1
MYL9	201058_s_at	0,927976555	-0,052651917	20	34603311	34611640	1
SLA2	NA	NA	NA	20	34674336	34707972	-1
NDRG3	221082_s_at	0,48551418	0,194932011	20	34713583	34807895	-1
C20orf118	NA	NA	NA	20	34937984	34956046	1
GHRH	214524_at	0,198654421	0,243458568	20	35312903	35318706	-1
MANBAL	NA	NA	NA	20	35351465	35379077	1

SRC	221284_s_at	0,818625211	0,036191684	20	35406502	35467235	1
NNAT	204239_s_at	0,492499239	0,181585221	20	35583021	35585506	1
VSTM2L	NA	NA	NA	20	35964913	36007166	1
TGM2	216183_at	0,109611997	0,253230125	20	36190277	36227114	-1
KIAA1755	NA	NA	NA	20	36272321	36322588	-1
LBP	214461_at	0,563800012	0,077222701	20	36408299	36439067	1
ADIG	NA	NA	NA	20	36643252	36650518	1
SLC32A1	NA	NA	NA	20	36786519	36791429	1
PLCG1	202789_at	0,251898453	-0,214102305	20	39199575	39237771	1
ZHX3	212545_s_at	0,413362826	0,158185911	20	39240503	39362153	-1
LPIN3	NA	NA	NA	20	39402974	39422636	1
CHD6	NA	NA	NA	20	39464584	39680547	-1
PTPRT	205948_at	0,461631242	0,118533689	20	40134806	41251971	-1
SGK2	220357_s_at	0,114772337	0,30414953	20	41621100	41647687	1
IFT52	218709_s_at	0,398997462	0,186044834	20	41652993	41709276	1
GTSF1L	NA	NA	NA	20	41788215	41789056	-1
JPH2	220385_at	0,408372968	0,160826162	20	42173751	42249632	-1
GDAP1L1	219668_at	0,366670417	0,13745718	20	42309322	42342427	1
WISP2	205792_at	0,528108413	0,05835838	20	42777299	42789866	1
KCNK15	NA	NA	NA	20	42807902	42813082	1
RIMS4	NA	NA	NA	20	42813863	42872326	-1
KCNS1	207366_at	0,25885508	0,267877135	20	43154364	43163167	-1
WFDC5	NA	NA	NA	20	43171507	43177217	-1
WFDC12	NA	NA	NA	20	43185481	43186520	-1
PI3	203691_at	0,268394455	0,195371684	20	43236912	43238599	1
SEMG2	216030_s_at	0,931224461	-0,012944462	20	43283424	43286513	1
SLPI	203021_at	0,894623082	0,017710128	20	43314293	43316620	-1
MATN4	207123_s_at	0,355742253	0,354357141	20	43355501	43367645	-1
RBPJL	221377_s_at	0,230555635	0,190871603	20	43368905	43379878	1
SDC4	202071_at	0,059036026	0,306744425	20	43387342	43410478	-1
TP53TG5	207482_at	0,169832797	0,32491685	20	43435934	43440371	-1
DBNDD2	218094_s_at	0,200372206	0,358911223	20	43468085	43472661	1
WFDC2	NA	NA	NA	20	43531808	43543586	1

WFDC6	NA	NA	NA	20	43596250	43601548	-1
SPINLW1	206319_s_at	0,794550357	0,05924426	20	43602679	43609442	-1
WFDC8	NA	NA	NA	20	43613205	43641379	-1
WFDC9	NA	NA	NA	20	43669992	43693321	-1
WFDC10A	NA	NA	NA	20	43691799	43693245	1
WFDC10B	NA	NA	NA	20	43746704	43767072	-1
WFDC13	NA	NA	NA	20	43764069	43770870	1
SPINT4	NA	NA	NA	20	43784402	43787749	1
WFDC3	NA	NA	NA	20	43836254	43853954	-1
DNTTIP1	NA	NA	NA	20	43853983	43873473	1
TNNC2	205388_at	0,032819217	0,379798388	20	43885260	43889360	-1
SNX21	NA	NA	NA	20	43895877	43905321	1
ZSWIM1	NA	NA	NA	20	43943287	43947312	1
MMP9	203936_s_at	0,24127398	0,160456005	20	44070954	44078607	1
SLC12A5	210040_at	0,649500275	0,089745809	20	44091245	44122196	1
CDH22	215181_at	0,140351209	0,283324176	20	44235783	44313741	-1
ZNF334	220022_at	0,752291368	0,041064793	20	44563114	44575601	-1
SLC2A10	221024_s_at	0,515627905	0,069863786	20	44771686	44798393	1
PREX1	NA	NA	NA	20	46674200	46877827	-1
KCNB1	211006_s_at	0,049436793	0,217145726	20	47421912	47532588	-1
PTGIS	210702_s_at	0,266184341	0,150023304	20	47553818	47618114	-1
UBE2V1	NA	NA	NA	20	48131068	48165901	-1
FAM65C	NA	NA	NA	20	48636052	48686833	-1
BCAS4	220588_at	0,005301533	-1,921023511	20	48844874	48927121	1
KCNG1	214595_at	0,069267191	0,254813488	20	49053600	49073082	-1
ATP9A	212062_at	0,554681037	0,102095961	20	49646721	49818315	-1
SALL4	NA	NA	NA	20	49833988	49852421	-1
BCAS1	204378_at	0,315937087	0,187566564	20	51993924	52120490	-1
CYP24A1	206504_at	0,386589609	0,083600943	20	52203395	52223931	-1
PFDN4	205362_s_at	0,870978559	0,03999075	20	52257909	52269899	1
DOK5	214844_s_at	0,173004767	0,446662147	20	52525673	52701117	1
CBLN4	NA	NA	NA	20	54005903	54013419	-1
MC3R	221442_at	0,355058222	0,083492098	20	54257196	54258278	1

C20orf108	208080_at	0,69148977	0,10120835	20	54367390	54377126	1
CASS4	220888_s_at	0,388744575	0,106016217	20	54420771	54467243	1
C20orf106	NA	NA	NA	20	54532955	54534605	1
C20orf107	NA	NA	NA	20	54541709	54544983	1
CTCFL	NA	NA	NA	20	55505630	55533560	-1
PCK1	208383_s_at	0,884561019	0,01371434	20	55569543	55574922	1
ZBP1	208087_s_at	0,013364739	0,413619232	20	55612308	55628935	-1
C20orf85	NA	NA	NA	20	56159389	56169592	1
APCDD1L	NA	NA	NA	20	56467832	56523355	-1
NPEPL1	218821_at	0,065729459	0,285157597	20	56701268	56724307	1
ZNF831	NA	NA	NA	20	57199470	57267563	1
EDN3	208399_s_at	0,019732139	0,274928218	20	57308894	57334442	1
CDH26	NA	NA	NA	20	57966877	58021563	1
C20orf197	NA	NA	NA	20	58064375	58081403	1
CDH4	206866_at	0,119948448	0,532364453	20	59260952	59945694	1
TAF4	213090_s_at	0,142830721	-0,7644872	20	59983249	60074261	-1
GTPBP5	NA	NA	NA	20	60191476	60211218	1
HRH3	221663_x_at	0,329718977	0,158483035	20	60223421	60228718	-1
OSBPL2	209221_s_at	0,651069259	0,055019807	20	60246975	60304664	1
CABLES2	NA	NA	NA	20	60397081	60415734	-1
C20orf151	NA	NA	NA	20	60418688	60435984	-1
GATA5	NA	NA	NA	20	60471948	60484421	-1
C20orf200	NA	NA	NA	20	60552199	60559176	-1
C20orf166	NA	NA	NA	20	60558105	60578409	1
SLCO4A1	219911_s_at	0,996279096	0,003405367	20	60744242	60774092	1
NTSR1	207360_s_at	0,571787411	-0,084641714	20	60810634	60864568	1
C20orf20	218586_at	0,052364271	-0,405094059	20	60898283	60902390	1
COL9A3	204724_s_at	0,22713265	-1,023292637	20	60918859	60942956	1
TCFL5	204849_at	0,20766203	-0,812873317	20	60942912	60963560	-1
BIRC7	220451_s_at	0,263358446	0,34556208	20	61337721	61342299	1
NKAIN4	NA	NA	NA	20	61342584	61356335	-1
ARFGAP1	217888_s_at	0,266855376	0,170653918	20	61374610	61391587	1
COL20A1	NA	NA	NA	20	61394983	61432729	1

CHRNA4	206736_x_at	0,046738452	0,292060176	20	61445109	61463192	-1
EEF1A2	204540_at	0,286828286	-0,962352927	20	61589810	61600949	-1
PPDPF	218010_x_at	0,462187763	-0,442268592	20	61622577	61623968	1
PTK6	206482_at	0,50686241	0,069446919	20	61630210	61639151	-1
SRMS	NA	NA	NA	20	61642607	61649301	-1
C20orf195	220426_at	0,986576574	-0,002195623	20	61654817	61658480	1
PRIC285	NA	NA	NA	20	61659883	61676036	-1
TNFRSF6B	206467_x_at	0,466920145	0,093704985	20	61796732	61800481	1
ZBTB46	NA	NA	NA	20	61846322	61907300	-1
SOX18	219568_x_at	0,62196305	0,053213513	20	62149523	62151423	-1
TCEA2	203919_at	0,306588883	-0,703482111	20	62158883	62174143	1
C20orf201	NA	NA	NA	20	62185177	62186156	-1
NPBWR2	221358_at	0,64675781	0,050320411	20	62207627	62208628	-1
MYT1	210341_at	0,307641886	0,098516326	20	62266271	62344050	1
TPTE	220205_at	0,114977842	0,45315787	21	9928612	10012791	-1
BAGE4	NA	NA	NA	21	10042713	10120796	-1
BAGE	NA	NA	NA	21	10079667	10120808	-1
POTED	NA	NA	NA	21	13904369	13935777	1
LIPI	NA	NA	NA	21	14403005	14501125	-1
RBM11	NA	NA	NA	21	14510350	14522552	1
C21orf34	NA	NA	NA	21	16364713	16901413	1
CHODL	219867_at	0,3084898	0,198582218	21	18539021	18561558	1
NCAM2	205669_at	0,177130591	0,238540963	21	21292504	21833085	1
CYYR1	NA	NA	NA	21	26760399	26867452	-1
ADAMTS1	222162_s_at	0,156504961	0,164956496	21	27130477	27139599	-1
GRIK1	207242_s_at	0,329456436	0,111660952	21	29831125	30234153	-1
KRTAP26-1	NA	NA	NA	21	30613320	30614478	-1
KRTAP27-1	NA	NA	NA	21	30631202	30631883	-1
KRTAP23-1	NA	NA	NA	21	30642588	30642795	-1
KRTAP13-2	NA	NA	NA	21	30665580	30666428	-1
KRTAP13-1	NA	NA	NA	21	30690263	30691011	1
KRTAP19-6	NA	NA	NA	21	30835723	30836052	-1
KRTAP6-1	NA	NA	NA	21	30907876	30908094	-1

KRTAP20-1	NA	NA	NA	21	30910645	30910815	1
KRTAP21-2	NA	NA	NA	21	31041140	31041391	-1
KRTAP8-1	NA	NA	NA	21	31106886	31107441	-1
KRTAP19-8	NA	NA	NA	21	31332349	31332666	-1
HUNK	219535_at	0,785907471	0,034485539	21	32167499	32298248	1
MRAP	NA	NA	NA	21	32585995	32608966	1
C21orf63	NA	NA	NA	21	32706623	32809568	1
TCP10L	NA	NA	NA	21	32870733	32879714	-1
OLIG2	213824_at	0,275964492	0,165650959	21	33320109	33323370	1
OLIG1	NA	NA	NA	21	33364443	33366596	1
KCNE2	221095_s_at	0,408813898	0,091450537	21	34658193	34665310	1
FAM165B	NA	NA	NA	21	34669619	34683322	1
KCNE1	208514_at	0,291692548	0,173379803	21	34740858	34806443	-1
CLIC6	NA	NA	NA	21	34963558	35012389	1
CBR3	205379_at	0,503917119	-0,101356624	21	36429133	36440730	1
DOPEY2	205248_at	0,583519249	-0,105957734	21	36458709	36588442	1
MORC3	213000_at	0,345738362	-0,516558914	21	36614376	36670814	1
CLDN14	210689_at	0,118028699	0,339432395	21	36754789	36774258	-1
SIM2	206558_at	0,28591031	0,171481541	21	36993861	37044088	1
HLCS	209399_at	0,281232374	0,145919281	21	37045059	37284373	-1
DSCR6	207267_s_at	0,341677218	0,099738816	21	37300733	37313829	1
DSCR9	NA	NA	NA	21	37502674	37515907	1
KCNJ6	210454_s_at	0,441390524	0,117889997	21	37918655	38210566	-1
DSCR4	207258_at	0,89665786	0,023950076	21	38348183	38415324	-1
DSCR10	NA	NA	NA	21	38500120	38502608	1
ERG	213541_s_at	0,506552714	0,114026109	21	38675671	38955488	-1
FLJ45139	NA	NA	NA	21	39171085	39232223	-1
B3GALT5	206947_at	0,443553146	0,115710007	21	39951124	39956685	1
IGSF5	NA	NA	NA	21	40039204	40095893	1
PCP4	205549_at	0,201901292	0,227558081	21	40161217	40223192	1
BACE2	217867_x_at	0,410121929	0,178708689	21	41461598	41570394	1
PLAC4	NA	NA	NA	21	41469028	41479036	-1
FAM3B	NA	NA	NA	21	41610531	41651524	1

MX2	204994_at	0,298558441	-0,923712376	21	41655820	41702739	1
TMPRSS2	211689_s_at	0,571135707	-0,051302526	21	41758351	41801948	-1
RIPK4	221215_s_at	0,541874935	0,086111735	21	42032598	42060318	-1
TFF3	204623_at	0,90258483	0,017512404	21	42605232	42608775	-1
TFF2	214476_at	0,160503619	0,252930014	21	42639535	42644176	-1
TFF1	205009_at	0,027162603	0,436701168	21	42655460	42659713	-1
RSPH1	NA	NA	NA	21	42765665	42789470	-1
SLC37A1	218928_s_at	0,11002088	-0,295514779	21	42792811	42874619	1
PDE9A	205593_s_at	0,37250906	-0,4582647	21	42946931	43068688	1
CRYAA	210199_at	0,528395738	-0,069746743	21	43462210	43465982	1
HSF2BP	207020_at	0,20013242	0,251814912	21	43773500	43903802	-1
RRP1B	212846_at	0,253942041	-0,449761094	21	43903860	43940388	1
AGPAT3	219723_x_at	0,234023403	0,299364832	21	44109544	44231903	1
PWP2	209336_at	0,109013343	-0,460512447	21	44351636	44375491	1
DNMT3L	220139_at	0,174339125	0,31648022	21	44490651	44506527	-1
AIRE	208090_s_at	0,192620467	0,248465978	21	44530191	44542530	1
PFKL	211065_x_at	0,374534969	-0,32032615	21	44544358	44571689	1
LRRC3	221017_s_at	0,64105152	0,09908693	21	44699821	44703167	1
C21orf29	NA	NA	NA	21	44742203	44955923	-1
KRTAP10-1	NA	NA	NA	21	44783496	44784506	-1
KRTAP10-2	NA	NA	NA	21	44794746	44795816	-1
KRTAP10-3	NA	NA	NA	21	44802334	44803071	-1
KRTAP10-4	NA	NA	NA	21	44818034	44819415	1
KRTAP10-5	NA	NA	NA	21	44823992	44824909	-1
KRTAP10-6	NA	NA	NA	21	44835577	44836814	-1
KRTAP10-7	NA	NA	NA	21	44844925	44846519	1
KRTAP10-8	NA	NA	NA	21	44856424	44857299	1
KRTAP10-9	NA	NA	NA	21	44871468	44872723	1
KRTAP10-10	NA	NA	NA	21	44881701	44882800	1
KRTAP10-11	NA	NA	NA	21	44890759	44891995	1
KRTAP12-4	NA	NA	NA	21	44898558	44899004	-1
KRTAP12-3	NA	NA	NA	21	44902277	44902686	1
KRTAP12-2	NA	NA	NA	21	44910534	44911272	-1

KRTAP12-1	NA	NA	NA	21	44925919	44926506	-1
KRTAP10-12	NA	NA	NA	21	44941515	44942387	1
SUMO3	200739_s_at	0,10009592	0,59142869	21	45049960	45062472	-1
C21orf70	NA	NA	NA	21	45184383	45221316	1
ADARB1	209979_at	0,153990322	0,36299903	21	45318943	45470902	1
POFUT2	207448_at	0,203813977	0,257162833	21	45508271	45532239	-1
COL18A1	209081_s_at	0,239578555	0,205907048	21	45649525	45758062	1
NCRNA00175	NA	NA	NA	21	45664059	45669413	-1
COL6A1	212938_at	0,132458179	0,214515188	21	46226091	46249391	1
COL6A2	209156_s_at	0,358074942	0,125880475	21	46342461	46377191	1
FTCD	220604_x_at	0,761821606	0,066674824	21	46380604	46399909	-1
PRMT2	202098_s_at	0,180353665	0,320604266	21	46879955	46909291	1
POTEH	NA	NA	NA	22	14636332	14667937	-1
XKR3	NA	NA	NA	22	15644302	15682584	-1
GAB4	NA	NA	NA	22	15822826	15869112	-1
IL17RA	205707_at	0,975757715	0,014215352	22	15945849	15971405	1
CECR2	NA	NA	NA	22	16336630	16413845	1
SLC25A18	NA	NA	NA	22	16423183	16453647	1
MICAL3	212715_s_at	0,440495624	-0,416942053	22	16650415	16694766	-1
TUBA8	220069_at	0,600843367	0,106377969	22	16973559	16994498	1
DGCR6	208024_s_at	0,040941038	0,777420978	22	17273779	17279601	1
PRODH	214203_s_at	0,552637139	0,084014186	22	17280295	17304066	-1
GSC2	221441_at	0,36563429	-0,11251765	22	17516504	17517796	-1
CLDN5	204482_at	0,273287277	0,310183569	22	17890550	17892860	-1
Sep 05	209767_s_at	0,183131542	0,821793047	22	18081987	18092297	1
GP1BB	206655_s_at	0,334049315	0,264432239	22	18091066	18092297	1
TBX1	211273_s_at	0,480097092	0,06485883	22	18124226	18151116	1
ZDHHC8	NA	NA	NA	22	18499365	18513974	1
RTN4R	NA	NA	NA	22	18608938	18635816	-1
ZNF74	205881_at	0,01186619	0,456433166	22	19078480	19092752	1
SCARF2	NA	NA	NA	22	19108875	19122146	-1
AIFM3	NA	NA	NA	22	19649434	19665649	1
P2RX6	206880_at	0,273593488	0,130329419	22	19699464	19712302	1

SLC7A4	205864_at	0,226001661	0,159887212	22	19713007	19716847	-1
PPM1F	207758_at	0,461712009	0,314497827	22	20603793	20637217	-1
TOP3B	213660_s_at	0,366716616	-0,129426897	22	20641403	20667147	-1
ZNF280A	216034_at	0,865436357	0,030043882	22	21198060	21204613	-1
PRAME	204086_at	0,119770799	0,35869329	22	21220123	21231696	-1
GGTLC2	215603_x_at	0,046154746	1,396178706	22	21318780	21320371	1
RTDR1	220105_at	0,15900274	0,209440628	22	21731593	21814241	-1
GNAZ	204993_at	0,49592006	0,267245335	22	21742669	21797224	1
C22orf43	221108_at	0,090512919	0,293671949	22	22280639	22304487	-1
RGL4	NA	NA	NA	22	22363048	22371363	1
GSTT1	203815_at	0,871486112	0,100154425	22	22706141	22714231	-1
CABIN1	202624_s_at	0,287176846	-0,206025374	22	22737765	22904596	1
UPB1	220507_s_at	0,486450742	0,130871062	22	23221251	23252553	1
C22orf36	NA	NA	NA	22	23311591	23319035	-1
PIWIL3	NA	NA	NA	22	23445001	23500683	-1
TMEM211	NA	NA	NA	22	23661208	23665314	-1
CRYBB3	207685_at	0,016288333	0,273985263	22	23925825	23933324	1
CRYBB2	206778_at	0,445743231	0,150907395	22	23945612	23957836	1
IGLL3	213502_x_at	0,083368138	2,193548917	22	24043888	24046192	1
LRP5L	214873_at	0,692867532	-0,039181624	22	24077429	24088524	-1
CRYBB1	206185_at	0,61466208	0,070356723	22	25325362	25343991	-1
CRYBA4	206843_at	0,263831723	0,336658199	22	25347928	25356636	1
MN1	205330_at	0,775315336	0,038176843	22	26474265	26527486	-1
KREMEN1	NA	NA	NA	22	27799106	27872808	1
EMID1	213779_at	0,366334467	0,183759828	22	27931953	27985586	1
GAS2L1	31874_at	0,000606217	0,893286654	22	28032997	28038774	1
RASL10A	206850_at	0,979397928	0,004586869	22	28038922	28041748	-1
NEFH	33767_at	0,663280919	0,046359875	22	28206219	28217279	1
CABP7	NA	NA	NA	22	28446344	28457822	1
HORMAD2	NA	NA	NA	22	28806453	28903062	1
LIF	205266_at	0,689088138	0,088977547	22	28966441	28972748	-1
OSM	NA	NA	NA	22	28988818	28992840	-1
GATSL3	NA	NA	NA	22	29011107	29015502	-1

TBC1D10A	NA	NA	NA	22	29017979	29052894	-1
RNF215	NA	NA	NA	22	29104801	29113302	-1
SEC14L2	204541_at	0,294846322	0,422850299	22	29122933	29149828	1
SEC14L3	216346_at	0,629228456	0,058703141	22	29185219	29198017	-1
SEC14L4	216402_at	0,404708327	0,110072949	22	29214900	29231682	-1
GAL3ST1	205670_at	0,335488393	0,146024433	22	29280624	29290876	-1
TCN2	204043_at	0,224720734	0,25861236	22	29333161	29353047	1
SLC35E4	NA	NA	NA	22	29361793	29373862	1
OSBP2	221237_s_at	0,172492165	0,223910341	22	29420793	29633811	1
SELM	NA	NA	NA	22	29830763	29833551	-1
INPP5J	213651_at	0,651007858	-0,141340337	22	29848961	29860683	1
PLA2G3	220780_at	0,762325443	0,044901359	22	29860793	29866469	-1
C22orf30	216555_at	0,46171832	0,121869179	22	30402242	30438731	-1
C22orf42	NA	NA	NA	22	30875519	30885243	-1
RFPL2	207227_x_at	0,886649573	0,019255435	22	30916425	30919466	-1
SLC5A4	215960_at	0,813967059	0,064940148	22	30944463	30981318	-1
RFPL3	207936_x_at	0,279836091	0,161020029	22	31080872	31087148	1
BPIL2	NA	NA	NA	22	31140290	31183373	-1
SYN3	206322_at	0,451432796	0,104227239	22	31238540	31732683	-1
TIMP3	201148_s_at	0,129128373	0,309512381	22	31526802	31589028	1
ISX	NA	NA	NA	22	33792130	33813380	1
RASD2	NA	NA	NA	22	34267298	34279992	1
MB	204179_at	0,76021595	0,062497469	22	34332757	34349347	-1
APOL5	220478_at	0,634605941	0,125553424	22	34443865	34455476	1
APOL3	221087_s_at	0,973079647	-0,009235491	22	34866323	34892171	-1
APOL4	NA	NA	NA	22	34915122	34930825	-1
APOL1	209546_s_at	0,040833954	0,299985562	22	34979070	34993523	1
CACNG2	214495_at	0,442516078	0,109396594	22	35290050	35428849	-1
PVALB	205336_at	0,525583651	0,070660891	22	35526691	35545463	-1
C22orf33	NA	NA	NA	22	35717117	35733785	-1
KCTD17	205561_at	0,268382457	0,219455029	22	35777562	35789376	1
TMPRSS6	214955_at	0,362037104	0,160607582	22	35791425	35829639	-1
IL2RB	205291_at	0,195400347	0,291314037	22	35851824	35875908	-1

C1QTNF6	NA	NA	NA	22	35906152	35914276	-1
ELFN2	NA	NA	NA	22	36093946	36153451	-1
CARD10	210025_s_at	0,191624805	0,205360456	22	36216346	36245156	-1
CDC42EP1	204693_at	0,10976305	0,24221552	22	36286446	36295358	1
LGALS2	208450_at	0,282666764	0,175204206	22	36296199	36305970	-1
SH3BP1	213633_at	0,225580199	-0,364467533	22	36365630	36381996	1
H1FO	208886_at	0,195524445	0,383584653	22	36531060	36533389	1
GCAT	36475_at	0,715282143	0,12270384	22	36533901	36542850	1
GALR3	33579_i_at	0,082565069	0,247043455	22	36549335	36551448	1
MICALL1	55081_at	0,644153087	-0,214176293	22	36632292	36667972	1
SOX10	209843_s_at	0,207457807	0,199814664	22	36698265	36710485	-1
PICK1	204746_s_at	0,051581397	0,313283713	22	36783208	36801654	1
SLC16A8	220455_at	0,113407591	0,261634948	22	36804090	36809116	-1
BAIAP2L2	221178_at	0,89756256	-0,01765731	22	36810842	36836622	-1
KCNJ4	208359_s_at	0,06486303	0,416082755	22	37152278	37181149	-1
KDELR3	204017_at	0,013740415	0,998680911	22	37194029	37209391	1
TOMM22	217960_s_at	0,968943156	-0,019542905	22	37407900	37410711	1
DNAL4	204008_at	0,241984601	0,136098756	22	37504459	37520107	-1
NPTXR	213040_s_at	0,426282367	0,258336869	22	37544403	37569963	-1
APOBEC3A	210873_x_at	0,053466874	0,340855042	22	37683569	37689134	1
APOBEC3H	NA	NA	NA	22	37823236	37829946	1
CBX7	212914_at	0,00830437	0,959480423	22	37856723	37878484	-1
SYNGR1	210613_s_at	0,264636062	-0,804837173	22	38075900	38111539	1
SMCR7L	221516_s_at	0,471710028	0,176006138	22	38228230	38244083	1
CACNA1I	211830_s_at	0,60115778	0,103387886	22	38296704	38415686	1
ENTHD1	NA	NA	NA	22	38468995	38619740	-1
GRAP2	208406_s_at	0,365529467	0,134637934	22	38627032	38697330	1
FAM83F	NA	NA	NA	22	38720899	38755989	1
MCHR1	221354_s_at	0,914375757	-0,020612088	22	39405128	39408764	1
DNAJB7	NA	NA	NA	22	39585499	39588076	-1
RANGAP1	212125_at	0,242414839	-0,35076788	22	39971561	40012162	-1
ZC3H7B	205877_s_at	0,385322068	0,294400009	22	40027513	40086097	1
TEF	210167_s_at	0,355515743	0,229076856	22	40107909	40125276	1

CSDC2	209981_at	0,481725736	0,0937181	22	40286960	40302616	1
MEI1	NA	NA	NA	22	40425464	40525405	1
Sep 03	NA	NA	NA	22	40702877	40724171	1
WBP2NL	NA	NA	NA	22	40724738	40754425	1
CYP2D6	207498_s_at	0,531928363	0,165300838	22	40852445	40856827	-1
TCF20	212931_at	0,550729869	-0,134940826	22	40885963	40941389	-1
NFAM1	NA	NA	NA	22	41106357	41158345	-1
SERHL	NA	NA	NA	22	41226540	41238510	1
SERHL2	217276_x_at	0,434746204	0,091801289	22	41279869	41300332	1
ARFGAP3	202211_at	0,100100206	0,737609986	22	41522476	41583244	-1
PACSIN2	201651_s_at	0,51011732	-0,168886682	22	41596880	41672991	-1
BIK	205780_at	0,094831625	-2,053750518	22	41836701	41855662	1
MCAT	213132_s_at	0,564655245	-0,113665331	22	41858156	41869347	-1
TSPO	202096_s_at	0,130224772	1,07850454	22	41877479	41889192	1
SCUBE1	NA	NA	NA	22	41929174	42069299	-1
MPPED1	206436_at	0,303990671	0,129689971	22	42137964	42200785	1
SULT4A1	219425_at	0,357796939	0,138801225	22	42551720	42589711	-1
PNPLA5	NA	NA	NA	22	42606891	42619190	-1
PNPLA3	220675_s_at	0,245414819	0,16714726	22	42650952	42674781	1
PARVB	37966_at	0,025456797	1,221443998	22	42726506	42896439	1
KIAA1644	221901_at	0,098373951	0,262103321	22	42970890	43040064	-1
LDOC1L	NA	NA	NA	22	43267114	43272669	-1
RP3-474I12.5	NA	NA	NA	22	43343883	43346993	1
PRR5	47069_at	0,233819773	0,83744975	22	43443257	43512225	1
LOC553158	205980_s_at	0,141120958	0,157446884	22	43489133	43637328	1
ARHGAP8	NA	NA	NA	22	43527102	43637328	1
PHF21B	215943_at	0,471112753	0,081561035	22	43655706	43784245	-1
UPK3A	206771_at	0,813222691	0,026934739	22	44059553	44070419	1
FAM118A	219629_at	0,44133091	-0,282196247	22	44083745	44116500	1
SMC1B	NA	NA	NA	22	44118608	44188164	-1
RIBC2	206526_at	0,398320467	0,110681342	22	44188244	44206966	1
FBLN1	202994_s_at	0,094996546	0,21834704	22	44277383	44375678	1
WNT7B	217681_at	0,993618016	-0,001699761	22	44696316	44751395	-1

PPARA	206870_at	0,169119515	0,23596505	22	44925163	45018317	1
PKDREJ	220548_at	0,528726171	0,095764722	22	45030224	45037883	-1
TTC38	218272_at	0,505850466	0,257318302	22	45042525	45068569	1
CELSR1	41660_at	0,164612807	0,251675625	22	45135395	45311731	-1
GRAMD4	212856_at	0,48424542	-0,377265257	22	45401322	45454352	1
CERK	218421_at	0,913544964	-0,074403063	22	45458971	45512816	-1
FAM19A5	NA	NA	NA	22	47428841	47533750	1
PIM3	NA	NA	NA	22	48740165	48743724	1
IL17REL	NA	NA	NA	22	48775069	48793182	-1
TTLL8	NA	NA	NA	22	48795679	48835182	-1
MLC1	213395_at	0,151398286	0,349360013	22	48839947	48866485	-1
MOV10L1	NA	NA	NA	22	48870621	48942243	1
PANX2	NA	NA	NA	22	48951317	48960848	1
RP3-402G11.5	NA	NA	NA	22	48981535	48998172	1
MAPK12	206106_at	0,14734085	-0,756359484	22	49033458	49042216	-1
MAPK11	211500_at	0,517004043	0,195164513	22	49044269	49050906	-1
PLXNB2	208890_s_at	0,222232867	-0,994094296	22	49055535	49086830	-1
FAM116B	220713_at	0,692155815	0,046884868	22	49092964	49100010	-1
SAPS2	202791_s_at	0,710895629	-0,095033784	22	49128626	49230380	1
KLHDC7B	NA	NA	NA	22	49333328	49335409	1
ARSA	204443_at	0,217445812	0,287728135	22	49410315	49413473	-1
SHANK3	NA	NA	NA	22	49459936	49518507	1
ACR	207427_at	0,043710144	0,304953691	22	49523518	49530593	1
CHL1	204591_at	0,977388075	-0,003763054	3	213650	426098	1
CNTN4	NA	NA	NA	3	2117247	3074645	1
IL5RA	210744_s_at	0,283529862	0,151646156	3	3086421	3127031	-1
CRBN	218142_s_at	0,028687596	0,530328394	3	3166695	3196390	-1
SETMAR	206554_x_at	0,874089537	-0,087560065	3	4320016	4333949	1
GRM7	217008_s_at	0,48186659	0,071496675	3	6877927	7758217	1
C3orf32	206741_at	0,120353564	0,21695635	3	8636320	8668737	-1
CAV3	208204_s_at	0,594435643	0,093581111	3	8750496	8763451	1
RAD18	NA	NA	NA	3	8896560	8980146	-1
SRGAP3	209794_at	0,139297246	0,191902748	3	8997278	9266311	-1

THUMPD3	NA	NA	NA	3	9379736	9402412	1
SETD5	221806_s_at	0,491906736	-0,291237215	3	9414403	9494838	1
LHFPL4	NA	NA	NA	3	9515045	9570486	-1
CPNE9	NA	NA	NA	3	9720510	9746592	1
TTLL3	210129_s_at	0,513488673	0,184331724	3	9826405	9853040	1
CIDEC	219398_at	0,098015335	0,275061749	3	9883398	9895740	-1
JAGN1	NA	NA	NA	3	9907272	9911029	1
IL17RE	NA	NA	NA	3	9919303	9933086	1
IL17RC	64440_at	0,240086546	0,156011629	3	9933782	9950314	1
PRRT3	NA	NA	NA	3	9962226	9969078	-1
LOC401052	NA	NA	NA	3	10023102	10027779	-1
IRAK2	NA	NA	NA	3	10181563	10260427	1
GHRL	NA	NA	NA	3	10302434	10307409	-1
ATP2B2	204685_s_at	0,383097381	0,148455911	3	10342744	10466546	-1
SLC6A11	207048_at	0,490588439	0,14136511	3	10832917	10955146	1
SLC6A1	205152_at	0,066230949	0,218223592	3	11009453	11055935	1
HRH1	205580_s_at	0,687355167	0,077271104	3	11153779	11279939	1
ATG7	218673_s_at	0,977588916	0,00722519	3	11315160	11571557	1
SYN2	210247_at	0,176903437	0,156475066	3	12020862	12208532	1
TIMP4	206243_at	0,69148977	0,064600761	3	12169568	12175647	-1
TMEM40	219503_s_at	0,265568994	0,232616892	3	12750392	12775808	-1
CAND2	213547_at	0,450329436	0,1755171	3	12813171	12851301	1
IQSEC1	214824_at	0,103385718	0,269240516	3	12914374	12983960	-1
HDAC11	219847_at	0,108978201	0,317881834	3	13496824	13521834	1
FBLN2	203886_s_at	0,547298534	0,170729996	3	13565625	13654923	1
GRIP2	216481_at	0,038968329	0,263289955	3	14510177	14558592	-1
C3orf20	NA	NA	NA	3	14691658	14789545	1
SH3BP5	201811_x_at	0,608171831	-0,320973696	3	15271361	15357905	-1
ANKRD28	213035_at	0,411826422	0,205461547	3	15683747	15876057	-1
GALNTL2	NA	NA	NA	3	16191160	16245166	1
DAZL	206588_at	0,424060955	0,085452246	3	16603303	16622010	-1
PLCL2	213309_at	0,316916069	0,527640865	3	16949586	17107089	1
EFHB	NA	NA	NA	3	19895968	19950710	-1

THRB	207044_at	0,286222892	0,161993804	3	24134709	24511317	-1
LRRC3B	NA	NA	NA	3	26639304	26727271	1
SLC4A7	209884_s_at	0,060177175	-0,820046668	3	27389218	27473249	-1
EOMES	NA	NA	NA	3	27732872	27738789	-1
ZCWPW2	NA	NA	NA	3	28406993	28541637	1
GPD1L	212510_at	0,118153506	-0,7046995	3	32123148	32185205	1
CMTM8	NA	NA	NA	3	32255175	32386817	1
CMTM7	NA	NA	NA	3	32408167	32471337	1
CCR4	208376_at	0,241984601	0,246732186	3	32968070	32971407	1
CRTAP	201380_at	0,080508246	0,753122087	3	33130483	33164269	1
SUSD5	214954_at	0,967635421	-0,004802509	3	33166541	33235711	-1
FBXL2	214436_at	0,541141171	0,1462275	3	33293938	33403129	1
STAC	205743_at	0,213610549	0,169379736	3	36397101	36564500	1
DCLK3	NA	NA	NA	3	36728917	36756356	-1
LBA1	213261_at	0,097571126	-0,705910671	3	36843315	36877415	-1
C3orf35	NA	NA	NA	3	37415972	37451992	1
ITGA9	206009_at	0,662229902	-0,104875832	3	37468817	37836285	1
VILL	209950_s_at	0,992526972	0,004329138	3	38010082	38023680	1
PLCD1	205125_at	0,042861643	0,347873016	3	38023991	38059068	-1
DLEC1	207896_s_at	0,222533207	0,127487715	3	38055700	38139232	1
SLC22A13	207444_at	0,83428455	-0,050968659	3	38282335	38294810	1
SLC22A14	207408_at	0,013683401	0,475886509	3	38322449	38334863	1
ACVR2B	220028_at	0,061260019	0,358542132	3	38470794	38509637	1
SCN5A	207413_s_at	0,519415077	0,10482843	3	38564557	38666167	-1
SCN11A	210853_at	0,530773335	0,066684478	3	38862264	38967056	-1
WDR48	222157_s_at	0,248288991	0,341495213	3	39068511	39112886	1
XIRP1	NA	NA	NA	3	39199711	39209081	-1
CCR8	208059_at	0,154541472	0,201963546	3	39346219	39351077	1
MOBP	207659_s_at	0,322511093	0,116230408	3	39484074	39532498	1
MYRIP	214156_at	0,883378205	-0,014835361	3	39826307	40276816	1
ENTPD3	206191_at	0,083477962	0,298808239	3	40403694	40445114	1
ZNF620	NA	NA	NA	3	40522534	40534042	1
ULK4	215576_at	0,281883725	0,137078635	3	41263094	41978664	-1

VIPR1	205019_s_at	0,223921354	0,140474452	3	42519121	42554064	1
ZBTB47	NA	NA	NA	3	42675878	42684076	1
KBTBD5	NA	NA	NA	3	42702015	42708942	1
HHATL	NA	NA	NA	3	42709159	42718017	-1
CCDC13	NA	NA	NA	3	42724878	42789749	-1
CYP8B1	NA	NA	NA	3	42888688	42892637	-1
ZNF662	NA	NA	NA	3	42922406	42934136	1
C3orf39	NA	NA	NA	3	43095730	43122569	-1
ABHD5	218739_at	0,125422626	0,308698417	3	43707379	43735296	1
ZNF445	NA	NA	NA	3	44456266	44494166	-1
ZNF167	206314_at	0,573647063	-0,095089986	3	44571717	44599979	1
ZNF502	NA	NA	NA	3	44729142	44740327	1
ZNF501	NA	NA	NA	3	44746128	44753579	1
TMEM42	NA	NA	NA	3	44878412	44882160	1
TGM4	217566_s_at	0,351616175	0,21825059	3	44891102	44931092	1
CLEC3B	205200_at	0,861698061	0,04226296	3	45042763	45052567	1
CDCP1	218451_at	0,129601722	0,20991339	3	45098773	45162918	-1
TMEM158	NA	NA	NA	3	45240960	45242818	-1
LARS2	34764_at	0,327569563	-0,682641364	3	45405079	45565332	1
SLC6A20	219614_s_at	0,925492221	0,011896785	3	45771946	45812966	-1
LZTFL1	218437_s_at	0,064489003	1,207372672	3	45840450	45858625	-1
CCR9	207445_s_at	0,691935712	-0,060670833	3	45903023	45919671	1
CXCR6	206974_at	0,18029027	0,264059939	3	45959977	45964849	1
XCR1	221468_at	0,187269989	0,177131925	3	46037295	46043983	-1
CCR3	208304_at	0,111105437	0,408390987	3	46258692	46283166	1
CCRL2	211434_s_at	0,87979971	-0,030197807	3	46423725	46426018	1
LTF	202018_s_at	0,844194117	0,022091904	3	46452500	46481399	-1
LRRC2	219949_at	0,808180828	0,025078031	3	46531917	46582818	-1
TDGF1	206286_s_at	0,718498209	0,047299143	3	46594217	46598957	1
ALS2CL	222333_at	0,178316319	0,324790637	3	46685683	46710175	-1
TMIE	NA	NA	NA	3	46717827	46727205	1
TSP50	220126_at	0,522409198	0,134803289	3	46728610	46734368	-1
TESSP5	NA	NA	NA	3	46758585	46761249	-1

TESSP2	NA	NA	NA	3	46846898	46850589	-1
MYL3	205589_at	0,809643131	0,054007197	3	46874361	46879977	-1
PTH1R	205911_at	0,427210813	0,186209864	3	46894240	46920293	1
SETD2	212493_s_at	0,050152349	-0,717466385	3	47032910	47140744	-1
SCAP	212329_at	0,325506856	0,504210837	3	47430188	47492449	-1
CAMP	210244_at	0,522547219	-0,240392088	3	48239866	48241979	1
ZNF589	210062_s_at	0,381363651	-0,245122707	3	48257600	48287484	1
SPINK8	NA	NA	NA	3	48323340	48344835	-1
FBXW12	NA	NA	NA	3	48388713	48411194	1
PLXNB1	215807_s_at	0,075591157	0,605437651	3	48420267	48441746	-1
SHISA5	NA	NA	NA	3	48484201	48516665	-1
PFKFB4	206246_at	0,432709603	0,159642529	3	48530121	48569231	-1
UCN2	NA	NA	NA	3	48574155	48576205	-1
COL7A1	204136_at	0,223912371	0,192991354	3	48576510	48607597	-1
TMEM89	NA	NA	NA	3	48633279	48634193	-1
LAMB2	216264_s_at	0,657908138	0,103916539	3	49133551	49145603	-1
BSN	204586_at	0,75556428	0,059619619	3	49566926	49683986	1
UBA7	1294_at	0,231952032	0,109503435	3	49817642	49826395	-1
CAMKV	219365_s_at	0,733990069	0,060325731	3	49870426	49882373	-1
MST1R	205455_at	0,075017231	0,298543814	3	49899439	49916310	-1
SEMA3F	35666_at	0,122868498	0,17167441	3	50167852	50201512	1
GNAT1	207514_s_at	0,092476185	0,211053625	3	50204047	50208953	1
SLC38A3	NA	NA	NA	3	50217696	50233410	1
SEMA3B	203071_at	0,514749564	0,167217953	3	50280044	50289577	1
C3orf45	NA	NA	NA	3	50291522	50300549	1
CACNA2D2	204811_s_at	0,432289636	0,17695895	3	50375234	50515896	-1
DOCK3	213482_at	0,339680111	0,153701549	3	50687676	51396669	1
RAD54L2	213205_s_at	0,155111927	0,25698857	3	51636757	51672674	1
GRM2	208465_at	0,769740321	-0,042681797	3	51718004	51727669	1
IQCF3	NA	NA	NA	3	51837609	51839916	1
IQCF2	NA	NA	NA	3	51870685	51872480	1
IQCF1	NA	NA	NA	3	51903932	51912391	-1
GPR62	NA	NA	NA	3	51964370	51966560	1

DUSP7	214793_at	0,634001185	-0,137903928	3	52059799	52065329	-1
TLR9	NA	NA	NA	3	52230138	52235219	-1
DNAH1	NA	NA	NA	3	52325560	52409547	1
SEMA3G	219689_at	0,018355126	0,466621883	3	52442308	52454083	-1
STAB1	38487_at	0,168857973	0,211081754	3	52504396	52533551	1
NT5DC2	218051_s_at	0,499159724	-0,45887191	3	52533443	52557496	-1
ITIH3	205755_at	0,602715057	0,057446537	3	52803824	52818065	1
SFMBT1	213370_s_at	0,716928995	0,137599422	3	52913667	53055110	-1
PRKCD	202545_at	0,085213936	-1,404821222	3	53170263	53201773	1
CACNA1D	207998_s_at	0,213987371	0,125866438	3	53504116	53821001	1
CHDH	NA	NA	NA	3	53826679	53855216	-1
IL17RB	219255_x_at	0,56448534	-0,809011749	3	53855617	53874867	1
CACNA2D3	219714_s_at	0,510392289	-0,073187351	3	54131733	55083624	1
LRTM1	91580_at	0,384871888	0,091679507	3	54927400	54937112	-1
ERC2	208247_at	0,247254874	0,219953432	3	55517376	56477431	-1
C3orf63	209285_s_at	0,294514467	-0,513542838	3	56629607	56673399	-1
SPATA12	NA	NA	NA	3	57069509	57084500	1
ASB14	NA	NA	NA	3	57277419	57288020	-1
	NA	NA	NA	3	57458771	57505108	-1
DNASE1L3	205554_s_at	0,596100285	0,062457155	3	58153394	58175438	-1
ABHD6	221552_at	0,821198767	-0,172087723	3	58198349	58255501	1
PDHB	208911_s_at	0,797653526	0,06307777	3	58388394	58394605	-1
ACOX2	205364_at	0,437391856	0,126974241	3	58465903	58497956	-1
FAM107A	207547_s_at	0,303308951	0,160095521	3	58524884	58538531	-1
FAM3D	NA	NA	NA	3	58594710	58627601	-1
C3orf67	NA	NA	NA	3	58702777	59010755	-1
PTPRG	204944_at	0,031768672	1,587799322	3	61522285	62254738	1
C3orf14	219288_at	0,517919038	-0,856873482	3	62280436	62294361	1
FEZF2	221086_s_at	0,911645007	0,015766145	3	62330387	62334230	-1
SNTN	NA	NA	NA	3	63613384	63625933	1
ADAMTS9	220287_at	0,780806967	0,058004049	3	64476370	64648405	-1
MAGI1	215372_x_at	0,142489975	0,355745444	3	65314946	65999549	-1
SLC25A26	NA	NA	NA	3	66376317	66512041	1

FAM19A1	NA	NA	NA	3	68136144	68677462	1
FAM19A4	NA	NA	NA	3	68863607	69064401	-1
C3orf64	221935_s_at	0,713828153	-0,261887912	3	69107058	69145464	-1
LMOD3	NA	NA	NA	3	69238730	69254407	-1
FRMD4B	216131_at	0,320916151	0,162752141	3	69301836	69518120	-1
EIF4E3	NA	NA	NA	3	71814568	71885465	-1
GPR27	221306_at	0,04454822	0,310032057	3	71885891	71887018	1
GLT8D4	NA	NA	NA	3	73020075	73107215	1
FLJ10213	NA	NA	NA	3	73193500	73195178	1
PDZRN3	216130_at	0,153638999	0,264482702	3	73514342	73756762	-1
CNTN3	NA	NA	NA	3	74394412	74653033	-1
ROBO2	NA	NA	NA	3	77171984	77779351	1
CADM2	NA	NA	NA	3	85858322	86200641	1
VGLL3	220327_at	0,714270824	0,034755887	3	87069813	87122947	-1
POU1F1	207846_at	0,670350866	0,03962932	3	87391473	87408427	-1
HTR1F	221458_at	0,478730535	0,080407715	3	88114416	88125609	1
STX19	NA	NA	NA	3	95215903	95230144	-1
CRYBG3	214030_at	0,046415224	0,456568457	3	99078509	99146500	1
GABRR3	NA	NA	NA	3	99188217	99236521	-1
OR5AC2	NA	NA	NA	3	99288707	99289636	1
OR5H1	NA	NA	NA	3	99334232	99335173	1
OR5H14	NA	NA	NA	3	99350920	99351852	1
OR5H15	NA	NA	NA	3	99370234	99371175	1
OR5H2	NA	NA	NA	3	99484422	99485366	1
OR5K4	NA	NA	NA	3	99555388	99556353	1
OR5K3	NA	NA	NA	3	99592200	99593165	1
OR5K1	NA	NA	NA	3	99671111	99672062	1
OR5K2	NA	NA	NA	3	99699215	99700165	1
NIT2	218557_at	0,889393723	0,107446393	3	101536258	101556883	1
TMEM45A	219410_at	0,898359042	-0,041991744	3	101694153	101778975	1
GPR128	NA	NA	NA	3	101811135	101896955	1
ABI3BP	220518_at	0,744508455	0,036280626	3	101950869	102195004	-1
CCDC54	NA	NA	NA	3	108578878	108580171	1

HHLA2	220812_s_at	0,342011908	0,091187048	3	109504022	109579816	1
MYH15	215331_at	0,245108266	0,246132989	3	109581906	109730859	-1
RETNLB	NA	NA	NA	3	109957176	109958820	-1
TRAT1	217147_s_at	0,161002958	0,131119699	3	110024321	110056404	1
GUCA1C	NA	NA	NA	3	110109340	110155310	-1
MORC1	220850_at	0,565653382	0,054835557	3	110159776	110319658	-1
DPPA2	NA	NA	NA	3	110495331	110518054	-1
DPPA4	219651_at	0,571135707	-0,058980568	3	110527678	110539109	-1
CD96	206761_at	0,332755306	0,150493158	3	112743616	112853896	1
PHLDB2	NA	NA	NA	3	113085500	113177826	1
ABHD10	218633_x_at	0,94996056	0,031570545	3	113180589	113194896	1
TAGLN3	204743_at	0,427711088	0,12170606	3	113200276	113215425	1
TMPRSS7	NA	NA	NA	3	113241155	113282806	1
C3orf52	219474_at	0,195241239	0,442221624	3	113287929	113319734	1
SLC9A10	NA	NA	NA	3	113342442	113495764	-1
CD200	209582_s_at	0,414453553	0,146936464	3	113534606	113564349	1
BTLA	NA	NA	NA	3	113665503	113701098	-1
CCDC80	NA	NA	NA	3	113806097	113842667	-1
CD200R1L	NA	NA	NA	3	114017246	114047487	-1
BOC	NA	NA	NA	3	114414065	114488996	1
WDR52	NA	NA	NA	3	114564402	114643030	-1
SIDT1	219734_at	0,157151402	0,40231548	3	114733908	114831112	1
KIAA2018	NA	NA	NA	3	114849922	114898183	-1
GRAMD1C	219313_at	0,649500275	-0,10127577	3	115040367	115148711	1
ZDHHC23	NA	NA	NA	3	115149438	115164519	1
ZNF80	207272_at	0,736714796	-0,029913088	3	115436168	115439115	-1
TIGIT	NA	NA	NA	3	115495565	115511038	1
GAP43	216963_s_at	0,323959069	0,181175004	3	116825142	116922842	1
LSAMP	214460_at	0,015450587	0,517899267	3	117011832	117647068	-1
UPK1B	210065_s_at	0,176964146	0,27447839	3	120375115	120406690	1
PLA1A	219584_at	0,868266157	0,035338485	3	120799436	120831342	1
POPDC2	219647_at	0,537672411	0,089949068	3	120843596	120862094	-1
C3orf15	NA	NA	NA	3	120904559	120968639	1

NR1I2	207202_s_at	0,181695222	0,207391523	3	120982021	121020022	1
GPR156	NA	NA	NA	3	121368569	121445635	-1
FSTL1	208782_at	0,811733276	0,042574611	3	121595816	121652515	-1
HGD	214307_at	0,226208347	0,152590582	3	121829705	121884018	-1
STXBP5L	215518_at	0,462703001	0,091304446	3	122109609	122621338	1
ARGFX	NA	NA	NA	3	122769468	122792159	1
CASR	210577_at	0,369600708	0,120535699	3	123385220	123488032	1
CSTA	204971_at	0,821188796	0,036079796	3	123526701	123543506	1
KPNA1	202055_at	0,010658423	-0,507152772	3	123623438	123716474	-1
PARP15	NA	NA	NA	3	123817215	123838226	1
PARP14	NA	NA	NA	3	123882362	123932377	1
SEMA5B	NA	NA	NA	3	124110733	124229266	-1
ADCY5	NA	NA	NA	3	124486089	124650082	-1
ROPN1	220425_x_at	0,893531298	-0,023833324	3	125170568	125192889	-1
ITGB5	201125_s_at	0,11002088	0,66606807	3	125964485	126088834	-1
HEG1	212822_at	0,369536828	0,144817611	3	126167244	126257492	-1
SLC12A8	219874_at	0,225574513	0,12346695	3	126284170	126414299	-1
SLC41A3	219175_s_at	0,044724053	0,383718584	3	127207890	127285824	-1
ALDH1L1	215798_at	0,173645822	0,243370579	3	127305098	127382175	-1
KLF15	221302_at	0,279086401	0,162032157	3	127544168	127558926	-1
CCDC37	NA	NA	NA	3	127596472	127638088	1
UROC1	NA	NA	NA	3	127682814	127719284	-1
CHST13	NA	NA	NA	3	127725866	127744824	1
C3orf22	NA	NA	NA	3	127751209	127760448	-1
TR2IT1	221906_at	0,037925966	0,350804629	3	127773312	127810088	-1
CHCHD6	NA	NA	NA	3	127905808	128161934	1
PLXNA1	221537_at	0,054251018	0,40808683	3	128190192	128238922	1
C3orf56	NA	NA	NA	3	128394664	128399715	1
ABTB1	NA	NA	NA	3	128874471	128882453	1
EEFSEC	NA	NA	NA	3	129355003	129610179	1
DNAJB8	NA	NA	NA	3	129663972	129668781	-1
C3orf27	208440_at	0,393130821	0,099314711	3	129773533	129777619	-1
RAB7A	211960_s_at	0,087895326	-0,586553283	3	129927669	130016331	1

KIAA1257	NA	NA	NA	3	130172475	130195676	-1
CCDC48	220006_at	0,790087116	0,061222487	3	130231982	130242273	1
GP9	206883_x_at	0,108071776	0,307230565	3	130262335	130263939	1
RHO	206455_s_at	0,304205732	0,131515235	3	130730172	130736877	1
H1FOO	NA	NA	NA	3	130744747	130752894	1
PLXND1	212235_at	0,683085959	0,086792213	3	130756746	130808272	-1
TMCC1	213349_at	0,486537837	-0,114741746	3	130849325	131081999	-1
TRH	206622_at	0,613470372	0,06934058	3	131176253	131179470	1
COL29A1	NA	NA	NA	3	131633446	131686380	1
COL6A6	NA	NA	NA	3	131761868	131878578	1
CPNE4	NA	NA	NA	3	132736262	133236534	-1
ACPP	204393_s_at	0,200557957	-0,494842379	3	133518949	133560294	1
DNAJC13	212467_at	0,937212004	0,032794349	3	133619243	133740566	1
TMEM108	NA	NA	NA	3	134239943	134597748	1
BFSP2	207399_at	0,250181386	-0,293723557	3	134601480	134676746	1
TF	203400_s_at	0,237857013	0,179517924	3	134947925	134980325	1
RAB6B	221792_at	0,181394452	0,266268574	3	135025769	135097381	-1
C3orf36	221175_at	0,257564077	0,163762433	3	135129679	135131346	-1
SLCO2A1	204368_at	0,17932218	0,173732031	3	135134230	135231418	-1
RYK	214172_x_at	0,834463262	-0,062109385	3	135358668	135452276	-1
AMOTL2	203002_at	0,441307094	0,12596686	3	135556880	135576096	-1
KY	NA	NA	NA	3	135801455	135852554	-1
EPHB1	210753_s_at	0,423034269	0,129057097	3	135996950	136461999	1
PPP2R3A	207749_s_at	0,250725495	0,216149843	3	137167257	137349423	1
TMEM22	219569_s_at	0,252337876	0,222037458	3	138020551	138057424	1
IL20RB	NA	NA	NA	3	138159397	138212610	1
SOX14	208574_at	0,786521877	0,046988048	3	138966269	138967086	1
CLDN18	214135_at	0,206811282	0,218962024	3	139200348	139235184	1
DZIP1L	NA	NA	NA	3	139263522	139317141	-1
A4GNT	221131_at	0,964793686	0,009168997	3	139325756	139333897	-1
TXNDC6	NA	NA	NA	3	139462969	139531418	-1
MRAS	206538_at	0,594870462	0,083092891	3	139549315	139607067	1
FAM62C	NA	NA	NA	3	139636109	139678399	1

CEP70	219036_at	0,01142179	0,99887075	3	139695876	139795819	-1
FAIM	220643_s_at	0,884666887	-0,322490319	3	139810232	139834908	1
PIK3CB	212688_at	0,383378031	-0,369574861	3	139856921	139960875	-1
FOX2	220102_at	0,817266898	-0,027873775	3	140145756	140148491	-1
C3orf72	NA	NA	NA	3	140148766	140155520	1
LOC389151	NA	NA	NA	3	140220563	140222458	-1
RBP2	NA	NA	NA	3	140654416	140678042	-1
RBP1	203423_at	0,803465459	0,054530974	3	140718970	140741175	-1
NMNAT3	220912_at	0,910827471	0,01211288	3	140761723	140879530	-1
TRIM42	NA	NA	NA	3	141879571	141902681	1
SPSB4	NA	NA	NA	3	142253433	142350143	1
ZBTB38	219221_at	0,00087034	4,026649539	3	142525745	142651324	1
GRK7	NA	NA	NA	3	142979733	143018582	1
TFDP2	203589_s_at	0,466619772	-0,747969122	3	143154018	143207067	-1
GK5	NA	NA	NA	3	143359059	143427118	-1
TRPC1	211602_s_at	0,291564894	0,143893248	3	143925956	144009420	1
PAQR9	NA	NA	NA	3	144162763	144164868	-1
PLSCR4	218901_at	0,693668549	-0,049171816	3	147392816	147451560	-1
PLSCR2	207374_at	0,366307561	0,122551583	3	147633772	147696412	-1
PLSCR5	NA	NA	NA	3	147786315	147806693	-1
ZIC4	211463_at	0,423673227	0,103112839	3	148586527	148607097	-1
AGTR1	208016_s_at	0,764585385	0,040157228	3	149898348	149943480	1
CPB1	205509_at	0,53035108	0,105796052	3	150028278	150060664	1
TM4SF18	NA	NA	NA	3	150521545	150534109	-1
TM4SF1	215034_s_at	0,241594335	0,143625902	3	150569495	150578258	-1
TM4SF4	209937_at	0,979397928	0,005514385	3	150675124	150703758	1
TMEM183B	NA	NA	NA	3	151182138	151184039	-1
C3orf44	NA	NA	NA	3	151860365	151904432	-1
MED12L	NA	NA	NA	3	152287366	152634500	1
GPR171	207651_at	0,99263293	0,0021675	3	152398309	152403678	-1
P2RY14	206637_at	0,820989472	0,027697185	3	152412595	152478920	-1
P2RY13	220005_at	0,764669762	-0,065598051	3	152526786	152530025	-1
IGSF10	NA	NA	NA	3	152637167	152659187	-1

AADAC	205969_at	0,633792741	-0,095997975	3	153014551	153028966	1
P2RY1	NA	NA	NA	3	154035426	154038535	1
SGEF	222121_at	0,859256761	-0,025772578	3	155321884	155457031	1
GPR149	NA	NA	NA	3	155538155	155630198	-1
PLCH1	216633_s_at	0,107945381	0,368054605	3	156680365	156796861	-1
C3orf33	NA	NA	NA	3	156963095	157006749	-1
KCNAB1	210078_s_at	0,168514189	0,153397408	3	157321031	157739621	1
PTX3	206157_at	0,649415468	0,053706158	3	158637301	158644071	1
C3orf55	NA	NA	NA	3	158743860	158779237	1
MLF1	204783_at	0,000154333	1,001766396	3	159771678	159805877	1
RARRES1	221872_at	0,525736525	0,067863459	3	159897591	159932969	-1
IQCJ	NA	NA	NA	3	160269811	160466186	1
SCHIP1	204030_s_at	0,910318836	-0,043117874	3	160474238	161097833	1
IL12A	NA	NA	NA	3	161189323	161196500	1
ARL14	220468_at	0,597548981	0,057520431	3	161877641	161878930	1
PPM1L	NA	NA	NA	3	161956690	162271511	1
B3GALNT1	211379_x_at	0,923792116	-0,010786539	3	162284365	162305854	-1
C3orf57	NA	NA	NA	3	162545274	162572565	-1
RPL23AP42	NA	NA	NA	3	162613596	162630100	-1
OTOL1	NA	NA	NA	3	162697290	162704424	1
SI	206664_at	0,940923352	0,008108261	3	166179380	166278976	-1
BCHE	205433_at	0,760622474	0,133349648	3	166973386	167037947	-1
WDR49	NA	NA	NA	3	168679166	168853983	-1
LRRC31	220622_at	0,398997462	0,093262083	3	171039723	171070453	-1
SAMD7	NA	NA	NA	3	171112176	171139645	1
GPR160	NA	NA	NA	3	171239397	171285878	1
CLDN11	206908_s_at	0,690778199	0,08717917	3	171619359	171634581	1
SLC7A14	NA	NA	NA	3	171667255	171786552	-1
EIF5A2	220198_s_at	0,692902482	-0,065700134	3	172088898	172109120	-1
SLC2A2	206535_at	0,480140042	0,071313642	3	172196831	172227462	-1
PLD1	205203_at	0,167324906	0,173878544	3	172801339	172938566	-1
SPATA16	NA	NA	NA	3	174089841	174341695	-1
NAALADL2	NA	NA	NA	3	176059805	177006122	1

PIK3CA	204369_at	0,569288346	-0,466463914	3	180349005	180435194	1
PEX5L	219642_s_at	0,362994467	0,109453876	3	181000744	181237211	-1
CCDC39	NA	NA	NA	3	181814490	181879977	-1
LAMP3	205569_at	0,703633741	-0,113320105	3	184322697	184363361	-1
MCF2L2	215112_x_at	0,968560626	0,004324921	3	184378525	184628549	-1
B3GNT5	NA	NA	NA	3	184453726	184473873	1
MAP6D1	221713_s_at	0,845039586	-0,053876517	3	185016364	185026059	-1
HTR3D	NA	NA	NA	3	185232026	185239851	1
HTR3C	NA	NA	NA	3	185253529	185261155	1
CAMK2N2	NA	NA	NA	3	185459697	185461945	-1
FAM131A	221904_at	0,190935104	0,31749448	3	185540952	185546757	1
THPO	211831_s_at	0,47051206	0,110907548	3	185572467	185578626	-1
CHRD	211248_s_at	0,213406211	0,276285117	3	185580555	185590311	1
EPHB3	204600_at	0,204855786	0,27271704	3	185762281	185782890	1
VPS8	209553_at	0,718379906	-0,09349181	3	186012625	186253096	1
C3orf70	NA	NA	NA	3	186278532	186353496	-1
EHHADH	205222_at	0,321913071	0,197409422	3	186391106	186454531	-1
LIPH	NA	NA	NA	3	186708264	186753063	-1
C3orf65	NA	NA	NA	3	186913774	186918649	1
DGKG	206395_at	0,475843295	0,103324135	3	187347684	187562717	-1
FETUB	210521_s_at	0,521805069	0,066100217	3	187840843	187853491	1
HRG	206226_at	0,361047073	0,14919228	3	187866492	187878717	1
KNG1	217512_at	0,365546132	0,090965489	3	187917814	187944437	1
ADIPOQ	207175_at	0,863947395	0,018209591	3	188043157	188058946	1
RTP1	NA	NA	NA	3	188397968	188401947	1
MASP1	213749_at	0,05441915	0,489948864	3	188418632	188492446	-1
RTP4	219684_at	0,902029864	0,027034909	3	188568862	188572066	1
SST	213921_at	0,721503131	0,040442078	3	188869388	188870895	-1
TPRG1	NA	NA	NA	3	190372457	190523964	1
LEPREL1	218717_s_at	0,573621126	0,13494696	3	191157316	191321412	-1
CLDN16	220332_at	0,730835735	0,062858841	3	191588535	191611027	1
TMEM207	NA	NA	NA	3	191629138	191650359	-1
IL1RAP	210233_at	0,594475406	-0,047069415	3	191714585	191851995	1

OSTN	NA	NA	NA	3	192413016	192450604	1
UTS2D	NA	NA	NA	3	192468042	192482734	-1
PYDC2	NA	NA	NA	3	192661646	192661939	1
FGF12	207501_s_at	0,782981963	-0,042512685	3	193342413	193928066	-1
HRASLS	219984_s_at	0,242800313	0,298098775	3	194441612	194471338	1
ATP13A5	NA	NA	NA	3	194475525	194579208	-1
CPN2	216223_at	0,436925056	0,119872292	3	195542189	195553350	-1
LRRC15	213909_at	0,381215637	0,121046937	3	195557273	195571761	-1
ATP13A3	212297_at	0,613492068	-0,316222455	3	195604692	195670257	-1
TMEM44	NA	NA	NA	3	195789691	195835402	-1
APOD	201525_at	0,583497608	-0,815162681	3	196776865	196792278	-1
MUC4	217109_at	0,137063117	0,188346125	3	196959307	197023545	-1
ZDHHC19	NA	NA	NA	3	197408720	197422697	-1
OSTalpha	NA	NA	NA	3	197427780	197444698	1
TCTEX1D2	NA	NA	NA	3	197502495	197529542	-1
TM4SF19	NA	NA	NA	3	197534816	197549655	-1
C3orf43	NA	NA	NA	3	197718147	197726634	-1
NCBP2	201521_s_at	0,579699894	0,225365718	3	198146670	198153861	-1
	NA	NA	NA	3 NT_113884.1	42313	49515	1
	NA	NA	NA	3 NT_113884.1	59531	64785	1
	NA	NA	NA	3 NT_113884.1	95725	98085	1
ZNF595	NA	NA	NA	4	43227	78099	1
ZNF718	NA	NA	NA	4	114420	146491	1
ZNF141	NA	NA	NA	4	321617	359047	1
MFSD7	214269_at	0,405981802	0,108355766	4	665618	672973	-1
CPLX1	NA	NA	NA	4	768745	809945	-1
DGKQ	207562_at	0,896443306	0,021825423	4	942675	957344	-1
SLC26A1	220733_at	0,888884716	0,03578463	4	962861	977183	-1
IDUA	205059_s_at	0,160065173	0,372917597	4	970785	988317	1
FGFRL1	NA	NA	NA	4	995610	1010686	1
RNF212	NA	NA	NA	4	1055269	1097350	-1
SPON2	218638_s_at	0,926777132	-0,027821529	4	1150723	1156597	-1
CRIPAK	NA	NA	NA	4	1375340	1379782	1

FGFR3	204380_s_at	0,142693122	0,349261794	4	1765421	1780396	1
WHSC2	203112_s_at	0,091793721	-0,40149776	4	1954248	1980547	-1
NAT8L	NA	NA	NA	4	2031385	2037433	1
POLN	NA	NA	NA	4	2043443	2200756	-1
MXD4	212347_x_at	0,914434918	0,087848313	4	2218958	2233537	-1
ZFYVE28	NA	NA	NA	4	2241123	2390167	-1
C4orf8	203600_s_at	0,013702481	-0,513576926	4	2596957	2704100	1
MFSD10	209215_at	0,899362605	0,052113104	4	2902093	2905567	-1
C4orf44	NA	NA	NA	4	3220565	3235638	1
RGS12	205823_at	0,215711993	0,228601999	4	3285672	3411438	1
HGFAC	207027_at	0,305337429	0,150548027	4	3413524	3421011	1
DOK7	NA	NA	NA	4	3434831	3466007	1
LRPAP1	201186_at	0,003882891	1,391035931	4	3484093	3503941	-1
ADRA2C	206128_at	0,195400347	0,450686475	4	3738094	3740051	1
OTOP1	NA	NA	NA	4	4241431	4279522	-1
LYAR	NA	NA	NA	4	4320337	4342744	-1
ZNF509	NA	NA	NA	4	4342879	4374410	1
D4S234E	209570_s_at	0,157567545	-2,074515442	4	4438884	4471686	1
MSX1	205932_s_at	0,22423424	0,236655999	4	4912293	4916564	1
CYTL1	219837_s_at	0,721164014	0,056323675	4	5067214	5072098	-1
STK32B	219686_at	0,786976824	0,046083296	4	5104428	5553626	1
C4orf6	207241_at	0,891293582	-0,03004746	4	5577784	5580429	1
EVC2	NA	NA	NA	4	5615051	5761195	-1
EVC	210887_s_at	0,090022993	0,248095269	4	5763825	5866932	1
C4orf50	NA	NA	NA	4	6009746	6041067	-1
JAKMIP1	NA	NA	NA	4	6078827	6253219	-1
PPP2R2C	NA	NA	NA	4	6373206	6525227	-1
MAN2B2	214703_s_at	0,757910792	0,117306452	4	6627803	6675089	1
S100P	204351_at	0,902029864	0,012512971	4	6746467	6749798	1
KIAA0232	212441_at	0,945232992	0,027338582	4	6835360	6936800	1
SORCS2	NA	NA	NA	4	7245373	7795464	1
PSAPL1	NA	NA	NA	4	7482922	7487600	-1
ABLIM2	215928_at	0,981001134	0,003262483	4	8017938	8211459	-1

HTRA3	NA	NA	NA	4	8322392	8359734	1
GPR78	NA	NA	NA	4	8633191	8640420	1
CPZ	211062_s_at	0,415477872	0,171725321	4	8645335	8672388	1
USP17	NA	NA	NA	4	8969207	8970799	1
DEFB131	NA	NA	NA	4	9055358	9061338	1
DRD5	208486_at	0,30616216	0,173023503	4	9392701	9394731	1
SLC2A9	219991_at	0,257297547	0,167677448	4	9436946	9650970	-1
ZNF518B	NA	NA	NA	4	10050602	10068130	-1
CLNK	NA	NA	NA	4	10100934	10295587	-1
NKX3-2	207031_at	0,209502779	0,209002011	4	13151552	13155212	-1
C1QTNF7	NA	NA	NA	4	14950710	15056365	1
CC2D2A	NA	NA	NA	4	15080760	15212278	1
BST1	205715_at	0,323682814	0,169130606	4	15313739	15342893	1
FGFBP1	205014_at	0,100447429	0,256442533	4	15546290	15549069	-1
PROM1	204304_s_at	0,798688123	-0,039888789	4	15578955	15686664	-1
LDB2	220906_at	0,592022295	0,067162959	4	16112262	16509425	-1
QDPR	209123_at	0,437391856	-0,307397788	4	17097121	17154822	-1
CLRN2	NA	NA	NA	4	17125886	17137825	1
SLIT2	209897_s_at	0,292630702	0,127301655	4	19864333	20229886	1
KCNIP4	217438_at	0,920341556	0,012810761	4	20339337	21559472	-1
GBA3	NA	NA	NA	4	22303688	22430290	1
LOC643751	NA	NA	NA	4	22337246	23338718	-1
SOD3	205236_x_at	0,076902224	0,321316362	4	24406183	24411565	1
CCDC149	NA	NA	NA	4	24437679	24590924	-1
ZCCHC4	220473_s_at	0,39518055	-0,10462696	4	24923494	24981103	1
CCKAR	211174_s_at	0,97713051	0,007529989	4	26092116	26101140	-1
TBC1D19	220260_at	0,975743463	0,01077422	4	26194644	26366015	1
PCDH7	205534_at	0,714535184	0,042669077	4	30331135	30757519	1
PTTG2	NA	NA	NA	4	37638451	37639026	1
FAM114A1	213455_at	0,288086968	0,13036955	4	38545832	38621823	1
KLB	NA	NA	NA	4	39084868	39126748	1
N4BP2	NA	NA	NA	4	39775242	39833423	1
NSUN7	NA	NA	NA	4	40446699	40506759	1

LIMCH1	212325_at	0,863611428	0,025162187	4	41057561	41395767	1
PHOX2B	207009_at	0,219651601	0,16972068	4	41440857	41445744	-1
WDR21B	NA	NA	NA	4	41678470	41683241	1
BEND4	NA	NA	NA	4	41807714	41849652	-1
SHISA3	NA	NA	NA	4	42094613	42099261	1
GRXCR1	NA	NA	NA	4	42590041	42727432	1
KCTD8	NA	NA	NA	4	43871030	44145581	-1
YIPF7	NA	NA	NA	4	44319111	44348415	-1
COX7B2	NA	NA	NA	4	46431601	46606009	-1
GABRA4	208463_at	0,236832614	0,400922803	4	46615674	46690337	-1
GABRB1	207010_at	0,341764275	0,134572863	4	46728336	47123202	1
CORIN	220356_at	0,394451671	0,077029667	4	47290775	47534816	-1
CNGA1	206417_at	0,740197231	0,053031044	4	47632751	47649483	-1
NIPAL1	NA	NA	NA	4	47713548	47733841	1
TEC	206301_at	0,353088887	0,125972374	4	47832557	47966571	-1
SLC10A4	NA	NA	NA	4	48180206	48185921	1
ZAR1	NA	NA	NA	4	48187066	48191181	1
FRYL	212546_s_at	0,019267118	-1,137749568	4	48194137	48477073	-1
OCIAD2	NA	NA	NA	4	48582162	48603572	-1
LRRC66	NA	NA	NA	4	52554621	52581234	-1
SGCB	205120_s_at	0,383674417	-0,471744286	4	52581629	52599203	-1
SPATA18	NA	NA	NA	4	52612350	52658215	1
RASL11B	219142_at	0,322511093	0,125051517	4	53423252	53427759	1
FIP1L1	221007_s_at	0,200629037	-0,547212217	4	53938620	54020599	1
LNX1	NA	NA	NA	4	54020225	54119124	-1
GSX2	NA	NA	NA	4	54660955	54662879	1
KIT	205051_s_at	0,290964561	0,155972049	4	55218852	55301638	1
PDCL2	NA	NA	NA	4	56117449	56153136	-1
KIAA1211	NA	NA	NA	4	56731118	56891647	1
ARL9	NA	NA	NA	4	57066132	57084815	1
HOPX	211597_s_at	0,859256761	0,030771643	4	57208921	57242322	-1
SPINK2	206310_at	0,576919974	0,37227326	4	57370791	57382650	-1
IGFBP7	201162_at	0,115265597	1,217987032	4	57592001	57671296	-1

LPHN3	209867_s_at	0,298068738	0,161891381	4	62045434	62620763	1
SRD5A2L2	NA	NA	NA	4	64826015	64957773	-1
EPHA5	215664_s_at	0,242898588	0,154256107	4	65872241	66218104	-1
STAP1	220059_at	0,005990477	-3,231138994	4	68107041	68155211	1
GNRHR	211523_at	0,200372206	0,178943243	4	68285688	68304399	-1
TMPRSS11A	NA	NA	NA	4	68458614	68511827	-1
TMPRSS11F	NA	NA	NA	4	68601511	68678182	-1
SYT14L	NA	NA	NA	4	68608907	68611610	-1
TMPRSS11B	NA	NA	NA	4	68774966	68794004	-1
TMPRSS11E	220431_at	0,425362142	0,097168636	4	68995762	69045917	1
UGT2B17	207245_at	0,445091718	0,348284872	4	69085497	69116840	-1
TMPRSS11E2	NA	NA	NA	4	69465108	69515259	1
UGT2B15	207392_x_at	0,996982973	-0,001023976	4	69546932	69571114	-1
UGT2A3	219948_x_at	0,925583684	0,009419261	4	69828756	69852093	-1
UGT2B7	NA	NA	NA	4	69996814	70013293	1
UGT2B28	NA	NA	NA	4	70180806	70195357	1
UGT2A1	207958_at	0,861914743	-0,023262015	4	70488724	70553503	-1
SULT1B1	207601_at	0,195484685	0,247249393	4	70627275	70661019	-1
CSN1S1	208350_at	0,987633448	0,002272474	4	70831388	70846877	1
STATH	206835_at	0,347035803	0,099250497	4	70896237	70902762	1
HTN1	206639_x_at	0,681744704	0,052994482	4	70950748	70959148	1
C4orf7	NA	NA	NA	4	71126404	71135558	1
C4orf35	NA	NA	NA	4	71235260	71237422	1
SMR3B	207441_at	0,674446695	0,049144192	4	71283384	71290550	1
PROL1	208004_at	0,406033693	0,124989296	4	71298188	71310503	1
AMTN	NA	NA	NA	4	71418887	71433048	1
AMBN	221114_at	0,520979546	0,121298161	4	71492590	71507594	1
ENAM	NA	NA	NA	4	71713325	71731400	1
RUFY3	210251_s_at	0,344047969	0,561467266	4	71806560	71878138	1
GC	204965_at	0,695533841	0,05762102	4	72826274	72868752	-1
NPFFR2	NA	NA	NA	4	73116385	73232642	1
AFP	204694_at	0,822477958	0,036526446	4	74520797	74540356	1
AFM	206840_at	0,704403017	0,038840493	4	74566326	74588582	1

IL8	211506_s_at	0,362762132	0,110835575	4	74825139	74828297	1
CXCL6	206336_at	0,780806967	0,034800818	4	74921277	74923341	1
PF4V1	NA	NA	NA	4	74937877	74939062	1
CXCL5	214974_x_at	0,50402201	-0,059656331	4	75080223	75083280	-1
CXCL2	209774_x_at	0,630333361	0,092920481	4	75181616	75183861	-1
MTHFD2L	220346_at	0,772584506	-0,083119917	4	75207855	75387680	1
EPGN	NA	NA	NA	4	75393068	75398171	1
AREG	205239_at	0,775767824	-0,027865865	4	75529717	75539590	1
BTC	207326_at	0,751239997	0,029526115	4	75890472	75938853	-1
DKFZP564O08	204687_at	0,30828021	0,566290225	4	76077322	76194347	1
C4orf26	NA	NA	NA	4	76700282	76708951	1
CDKL2	207073_at	0,494244102	-0,133166247	4	76720728	76774745	-1
PPEF2	208411_x_at	0,748001993	-0,034471801	4	77000049	77042705	-1
NAAA	214765_s_at	0,28896833	0,564151224	4	77050832	77081190	-1
CXCL9	203915_at	0,180457077	0,26920888	4	77141647	77147665	-1
CXCL11	211122_s_at	0,556987786	-0,065531806	4	77173859	77176257	-1
ART3	210147_at	0,969282421	0,005007112	4	77214887	77252965	1
CCDC158	NA	NA	NA	4	77453216	77547482	-1
ANKRD56	NA	NA	NA	4	78035106	78038026	-1
FRAS1	NA	NA	NA	4	79198120	79684447	1
ARD1B	210603_at	0,144439624	0,17626831	4	80457296	80466195	-1
ANTXR2	NA	NA	NA	4	81045749	81213277	-1
FGF5	210311_at	0,190584451	0,172142627	4	81406766	81431195	1
C4orf22	NA	NA	NA	4	81475898	82103928	1
FLJ12993	NA	NA	NA	4	83624628	83702150	-1
SCD5	215557_at	0,377824454	0,108526442	4	83769714	83939034	-1
COPS4	218042_at	0,505872448	-0,360301759	4	84175263	84215995	1
HPSE	219403_s_at	0,769690311	0,155761092	4	84435492	84475058	-1
FAM175A	NA	NA	NA	4	84601116	84625314	-1
AGPAT9	NA	NA	NA	4	84676677	84746050	1
NKX6-1	221366_at	0,119009576	0,310321709	4	85633460	85638411	-1
CDS1	205709_s_at	0,375209213	0,082974112	4	85723081	85789379	1
SLC10A6	NA	NA	NA	4	87963865	87989292	-1

C4orf36	NA	NA	NA	4	88016382	88032599	-1
SPARCL1	200795_at	0,19738776	0,250723345	4	88613511	88669530	-1
DSPP	221681_s_at	0,307617876	0,602818698	4	88748705	88757049	1
DMP1	217067_s_at	0,640346889	0,056515177	4	88790483	88804534	1
IBSP	207370_at	0,179187473	0,266353699	4	88939726	88952098	1
SPP1	209875_s_at	0,494517827	-0,847645707	4	89115826	89123587	1
PKD2	203688_at	0,893297946	-0,039462701	4	89147844	89217953	1
HERC6	219352_at	0,6918359	0,036477147	4	89518915	89583272	1
HERC3	206183_s_at	0,703194343	0,081409133	4	89732670	89848709	1
NAP1L5	NA	NA	NA	4	89836090	89838003	-1
FAM13A	202973_x_at	0,291127499	0,134529837	4	89866129	90197346	-1
SNCA	215811_at	0,056970869	0,343728635	4	90865728	90977156	-1
MMRN1	205612_at	0,945620424	-0,007657108	4	91035075	91094803	1
KIAA1680	NA	NA	NA	4	91375205	91922178	1
GRID2	221364_at	0,752604939	0,043856303	4	93444573	94912672	1
ATOH1	221336_at	0,666918427	0,056169273	4	94969101	94970165	1
BMPR1B	210523_at	0,773189681	-0,048171061	4	95898151	96295099	1
UNC5C	206189_at	0,922617119	-0,013606702	4	96308712	96689185	-1
PDHA2	214518_at	0,682362125	0,049557193	4	96980262	96981648	1
TSPAN5	209890_at	0,248175062	0,494570947	4	99612421	99798750	-1
METAP1	212673_at	0,955571233	0,038757475	4	100175620	100202983	1
ADH4	NA	NA	NA	4	100263855	100284472	-1
ADH6	207544_s_at	0,254784118	0,16618592	4	100342818	100359426	-1
ADH1A	207820_at	0,762587946	0,042183668	4	100416547	100431165	-1
ADH1B	209614_at	0,272392594	0,136900348	4	100446552	100461581	-1
ADH1C	NA	NA	NA	4	100476672	100492940	-1
ADH7	210505_at	0,742118925	0,033778377	4	100552441	100575548	-1
C4orf17	NA	NA	NA	4	100651223	100682483	1
DDIT4L	NA	NA	NA	4	101326050	101330636	-1
EMCN	219436_s_at	0,097916498	0,248542508	4	101538004	101658202	-1
TACR3	208183_at	0,341360052	0,161288248	4	104730074	104860422	-1
NPNT	NA	NA	NA	4	107036054	107112277	1
SGMS2	NA	NA	NA	4	109033879	109051558	1

CYP2U1	NA	NA	NA	4	109072166	109094062	1
AGXT2L1	221008_s_at	0,711061968	0,035475954	4	109882645	109903658	-1
CASP6	209790_s_at	0,116542177	1,142768255	4	110829234	110844078	-1
CFI	203854_at	0,273586839	0,173957491	4	110881297	110942783	-1
RRH	208314_at	0,610327103	0,120004321	4	110968599	110985312	1
LRIT3	NA	NA	NA	4	110991935	111012919	1
EGF	206254_at	0,722799844	0,046899061	4	111053499	111152868	1
LOC91431	NA	NA	NA	4	113679949	113728256	-1
ANK2	202920_at	0,47573572	-0,173852151	4	114190319	114524337	1
ARSJ	219973_at	0,786835863	0,026202143	4	115040889	115120327	-1
UGT8	208358_s_at	0,731054098	-0,106366116	4	115762972	115817201	1
TRAM1L1	NA	NA	NA	4	118224158	118226184	-1
NDST3	220429_at	0,545607058	0,071023692	4	119174948	119396471	1
PRSS12	205515_at	0,368133137	0,101149157	4	119421865	119493370	-1
SYNPO2	215439_x_at	0,947440328	-0,009316413	4	120029444	120201848	1
FABP2	207475_at	0,313514861	0,109000421	4	120457853	120462766	-1
PDE5A	206757_at	0,870905142	0,016961393	4	120634998	120769429	-1
QRFPR	NA	NA	NA	4	122469247	122521631	-1
TMEM155	NA	NA	NA	4	122899535	122905790	-1
BBS7	219688_at	0,798584067	-0,032950408	4	122965085	123011092	-1
KIAA1109	212779_at	0,372901209	-0,243136331	4	123311208	123503357	1
ADAD1	NA	NA	NA	4	123519618	123570389	1
IL2	207849_at	0,934791162	0,012273944	4	123592075	123597100	-1
FGF2	204422_s_at	0,235773851	0,134969457	4	123967313	124038840	1
INTU	NA	NA	NA	4	128773570	128857380	1
LARP1B	NA	NA	NA	4	129201953	129351739	1
PCDH18	NA	NA	NA	4	138659522	138673079	-1
C4orf49	NA	NA	NA	4	140406767	140420942	-1
TBC1D9	212960_at	0,14083266	0,220110204	4	141761386	141896921	-1
RNF150	NA	NA	NA	4	142006175	142274066	-1
INPP4B	205376_at	0,603050812	0,068730841	4	143168631	143987054	-1
GYPE	207854_at	0,624166834	0,050691561	4	145011469	145046166	-1
GYPB	211821_x_at	0,119009576	0,163266986	4	145136707	145159946	-1

GYPA	NA	NA	NA	4	145249906	145281294	-1
MMAA	NA	NA	NA	4	146779677	146796187	1
LOC646603	NA	NA	NA	4	146820806	146873399	1
POU4F2	207725_at	0,679187814	0,075589476	4	147779495	147783073	1
TTC29	NA	NA	NA	4	147847629	148086484	-1
EDNRA	216235_s_at	0,544641608	0,090650323	4	148621575	148685555	1
DCLK2	NA	NA	NA	4	151219530	151398059	1
MAB21L2	210302_s_at	0,659194817	0,05764736	4	151722753	151725295	1
SH3D19	NA	NA	NA	4	152260886	152367022	-1
TRIM2	202341_s_at	0,25837971	0,31275066	4	154345068	154479918	1
RNF175	NA	NA	NA	4	154850762	154900837	-1
SFRP2	NA	NA	NA	4	154921192	154929678	-1
DCHS2	220373_at	0,147916132	0,155116952	4	155375138	155531899	-1
FGA	205650_s_at	0,116392804	0,222899466	4	155723730	155731347	-1
LRAT	220317_at	0,188702354	0,195256643	4	155884613	155893720	1
GUCY1B3	203817_at	7,81E-05	1,181004765	4	156888572	156947506	1
TDO2	205943_at	0,026332433	0,327724631	4	157044297	157061000	1
GLRB	205280_at	0,258967224	0,110929513	4	158216788	158312304	1
C4orf18	219872_at	0,454043829	0,074356255	4	159265211	159312993	-1
TMEM144	219750_at	0,82104494	0,025408425	4	159351126	159395889	1
RXFP1	NA	NA	NA	4	159662497	159792713	1
C4orf46	NA	NA	NA	4	159807279	159896209	-1
FNIP2	NA	NA	NA	4	159909632	160047408	1
C4orf45	NA	NA	NA	4	160034134	160175783	-1
NPY1R	205440_s_at	0,975757715	0,003472696	4	164464567	164473198	-1
NPY5R	207400_at	0,933600529	-0,014826005	4	164484541	164492536	1
TKTL2	NA	NA	NA	4	164611697	164614497	-1
C4orf39	NA	NA	NA	4	166097550	166099723	1
TRIM60	NA	NA	NA	4	166172601	166182346	1
TRIM75	NA	NA	NA	4	166199750	166201156	1
CPE	201116_s_at	0,024674664	0,324017977	4	166519538	166638926	1
ANXA10	210143_at	0,730546743	0,095066008	4	169250282	169345468	1
DDX60	218986_s_at	0,85177419	0,019910682	4	169374020	169476478	-1

MFAP3L	205442_at	0,004975635	0,471868952	4	171144323	171184004	-1
AADAT	NA	NA	NA	4	171217948	171247947	-1
GALNTL6	NA	NA	NA	4	172971229	174199285	1
SCRG1	205475_at	0,070132528	0,44422919	4	174545874	174557192	-1
HAND2	NA	NA	NA	4	174684227	174687953	-1
MORF4	NA	NA	NA	4	174773662	174774369	-1
HPGD	203913_s_at	0,146698344	0,148004152	4	175647955	175680186	-1
ADAM29	221337_s_at	0,691017494	0,062037476	4	176076134	176135906	1
GPM6A	209469_at	0,41856246	-0,548889204	4	176791082	177160642	-1
SPATA4	NA	NA	NA	4	177342719	177353816	-1
LOC285501	NA	NA	NA	4	178886901	179148663	1
WWC2	218775_s_at	0,63348482	0,108610404	4	184257457	184478924	1
ENPP6	NA	NA	NA	4	185246853	185376013	-1
HELT	NA	NA	NA	4	186177077	186178920	1
LRP2BP	207797_s_at	0,075460456	0,323699065	4	186522027	186537146	-1
CCDC110	NA	NA	NA	4	186603341	186629871	-1
CYP4V2	NA	NA	NA	4	187349668	187371606	1
F11	206610_s_at	0,050545706	0,328285801	4	187424112	187447829	1
MTNR1A	221369_at	0,887427088	0,014590537	4	187691803	187713531	-1
FAT1	201579_at	0,205808782	0,804995989	4	187745931	187881981	-1
ZFP42	NA	NA	NA	4	189153919	189163193	1
TRIML2	NA	NA	NA	4	189249421	189263402	-1
TRIML1	NA	NA	NA	4	189297592	189305643	1
TUBB4Q	211915_s_at	0,316171997	0,309692668	4	191140672	191143020	-1
DUX4	216473_x_at	0,374243302	0,192999355	4	191239248	191240864	1
HMX1	207353_s_at	0,187411967	0,226507635	4 NT_113886.1	39405	44175	-1
LOC389834	NA	NA	NA	4 NT_113889.1	50967	55049	-1
PLEKHG4B	NA	NA	NA	5	193373	243087	1
AHRR	NA	NA	NA	5	357291	491406	1
SLC9A3	207212_at	0,500785969	0,077092854	5	526425	577447	-1
CEP72	219531_at	0,363789955	-0,245009754	5	665405	706668	1
TPPP	206179_s_at	0,526648935	0,099948392	5	712977	746510	-1
ZDHHC11	221646_s_at	0,435948372	0,409905566	5	848722	904101	-1

NKD2	NA	NA	NA	5	1062168	1091925	1
SLC12A7	218066_at	0,589272971	0,088917008	5	1103489	1165172	-1
SLC6A19	NA	NA	NA	5	1254766	1275019	1
SLC6A18	NA	NA	NA	5	1278470	1299303	1
SLC6A3	206836_at	0,326343543	0,133081739	5	1445909	1498538	-1
IRX4	220225_at	0,773683552	0,046492558	5	1930549	1935880	-1
IRX2	NA	NA	NA	5	2799880	2804769	-1
C5orf38	NA	NA	NA	5	2805262	2808511	1
IRX1	NA	NA	NA	5	3649168	3654517	1
ADAMTS16	NA	NA	NA	5	5193443	5373412	1
FLJ33360	NA	NA	NA	5	6363554	6390405	-1
POLS	202466_at	0,060576343	-0,669294896	5	6767718	6810161	1
ADCY2	217687_at	0,379365412	0,221088611	5	7449343	7883194	1
SEMA5A	205405_at	0,142830721	0,244036047	5	9088138	9599233	-1
CMBL	NA	NA	NA	5	10330707	10361168	-1
ROPN1L	NA	NA	NA	5	10495015	10518138	1
DNAH5	NA	NA	NA	5	13745039	13997589	-1
TRIO	209012_at	0,196284515	-0,57255612	5	14196829	14562458	1
FAM105A	219694_at	0,785678197	0,049448733	5	14634932	14664205	1
MARCH11	NA	NA	NA	5	16120474	16232897	-1
FAM134B	218532_s_at	0,47432453	-0,161491909	5	16526147	16670118	-1
MYO10	201976_s_at	0,559158545	0,127162507	5	16715016	16989385	-1
CDH18	206280_at	0,245414819	0,208151137	5	19508898	20017046	-1
CDH12	207149_at	0,921536685	0,013031556	5	21786911	22889488	-1
PRDM9	221151_at	0,578922377	0,056160192	5	23543481	23564463	1
CDH10	220115_s_at	0,608908037	0,05986442	5	24522967	24680668	-1
CDH6	210602_s_at	0,226579491	0,213326187	5	31229553	31360994	1
NPR3	219789_at	0,254680073	0,18311239	5	32747422	32823013	1
C5orf23	219054_at	0,464051092	0,123206079	5	32824702	32827576	1
ADAMTS12	221421_s_at	0,988371159	-0,004166928	5	33563043	33927881	-1
RXFP3	221066_at	0,995611409	0,0009151	5	33972246	33974099	1
SLC45A2	220245_at	0,693668549	0,068297273	5	33980478	34020537	-1
C1QTNF3	220988_s_at	0,554363115	0,104109647	5	34053720	34079074	-1

RAI14	202052_s_at	0,181072307	0,384730193	5	34692275	34868474	1
AGXT2	NA	NA	NA	5	35033963	35083756	-1
PRLR	211917_s_at	0,206253758	0,161684167	5	35099985	35266334	-1
SPEF2	NA	NA	NA	5	35653746	35850470	1
UGT3A1	NA	NA	NA	5	35988967	36027256	-1
UGT3A2	NA	NA	NA	5	36070881	36102741	-1
C5orf42	219381_at	0,74358422	0,048015696	5	37142087	37249612	-1
EGFLAM	NA	NA	NA	5	38294290	38500408	1
LIFR	205876_at	0,67370719	0,060057266	5	38510822	38631253	-1
OSMR	205729_at	0,605584763	0,075126933	5	38881893	38970159	1
FYB	211795_s_at	0,615430737	0,043368009	5	39141114	39255424	-1
C9	206727_at	0,897792819	-0,020842451	5	39320758	39400412	-1
C7	202992_at	0,311118859	0,131541046	5	40945356	41018798	1
HEATR7B2	NA	NA	NA	5	41033879	41107201	-1
C6	210168_at	0,788057928	0,04846411	5	41178093	41249369	-1
PLCXD3	NA	NA	NA	5	41342805	41546487	-1
GHR	205498_at	0,145743974	0,192591916	5	42459783	42757683	1
SEPP1	NA	NA	NA	5	42835739	42847781	-1
MGC42105	NA	NA	NA	5	43228084	43316709	1
CCL28	NA	NA	NA	5	43417357	43448245	-1
FGF10	NA	NA	NA	5	44340854	44424541	-1
ISL1	206104_at	0,40179419	0,135733089	5	50714715	50726321	1
ITGA2	205032_at	0,040941038	0,333837553	5	52320913	52426366	1
ESM1	208394_x_at	0,272435964	0,168185126	5	54309900	54317167	-1
GZMA	205488_at	0,395066794	0,090893573	5	54434230	54441818	1
GPX8	NA	NA	NA	5	54491744	54496509	1
CCNO	210021_s_at	0,096452335	0,251852921	5	54562737	54565265	-1
DDX4	221630_s_at	0,225580199	0,225590347	5	55070533	55148362	1
IL31RA	NA	NA	NA	5	55183091	55248738	1
MIER3	NA	NA	NA	5	56251186	56283711	-1
ACTBL2	NA	NA	NA	5	56811600	56814393	-1
PLK2	201939_at	0,38062272	0,115189839	5	57785566	57791670	-1
RAB3C	NA	NA	NA	5	57914696	58183163	1

PDE4D	211840_s_at	0,240020709	0,191940308	5	58300622	59225378	-1
ELOVL7	NA	NA	NA	5	60083373	60175858	-1
FLJ37543	NA	NA	NA	5	60969393	61038119	1
HTR1A	221351_at	0,733990069	0,066384782	5	63292034	63293302	-1
RNF180	NA	NA	NA	5	63497427	63549369	1
RGS7BP	NA	NA	NA	5	63838208	63943882	1
MAST4	210958_s_at	0,584933296	0,121270398	5	65927932	66318107	1
CCDC125	NA	NA	NA	5	68612275	68652166	-1
MARVELD2	NA	NA	NA	5	68746699	68775592	1
OCLN	209925_at	0,194027064	0,158504979	5	68823875	68885889	1
NAIP	204860_s_at	0,148252074	0,531134352	5	70300066	70356697	-1
MCCC2	209623_at	0,007592396	0,511493397	5	70918910	70988981	1
CARTPT	206339_at	0,788622878	-0,042102414	5	71050750	71052628	1
MAP1B	214577_at	0,172233543	0,186603699	5	71438874	71541153	1
ZNF366	NA	NA	NA	5	71774990	71839005	-1
TMEM171	NA	NA	NA	5	72452158	72463397	1
TMEM174	NA	NA	NA	5	72499830	72506295	1
RGNEF	NA	NA	NA	5	72957739	73243284	1
FAM169A	213954_at	0,432905228	0,091879829	5	74109155	74198371	-1
GCNT4	220831_at	0,226841483	0,237371728	5	74359045	74362480	-1
SV2C	NA	NA	NA	5	75415061	75657172	1
hCG_1757335	NA	NA	NA	5	75504657	75505942	-1
F2RL1	206429_at	0,28903094	0,149335687	5	76150610	76166896	1
S100Z	NA	NA	NA	5	76181582	76252812	1
CRHBP	205984_at	0,527666902	-0,152657072	5	76284436	76301055	1
OTP	NA	NA	NA	5	76960293	76970278	-1
LHFPL2	212658_at	0,269744106	-0,763789575	5	77816794	77980404	-1
DMGDH	NA	NA	NA	5	78329185	78401205	-1
BHMT2	219902_at	0,395814482	0,109225028	5	78401339	78421045	1
JMY	NA	NA	NA	5	78569043	78653704	1
CMYA5	NA	NA	NA	5	79021415	79131805	1
THBS4	204776_at	0,174339125	0,299325371	5	79366747	79414866	1
SPZ1	NA	NA	NA	5	79651599	79653417	1

FAM151B	NA	NA	NA	5	79819556	79873962	1
ANKRD34B	NA	NA	NA	5	79888330	79901854	-1
RASGRF2	NA	NA	NA	5	80292314	80557709	1
CKMT2	205295_at	0,723868935	0,050453606	5	80564895	80597973	1
ATP6AP1L	NA	NA	NA	5	81636922	81649903	1
HAPLN1	205524_s_at	0,324457675	0,131447733	5	82972493	83052454	-1
LOC644285	NA	NA	NA	5	86649989	86657710	-1
NR2F1	209505_at	0,28692779	0,233966951	5	92944799	92955544	1
POU5F2	NA	NA	NA	5	93101771	93103065	-1
ANKRD32	NA	NA	NA	5	94040330	94057338	1
MCTP1	220122_at	0,537760248	0,1108168	5	94068957	94646035	-1
FAM81B	NA	NA	NA	5	94752804	94811900	1
GPR150	NA	NA	NA	5	94981736	94983040	1
SPATA9	NA	NA	NA	5	95019775	95044470	-1
PCSK1	205825_at	0,498206884	0,080351326	5	95751875	95794708	-1
CAST	212586_at	0,018455338	1,121340726	5	96023697	96136143	1
RGMB	NA	NA	NA	5	98132900	98160098	1
SLCO4C1	222071_s_at	0,696218662	0,050009125	5	101597589	101660152	-1
TSLP	NA	NA	NA	5	110435289	110441623	1
SRP19	205335_s_at	0,20912452	0,200950289	5	112224892	112231503	1
TSSK1B	211694_at	0,244398219	0,20203936	5	112796570	112798565	-1
KCNN2	220116_at	0,326851177	0,100224364	5	113725915	113860096	1
TRIM36	219736_at	0,959048406	-0,00642627	5	114488358	114544142	-1
CCDC112	NA	NA	NA	5	114630784	114660357	-1
LVRN	NA	NA	NA	5	115326170	115391199	1
DTWD2	NA	NA	NA	5	118203135	118352139	-1
HSD17B4	201413_at	0,612331942	-0,170074338	5	118816122	118905923	1
FAM170A	NA	NA	NA	5	118993192	118999416	1
PRR16	220014_at	0,721279654	-0,040359458	5	119827918	120050864	1
SNCAIP	219511_s_at	0,434852089	0,15248216	5	121675719	121827693	1
PPIC	204518_s_at	0,028682937	0,604683784	5	122386977	122400324	-1
C5orf48	NA	NA	NA	5	125995313	125999873	1
MEGF10	NA	NA	NA	5	126654514	126824807	1

CTXN3	NA	NA	NA	5	127012635	127022221	1
FBN2	203184_at	0,833268365	0,033173113	5	127621500	127901634	-1
CHSY3	NA	NA	NA	5	129268422	129550226	1
ACSL6	213683_at	0,738523295	0,044605547	5	131317051	131375248	-1
CSF2	210229_s_at	0,740476334	0,043907218	5	131437384	131439758	1
SLC22A4	205896_at	0,502742203	0,079609764	5	131658044	131707798	1
SLC22A5	205074_at	0,849232395	0,05035707	5	131733343	131759205	1
C5orf56	NA	NA	NA	5	131774572	131825958	1
IL5	207952_at	0,847884073	0,028959951	5	131905035	131907113	-1
IL13	207844_at	0,298817749	0,17868678	5	132021764	132024700	1
IL4	207539_s_at	0,878433519	0,019363101	5	132037272	132046267	1
KIF3A	213623_at	0,50739649	-0,261438901	5	132056222	132101164	-1
CCNI2	NA	NA	NA	5	132111036	132117755	1
Sep 08	208999_at	0,008251634	1,560401959	5	132114408	132140966	-1
FSTL4	214859_at	0,095674748	0,201227854	5	132560051	132976122	-1
TCF7	205255_x_at	0,613025488	-0,077338193	5	133478301	133511819	1
CATSPER3	NA	NA	NA	5	134331513	134375285	1
C5orf20	NA	NA	NA	5	134807803	134810937	-1
TIFAB	NA	NA	NA	5	134812457	134815988	-1
NEUROG1	208497_x_at	0,153849747	0,268075931	5	134897871	134899538	-1
CXCL14	218002_s_at	0,29653969	0,168257873	5	134934274	134942868	-1
IL9	208193_at	0,298832915	0,139222457	5	135255834	135259415	-1
FBXL21	NA	NA	NA	5	135300162	135305266	1
TRPC7	208589_at	0,642286901	-0,071939037	5	135577022	135720974	-1
SPOCK1	202363_at	0,465056847	0,079657039	5	136338886	136862917	-1
WNT8A	NA	NA	NA	5	137447673	137455098	1
NME5	206197_at	0,876080505	0,018206851	5	137478760	137503031	-1
GFRA3	214479_at	0,489998025	0,09200399	5	137615968	137638152	-1
REEP2	205331_s_at	0,050184962	0,353920565	5	137802675	137810557	1
LRRTM2	206408_at	0,778346706	0,036143834	5	138232978	138238908	-1
ECSCR	NA	NA	NA	5	138817313	138822504	-1
PSD2	NA	NA	NA	5	139155590	139204232	1
HBEGF	38037_at	0,33831404	0,150530182	5	139692612	139706358	-1

SLC4A9	NA	NA	NA	5	139719971	139734906	1
EIF4EBP3	214919_s_at	0,414453553	-0,463976987	5	139907435	139909347	1
DND1	222070_at	0,272392594	0,165545571	5	140030565	140033355	-1
PCDHA1	NA	NA	NA	5	140146060	140372113	1
PCDHA2	211365_s_at	0,215361182	0,14567421	5	140154628	140372113	1
PCDHA3	211870_s_at	0,243723224	0,203062373	5	140160967	140372113	1
PCDHA4	NA	NA	NA	5	140166856	140372113	1
PCDHA5	211838_x_at	0,430348737	0,077627531	5	140181545	140372113	1
PCDHA8	NA	NA	NA	5	140201091	140372113	1
PCDHA9	208205_at	0,762992844	-0,05405644	5	140207541	140372113	1
PCDHA10	210674_s_at	0,671463002	-0,057101031	5	140215818	140372113	1
PCDHA11	NA	NA	NA	5	140228015	140372113	1
PCDHA12	NA	NA	NA	5	140235115	140372113	1
PCDHA13	NA	NA	NA	5	140242038	140372113	1
PCDHAC2	NA	NA	NA	5	140326536	140372113	1
PCDHB1	221303_at	0,312348528	0,124473297	5	140411163	140413696	1
PCDHB2	221410_x_at	0,510758012	0,14543754	5	140454421	140457148	1
PCDHB3	NA	NA	NA	5	140460418	140463590	1
PCDHB4	NA	NA	NA	5	140481765	140485385	1
PCDHB5	NA	NA	NA	5	140494984	140497888	1
PCDHB6	221317_x_at	0,174091205	0,264974114	5	140510023	140513052	1
PCDHB7	NA	NA	NA	5	140532427	140536141	1
PCDHB10	NA	NA	NA	5	140552136	140555397	1
PCDHB11	208504_x_at	0,648824349	0,099998501	5	140559532	140562802	1
PCDHB12	221408_x_at	0,118153506	0,369721961	5	140568475	140571882	1
PCDHB13	221450_x_at	0,234537451	0,275356677	5	140573693	140577177	1
PCDHB14	NA	NA	NA	5	140583262	140586044	1
PCDHB15	NA	NA	NA	5	140605331	140607986	1
SLC25A2	NA	NA	NA	5	140662380	140663796	-1
PCDHGB1	NA	NA	NA	5	140710012	140872730	1
PCDHGA4	NA	NA	NA	5	140714952	140872730	1
PCDHGB2	NA	NA	NA	5	140719887	140872730	1
PCDHGA5	NA	NA	NA	5	140724082	140872730	1

PCDHGB3	NA	NA	NA	5	140730146	140872730	1
PCDHGA6	NA	NA	NA	5	140733835	140872730	1
PCDHGB5	NA	NA	NA	5	140757879	140872730	1
PCDHGA9	NA	NA	NA	5	140762704	140872730	1
PCDHGB6	NA	NA	NA	5	140767954	140872730	1
PCDHGA10	211875_x_at	0,985955295	-0,00228871	5	140772927	140872730	1
PCDHGB7	NA	NA	NA	5	140777466	140872730	1
PCDHGA11	211877_s_at	0,674196153	0,066179663	5	140780721	140872730	1
PCDHGA12	NA	NA	NA	5	140790342	140872730	1
PCDHGC5	NA	NA	NA	5	140848992	140872730	1
FCHSD1	NA	NA	NA	5	140999053	141011170	-1
ARAP3	218950_at	0,578877029	0,111914341	5	141013152	141041984	-1
PCDH1	203918_at	0,264636062	0,307431159	5	141212856	141238128	-1
SPRY4	221489_s_at	0,317695172	0,202411841	5	141670189	141684750	-1
FGF1	205117_at	0,902542674	-0,015290532	5	141953306	142045812	-1
HMHB1	208302_at	0,139113802	0,313329791	5	143171919	143180477	1
GRXCR2	NA	NA	NA	5	145219489	145232724	-1
SH3RF2	NA	NA	NA	5	145296335	145423048	1
PLAC8L1	NA	NA	NA	5	145444069	145464139	-1
TCERG1	202396_at	0,019969326	-0,888287978	5	145807066	145871262	1
GPR151	NA	NA	NA	5	145874610	145875869	-1
PPP2R2B	205643_s_at	0,379420961	0,193436808	5	145949260	146441207	-1
DPYSL3	201431_s_at	0,026658322	0,53942178	5	146750564	146813453	-1
SPINK1	206239_s_at	0,500785969	0,074468439	5	147184339	147191453	-1
SCGB3A2	NA	NA	NA	5	147238467	147241946	1
C5orf46	NA	NA	NA	5	147252464	147266294	-1
SPINK5	205185_at	0,373016763	0,145730317	5	147423759	147497120	1
SPINK6	NA	NA	NA	5	147562597	147574893	1
SPINK5L3	NA	NA	NA	5	147628616	147645966	1
SPINK9	NA	NA	NA	5	147695315	147699605	1
SH3TC2	219710_at	0,925583684	-0,015104211	5	148341906	148422930	-1
ABLIM3	205730_s_at	0,996661112	-0,001091898	5	148501247	148620192	1
AFAP1L1	NA	NA	NA	5	148631651	148701558	1

IL17B	220273_at	0,777630983	-0,053888215	5	148734023	148739031	-1
FLJ41603	NA	NA	NA	5	148941328	148994720	1
CSF1R	203104_at	0,453295741	0,074470221	5	149413051	149473128	-1
PDGFRB	202273_at	0,786468011	0,04676014	5	149473595	149515615	-1
CDX1	206430_at	0,266636973	0,155856233	5	149526537	149544314	1
SLC6A7	208494_at	0,354313736	0,150693173	5	149549713	149570828	1
CAMK2A	213108_at	0,081719655	0,34990388	5	149579248	149649529	-1
ARSI	NA	NA	NA	5	149656970	149662129	-1
NDST1	202608_s_at	0,218260421	0,262182792	5	149880623	149917966	1
SYNPO	202796_at	0,467065254	0,164478231	5	150000433	150017145	1
MYOZ3	213955_at	0,202623301	0,198644416	5	150020637	150039118	1
ZNF300	NA	NA	NA	5	150254157	150264584	-1
GPX3	214091_s_at	0,104080442	0,313562022	5	150380192	150388747	1
SLC36A3	NA	NA	NA	5	150636516	150663520	-1
SLC36A2	NA	NA	NA	5	150674732	150707312	-1
FAT2	208153_s_at	0,651069464	0,066420326	5	150863847	150928698	-1
GLRA1	207972_at	0,770570745	0,050479236	5	151182361	151284596	-1
NMUR2	NA	NA	NA	5	151751302	151765017	-1
GRIA1	211520_s_at	0,594552278	0,090845272	5	152850499	153171354	1
HAND1	220138_at	0,323552392	0,160572124	5	153834725	153838017	-1
LARP1	212137_at	0,237310146	-0,406948121	5	154072655	154177358	1
KIF4B	NA	NA	NA	5	154373453	154377878	1
SGCD	214492_at	0,271290818	0,142455458	5	155686345	156125639	1
TIMD4	NA	NA	NA	5	156278948	156322844	-1
HAVCR1	207052_at	0,956048323	0,017756356	5	156389109	156418065	-1
HAVCR2	NA	NA	NA	5	156445421	156468716	-1
MED7	204350_s_at	0,502632242	0,170729207	5	156498029	156502499	-1
FAM71B	NA	NA	NA	5	156521921	156525856	-1
ITK	211339_s_at	0,579720424	0,105919258	5	156540485	156614687	1
NIPAL4	NA	NA	NA	5	156819605	156834308	1
SOX30	207678_s_at	0,541141171	-0,051044734	5	156985265	157012006	-1
ADRA1B	207589_at	0,983189701	-0,004301176	5	159276318	159332595	1
FABP6	210445_at	0,927976555	0,03553385	5	159558626	159598307	1

C1QTNF2	NA	NA	NA	5	159707339	159730226	-1
ATP10B	214070_s_at	0,049443528	0,346174267	5	159922705	160211797	-1
ODZ2	NA	NA	NA	5	167114519	167623740	1
WWC1	213085_s_at	0,940443587	0,034099041	5	167651670	167829342	1
SLIT3	216216_at	0,493128593	0,067021412	5	168025857	168660554	-1
LOC133874	NA	NA	NA	5	169592528	169605813	1
KCNIP1	221307_at	0,164867904	0,258958213	5	169713459	170096214	1
KCNMB1	209948_at	0,487801809	-0,141482734	5	169737745	169749216	-1
GABRP	205044_at	0,735593213	0,061797925	5	170143343	170173629	1
TLX3	208495_at	0,671874111	0,056743998	5	170668893	170671743	1
FGF18	206987_x_at	0,312668295	0,126863077	5	170779272	170816781	1
UBTD2	NA	NA	NA	5	171569255	171643400	-1
SH3PXD2B	NA	NA	NA	5	171693108	171814132	-1
BNIP1	204930_s_at	0,404220905	0,183553027	5	172504051	172523996	1
NKX2-5	206578_at	0,66566098	0,048599105	5	172591744	172594868	-1
HMP19	218623_at	0,372117311	0,128212365	5	173405330	173468788	1
MSX2	210319_x_at	0,592477607	0,057625661	5	174084181	174090508	1
DRD1	214652_at	0,206111398	0,218132438	5	174800281	174803769	-1
CPLX2	206368_at	0,817266898	0,037160018	5	175156216	175243629	1
FAM153B	NA	NA	NA	5	175444515	175476064	1
GPRIN1	NA	NA	NA	5	175955409	175969737	-1
EIF4E1B	NA	NA	NA	5	175990289	176006248	1
UNC5A	NA	NA	NA	5	176170166	176240505	1
HK3	205936_s_at	0,439771061	0,106454567	5	176240476	176258921	-1
FGFR4	211237_s_at	0,530070335	0,157523788	5	176446527	176457733	1
SLC34A1	208177_at	0,272281227	0,321688365	5	176744041	176758455	1
F12	215961_at	0,147197127	0,24876412	5	176761745	176769183	-1
PRR7	219742_at	0,083764031	-0,893858833	5	176806400	176815889	1
DBN1	202806_at	0,268840412	-0,40902303	5	176816220	176833271	-1
FLJ10404	218920_at	0,602990581	-0,1103877	5	176879396	176914144	-1
FAM153A	214945_at	0,7356967	0,035899665	5	177082971	177140111	-1
PROP1	211223_at	0,115602034	0,201643966	5	177351842	177355849	-1
FAM153C	211166_at	0,463551166	0,111955078	5	177368295	177407262	1

RPL19P9	NA	NA	NA	5	177414996	177415888	1
ZNF354A	205427_at	0,184961108	-0,187114388	5	178071128	178090309	-1
ZNF354B	NA	NA	NA	5	178219607	178244021	1
ZFP2	207757_at	0,474109446	0,084840988	5	178255522	178292816	1
ZNF454	NA	NA	NA	5	178300830	178326040	1
GRM6	NA	NA	NA	5	178337934	178354730	-1
ZNF354C	NA	NA	NA	5	178420213	178440301	1
ADAMTS2	214535_s_at	0,195232794	0,23294296	5	178473456	178704935	-1
LTC4S	206480_at	0,310866147	0,124644116	5	179153592	179156119	1
MGAT4B	220189_s_at	0,085757996	0,777996233	5	179156711	179166547	-1
TBC1D9B	215994_x_at	0,651815463	0,12895568	5	179221677	179267464	-1
RNF130	217865_at	0,102978646	0,446851244	5	179315080	179431715	-1
RASGEF1C	NA	NA	NA	5	179460401	179568736	-1
GFPT2	205100_at	0,886464722	0,024572092	5	179660306	179712921	-1
CNOT6	217970_s_at	0,160503619	-0,421546057	5	179854023	179937959	1
SCGB3A1	NA	NA	NA	5	179949711	179951093	-1
FLT4	210316_at	0,644149721	0,075558379	5	179961112	180009206	-1
OR2Y1	NA	NA	NA	5	180098729	180099664	-1
BTNL8	220421_at	0,677537769	0,070933653	5	180258735	180310512	1
hCG_18385	NA	NA	NA	5	180341824	180345858	1
BTNL3	217207_s_at	0,495799244	0,140217726	5	180348507	180366333	1
BTNL9	NA	NA	NA	5	180399854	180421121	1
OR2V2	NA	NA	NA	5	180514549	180515496	1
TRIM7	NA	NA	NA	5	180553530	180564783	-1
OR4F3	NA	NA	NA	5	180726095	180727832	1
	NA	NA	NA	5 NT_113890.1	12667	25728	-1
HUS1B	NA	NA	NA	6	600939	601964	-1
FOXQ1	NA	NA	NA	6	1257675	1259993	1
FOXF2	206377_at	0,456964081	0,070788791	6	1335068	1340831	1
FOXC1	213260_at	0,399529151	0,198453518	6	1555680	1559131	1
C6orf195	NA	NA	NA	6	2567971	2580297	-1
MYLK4	NA	NA	NA	6	2608870	2696153	-1
SERPINB6	211474_s_at	0,78331867	-0,085703921	6	2893392	2917089	-1

BPHL	205750_at	0,243374278	-0,387609391	6	3064041	3098288	1
SLC22A23	NA	NA	NA	6	3214691	3390217	-1
C6orf145	212923_s_at	0,400810439	0,127085842	6	3667852	3696935	-1
FAM50B	205775_at	0,547750876	0,103591911	6	3794631	3796550	1
C6orf146	NA	NA	NA	6	4013600	4024390	-1
C6orf201	NA	NA	NA	6	4024439	4075998	1
DSP	200606_at	0,307021765	0,117338271	6	7486869	7531945	1
C6orf218	NA	NA	NA	6	10537663	10542760	-1
MAK	220302_at	0,786869653	0,034510341	6	10870942	10939096	-1
GCM2	220799_at	0,878419719	0,016305551	6	10981450	10990084	-1
SYCP2L	NA	NA	NA	6	10995050	11082528	1
HERV-FRD	NA	NA	NA	6	11210708	11219945	-1
TMEM170B	NA	NA	NA	6	11646497	11691743	1
EDN1	218995_s_at	0,788139876	0,037637787	6	12398515	12405413	1
RNF182	NA	NA	NA	6	14033182	14088215	1
DTNBP1	NA	NA	NA	6	15631017	15771250	-1
GMPR	204187_at	0,067700333	0,251997159	6	16346790	16403759	1
KIF13A	220777_at	0,480140042	0,137699086	6	17868564	18095778	-1
TPMT	203671_at	0,121033639	-0,289450434	6	18236521	18263353	-1
AOF1	NA	NA	NA	6	18263598	18332063	1
HDGFL1	NA	NA	NA	6	22677657	22678729	1
NRSN1	NA	NA	NA	6	24234329	24255609	1
FAM65B	206707_x_at	0,005412766	-2,258889732	6	24947566	24985562	-1
SCGN	205697_at	0,737637062	0,060138049	6	25760408	25809990	1
HIST1H2BA	NA	NA	NA	6	25835116	25835552	1
SLC17A4	207051_at	0,183456302	0,213811474	6	25862945	25888419	1
SLC17A3	207298_at	0,153899683	0,178302198	6	25953307	25982450	-1
SLC17A2	207097_s_at	0,907575154	-0,014440187	6	26020961	26038818	-1
HFE	211863_x_at	0,128313725	0,236855542	6	26195488	26203448	1
HIST1H1T	NA	NA	NA	6	26215619	26216343	-1
BTN1A1	207395_at	0,97905053	-0,004158322	6	26608550	26618629	1
PRSS16	208165_s_at	0,906889324	-0,097347839	6	27323487	27332229	1
FKSG83	NA	NA	NA	6	27400557	27401721	1

OR2B6	216522_at	0,524709825	0,076849386	6	28032998	28033939	1
GPX6	NA	NA	NA	6	28579052	28591549	-1
GPX5	214648_at	0,122868498	0,189556002	6	28601768	28609923	1
ZNF311	NA	NA	NA	6	29070573	29081016	-1
OR2B3	NA	NA	NA	6	29162063	29163004	-1
OR2J3	217334_at	0,542668206	-0,060341722	6	29187647	29188582	1
	NA	NA	NA	6	29338459	29339835	-1
OR14J1	NA	NA	NA	6	29382446	29383411	1
OR5V1	221431_s_at	0,416484071	0,096423847	6	29430986	29432033	-1
OR12D3	NA	NA	NA	6	29449179	29451047	-1
OR12D2	221344_at	0,558793284	0,066410334	6	29472456	29473379	1
OR2H1	216817_s_at	0,315937087	0,170877483	6	29534209	29540078	1
OR2H2	208573_s_at	0,114427348	0,324794135	6	29663662	29664724	1
MOG	211836_s_at	0,532920399	0,125576455	6	29732788	29748128	1
ZFP57	NA	NA	NA	6	29748239	29756866	-1
HLA-G	210514_x_at	0,120350418	0,836488964	6	29903497	29906859	1
RNF39	219916_s_at	0,294500594	0,189199144	6	30146022	30151607	-1
TRIM31	210159_s_at	0,119504457	0,38680694	6	30178653	30188846	-1
TRIM40	NA	NA	NA	6	30212489	30224488	1
TRIM10	56748_at	0,362188991	0,125215551	6	30227701	30236690	-1
TRIM15	36742_at	0,245108266	0,147615909	6	30238962	30248452	1
RPP21	218836_at	0,910080202	0,05243948	6	30420916	30422611	1
DDR1	210749_x_at	0,311838277	0,134291997	6	30959840	30975912	1
SFTA2	NA	NA	NA	6	31007106	31007931	-1
DPCR1	NA	NA	NA	6	31027538	31029977	1
MUC21	NA	NA	NA	6	31059474	31065654	1
C6orf15	221100_at	0,639976487	0,083341927	6	31186979	31188311	-1
PSORS1C1	220362_at	0,996400762	0,001061311	6	31190602	31215816	1
CDSN	206192_at	0,457310301	0,097404229	6	31190849	31196202	-1
PSORS1C2	220635_at	0,201740556	0,212686308	6	31213290	31215106	-1
POU5F1	208286_x_at	0,213396389	0,200122278	6	31240093	31246430	-1
MCCD1	NA	NA	NA	6	31604718	31605987	1
ATP6V1G2	NA	NA	NA	6	31620218	31622606	-1

NCR3	211010_s_at	0,655838639	-0,173328279	6	31664651	31668741	-1
AIF1	209901_x_at	0,388252412	0,115896343	6	31691012	31692777	1
LY6G5C	219860_at	0,01091893	0,422362611	6	31752440	31756120	-1
LY6G6C	207114_at	0,085744414	0,285048382	6	31794404	31797489	-1
C6orf26	221406_s_at	0,545901786	0,147198803	6	31838752	31840606	1
SLC44A4	205597_at	0,94471095	0,01495095	6	31938948	31954802	-1
ZBTB12	NA	NA	NA	6	31975373	31977748	-1
CFB	202357_s_at	0,351511619	0,108653324	6	32021752	32027839	1
C4A	214428_x_at	0,328266501	0,310650699	6	32090550	32111173	1
CYP21A2	214622_at	0,399529151	0,141389907	6	32114061	32117398	1
TNXB	208609_s_at	0,399095038	0,224932357	6	32116911	32185131	-1
NOTCH4	205247_at	0,410285514	0,101863442	6	32270598	32299822	-1
C6orf10	207523_at	0,767854833	0,031595768	6	32368453	32447634	-1
HLA-DRB5	215193_x_at	0,788968604	-0,275469353	6	32593129	32605984	-1
HLA-DRB1	NA	NA	NA	6	32654527	32665559	-1
HLA-DQA1	213831_at	0,020268634	-2,538427744	6	32713161	32719407	1
HLA-DQB1	209480_at	0,277115277	-1,341685806	6	32735635	32742444	-1
HLA-DQA2	212671_s_at	0,564755857	-0,649662528	6	32817141	32823199	1
C6orf227	NA	NA	NA	6	33661861	33669093	-1
IP6K3	NA	NA	NA	6	33797421	33822660	-1
MLN	207473_at	0,893531298	-0,033144628	6	33870427	33879771	-1
GRM4	210234_at	0,751638446	0,062560023	6	34097606	34209421	-1
PACSIN1	214403_x_at	0,223921354	0,200559279	6	34541883	34610978	1
SPDEF	214404_x_at	0,237951209	0,120153835	6	34613558	34632069	-1
PPARD	210636_at	0,245721632	0,185258978	6	35418313	35503933	1
FANCE	220255_at	0,984724252	-0,008653312	6	35528116	35542859	1
TEAD3	209454_s_at	0,352025717	0,112745615	6	35549352	35572839	-1
TULP1	206705_at	0,239951636	0,3961034	6	35573629	35588625	-1
C6orf126	NA	NA	NA	6	35852370	35855307	1
C6orf127	NA	NA	NA	6	35856809	35863819	1
CLPS	206131_at	0,321912058	0,125432223	6	35870738	35873080	-1
LHFPL5	NA	NA	NA	6	35881049	35899830	1
PNPLA1	NA	NA	NA	6	36318923	36384350	1

C6orf222	NA	NA	NA	6	36391516	36412640	-1
ETV7	221680_s_at	0,195117267	0,195108334	6	36441949	36463445	-1
PXT1	NA	NA	NA	6	36466306	36476289	-1
CPNE5	NA	NA	NA	6	36816533	36915198	-1
PI16	NA	NA	NA	6	37030187	37040591	1
DNAH8	NA	NA	NA	6	38798530	39106545	1
GLP1R	211232_x_at	0,152557603	0,392619049	6	39124595	39163498	1
KCNK5	219615_s_at	0,105585245	0,309390605	6	39264725	39305229	-1
KCNK17	NA	NA	NA	6	39374755	39390214	-1
KCNK16	NA	NA	NA	6	39390460	39398294	-1
KIF6	NA	NA	NA	6	39410854	39801159	-1
DAAM2	212793_at	0,216929312	0,162127608	6	39868771	39980619	1
MOCS1	211673_s_at	0,030769743	0,282886832	6	39981072	40010196	-1
LRFN2	NA	NA	NA	6	40467351	40663104	-1
UNC5CL	NA	NA	NA	6	41102749	41114906	-1
BZRPL1	215449_at	0,172529917	0,2138231	6	41118271	41120054	1
TREML1	NA	NA	NA	6	41225320	41230048	-1
TREM2	219725_at	0,309035015	0,123467686	6	41234230	41238892	-1
TREML2	219748_at	0,160064684	0,215885792	6	41266206	41276902	-1
TREML4	NA	NA	NA	6	41304040	41314098	1
TREM1	219434_at	0,693069118	-0,115159389	6	41351690	41362435	-1
NCR2	217045_x_at	0,451042153	0,137837302	6	41411506	41426603	1
MDFI	205375_at	0,143726984	0,322137133	6	41714231	41729959	1
PGC	205261_at	0,533669596	0,10763569	6	41812430	41823099	-1
GUCA1A	1255_g_at	0,276241208	0,132868122	6	42231152	42255772	1
GUCA1B	215841_at	0,852854695	0,02651866	6	42259000	42270672	-1
PRPH2	206625_at	0,269177011	0,140662824	6	42772314	42798287	-1
KIAA0240	38892_at	0,012512697	-1,092700364	6	42896772	42944274	1
C6orf226	NA	NA	NA	6	42965981	42966532	-1
PTCRA	215492_x_at	0,063380343	0,349556438	6	42991705	43001554	1
PTK7	207011_s_at	0,636383554	0,092624291	6	43152007	43237435	1
C6orf108	204238_s_at	0,566834617	0,457768569	6	43301345	43305189	-1
TTBK1	NA	NA	NA	6	43319200	43363975	1

SLC22A7	220554_at	0,131043721	0,408754928	6	43373976	43381254	1
DLK2	220262_s_at	0,856670718	0,052280482	6	43526068	43531764	-1
CAPN11	207962_at	0,642836494	0,048659637	6	44234526	44260117	1
TCTE1	NA	NA	NA	6	44355880	44373405	-1
SPATS1	NA	NA	NA	6	44418464	44452882	1
PLA2G7	206214_at	0,579599659	-0,053796152	6	46780237	46811061	-1
GPR116	212951_at	0,179645258	0,162409647	6	46928201	47030634	-1
GPR111	NA	NA	NA	6	47732285	47766296	1
GPR115	NA	NA	NA	6	47774248	47797716	1
CRISP3	207802_at	0,878249766	0,015577955	6	49803048	49820015	-1
PGK2	217009_at	0,802684949	0,033543792	6	49861323	49862966	-1
CRISP1	207032_s_at	0,568631263	0,100512433	6	49909929	49942177	-1
DEFB114	NA	NA	NA	6	50035964	50039777	-1
DEFB113	NA	NA	NA	6	50044349	50045297	-1
DEFB110	NA	NA	NA	6	50084810	50097607	-1
DEFB111	NA	NA	NA	6	50094515	50097653	-1
TFAP2D	NA	NA	NA	6	50789216	50848705	1
TFAP2B	214451_at	0,960066087	0,008333624	6	50894398	50923285	1
PKHD1	NA	NA	NA	6	51588104	52060382	-1
IL17F	NA	NA	NA	6	52209443	52217257	-1
GSTA2	NA	NA	NA	6	52723140	52736283	-1
GSTA1	203924_at	0,306571141	0,16152281	6	52764347	52776616	-1
GSTA5	NA	NA	NA	6	52804499	52818852	-1
GSTA3	222102_at	0,236575606	0,225092153	6	52869403	52882455	-1
GCM1	206269_at	0,928271151	-0,014683816	6	53099721	53121586	-1
KLHL31	NA	NA	NA	6	53620658	53638465	-1
TINAG	NA	NA	NA	6	54281162	54362872	1
FAM83B	NA	NA	NA	6	54819528	54914779	1
HCRTR2	207393_at	0,963335131	0,009003041	6	55147028	55255377	1
HMGCLL1	NA	NA	NA	6	55407130	55551971	-1
COL21A1	208096_s_at	0,508545716	-0,074036814	6	56029347	56220337	-1
KHDRBS2	215527_at	0,201249856	0,13919391	6	62447824	63054091	-1
LGSN	220393_at	0,691047305	-0,037658901	6	64047515	64087841	-1

PHF3	217952_x_at	0,111790119	-0,797150362	6	64414390	64482364	1
BAI3	205638_at	0,965838646	0,006310048	6	69402353	70156124	1
COL19A1	211011_at	0,749467329	0,040631544	6	70633169	70978878	1
FAM135A	NA	NA	NA	6	71179828	71327596	1
B3GAT2	NA	NA	NA	6	71627790	71723509	-1
RIMS1	216184_s_at	0,695412103	0,045837793	6	72653371	73169229	1
KHDC1	NA	NA	NA	6	74007758	74029628	-1
DPPA5	NA	NA	NA	6	74119508	74120674	-1
C6orf221	NA	NA	NA	6	74129121	74130615	1
OOEP	NA	NA	NA	6	74134997	74136236	-1
DDX43	220004_at	0,905497743	0,01698497	6	74161192	74183791	1
CD109	NA	NA	NA	6	74462235	74594761	1
HTR1B	210799_at	0,759336345	0,034837966	6	78228667	78229839	-1
IRAK1BP1	NA	NA	NA	6	79633908	79665039	1
LCA5	NA	NA	NA	6	80251427	80303866	-1
SH3BGRL2	NA	NA	NA	6	80397719	80470088	1
ELOVL4	219532_at	0,892705599	-0,034582876	6	80681248	80713941	-1
BCKDHB	210653_s_at	0,012631351	-1,015112539	6	80873083	81112706	1
FAM46A	221766_s_at	0,220932264	0,160254012	6	82512166	82519147	-1
TPBG	203476_at	0,119024526	0,285032784	6	83130258	83133347	1
ME1	204059_s_at	0,788057928	0,033249741	6	83976827	84197498	-1
PRSS35	NA	NA	NA	6	84278990	84292142	1
SNAP91	204953_at	0,900385333	0,014242362	6	84319332	84475495	-1
MRAP2	NA	NA	NA	6	84800139	84857325	1
NT5E	203939_at	0,334933908	0,091331113	6	86216528	86262215	1
HTR1E	207404_s_at	0,130399215	0,296718133	6	87704129	87783116	1
CGA	204637_at	0,160178022	0,281243439	6	87851941	87861543	-1
GJB7	NA	NA	NA	6	88049417	88095715	-1
C6orf162	213312_at	0,060136547	-0,866002998	6	88089025	88108762	1
CNR1	213436_at	0,007405959	-2,848610818	6	88906302	88911775	-1
SRrp35	NA	NA	NA	6	89862397	89884519	-1
GABRR1	206525_at	0,923787392	0,012505508	6	89944691	89983779	-1
GABRR2	208217_at	0,374147465	0,200289919	6	90023958	90081686	-1

ANKRD6	204672_s_at	0,339879615	-0,225955114	6	90199616	90400124	1
GJA10	NA	NA	NA	6	90660909	90662540	1
FUT9	207696_at	0,984946797	-0,002228636	6	96570566	96770209	1
FHL5	220170_at	0,265073862	0,207934843	6	97117156	97171233	1
GPR63	220993_s_at	0,019638184	0,528129315	6	97352645	97391921	-1
C6orf168	NA	NA	NA	6	99835257	99904252	-1
PRDM13	221168_at	0,417954426	0,159413563	6	100161371	100170175	1
GRIK2	213845_at	0,194452318	0,220014087	6	101953675	102623474	1
HACE1	NA	NA	NA	6	105282661	105414487	-1
BVES	NA	NA	NA	6	105651390	105691236	-1
POPDC3	219926_at	0,370584793	0,128301258	6	105712470	105734563	-1
PREP	204117_at	0,083645721	-0,349126819	6	105832199	105957662	-1
BEND3	NA	NA	NA	6	107493078	107527182	-1
SCML4	NA	NA	NA	6	108146342	108200148	-1
NR2E1	207443_at	0,076732766	0,3355876	6	108593955	108616706	1
ARMC2	NA	NA	NA	6	109276312	109402045	1
ZBTB24	205340_at	0,001447664	-0,675775591	6	109890412	109911133	-1
	NA	NA	NA	6	109920757	109934386	-1
	NA	NA	NA	6	109955525	109978433	-1
GPR6	214655_at	0,323209474	0,166141747	6	110406991	110408616	1
SLC22A16	NA	NA	NA	6	110852599	110904537	-1
SLC16A10	219915_s_at	0,483984005	0,087402274	6	111515502	111650907	1
KIAA1919	NA	NA	NA	6	111687175	111696956	1
WISP3	210861_s_at	0,923992465	0,017657309	6	112481971	112497577	1
RFPL4B	NA	NA	NA	6	112775225	112779191	1
NT5DC1	NA	NA	NA	6	116528692	116673546	1
COL10A1	205941_s_at	0,258463212	0,117132135	6	116546778	116553989	-1
FAM26F	NA	NA	NA	6	116889249	116891627	1
FAM26E	NA	NA	NA	6	116939501	116946402	1
RSPH4A	NA	NA	NA	6	117044343	117060834	1
FAM162B	NA	NA	NA	6	117180053	117193579	-1
GPRC6A	NA	NA	NA	6	117219941	117256891	-1
RFX6	NA	NA	NA	6	117305069	117360007	1

VGLL2	NA	NA	NA	6	117693414	117701421	1
ROS1	207569_at	0,476250115	0,083501693	6	117716223	117853711	-1
DCBLD1	NA	NA	NA	6	117910513	117997714	1
SLC35F1	NA	NA	NA	6	118335382	118745524	1
C6orf204	NA	NA	NA	6	118892932	119079713	-1
FAM184A	220150_s_at	0,425676232	0,160640113	6	119322694	119512057	-1
C6orf170	NA	NA	NA	6	121442326	121697343	-1
GJA1	201667_at	0,247623478	0,327437001	6	121798444	121812572	1
FABP7	205030_at	0,883372593	0,024633331	6	123142345	123146918	1
RLBP1L2	NA	NA	NA	6	123359281	123426762	1
NKAIN2	NA	NA	NA	6	124166768	125188485	1
RNF217	NA	NA	NA	6	125346213	125446360	1
TPD52L1	203786_s_at	0,218260421	0,310490714	6	125516578	125626343	1
C6orf173	NA	NA	NA	6	126702963	126711441	1
RSPO3	NA	NA	NA	6	127481741	127559877	1
C6orf58	NA	NA	NA	6	127940012	127954655	1
TSEPA	NA	NA	NA	6	128071038	128281435	-1
LAMA2	213519_s_at	0,310618558	0,134190447	6	129245979	129879404	1
ARHGAP18	NA	NA	NA	6	129939933	130073063	-1
L3MBTL3	NA	NA	NA	6	130381427	130504278	1
TMEM200A	NA	NA	NA	6	130799955	130805905	1
ARG1	206177_s_at	0,205775885	0,246896988	6	131936058	131947161	1
OR2A4	NA	NA	NA	6	132063302	132064234	-1
ENPP1	205066_s_at	0,577964099	0,131220274	6	132170853	132254043	1
MOXD1	209708_at	0,222533207	0,625957999	6	132658887	132764357	-1
TAAR8	NA	NA	NA	6	132915525	132916553	1
TAAR6	NA	NA	NA	6	132933154	132934191	1
TAAR5	221459_at	0,2505164	0,22753225	6	132951505	132952518	-1
TAAR2	221394_at	0,974724079	0,008440704	6	132979982	132987107	-1
TAAR1	NA	NA	NA	6	133007816	133008835	-1
VNN1	205844_at	0,303670122	0,117931821	6	133044422	133076881	-1
C6orf192	NA	NA	NA	6	133132200	133161440	-1
EYA4	207327_at	0,614694352	0,048625272	6	133604188	133894358	1

TCF21	204931_at	0,563695303	0,067105565	6	134251970	134258368	1
SLC2A12	NA	NA	NA	6	134350412	134415482	-1
ALDH8A1	220148_at	0,077565122	0,232103588	6	135280221	135312937	-1
PDE7B	220343_at	0,614310886	0,107065432	6	136214527	136558402	1
PEX7	205420_at	0,034111709	-0,55525538	6	137185416	137276752	1
SLC35D3	NA	NA	NA	6	137285095	137288470	1
IL20RA	219115_s_at	0,871831114	0,018015943	6	137362801	137407991	-1
IL22RA2	NA	NA	NA	6	137506650	137536478	-1
OLIG3	NA	NA	NA	6	137855029	137857224	-1
KIAA1244	NA	NA	NA	6	138524917	138701629	1
PBOV1	208329_at	0,726075255	0,032014616	6	138578816	138581320	-1
ECT2L	NA	NA	NA	6	139176002	139266900	1
NMBR	207333_at	0,358074942	0,150062518	6	142438438	142451629	-1
GPR126	213094_at	0,967830415	-0,006085674	6	142664759	142809078	1
HIVEP2	212641_at	0,083399347	-0,767737711	6	143114297	143308031	-1
FUCA2	NA	NA	NA	6	143857935	143874556	-1
PLAGL1	207002_s_at	0,520043178	0,088627447	6	144303130	144427428	-1
UTRN	213022_s_at	0,583497608	0,153457479	6	144654566	145215863	1
RAB32	204214_s_at	0,607698148	0,061732346	6	146906521	146917782	1
SAMD5	NA	NA	NA	6	147871756	147932850	1
UST	205138_s_at	0,396484726	0,157885294	6	149110157	149439818	1
SUMO4	215452_x_at	0,106568472	-0,420724749	6	149763188	149763875	1
ZC3H12D	NA	NA	NA	6	149812571	149847723	-1
C6orf72	NA	NA	NA	6	149929217	149953760	1
LRP11	NA	NA	NA	6	150181625	150227173	-1
RAET1E	NA	NA	NA	6	150251294	150253790	-1
RAET1G	NA	NA	NA	6	150279707	150285907	-1
ULBP2	221291_at	0,766865937	-0,046431544	6	150304829	150312064	1
ULBP1	221323_at	0,657019221	0,052093348	6	150326836	150336539	1
RAET1L	NA	NA	NA	6	150382959	150388361	-1
PPP1R14C	NA	NA	NA	6	150505881	150613221	1
PLEKHG1	NA	NA	NA	6	150962692	151206492	1
MTHFD1L	NA	NA	NA	6	151228384	151464716	1

C6orf97	220581_at	0,168739173	0,206399161	6	151856920	151984021	1
ESR1	211235_s_at	0,259983372	0,157255768	6	152170379	152466099	1
SYNE1	209447_at	0,043196639	-1,468906231	6	152484515	153000227	-1
C6orf98	NA	NA	NA	6	152529594	152532033	-1
MYCT1	220471_s_at	0,351511619	0,122371676	6	153060723	153087410	1
VIP	206577_at	0,710007985	0,033273348	6	153113626	153122593	1
RGS17	220334_at	0,373998516	0,103794062	6	153373719	153494082	-1
RPL27AP6	NA	NA	NA	6	153645061	153645586	-1
IPCEF1	214735_at	0,397865529	0,079953645	6	154517438	154719592	-1
CNKSR3	NA	NA	NA	6	154768125	154873445	-1
TIAM2	NA	NA	NA	6	155453115	155620549	1
CLDN20	NA	NA	NA	6	155626839	155639374	1
NOX3	221089_at	0,987817794	-0,002777837	6	155758194	155818729	-1
SNX9	NA	NA	NA	6	158164282	158286097	1
SYNJ2	210612_s_at	0,23691303	0,187486977	6	158322907	158439556	1
SERAC1	NA	NA	NA	6	158450535	158509257	-1
GTF2H5	213357_at	0,034097287	-1,609751658	6	158511489	158533375	1
TULP4	218184_at	0,018850068	-0,800069407	6	158653680	158852848	1
TMEM181	NA	NA	NA	6	158877456	158976455	1
OSTCL	NA	NA	NA	6	159182137	159198654	-1
RSPH3	NA	NA	NA	6	159318254	159341186	-1
FNDC1	NA	NA	NA	6	159510417	159613130	1
SLC22A2	207429_at	0,018150642	0,46166942	6	160557780	160599949	-1
SLC22A3	205421_at	0,704403017	-0,036410202	6	160689415	160796004	1
LPAL2	NA	NA	NA	6	160807831	160852146	-1
LPA	209978_s_at	0,158801169	0,290482273	6	160872505	161007397	-1
PLG	209977_at	0,407294604	-0,088404709	6	161043273	161094328	1
MAP3K4	216199_s_at	0,165796594	-1,174528366	6	161332812	161458407	1
AGPAT4	219693_at	0,691935712	0,060514004	6	161471047	161615097	-1
PARK2	207058_s_at	0,604563174	0,097677197	6	161689661	163068793	-1
PACRG	214204_at	0,738157718	0,043442627	6	163068154	163656514	1
C6orf118	NA	NA	NA	6	165613143	165643101	-1
PDE10A	211171_s_at	0,293855325	0,124499134	6	165664519	165995574	-1

T	206524_at	0,1855162	0,175388301	6	166491076	166502121	-1
PRR18	NA	NA	NA	6	166639158	166641861	-1
RPS6KA2	204906_at	0,340670681	0,280998207	6	166742844	167195761	-1
CCR6	206983_at	0,35580749	-0,102015533	6	167445285	167472619	1
GPR31	208556_at	0,416189514	0,178985692	6	167490350	167491309	-1
UNC93A	214382_at	0,157602359	0,279920009	6	167624891	167649491	1
TLL2	NA	NA	NA	6	167658564	167676167	1
TCP10	NA	NA	NA	6	167706567	167717988	-1
C6orf124	NA	NA	NA	6	167967419	167970325	-1
MLLT4	215904_at	0,566834617	0,106442917	6	167970520	168115552	1
KIF25	208128_x_at	0,358272418	0,195201223	6	168161402	168188618	1
FRMD1	220819_at	0,969282421	0,00553424	6	168199336	168222688	-1
SMOC2	NA	NA	NA	6	168584880	168810596	1
THBS2	203083_at	0,172116651	0,20404223	6	169357800	169396062	-1
DLL1	NA	NA	NA	6	170433219	170441622	-1
FAM20C	NA	NA	NA	7	288052	304059	1
PDGFA	205463_s_at	0,372117311	0,162743433	7	503421	526007	-1
PRKAR1B	212559_at	0,088310201	-0,530706777	7	555913	718659	-1
UNC84A	212074_at	0,179187473	-0,470032259	7	822778	881083	1
C7orf20	NA	NA	NA	7	882717	902597	1
ADAP1	90265_at	0,019318137	0,329704013	7	904066	960811	-1
GPR146	NA	NA	NA	7	1063667	1065423	1
UNCX	NA	NA	NA	7	1239180	1243139	1
MICALL2	219332_at	0,244582607	0,169991346	7	1440521	1465635	-1
INTS1	212212_s_at	0,053466874	-0,542794505	7	1476439	1513199	-1
TMEM184A	NA	NA	NA	7	1548397	1562592	-1
PSMG3	NA	NA	NA	7	1573494	1576155	-1
GRIFIN	NA	NA	NA	7	2481298	2523910	-1
LFNG	215270_at	0,495305205	0,062751776	7	2526005	2535337	1
AMZ1	NA	NA	NA	7	2685689	2721595	1
GNA12	221737_at	0,23656004	-0,22096462	7	2734265	2850485	-1
CARD11	NA	NA	NA	7	2912295	3050105	-1
SDK1	NA	NA	NA	7	3307606	4275158	1

RADIL	208271_at	0,507985626	0,078837387	7	4805266	4889861	-1
PAPOLB	NA	NA	NA	7	4863895	4868151	-1
MMD2	NA	NA	NA	7	4912146	4965370	-1
LOC389458	NA	NA	NA	7	5078258	5079380	1
SLC29A4	NA	NA	NA	7	5289087	5310230	1
FSCN1	201564_s_at	0,365289272	0,120682249	7	5598980	5612812	1
OCM	207944_at	0,470097446	0,113010313	7	5886955	5892520	1
RSPH10B	NA	NA	NA	7	5932303	5976840	-1
CYTH3	206523_at	0,702078903	0,042960411	7	6167935	6278767	-1
ZDHHC4	220261_s_at	0,706054575	0,160318471	7	6584664	6595505	1
C7orf26	47083_at	0,011870908	-0,568972881	7	6596440	6614880	1
RSPH10B2	NA	NA	NA	7	6760265	6804921	1
C1GALT1	219439_at	0,829390164	0,055483602	7	7240414	7250506	1
COL28A1	NA	NA	NA	7	7364769	7541985	-1
RPA3	209507_at	0,060180175	-0,819681699	7	7643100	7724763	-1
NXPH1	NA	NA	NA	7	8440110	8759118	1
THSD7A	213894_at	0,53886305	0,09126939	7	11380695	11838349	-1
SCIN	222272_x_at	0,909193323	-0,015923726	7	12595673	12659752	1
TMEM195	NA	NA	NA	7	15206468	15568165	-1
hCG_1745121	NA	NA	NA	7	16097786	16427472	-1
AGR3	NA	NA	NA	7	16865555	16888138	-1
TWIST1	213943_at	0,303350487	0,381135666	7	19121616	19123820	-1
FERD3L	NA	NA	NA	7	19150930	19151569	-1
TMEM196	NA	NA	NA	7	19725463	19779541	-1
SP8	NA	NA	NA	7	20788426	20793030	-1
DNAH11	NA	NA	NA	7	21549358	21907982	1
RAPGEF5	204681_s_at	0,292154614	-1,281456086	7	22124433	22363058	-1
IL6	205207_at	0,818504948	-0,031604992	7	22733343	22738145	1
GPNMB	201141_at	0,196284515	0,79985237	7	23252841	23281254	1
C7orf46	NA	NA	NA	7	23686347	23708793	1
STK31	NA	NA	NA	7	23716416	23838659	1
DFNA5	203695_s_at	0,233130818	-0,281724863	7	24704499	24764164	-1
HOXA2	214457_at	0,818625211	0,02487914	7	27106498	27108919	-1

HOXA9	214651_s_at	0,335751861	-0,129648291	7	27168582	27171674	-1
HOXA11	213823_at	0,225516004	0,217889716	7	27187301	27191360	-1
HOXA13	NA	NA	NA	7	27203024	27206250	-1
EVX1	207914_x_at	0,220679275	0,335997551	7	27248689	27252717	1
KIAA0644	NA	NA	NA	7	28959499	28964554	-1
CPVL	208146_s_at	0,855190593	0,025758267	7	29001772	29152678	-1
CHN2	211419_s_at	0,221169768	-0,342304563	7	29200646	29520469	1
PRR15	NA	NA	NA	7	29569952	29573436	1
WIPF3	NA	NA	NA	7	29840866	29912316	1
C7orf41	NA	NA	NA	7	30141077	30168906	1
CRHR2	211510_s_at	0,452976257	0,077186447	7	30659388	30688665	-1
INMT	NA	NA	NA	7	30758276	30763743	1
C7orf67	NA	NA	NA	7	30777558	30898527	1
AQP1	209047_at	0,28424709	0,157364376	7	30917993	30931656	1
GHRHR	211544_s_at	0,489474833	0,102650674	7	30970161	30985668	1
ADCYAP1R1	207151_at	0,17820976	0,185967061	7	31058667	31112836	1
NEUROD6	220045_at	0,340538606	0,148624344	7	31343604	31347063	-1
CCDC129	NA	NA	NA	7	31523503	31659828	1
C7orf16	220231_at	0,637531348	0,062930939	7	31693372	31714594	1
PDE1C	207303_at	0,427517598	0,119988803	7	31795772	32077516	-1
FKBP9	212169_at	0,497093605	0,180532474	7	32963577	33013067	1
RP9	NA	NA	NA	7	33100934	33115527	-1
BMPER	NA	NA	NA	7	33911048	34162009	1
DPY19L1	212792_at	0,035060205	1,104963178	7	34935018	35044178	-1
TBX20	NA	NA	NA	7	35208567	35259767	-1
AOAH	205639_at	0,818625211	-0,035098316	7	36519134	36730550	-1
ELMO1	204513_s_at	0,019766531	-0,82843101	7	36860486	37455036	-1
TXNDC3	220384_at	0,872285623	-0,03059737	7	37854724	37906528	1
SFRP4	204052_s_at	0,850901159	0,026792081	7	37912068	37922902	-1
EPDR1	NA	NA	NA	7	37926688	37958068	1
TARP	215806_x_at	0,22610668	0,184550978	7	38265769	38279773	-1
AMPH	205257_s_at	0,203907844	0,199671869	7	38389830	38637545	-1
FAM183B	NA	NA	NA	7	38691469	38693162	-1

VPS41	210849_s_at	0,640297152	-0,163079833	7	38730068	38915325	-1
POU6F2	207450_s_at	0,157701579	0,214996287	7	39012933	39470915	1
INHBA	210511_s_at	0,480887919	0,12718497	7	41695126	41709231	-1
GLI3	205201_at	0,45981026	0,097627927	7	41967072	42243137	-1
BLVRA	203773_x_at	8,36E-05	2,081121052	7	43764797	43813466	1
SPDYE1	NA	NA	NA	7	44007014	44016248	1
PGAM2	205736_at	0,961953689	-0,010213678	7	44068851	44071688	-1
AEBP1	201792_at	0,705396014	-0,255229801	7	44110485	44120684	1
MYL7	219942_at	0,186984034	0,192216232	7	44144988	44147441	-1
GCK	211167_s_at	0,378434898	0,143196754	7	44150395	44195563	-1
CAMK2B	213276_at	0,22943547	0,191987539	7	44225416	44331749	-1
RPL32P18	NA	NA	NA	7	44473967	44475105	1
NPC1L1	220106_at	0,644234103	0,067361229	7	44518659	44547439	-1
RAMP3	205326_at	0,320970769	0,123905537	7	45163892	45190374	1
ADCY1	215348_at	0,179001246	0,203223596	7	45580646	45729237	1
IGFBP1	205302_at	0,80587757	0,027780387	7	45894484	45899792	1
TNS3	217853_at	0,176367285	0,622886645	7	47281277	47545724	-1
PKD1L1	NA	NA	NA	7	47780815	47954562	-1
SUNC1	NA	NA	NA	7	47993270	48035241	-1
C7orf57	NA	NA	NA	7	48041642	48067418	1
UPP1	203234_at	0,945887594	0,031860982	7	48094880	48114855	1
ABCA13	NA	NA	NA	7	48208389	48657637	1
ZPBP	207021_at	0,347297975	0,167568731	7	49947585	50103372	-1
IKZF1	205039_s_at	0,343322554	-0,489519689	7	50411725	50440293	1
DDC	214347_s_at	0,341919833	0,167538214	7	50493628	50600648	-1
COBL	213050_at	0,638341246	0,055690229	7	51051404	51351990	-1
EGFR	201984_s_at	0,203363711	0,156990486	7	55054219	55242525	1
Sep 14	NA	NA	NA	7	55828731	55897976	-1
ZNF713	NA	NA	NA	7	55947825	55975927	1
PHKG1	207312_at	0,367607088	0,095944417	7	56116169	56128183	-1
ZNF479	NA	NA	NA	7	57191263	57211513	-1
ZNF138	NA	NA	NA	7	63892241	63931140	1
ZNF273	215239_x_at	0,116334742	-0,545487009	7	64001055	64029390	1

ZNF117	207117_at	0,358074942	0,113736479	7	64072265	64088849	-1
ERV3	NA	NA	NA	7	64088169	64090997	-1
ZNF92	NA	NA	NA	7	64476203	64503433	1
GUSB	202605_at	0,080557568	1,117625453	7	65063106	65084681	-1
TPST1	204140_at	0,05441915	0,573682528	7	65307750	65462865	1
NCRNA00174	NA	NA	NA	7	65478479	65502830	-1
WBSCR17	NA	NA	NA	7	70235725	70816519	1
CALN1	NA	NA	NA	7	70882412	71515296	-1
TRIM74	NA	NA	NA	7	72067952	72077933	-1
TRIM50	NA	NA	NA	7	72364471	72380021	-1
FKBP6	206763_at	0,146698344	0,194911792	7	72380236	72410577	1
MLXIPL	221163_s_at	0,226579491	0,207086872	7	72645460	72676806	-1
VPS37D	NA	NA	NA	7	72720110	72724376	1
CLDN3	203954_x_at	0,06261598	0,407481319	7	72821263	72822512	-1
CLDN4	201428_at	0,153849747	0,277482189	7	72883129	72884951	1
WBSCR27	NA	NA	NA	7	72886856	72894791	-1
WBSCR28	NA	NA	NA	7	72913425	72918159	1
ELN	216269_s_at	0,464686438	0,149880425	7	73080363	73122173	1
LIMK1	204357_s_at	0,252608628	-0,502097749	7	73136092	73174790	1
CLIP2	211031_s_at	0,911367279	0,026539951	7	73341741	73458209	1
GTF2IRD1	218412_s_at	0,996982973	0,002902879	7	73506056	73654853	1
GTF2IRD2B	NA	NA	NA	7	74146283	74203559	1
TRIM73	NA	NA	NA	7	74862839	74872824	1
POM121C	NA	NA	NA	7	74884001	74953504	-1
SPDYE5	NA	NA	NA	7	74962235	74971564	1
CCL26	NA	NA	NA	7	75236778	75257000	-1
CCL24	221463_at	0,884440227	0,026124942	7	75279050	75280969	-1
POR	208928_at	0,853870053	0,086525879	7	75382356	75454109	1
TMEM120A	NA	NA	NA	7	75454243	75461889	-1
SRCRB4D	NA	NA	NA	7	75856582	75876948	-1
ZP3	NA	NA	NA	7	75864804	75909324	1
UPK3B	206658_at	0,908846729	-0,017604506	7	75977681	75982704	1
FGL2	204834_at	0,934791162	-0,013725578	7	76660624	76667086	-1

PION	213142_x_at	0,088310201	0,645757787	7	76778004	76883653	-1
PHTF2	209780_at	0,122263227	-1,093764868	7	77307433	77424475	1
MAGI2	207702_s_at	0,201589776	0,268897563	7	77484310	78920826	-1
GNAT3	216590_at	0,666616145	0,04267114	7	79925923	79979178	-1
HGF	210998_s_at	0,252791124	0,652685101	7	81169380	81237388	-1
CACNA2D1	207050_at	0,785972754	0,025762442	7	81417354	81910967	-1
PCLO	213558_at	0,332862852	0,14530625	7	82225378	82630133	-1
SEMA3A	206805_at	0,312625298	0,191742001	7	83425595	83662153	-1
KIAA1324L	NA	NA	NA	7	86347174	86507467	-1
ABCB4	209994_s_at	0,492782429	0,127393424	7	86869297	86942955	-1
ABCB1	209993_at	0,73890138	0,049450236	7	86970884	87180500	-1
RUNDC3B	215321_at	0,869215529	0,023067468	7	87095665	87297691	1
ZNF804B	NA	NA	NA	7	88226689	88804282	1
C7orf62	NA	NA	NA	7	88261357	88262967	-1
STEAP2	NA	NA	NA	7	89678936	89704928	1
ERVWE1	NA	NA	NA	7	91935631	91938674	-1
SAMD9	219691_at	0,178469987	0,618802635	7	92566767	92585258	-1
COL1A2	202404_s_at	0,881684369	0,015950466	7	93861809	93898480	1
PON1	206345_s_at	0,454041122	0,118711187	7	94764924	94791780	-1
PON3	213695_at	0,583497608	-0,083699981	7	94827120	94863623	-1
PON2	210830_s_at	0,010784337	0,708636926	7	94872110	94902320	-1
PDK4	205960_at	0,795618116	0,029398596	7	95050745	95063861	-1
DYNC111	205348_s_at	0,179684785	0,209398937	7	95239838	95565660	1
DLX6	221289_at	0,68859583	0,063478876	7	96473226	96478288	1
DLX5	213707_s_at	0,803293471	-0,034953648	7	96487638	96492079	-1
TAC1	206552_s_at	0,958800069	0,006328094	7	97199311	97207720	1
OCM2	NA	NA	NA	7	97451948	97457352	-1
ARPC1B	201954_at	0,049451346	-0,771366472	7	98810265	98830360	1
CYP3A4	208367_x_at	0,23098814	0,195968838	7	99192540	99219744	-1
CYP3A43	207773_x_at	0,634001185	-0,073336363	7	99263572	99302109	1
OR2AE1	NA	NA	NA	7	99311621	99312592	-1
GJC3	NA	NA	NA	7	99359104	99365179	-1
AZGP1	209309_at	0,774921052	-0,047026765	7	99402286	99411623	-1

GAL3ST4	219815_at	0,484926365	0,085246018	7	99594801	99604309	-1
GPC2	NA	NA	NA	7	99605165	99612926	-1
STAG3	219753_at	0,322618021	-1,380810077	7	99613474	99649946	1
SPDYE3	NA	NA	NA	7	99750000	99756695	1
C7orf61	NA	NA	NA	7	99892174	99899830	-1
AGFG2	206821_x_at	0,238332362	0,185806587	7	99974770	100003779	1
PCOLCE	202465_at	0,498872859	0,155933948	7	100037818	100043734	1
TFR2	210215_at	0,239000475	-0,759509568	7	100055975	100077109	-1
ACTL6B	216978_x_at	0,701261647	-0,035678413	7	100078664	100091986	-1
EPO	207257_at	0,131271621	0,307908028	7	100156359	100159259	1
ZAN	NA	NA	NA	7	100169185	100233355	1
EPHB4	216680_s_at	0,717171801	0,065461229	7	100238123	100263079	-1
SLC12A9	220371_s_at	0,809643131	0,06887662	7	100288294	100302569	1
ACHE	205378_s_at	0,701342063	0,052052577	7	100325551	100331477	-1
MUC17	NA	NA	NA	7	100450084	100488860	1
SERPINE1	202628_s_at	0,311684438	0,136777679	7	100557172	100569026	1
AP1S1	209635_at	0,147766423	-0,402240642	7	100584406	100591277	1
VGF	205586_x_at	0,211892344	0,32281219	7	100592517	100595572	-1
C7orf52	NA	NA	NA	7	100600498	100610277	-1
MOGAT3	NA	NA	NA	7	100625730	100631022	-1
EMID2	NA	NA	NA	7	100792842	100989024	1
MYL10	221660_at	0,186231612	0,206756986	7	101043475	101059118	-1
SPDYE2	NA	NA	NA	7	101983352	101989855	1
LRRC17	205381_at	0,341708574	0,12014995	7	102340688	102372632	1
NF-E4	NA	NA	NA	7	102401120	102406350	1
SLC26A5	NA	NA	NA	7	102780413	102873834	-1
LHFPL3	NA	NA	NA	7	103756340	104336241	1
ATXN7L1	214343_s_at	0,496071379	0,109325601	7	105188055	105304264	-1
FLJ23834	NA	NA	NA	7	105390921	105461454	1
FLJ36031	NA	NA	NA	7	106086385	106088827	-1
SLC26A4	206529_x_at	0,649537981	0,042938787	7	107088316	107145490	1
SLC26A3	215657_at	0,819534276	0,027884751	7	107193153	107230873	-1
LAMB1	211651_s_at	0,33230761	0,112737854	7	107351499	107431040	-1

NRCAM	216959_x_at	0,147775122	0,291644942	7	107575318	107884062	-1
C7orf66	NA	NA	NA	7	108311274	108311873	-1
GPR85	219898_at	0,617042739	-0,050720211	7	112507704	112515069	-1
WNT2	205648_at	0,276508499	0,23515228	7	116704518	116750579	-1
ASZ1	NA	NA	NA	7	116790512	116854779	-1
ANKRD7	206112_at	0,782929767	-0,038935322	7	117651953	117669982	1
TSPAN12	219274_at	0,28345138	0,110999556	7	120214610	120285413	-1
C7orf58	220032_at	0,838123288	0,028855926	7	120415987	120724734	1
WNT16	221113_s_at	0,569882481	0,097034839	7	120752657	120768394	1
RPL18P4	NA	NA	NA	7	120868124	120951744	-1
PTPRZ1	204469_at	0,742500124	0,034518391	7	121300395	121489326	1
RNF148	NA	NA	NA	7	122128956	122130257	-1
SLC13A1	220503_at	0,813013874	-0,025024962	7	122540824	122627261	-1
ASB15	NA	NA	NA	7	123036348	123065168	1
LMOD2	NA	NA	NA	7	123083097	123091383	1
HYAL4	220249_at	0,180007614	0,225366522	7	123272459	123304768	1
SPAM1	210536_s_at	0,449289232	0,093274419	7	123352565	123398700	1
hCG_1651160	NA	NA	NA	7	123903661	123904245	1
POT1	204353_s_at	0,581243396	0,21666764	7	124249676	124357273	-1
GRM8	216256_at	0,725439615	-0,07021781	7	125865895	126670548	-1
PAX4	211176_s_at	0,48551418	-0,120327519	7	127037582	127043016	-1
LRRC4	NA	NA	NA	7	127454360	127458238	-1
LEP	207092_at	0,292236759	0,135627055	7	127668567	127684917	1
FAM71F2	NA	NA	NA	7	128099582	128110611	1
FAM71F1	NA	NA	NA	7	128142679	128159033	1
FLNC	207876_s_at	0,470620217	0,116327261	7	128257719	128286572	1
SMO	218629_at	0,439451054	0,115453514	7	128615949	128640622	1
CPA4	NA	NA	NA	7	129720230	129751250	1
CPA5	NA	NA	NA	7	129771921	129795807	1
CPA1	205615_at	0,614821582	0,057776269	7	129807591	129815185	1
TSGA14	215637_at	0,405229954	0,082072392	7	129823611	129868090	-1
MEST	202016_at	0,782127192	-0,386291717	7	129913282	129933369	1
TSGA13	NA	NA	NA	7	130004026	130021946	-1

KLF14	NA	NA	NA	7	130068018	130069400	-1
PLXNA4	NA	NA	NA	7	131458631	131911863	-1
LRGUK	NA	NA	NA	7	133462645	133599473	1
AKR1B10	206561_s_at	0,471770039	0,084016927	7	133862939	133876700	1
tcag7.1260	NA	NA	NA	7	133900773	133914841	1
STRA8	NA	NA	NA	7	134567271	134593784	1
RPL15P11	NA	NA	NA	7	134995327	134995941	1
SLC13A4	219824_at	0,984895062	-0,003656077	7	135016525	135063473	-1
FAM180A	NA	NA	NA	7	135064895	135083987	-1
CHRM2	221330_at	0,590379722	0,146985067	7	136203939	136352311	1
PTN	209466_x_at	0,083399347	0,195125497	7	136562628	136679086	-1
DGKI	NA	NA	NA	7	136724925	137182149	-1
ATP6V0A4	220197_at	0,512474592	0,087232866	7	138041579	138133481	-1
TMEM213	NA	NA	NA	7	138133279	138141309	1
KIAA1549	NA	NA	NA	7	138166666	138255110	-1
ZC3HAV1L	NA	NA	NA	7	138360992	138371315	-1
UBN2	NA	NA	NA	7	138566991	138643522	1
KLRG2	NA	NA	NA	7	138788628	138818997	-1
CLEC2L	NA	NA	NA	7	138872371	138879628	1
HIPK2	213763_at	0,003192971	0,552621977	7	138907915	138967017	-1
TBXAS1	208130_s_at	0,387014423	0,12212436	7	139175421	139366471	1
JHDM1D	221778_at	0,079252072	0,829144859	7	139431015	139523210	-1
DENND2A	221885_at	0,209502779	0,237573032	7	139864689	139948811	-1
KIAA1147	NA	NA	NA	7	141002997	141048422	-1
WEE2	NA	NA	NA	7	141054622	141077540	1
TAS2R3	221456_at	0,171910004	0,173009375	7	141110366	141111466	1
TAS2R4	221392_at	0,80791244	0,0317461	7	141124758	141125657	1
LOC136242	NA	NA	NA	7	141182555	141187690	-1
OR9A4	NA	NA	NA	7	141265145	141266089	1
CLEC5A	219890_at	0,290074965	0,115438355	7	141273626	141293252	-1
TAS2R38	NA	NA	NA	7	141318900	141320042	-1
MGAM	206522_at	0,361759325	0,12246738	7	141342148	141453016	1
TRYX3	NA	NA	NA	7	141598441	141604347	-1

PRSS1	205869_at	0,201940365	0,318790096	7	142136904	142140495	1
PRSS2	215395_x_at	0,576736102	0,096509843	7	142178778	142182363	1
EPHB6	204718_at	0,902417401	-0,027545437	7	142262914	142278969	1
TRPV6	206827_s_at	0,122868498	0,242552935	7	142279082	142293599	-1
TRPV5	208267_at	0,237215572	0,163816884	7	142315770	142340942	-1
C7orf34	NA	NA	NA	7	142346721	142348077	1
KEL	206077_at	0,490032233	0,068504873	7	142348323	142369625	-1
OR9A2	NA	NA	NA	7	142433409	142434341	-1
PIP	206509_at	0,259054354	0,123650854	7	142539296	142546956	1
TAS2R39	NA	NA	NA	7	142590634	142591650	1
TAS2R40	NA	NA	NA	7	142629294	142630265	1
TMEM139	NA	NA	NA	7	142692185	142695263	1
CLCN1	208437_at	0,870905142	-0,032889855	7	142723341	142759219	1
FAM131B	205368_at	0,79985072	0,037097307	7	142760615	142769967	-1
TAS2R41	NA	NA	NA	7	142885088	142886011	1
LOC441294	214355_x_at	0,084496136	0,274224018	7	142979012	142981366	1
CTAGE6	NA	NA	NA	7	143083115	143085776	-1
FAM115A	210529_s_at	0,051159254	0,455800103	7	143180982	143230105	-1
OR2F2	217302_at	0,203217791	0,194619366	7	143263259	143264212	1
OR2F1	208526_at	0,802311635	0,036739089	7	143287953	143289041	1
OR6B1	NA	NA	NA	7	143332023	143332958	1
OR2A5	NA	NA	NA	7	143378428	143379363	1
OR2A25	NA	NA	NA	7	143402246	143403178	1
OR2A12	NA	NA	NA	7	143423134	143424066	1
OR2A2	NA	NA	NA	7	143437609	143438565	1
OR2A14	NA	NA	NA	7	143457139	143458071	1
ARHGEF5L	NA	NA	NA	7	143514610	143523669	-1
OR2A42	NA	NA	NA	7	143559937	143560851	-1
OR2A7	NA	NA	NA	7	143586722	143587654	-1
ARHGEF5	204765_at	0,752705022	0,05175387	7	143683422	143708658	1
NOBOX	NA	NA	NA	7	143726972	143738253	-1
TPK1	221218_s_at	0,140827614	0,742042352	7	143779967	144164079	-1
tcag7.926	NA	NA	NA	7	144333895	144339029	1

C7orf33	NA	NA	NA	7	147918590	147943885	1
ZNF783	NA	NA	NA	7	148590195	148613015	1
ZNF777	NA	NA	NA	7	148759387	148788986	-1
ZNF767	NA	NA	NA	7	148875178	148952751	-1
ZNF467	214746_s_at	0,004766743	0,426261	7	149092385	149101228	-1
SSPO	NA	NA	NA	7	149104064	149161987	1
RARRES2	209496_at	0,671822397	0,06195853	7	149666351	149669639	-1
GIMAP8	NA	NA	NA	7	149778895	149807416	1
GIMAP7	NA	NA	NA	7	149842878	149849094	1
GIMAP4	219243_at	0,803138711	0,037580146	7	149895391	149901974	1
GIMAP6	219777_at	0,829925658	0,024855392	7	149953396	149960374	-1
GIMAP1	NA	NA	NA	7	150044631	150049186	1
GIMAP5	64064_at	0,133237068	0,255786386	7	150065384	150071669	1
TMEM176B	220532_s_at	0,523456648	0,084606807	7	150119308	150129381	-1
TMEM176A	218345_at	0,520029947	0,160135957	7	150128787	150133141	1
ABP1	203559_s_at	0,659077223	-0,050856334	7	150180506	150189312	1
KCNH2	205262_at	0,375209213	-0,365994182	7	150272982	150305947	-1
NOS3	205581_s_at	0,339873685	0,217259805	7	150319080	150342609	1
ACCN3	207561_s_at	0,394622704	0,107605949	7	150376885	150380774	1
GBX1	217011_at	0,912563107	0,021866379	7	150476609	150495800	-1
ASB10	NA	NA	NA	7	150503718	150515411	-1
SMARCD3	204099_at	0,567348245	-0,496092158	7	150566992	150605164	-1
NUB1	NA	NA	NA	7	150669791	150706468	1
WDR86	NA	NA	NA	7	150709140	150738057	-1
CRYGN	NA	NA	NA	7	150757989	150768032	-1
GALNT11	219013_at	0,049181886	1,521497911	7	151353711	151450360	1
DPP6	207789_s_at	0,187677551	0,216153223	7	153380710	153894933	1
HTR5A	221362_at	0,409745781	0,218931433	7	154493479	154508392	1
EN2	207060_at	0,952742105	-0,010775838	7	154943585	154950287	1
CNPY1	NA	NA	NA	7	154986714	155019300	-1
PTPRN2	211534_x_at	0,179729936	0,203303397	7	157024516	158073179	-1
WDR60	219251_s_at	0,248415849	0,328812784	7	158342030	158431644	1
VIPR2	205946_at	0,240198047	0,21583816	7	158513627	158630410	-1

OR4F21	NA	NA	NA	8	106086	107024	-1
C8orf42	NA	NA	NA	8	431646	485331	-1
DLGAP2	210227_at	0,164644302	0,207627309	8	1436976	1644049	1
ARHGEF10	216620_s_at	0,38562246	0,110353463	8	1759556	1894214	1
XKR5	NA	NA	NA	8	6653448	6680447	-1
DEFB1	210397_at	0,548751677	0,14241015	8	6715507	6722939	-1
DEFA6	207814_at	0,996550206	0,000884964	8	6769629	6771008	-1
DEFA4	207269_at	0,355873172	0,173289103	8	6780755	6783196	-1
DEFA1	205033_s_at	0,967921754	0,005066087	8	6822574	6838481	-1
LOC728358	NA	NA	NA	8	6841698	6844134	-1
DEFA3	NA	NA	NA	8	6860805	6863226	-1
DEFA5	207529_at	0,302605584	0,164757147	8	6900239	6901669	-1
DEFB103A	NA	NA	NA	8	7273901	7275280	-1
DEFB104B	NA	NA	NA	8	7315240	7320014	-1
DEFB106B	NA	NA	NA	8	7327436	7331319	-1
DEFB105B	NA	NA	NA	8	7332653	7334483	1
DEFB107B	NA	NA	NA	8	7340778	7354243	1
DEFB107A	NA	NA	NA	8	7706652	7710648	-1
DEFB105A	NA	NA	NA	8	7716940	7718770	-1
DEFB106A	NA	NA	NA	8	7720104	7723985	1
DEFB104A	NA	NA	NA	8	7731403	7736174	1
SPAG11A	NA	NA	NA	8	7742812	7758729	1
DEFB103B	NA	NA	NA	8	7776136	7777596	1
UNQ9391	NA	NA	NA	8	10420491	10433738	1
RP1L1	NA	NA	NA	8	10501269	10550027	-1
C8orf74	NA	NA	NA	8	10567557	10595513	1
SOX7	NA	NA	NA	8	10618688	10625432	-1
MTMR9	213278_at	0,174779117	-0,561708766	8	11179410	11223065	1
GATA4	205517_at	0,79978351	0,030545674	8	11599162	11654918	1
DEFB136	NA	NA	NA	8	11868855	11869517	-1
DEFB135	NA	NA	NA	8	11877239	11879508	1
DEFB134	NA	NA	NA	8	11888898	11891169	-1
ZNF705D	NA	NA	NA	8	11984256	12010434	1

DEFB130	NA	NA	NA	8	12212843	12220196	-1
LONRF1	215322_at	0,713334976	-0,056657026	8	12623777	12657363	-1
C8orf79	214796_at	0,681130937	0,050666163	8	12847554	12931657	1
DLC1	220511_s_at	0,187411967	0,207841748	8	12985243	13416766	-1
SGCZ	NA	NA	NA	8	13991744	15140163	-1
TUSC3	209228_x_at	0,196198807	0,591753901	8	15442101	15666366	1
MSR1	208422_at	0,091084857	0,190274713	8	16009758	16094671	-1
FGF20	220394_at	0,780867115	0,050917553	8	16894705	16904045	-1
EFHA2	NA	NA	NA	8	16929119	17024518	1
MTMR7	215793_at	0,952565889	-0,009433209	8	17199910	17315207	-1
SLC7A2	207626_s_at	0,309278272	0,12099167	8	17440665	17472352	1
PDGFRL	205226_at	0,692542248	0,083657991	8	17478986	17544903	1
MTUS1	212095_s_at	0,196406825	0,235180169	8	17545583	17702666	-1
NAT1	214440_at	0,441976645	-0,464562512	8	18111895	18125100	1
SH2D4A	219749_at	0,074229872	0,347937877	8	19215483	19297596	1
CSGALNACT1	219049_at	0,04651975	0,564634784	8	19305952	19584374	-1
SLC18A1	207074_s_at	0,811255097	0,032118137	8	20046652	20084997	-1
LZTS1	47550_at	0,211332837	-0,640008925	8	20147956	20157083	-1
GFRA2	205721_at	0,306777087	0,167997987	8	21593810	21652734	-1
NPM2	NA	NA	NA	8	21938300	21950354	1
FGF17	221376_at	0,145743974	0,226684899	8	21956374	21962266	1
EPB49	204505_s_at	0,47521042	0,101381573	8	21972680	21995982	1
FAM160B2	218337_at	0,346393697	0,263156145	8	22002660	22017836	1
HR	210086_at	0,171430958	0,280182257	8	22027877	22043975	-1
LGI3	NA	NA	NA	8	22060288	22070289	-1
SFTPC	38691_s_at	0,233819429	0,268296484	8	22075129	22077937	1
BMP1	206725_x_at	0,061329004	0,305064125	8	22078835	22114926	1
PHYHIP	205325_at	0,045236027	0,283744173	8	22133161	22145796	-1
PIWIL2	220686_s_at	0,411227916	0,119361572	8	22188796	22269545	1
C8orf58	NA	NA	NA	8	22513067	22517608	1
EGR3	206115_at	0,140335175	-0,178067835	8	22601119	22606760	-1
PEBP4	NA	NA	NA	8	22626710	22841366	-1
TNFRSF10C	206222_at	0,115109664	0,287598796	8	23016379	23030895	1

CHMP7	212313_at	0,19855553	-0,402823861	8	23157114	23175452	1
LOXL2	202998_s_at	0,144177106	-1,33975857	8	23210355	23317667	-1
ENTPD4	204076_at	0,161728482	-0,680049719	8	23346075	23376624	-1
STC1	204595_s_at	0,471710028	0,101161829	8	23755379	23768265	-1
ADAMDEC1	206134_at	0,491116203	0,087350886	8	24297916	24319471	1
ADAM7	211239_s_at	0,155111927	0,18061722	8	24354454	24422171	1
NEFM	205113_at	0,703363629	0,041893361	8	24827179	24832511	1
NEFL	221916_at	0,159247071	0,231262828	8	24864385	24870043	-1
DOCK5	219921_s_at	0,736673741	0,049267326	8	25098204	25326536	1
EBF2	220392_at	0,347128712	0,125199609	8	25757490	25958309	-1
PNMA2	209597_s_at	0,509142279	0,064924674	8	26418113	26427400	-1
ADRA1A	211490_at	0,032819217	0,298486783	8	26661584	26778839	-1
STMN4	221236_s_at	0,648824349	0,079201826	8	27149731	27171820	-1
CHRNA2	207868_at	0,135154593	0,372158358	8	27373195	27392730	-1
CLU	208791_at	0,412047546	0,13075359	8	27510368	27528244	-1
SCARA3	219416_at	0,136636244	0,215151573	8	27547496	27590205	1
SCARA5	NA	NA	NA	8	27783655	27906117	-1
PNOC	205901_at	0,003277584	-1,472555204	8	28230568	28256787	1
PPP2CB	201374_x_at	0,357228451	0,296344498	8	30762668	30789894	-1
TEX15	221448_s_at	0,450897809	0,123609391	8	30808602	30826075	-1
NRG1	206237_s_at	0,350225511	0,172223467	8	31616810	32720313	1
DUSP26	219144_at	0,071577983	0,579240708	8	33568393	33576981	-1
UNC5D	NA	NA	NA	8	35521452	35771722	1
FKSG2	208588_at	0,321913071	-0,14479904	8	36865155	36865986	1
ZNF703	NA	NA	NA	8	37672459	37675554	1
GPR124	65718_at	0,437188338	0,080834092	8	37773932	37820650	1
GOT1L1	NA	NA	NA	8	37910957	37916804	-1
ADRB3	217303_s_at	0,392914561	0,108641486	8	37939673	37943341	-1
EIF4EBP1	221539_at	0,244090682	0,442930964	8	38007177	38037040	1
STAR	204548_at	0,244877577	0,166343732	8	38119375	38127757	-1
C8orf86	NA	NA	NA	8	38487509	38505337	-1
ADAM32	NA	NA	NA	8	39084207	39261593	1
ADAM18	207597_at	0,74105891	0,039668447	8	39561299	39706644	1

ADAM2	207664_at	0,962113316	-0,005750524	8	39720411	39814936	-1
IDO1	210029_at	0,133723947	0,238170208	8	39890485	39905107	1
IDO2	NA	NA	NA	8	39911631	39993067	1
C8orf4	218541_s_at	0,449758072	-0,069931764	8	40130146	40131978	1
ZMAT4	219877_at	0,915757187	0,013905046	8	40507270	40874500	-1
SFRP1	202037_s_at	0,131252932	0,83449609	8	41238635	41286137	-1
NKX6-3	NA	NA	NA	8	41622986	41624035	-1
ANK1	205390_s_at	0,514087811	0,07912926	8	41629901	41774297	-1
PLAT	201860_s_at	0,220714	0,117967826	8	42151393	42184351	-1
DKK4	206619_at	0,243723224	0,213560747	8	42350743	42353831	-1
CHRN3	207859_s_at	0,698454456	0,063880988	8	42671719	42711366	1
CHRNA6	207568_at	0,61627262	-0,136053668	8	42726920	42742776	-1
POTEA	NA	NA	NA	8	43266742	43337485	1
KIAA0146	212523_s_at	0,209869224	-0,316286142	8	48336095	48811028	1
CEBPD	203973_s_at	0,66802997	0,110431959	8	48812029	48813279	-1
C8orf22	NA	NA	NA	8	50147456	50151195	1
PXDNL	NA	NA	NA	8	52394690	52884558	-1
PCMTD1	NA	NA	NA	8	52892700	52936350	-1
FAM150A	NA	NA	NA	8	53609251	53640574	-1
NPBWR1	NA	NA	NA	8	54015021	54016007	1
SOX17	219993_at	0,283184618	0,157048818	8	55533048	55536009	1
MOS	221367_at	0,582526636	0,10373302	8	57188055	57189095	-1
PENK	213791_at	0,867929783	-0,02329201	8	57516070	57521143	-1
FAM110B	221959_at	0,065567048	0,403681127	8	59069667	59224831	1
CYP7A1	207406_at	0,694106886	-0,042205971	8	59565292	59575275	-1
CHD7	218829_s_at	0,259160361	-0,506610353	8	61753893	61942019	1
RLBP1L1	NA	NA	NA	8	62363104	62576758	1
NKAIN3	NA	NA	NA	8	63324055	64066182	1
TTPA	210614_at	0,949443212	-0,012286155	8	64135985	64161166	-1
BHLHE22	NA	NA	NA	8	65655368	65658740	1
CYP7B1	207386_at	0,548753567	0,060785661	8	65671246	65873902	-1
DNAJC5B	NA	NA	NA	8	67096345	67175309	1
CRH	205630_at	0,346059709	0,116032571	8	67251173	67253252	-1

C8orf46	NA	NA	NA	8	67568321	67593294	1
MYBL1	213906_at	0,01360529	-2,464638694	8	67636968	67687729	-1
CPA6	NA	NA	NA	8	68496962	68821134	-1
PREX2	220732_at	0,55254295	0,072473762	8	69027157	69306451	1
C8orf34	NA	NA	NA	8	69512702	69893811	1
PRDM14	220714_at	0,141579596	0,249328933	8	71126575	71146116	-1
TRPA1	217590_s_at	0,36941691	0,122721096	8	73096040	73150373	-1
C8orf84	214725_at	0,994991547	0,000755954	8	74141808	74168061	-1
JPH1	NA	NA	NA	8	75309493	75396117	-1
PI15	207938_at	0,562984887	0,090360713	8	75899327	75929819	1
ZFHX4	219779_at	0,220932264	0,120020766	8	77756070	77942076	1
STMN2	203000_at	0,292169407	0,146380114	8	80685935	80739792	1
RPSAP47	NA	NA	NA	8	81633557	81634622	1
ZNF704	NA	NA	NA	8	81713324	81949571	-1
PAG1	NA	NA	NA	8	82042600	82186858	-1
FABP12	NA	NA	NA	8	82599836	82606105	-1
IMPA1	203011_at	0,821050042	0,070756239	8	82732751	82761115	-1
SLC10A5	NA	NA	NA	8	82768446	82769762	-1
CHMP4C	NA	NA	NA	8	82807243	82834305	1
CA1	205950_s_at	0,290454175	0,174624281	8	86427709	86477594	-1
CA3	204865_at	0,450125813	0,065609127	8	86537710	86548526	1
CA2	209301_at	0,010583501	1,81912969	8	86563383	86580973	1
REXO1L1	NA	NA	NA	8	86755947	86762978	-1
PSKH2	NA	NA	NA	8	87129807	87150967	-1
SLC7A13	NA	NA	NA	8	87295404	87311720	-1
CNGB3	220304_s_at	0,596143887	0,047403049	8	87655277	87825017	-1
CNBD1	NA	NA	NA	8	87947792	88464071	1
WDR21C	NA	NA	NA	8	88952095	88955412	-1
OSGIN2	204024_at	0,753850584	0,032594869	8	90983269	91009271	1
CALB1	205625_s_at	0,618890222	0,065002664	8	91140014	91164283	-1
NECAB1	NA	NA	NA	8	91872954	92040806	1
SLC26A7	NA	NA	NA	8	92330692	92479554	1
TMEM67	NA	NA	NA	8	94836321	94898323	1

CDH17	209847_at	0,482932909	0,077208021	8	95208566	95289986	-1
ESRP1	219121_s_at	0,024036715	0,354124382	8	95722576	95788870	1
SDC2	212154_at	0,080701148	0,287169072	8	97575058	97693213	1
PGCP	208454_s_at	0,279278586	0,198821643	8	97726675	98224900	1
TSPYL5	213122_at	0,002978712	3,05919382	8	98354890	98359352	-1
LAPTM4B	208767_s_at	0,107555308	0,821108033	8	98856985	98934006	1
KCNS2	NA	NA	NA	8	99508426	99512201	1
RGS22	NA	NA	NA	8	101042452	101187520	-1
SNX31	NA	NA	NA	8	101654299	101731069	-1
ODF1	214485_at	0,972350066	-0,005852636	8	103633036	103642422	1
BAALC	218899_s_at	0,496139964	0,076195365	8	104222097	104311709	1
RIMS2	206137_at	0,96456407	0,009135218	8	104582152	105334627	1
TM7SF4	221266_s_at	0,226184867	0,171003281	8	105421230	105438092	1
DPYS	207751_at	0,406575395	0,116720177	8	105460829	105548453	-1
RSPO2	NA	NA	NA	8	108980721	109164742	-1
TMEM74	NA	NA	NA	8	109864522	109868946	-1
TRHR	211438_at	0,634723696	-0,08188382	8	110168900	110200989	1
PKHD1L1	NA	NA	NA	8	110443882	110612676	1
KCNV1	220294_at	0,818565335	0,026218637	8	111048409	111056135	-1
C8orf85	NA	NA	NA	8	118019664	118024403	1
SLC30A8	NA	NA	NA	8	118216518	118258134	1
TNFRSF11B	204933_s_at	0,24744416	-0,148812356	8	120004977	120033564	-1
MAL2	NA	NA	NA	8	120289791	120327094	1
NOV	214321_at	0,425600821	0,088850539	8	120497882	120505776	1
COL14A1	216866_s_at	0,561942661	0,061488108	8	121206533	121453454	1
FAM83A	NA	NA	NA	8	124263933	124291499	1
KLHL38	NA	NA	NA	8	124727096	124734371	-1
FER1L6	NA	NA	NA	8	124933408	125201483	1
MTSS1	210359_at	0,304350379	0,101267889	8	125632206	125809911	-1
GSDMC	NA	NA	NA	8	130829624	130868316	-1
ASAP1	221039_s_at	0,735585456	-0,196510185	8	131133535	131483399	-1
ADCY8	206811_at	0,39069082	0,082771152	8	131861729	132123854	-1
EFR3A	212149_at	0,872435279	0,172665179	8	132985541	133094956	1

OC90	NA	NA	NA	8	133105910	133131298	-1
KCNQ3	206573_at	0,801509783	0,034829226	8	133210438	133562186	-1
LRRC6	206483_at	0,361260138	0,118931493	8	133653629	133756995	-1
TMEM71	NA	NA	NA	8	133791376	133842010	-1
TG	203673_at	0,41397703	0,10718267	8	133948387	134216325	1
WISP1	211312_s_at	0,149285538	0,234073904	8	134272494	134310753	1
KHDRBS3	209781_s_at	0,318883541	0,549109382	8	136538898	136729031	1
FAM135B	NA	NA	NA	8	139211448	139578247	-1
COL22A1	NA	NA	NA	8	139669660	139995418	-1
KCNK9	NA	NA	NA	8	140693986	140784481	-1
SLC45A4	NA	NA	NA	8	142290052	142307855	-1
GPR20	214510_at	0,384176436	0,118250349	8	142435767	142446547	-1
PTP4A3	209695_at	0,1969648	0,267002432	8	142501189	142510802	1
FLJ43860	NA	NA	NA	8	142513111	142586512	-1
BAI1	206083_at	0,823390358	0,067978766	8	143542379	143623370	1
ARC	210090_at	0,644881426	0,086483639	8	143689412	143692835	-1
PSCA	NA	NA	NA	8	143758877	143761145	1
LY6K	NA	NA	NA	8	143778533	143782613	1
C8orf55	218500_at	0,589272971	0,225951746	8	143805623	143815352	1
SLURP1	214536_at	0,086562509	0,372104592	8	143819364	143820831	-1
LYPD2	NA	NA	NA	8	143828630	143830954	-1
LYNX1	NA	NA	NA	8	143842758	143856641	-1
LY6D	206276_at	0,303225151	0,175162852	8	143863300	143865010	-1
GML	208000_at	0,147798276	0,219896761	8	143913219	143925264	1
CYP11B1	214610_at	0,671028134	0,045380452	8	143950775	143958238	-1
CYP11B2	214630_at	0,854711781	0,041320252	8	143988977	143996261	-1
LY6E	202145_at	0,00100279	2,259714034	8	144171300	144175199	1
C8orf31	NA	NA	NA	8	144192054	144207095	1
LY6H	206773_at	0,251420316	0,201336448	8	144310706	144313116	-1
GPIHBP1	NA	NA	NA	8	144366443	144370418	1
ZFP41	NA	NA	NA	8	144400484	144416250	1
GLI4	NA	NA	NA	8	144420982	144430476	1
TOP1MT	NA	NA	NA	8	144462901	144488425	-1

MAFA	NA	NA	NA	8	144582658	144583719	-1
ZC3H3	213445_at	0,221573108	-0,205546328	8	144590968	144694763	-1
GSDMD	218154_at	0,013854075	0,43326725	8	144711635	144716375	1
C8orf73	NA	NA	NA	8	144719505	144726071	-1
NAPRT1	NA	NA	NA	8	144728098	144731636	-1
ZNF623	NA	NA	NA	8	144789516	144807043	1
MAPK15	NA	NA	NA	8	144870495	144876621	1
FAM83H	NA	NA	NA	8	144878091	144887902	-1
NRBP2	NA	NA	NA	8	144987904	144996188	-1
EPPK1	NA	NA	NA	8	145012206	145019422	-1
SPATC1	NA	NA	NA	8	145158595	145174003	1
OPLAH	222025_s_at	0,268840412	0,194210318	8	145178155	145186959	-1
SHARPIN	220973_s_at	0,217572889	0,18105343	8	145225524	145231128	-1
SCXB	NA	NA	NA	8	145393505	145395033	1
DGAT1	203669_s_at	0,378765871	0,169466733	8	145510762	145521375	-1
SCRT1	221026_s_at	0,910468858	-0,013404253	8	145525262	145530751	-1
ADCK5	NA	NA	NA	8	145568539	145589265	1
SLC39A4	219215_s_at	0,011417737	1,197284748	8	145608606	145613081	-1
PPP1R16A	NA	NA	NA	8	145692917	145698312	1
GPT	206709_x_at	0,292154614	0,294206452	8	145700231	145703357	1
LRRC24	NA	NA	NA	8	145718580	145723216	-1
C8orf82	NA	NA	NA	8	145722411	145725266	-1
KIAA1688	NA	NA	NA	8	145725371	145809699	-1
ZNF16	219548_at	0,959842458	0,008156356	8	146126548	146147078	-1
FOXD4	NA	NA	NA	9	106234	108419	-1
DMRT1	220493_at	0,999751726	7,79E-05	9	831690	959090	1
DMRT3	NA	NA	NA	9	966964	981732	1
VLDLR	209822_s_at	0,374223974	-0,298086914	9	2611793	2644485	1
KCNV2	217522_at	0,504215019	0,116520111	9	2707526	2719757	1
GLIS3	NA	NA	NA	9	3814128	4290035	-1
INSL6	221403_s_at	0,389700845	0,090462266	9	5153863	5175618	-1
INSL4	206549_at	0,283267726	0,122465579	9	5221419	5223967	1
PDCD1LG2	220049_s_at	0,822293039	0,035946129	9	5500570	5560398	1

KIAA1432	NA	NA	NA	9	5646654	5764309	1
MLANA	206427_s_at	0,16047174	0,194917909	9	5880909	5899822	1
IL33	209821_at	0,949697128	0,007494847	9	6231678	6247982	1
TPD52L3	NA	NA	NA	9	6318375	6321900	1
C9orf123	NA	NA	NA	9	7786490	7789799	-1
PTPRD	213362_at	0,203813977	0,212454336	9	8304246	10602509	-1
TYRP1	205694_at	0,15452304	0,133811137	9	12683449	12700258	1
MPDZ	205079_s_at	0,788622878	0,039566856	9	13095703	13240365	-1
CER1	221378_at	0,333459467	0,123160218	9	14709731	14712715	-1
FREM1	NA	NA	NA	9	14727150	14900234	-1
TTC39B	NA	NA	NA	9	15161561	15297244	-1
BNC2	220272_at	0,237215572	0,129005481	9	16399501	16860786	-1
SH3GL2	205751_at	0,904207566	0,015387665	9	17569194	17787122	1
ADAMTSL1	NA	NA	NA	9	18464104	18900948	1
FAM154A	NA	NA	NA	9	18917893	19023184	-1
DENND4C	205684_s_at	0,747259587	0,048703462	9	19280749	19364139	1
ACER2	NA	NA	NA	9	19398925	19442500	1
SLC24A2	220867_s_at	0,385009671	0,146842243	9	19505978	19776926	-1
PTPLAD2	NA	NA	NA	9	20996365	21021635	-1
IFNW1	207817_at	0,959048406	-0,006818378	9	21130631	21132144	-1
IFNA21	211145_x_at	0,968954308	0,006305488	9	21155636	21156619	-1
IFNA4	207964_x_at	0,55938138	0,091228446	9	21176693	21177670	-1
IFNA10	211405_x_at	0,72340803	0,051291643	9	21196180	21197142	-1
IFNA14	208182_x_at	0,431963843	0,134144196	9	21229001	21229990	-1
IFNA5	214569_at	0,742497597	0,054425391	9	21294686	21295255	-1
IFNA6	208548_at	0,641711997	0,047695824	9	21340317	21340886	-1
IFNA13	208344_x_at	0,252863685	0,140258873	9	21357423	21358075	-1
IFNA2	211338_at	0,670350866	-0,050568867	9	21374254	21375396	-1
IFNA1	208375_at	0,065552883	0,31055373	9	21430440	21431315	1
IFNE	NA	NA	NA	9	21470838	21472312	-1
ELAVL2	208427_s_at	0,677537769	0,050020192	9	23680102	23816063	-1
LRRC19	220376_at	0,739596685	0,032092334	9	26983586	26995670	-1
C9orf11	NA	NA	NA	9	27274667	27287137	-1

IFNK	NA	NA	NA	9	27514312	27516496	1
LINGO2	NA	NA	NA	9	27938528	28709303	-1
DDX58	218943_s_at	0,203622877	-0,179369737	9	32445300	32516322	-1
TAF1L	NA	NA	NA	9	32619452	32625667	-1
TMEM215	NA	NA	NA	9	32773497	32779199	1
SPINK4	207214_at	0,556968202	0,07229122	9	33230196	33238565	1
AQP7	206955_at	0,306747665	0,155155619	9	33374948	33392517	-1
C9orf25	NA	NA	NA	9	34388182	34448568	-1
DNAI1	220125_at	0,235626471	0,259240164	9	34448811	34510982	1
ENHO	NA	NA	NA	9	34511040	34513037	-1
CNTFR	205723_at	0,329366023	0,15624272	9	34541431	34579722	-1
CCL19	210072_at	0,880041414	0,018002612	9	34679567	34681274	-1
CCL21	204606_at	0,246867931	0,298429325	9	34699002	34700147	-1
KIAA1045	213636_at	0,281383772	0,159862036	9	34948192	34972541	1
C9orf131	NA	NA	NA	9	35031102	35035988	1
UNC13B	202893_at	0,004803145	1,509953397	9	35151989	35395332	1
RUSC2	213066_at	0,264636062	0,241401874	9	35480124	35551889	1
FAM166B	NA	NA	NA	9	35551946	35553896	-1
TPM2	212654_at	0,13127881	0,450603632	9	35671990	35680053	-1
NPR2	204310_s_at	0,309386912	-0,212423061	9	35782406	35799728	1
OR13J1	NA	NA	NA	9	35859460	35860398	-1
HRCT1	NA	NA	NA	9	35896189	35897138	1
OR2S2	221409_at	0,286577921	0,151409036	9	35947136	35948065	-1
GLIPR2	NA	NA	NA	9	36126742	36153903	1
CCIN	210642_at	0,55760143	0,127340018	9	36159391	36161320	1
FRMPD1	206774_at	0,232194324	0,183512079	9	37641052	37736901	1
SHB	204657_s_at	0,243723224	0,187658827	9	37905895	38059210	-1
IGFBPL1	NA	NA	NA	9	38398991	38414444	-1
FAM75A1	215935_at	0,194452318	0,269514032	9	39345699	39351956	1
FAM75A2	NA	NA	NA	9	39874975	39881210	1
FAM75A3	NA	NA	NA	9	40690291	40696537	1
FAM74A3	NA	NA	NA	9	40705662	40712679	1
ZNF658	NA	NA	NA	9	40761402	40782112	-1

ZNF658B	NA	NA	NA	9	41578833	41582207	-1
FOXD4L2	NA	NA	NA	9	42706728	42710657	1
ANKRD20A3	NA	NA	NA	9	43079968	43123540	-1
FAM75A7	NA	NA	NA	9	65243186	65249430	-1
FOXD4L4	NA	NA	NA	9	69666443	69669551	-1
FOXD4L3	NA	NA	NA	9	70107603	70109820	1
C9orf71	NA	NA	NA	9	70341316	70345603	-1
PRKACG	207228_at	0,213423913	0,168009815	9	70817271	70818828	-1
FXN	205565_s_at	0,003553183	-0,790814906	9	70840164	70878772	1
C9orf61	213900_at	0,260698619	0,237202335	9	71134061	71197188	1
APBA1	206679_at	0,123420572	0,258868435	9	71235022	71477042	-1
C9orf135	NA	NA	NA	9	71625551	71710968	1
MAMDC2	NA	NA	NA	9	71848340	72031708	1
TRPM3	220463_at	0,37560376	0,13291037	9	72339769	72926334	-1
GDA	NA	NA	NA	9	73954113	74056960	1
TMC1	NA	NA	NA	9	74326537	74641087	1
ALDH1A1	212224_at	0,691399399	-0,055181955	9	74705407	74757789	-1
ANXA1	201012_at	0,627703267	0,052670779	9	74956601	74975127	1
TRPM6	221102_s_at	0,702962998	0,063789166	9	76527231	76692830	-1
PCSK5	205559_s_at	0,245147057	0,206493921	9	77695441	77998164	1
FOXB2	NA	NA	NA	9	78824391	78825689	1
GNAQ	202615_at	0,146732106	0,717477079	9	79525009	79836012	-1
CHCHD9	NA	NA	NA	9	81196014	81196775	1
FLJ46321	NA	NA	NA	9	83793507	83799986	1
FRMD3	NA	NA	NA	9	85052120	85343168	-1
C9orf64	NA	NA	NA	9	85743046	85761483	-1
SLC28A3	220475_at	0,615815204	0,083333857	9	86082912	86173233	-1
NTRK2	221796_at	0,093856819	0,313536895	9	86473286	86828325	1
GOLM1	217771_at	0,001365076	1,619224504	9	87830876	87904903	-1
C9orf153	NA	NA	NA	9	88032046	88064339	-1
C9orf170	NA	NA	NA	9	88953379	88964461	1
DAPK1	203139_at	0,262996483	0,929789885	9	89302576	89513369	1
CTSL1	202087_s_at	0,055591889	0,512929462	9	89530794	89536204	1

CTSL3	NA	NA	NA	9	89577650	89591619	1
C9orf79	NA	NA	NA	9	89687592	89693634	1
SPIN1	217813_s_at	0,745028637	-0,180459981	9	90193117	90283443	1
NXNL2	NA	NA	NA	9	90339840	90380524	1
LOC286238	NA	NA	NA	9	90451914	90456895	-1
C9orf47	NA	NA	NA	9	90795663	90800875	1
	NA	NA	NA	9	91166336	91169386	-1
SEMA4D	203528_at	0,66802997	0,209506128	9	91181972	91284431	-1
GADD45G	204121_at	0,084629475	0,380996518	9	91409748	91411290	1
DIRAS2	219619_at	0,818345578	0,024270259	9	92411934	92444928	-1
ROR2	205578_at	0,164612807	0,181923563	9	93524705	93752265	-1
OGN	218730_s_at	0,894244184	0,013068359	9	94186070	94206758	-1
FGD3	NA	NA	NA	9	94749422	94838339	1
C9orf89	NA	NA	NA	9	94898271	94915386	1
NINJ1	203045_at	0,025611067	0,409403346	9	94923592	94936391	-1
WNK2	NA	NA	NA	9	94987033	95122675	1
C9orf129	NA	NA	NA	9	95120302	95148517	-1
PHF2	212726_at	0,819482417	-0,108741982	9	95378730	95481690	1
BARX1	219845_at	0,346059709	0,237709863	9	95753730	95757429	-1
ZNF169	NA	NA	NA	9	96061399	96105112	1
FAM22F	NA	NA	NA	9	96120299	96130747	-1
FBP2	206844_at	0,248557297	0,125733078	9	96360823	96395896	-1
FBP1	209696_at	0,339680111	0,890391853	9	96405236	96441624	-1
SLC35D2	213082_s_at	0,492417459	0,109870642	9	98122809	98185758	-1
HABP4	209818_s_at	0,695011744	0,067601166	9	98252235	98293439	1
CDC14B	216284_at	0,247305427	0,130189337	9	98302216	98421933	-1
C9orf21	NA	NA	NA	9	98443354	98457420	-1
FAM22G	NA	NA	NA	9	98730413	98744393	1
CTSL2	210074_at	0,805704702	-0,1148051	9	98834758	98841360	-1
KIAA1529	NA	NA	NA	9	99040600	99179390	1
TDRD7	213361_at	0,098351185	0,588831733	9	99214123	99298228	1
TMOD1	203661_s_at	0,095674748	0,321102623	9	99326258	99403351	1
FOX E1	206912_at	0,670732805	-0,050675378	9	99655358	99658818	1

CORO2A	205538_at	0,729462618	0,036530722	9	99926294	99994743	-1
TBC1D2	222173_s_at	0,386589609	0,163026603	9	100001139	100057736	-1
GABBR2	217077_s_at	0,122868498	0,301170474	9	100090187	100511300	-1
ANKS6	NA	NA	NA	9	100534112	100598615	-1
COL15A1	203477_at	0,539569333	-0,092403772	9	100745959	100872889	1
TMEFF1	205122_at	0,179001246	1,398957231	9	102275538	102379735	1
MURC	NA	NA	NA	9	102380157	102390001	1
RP11-35N6.1	219732_at	0,34618714	0,182889762	9	102830852	103127238	1
BAAT	206913_at	0,578509895	-0,102264956	9	103162890	103187108	-1
ALDOB	204705_x_at	0,022765596	0,411373359	9	103223479	103237926	-1
C9orf125	213386_at	0,416484071	0,139700998	9	103277429	103289296	-1
CYLC2	207780_at	0,930980326	0,013034648	9	104797484	104820591	1
OR13F1	NA	NA	NA	9	106306365	106307324	1
OR13C4	NA	NA	NA	9	106328355	106329311	-1
OR13C8	NA	NA	NA	9	106371270	106372232	1
OR13C9	NA	NA	NA	9	106419350	106420306	-1
NIPSNAP3B	221104_s_at	0,506798938	-0,133328533	9	106566272	106576112	1
KLF4	220266_s_at	0,187254888	0,166366484	9	109286956	109291576	-1
ACTL7B	220498_at	0,291564894	0,209150333	9	110656692	110658031	-1
ACTL7A	220501_at	0,535497006	0,102967685	9	110664424	110665856	1
C9orf4	NA	NA	NA	9	110939402	110969392	-1
EPB41L4B	220161_s_at	0,159427602	0,613384786	9	110974075	111122842	-1
PTPN3	203997_at	0,270513734	0,147469381	9	111180337	111265557	-1
PALM2	NA	NA	NA	9	111442893	111753577	1
AKAP2	NA	NA	NA	9	111850797	111974613	1
C9orf152	NA	NA	NA	9	112001662	112009735	-1
TXNDC8	NA	NA	NA	9	112105688	112139909	-1
SVEP1	213247_at	0,227077485	0,249437674	9	112167349	112381981	-1
MUSK	207632_at	0,797324929	-0,041852114	9	112470960	112603099	1
LPAR1	204037_at	0,179645258	0,298561577	9	112675875	112840186	-1
OR2K2	NA	NA	NA	9	113129584	113130534	-1
KIAA0368	212427_at	0,218632642	0,351358154	9	113162794	113286846	-1
PTGR1	NA	NA	NA	9	113365073	113401532	-1

C9orf84	NA	NA	NA	9	113488722	113585600	-1
SNX30	NA	NA	NA	9	114552955	114677088	1
SLC46A2	NA	NA	NA	9	114681021	114692866	-1
LOC169834	NA	NA	NA	9	114799221	114814293	-1
SLC31A2	204204_at	0,274045897	0,254588394	9	114953059	114966243	1
RNF183	NA	NA	NA	9	115099194	115101141	-1
WDR31	NA	NA	NA	9	115117751	115142388	-1
BSPRY	218792_s_at	0,07037007	0,403995665	9	115151633	115173334	1
HDHD3	221256_s_at	0,996069577	-0,00135953	9	115175519	115178162	-1
ZNF618	NA	NA	NA	9	115678383	115858696	1
AMBP	205477_s_at	0,79457849	-0,056429383	9	115862228	115880536	-1
KIF12	NA	NA	NA	9	115893739	115901158	-1
COL27A1	NA	NA	NA	9	115958052	116112796	1
ORM1	205040_at	0,221926007	0,239779066	9	116125157	116128578	1
ORM2	214465_at	0,453750853	0,109623064	9	116131890	116135357	1
DFNB31	221887_s_at	0,172233543	0,226758851	9	116204181	116307551	-1
TNFSF15	221085_at	0,891293582	0,02370598	9	116591421	116608229	-1
TNC	201645_at	0,528372423	0,061780138	9	116822626	116920307	-1
DEC1	220781_at	0,6090773	0,072049977	9	116943918	117204744	1
PAPPA	201981_at	0,10618813	0,188503482	9	117955892	118204421	1
DBC1	215976_at	0,332755306	0,124294448	9	120968729	121171560	-1
MEGF9	212831_at	0,571915777	0,087105179	9	122402912	122516433	-1
C5	205500_at	0,940581055	-0,024967232	9	122754434	122852375	-1
CEP110	205642_at	0,003841091	-0,790924247	9	122890395	122979707	1
GSN	214040_s_at	0,210683414	0,176681937	9	123070201	123134941	1
DAB2IP	NA	NA	NA	9	123369220	123587630	1
LHX6	219884_at	0,554195235	0,059299145	9	124004679	124030840	-1
PTGS1	215813_s_at	0,517628223	-0,362009748	9	124173050	124197802	1
OR1J1	NA	NA	NA	9	124279058	124280026	-1
OR1J2	NA	NA	NA	9	124312902	124313843	1
OR1N1	NA	NA	NA	9	124328458	124329393	-1
OR1N2	NA	NA	NA	9	124355270	124356262	1
OR1L8	NA	NA	NA	9	124369648	124370577	-1

OR1B1	NA	NA	NA	9	124430679	124431635	-1
OR1L1	NA	NA	NA	9	124463666	124464748	1
OR1L3	NA	NA	NA	9	124477230	124478204	1
OR5C1	NA	NA	NA	9	124591033	124591995	1
OR1K1	NA	NA	NA	9	124602223	124603173	1
CRB2	NA	NA	NA	9	125158269	125180853	1
DENND1A	219763_at	0,004577631	-1,078153432	9	125181754	125732238	-1
NR5A1	210333_at	0,237215572	0,24165213	9	126283336	126309520	-1
WDR38	NA	NA	NA	9	126655576	126659981	1
C9orf126	NA	NA	NA	9	126754888	126945596	-1
FAM125B	221687_s_at	0,592621262	0,111711698	9	128128949	128309140	1
LMX1B	208487_at	0,062230874	0,292780691	9	128416619	128498551	1
ZBTB34	NA	NA	NA	9	128662765	128687978	1
RALGPS1	204199_at	0,596143887	-0,129302759	9	128716874	129025264	1
ANGPTL2	213001_at	0,248024491	0,190493205	9	128889449	128924865	-1
GARNL3	NA	NA	NA	9	129066967	129195649	1
FAM129B	NA	NA	NA	9	129307439	129381089	-1
STXBP1	202260_s_at	0,638599136	0,379092418	9	129414390	129494816	1
C9orf117	NA	NA	NA	9	129509092	129516124	1
TOR2A	NA	NA	NA	9	129533624	129537425	-1
ENG	201808_s_at	0,083368138	0,225687779	9	129617115	129656805	-1
AK1	202587_s_at	0,116247339	1,116098115	9	129668580	129679843	-1
ST6GALNAC6	NA	NA	NA	9	129687422	129701692	-1
FAM102A	212400_at	0,181465818	-0,75212199	9	129742682	129782316	-1
PTGES2	218083_at	0,317024317	0,278417912	9	129922793	129930533	-1
LCN2	212531_at	0,273819985	0,203897383	9	129951553	129955555	1
CIZ1	211358_s_at	0,494143288	-0,146199339	9	129968165	130006483	-1
DNM1	215116_s_at	0,088147625	0,289332176	9	130005484	130057348	1
SLC27A4	NA	NA	NA	9	130142661	130163323	1
CERCAM	NA	NA	NA	9	130222938	130239447	1
WDR34	NA	NA	NA	9	130435761	130458950	-1
PKN3	NA	NA	NA	9	130504623	130523020	1
ZER1	202448_s_at	0,32238998	0,18495602	9	130531886	130574019	-1

ENDOG	204824_at	0,754232925	0,215798611	9	130620600	130624776	1
IER5L	NA	NA	NA	9	130977652	130980361	-1
ASB6	221657_s_at	0,601563729	-0,12193288	9	131436704	131444265	-1
PTGES	210367_s_at	0,297060954	0,148560336	9	131540433	131555165	-1
TOR1B	209593_s_at	0,400364932	0,207872289	9	131605253	131613381	1
FREQ	218266_s_at	0,856889518	-0,028698296	9	131974678	132038727	1
	NA	NA	NA	9	132108993	132112161	1
ASS1	207076_s_at	0,082133036	0,836996659	9	132309915	132366482	1
PRDM12	220894_x_at	0,076106807	0,26220074	9	132529802	132548205	1
QRFP	NA	NA	NA	9	132758636	132759046	-1
FIBCD1	NA	NA	NA	9	132767722	132804058	-1
LAMC3	219407_s_at	0,541345888	0,098605846	9	132874325	132958267	1
AIF1L	NA	NA	NA	9	132961733	132988360	1
PPAPDC3	NA	NA	NA	9	133154945	133174468	1
BAT2L	212069_s_at	0,023779315	-0,599344791	9	133295298	133365399	1
UCK1	NA	NA	NA	9	133389012	133396476	-1
NTNG2	NA	NA	NA	9	134031955	134108040	1
BARHL1	NA	NA	NA	9	134447814	134455461	1
C9orf98	NA	NA	NA	9	134590786	134744019	-1
C9orf9	220050_at	0,57468121	-0,067377856	9	134744111	134755239	1
GFI1B	208501_at	0,195773728	-0,173826095	9	134843919	134856903	1
CEL	205910_s_at	0,588335593	-0,057351402	9	134927186	134937069	1
GBGT1	NA	NA	NA	9	135018161	135029122	-1
OBP2B	220959_s_at	0,453419291	-0,111606878	9	135070487	135074449	-1
ABO	216929_x_at	0,055153549	0,600876667	9	135120384	135140451	-1
SURF1	204295_at	0,168298894	0,621030161	9	135208487	135213182	-1
REXO4	218767_at	0,196406825	-0,275595838	9	135261007	135272985	-1
ADAMTS13	220208_at	0,241635996	0,187445735	9	135276941	135314328	1
RP13-388O5.1	NA	NA	NA	9	135369579	135379787	-1
ADAMTSL2	206629_at	0,43625612	-0,141879674	9	135389796	135430462	1
FAM163B	NA	NA	NA	9	135433965	135435166	-1
DBH	206450_at	0,704223934	0,076982705	9	135491306	135514287	1
SARDH	210063_at	0,340541381	0,115023926	9	135518503	135594863	-1

VAV2	205536_at	0,115265597	-0,459594364	9	135616837	135847226	-1
WDR5	NA	NA	NA	9	135991031	136014915	1
RXRA	202426_s_at	0,104214247	0,433230468	9	136358231	136472252	1
COL5A1	203325_s_at	0,474967891	0,06259928	9	136673473	136876510	1
FCN2	207804_s_at	0,328937157	0,213381935	9	136912479	136919187	1
FCN1	205237_at	0,96603641	-0,005517525	9	136941253	136949630	-1
OLFM1	213131_at	0,101513649	0,226037632	9	137106910	137152851	1
KIAA0649	203955_at	0,060819033	0,330360488	9	137511469	137520560	1
OBP2A	220848_x_at	0,331498375	0,105802783	9	137577806	137581636	1
PAEP	206859_s_at	0,764585385	0,044591877	9	137593425	137598443	1
GLT6D1	NA	NA	NA	9	137655323	137671207	-1
LCN9	NA	NA	NA	9	137694989	137697770	1
SOHLH1	NA	NA	NA	9	137725074	137731195	-1
KCNT1	NA	NA	NA	9	137733859	137824813	1
CAMSAP1	212711_at	0,195545895	-0,647313186	9	137841248	137914570	-1
UBAC1	202151_s_at	0,870990444	-0,058492537	9	137964636	137993047	-1
NACC2	212993_at	0,701773096	0,051570619	9	138043023	138126952	-1
C9orf69	NA	NA	NA	9	138146248	138150552	-1
LHX3	221670_s_at	0,759874305	0,045961838	9	138227917	138236776	-1
QSOX2	NA	NA	NA	9	138238000	138277508	-1
GPSM1	NA	NA	NA	9	138348726	138372493	1
DNLZ	NA	NA	NA	9	138376173	138378062	-1
CARD9	220162_s_at	0,862359325	-0,0225455	9	138378229	138387939	-1
INPP5E	204706_at	0,821050042	-0,057667595	9	138442892	138454077	-1
NOTCH1	218902_at	0,238332362	-0,294217921	9	138508717	138560059	-1
EGFL7	218825_at	0,361077314	0,122159248	9	138677198	138686951	1
AGPAT2	210678_s_at	0,380493763	0,473415072	9	138687416	138701732	-1
FAM69B	NA	NA	NA	9	138726851	138738310	1
LCN10	NA	NA	NA	9	138752440	138757232	-1
LCN6	NA	NA	NA	9	138758290	138762801	-1
LCN8	NA	NA	NA	9	138768661	138772552	-1
LCN15	NA	NA	NA	9	138773907	138778786	-1
TMEM141	NA	NA	NA	9	138805598	138807590	1

KIAA1984	NA	NA	NA	9	138810623	138822014	1
LOC389813	NA	NA	NA	9	138858688	138861618	1
EDF1	209058_at	0,789933842	0,091748176	9	138876392	138880559	-1
PTGDS	211748_x_at	0,43494481	0,142858713	9	138991777	138996015	1
LCNL1	NA	NA	NA	9	138997266	139000031	1
C9orf142	NA	NA	NA	9	139006691	139008249	1
CLIC3	219529_at	0,360437451	0,146914279	9	139008881	139010845	-1
ABCA2	212772_s_at	0,319745225	0,260713751	9	139021507	139043195	-1
C9orf139	NA	NA	NA	9	139041737	139051055	1
FUT7	217696_at	0,141784323	0,345071545	9	139044447	139047283	-1
ENTPD2	207372_s_at	0,372476361	0,122498334	9	139062374	139068326	-1
DPP7	NA	NA	NA	9	139124813	139129016	-1
GRIN1	205915_x_at	0,133788285	0,308892092	9	139153430	139183029	1
RNF208	221273_s_at	0,887301524	0,058215636	9	139234528	139235596	-1
SLC34A3	NA	NA	NA	9	139245206	139250827	1
TUBB2C	208977_x_at	0,182454937	-0,478303643	9	139255532	139257980	1
FAM166A	NA	NA	NA	9	139257858	139262043	-1
LOC441476	NA	NA	NA	9	139265551	139267755	1
COBRA1	202757_at	0,08150249	-0,306850169	9	139269768	139287815	1
C9orf167	219620_x_at	0,202704335	-0,541712064	9	139292101	139296914	1
NRARP	NA	NA	NA	9	139314755	139316524	-1
EXD3	220838_at	0,704595731	0,116238113	9	139321169	139437535	-1
NOXA1	NA	NA	NA	9	139437668	139448679	1
ENTPD8	NA	NA	NA	9	139448637	139455722	-1
NELF	221214_s_at	0,848804048	0,134450417	9	139462498	139473575	-1
PNPLA7	NA	NA	NA	9	139474226	139564807	-1
MRPL41	NA	NA	NA	9	139566165	139566827	1
ARRDC1	NA	NA	NA	9	139619917	139629633	1
CACNA1B	207162_s_at	0,92113271	-0,014486907	9	139892062	140136449	1
C9orf169	NA	NA	NA	9 NT_113917.1	3873	4992	-1
PLCXD1	218951_s_at	0,058621147	-0,949155396	X	132991	160020	1
GTPBP6	203314_at	0,730082739	-0,139576636	X	161426	170887	-1
SHOX	NA	NA	NA	X	505079	540146	1

CRLF2	NA	NA	NA	X	1274894	1291529	-1
CSF2RA	207085_x_at	0,370980866	0,105808409	X	1347701	1388827	1
IL3RA	206148_at	0,135154593	0,350755519	X	1415509	1461582	1
SFRS17A	203624_at	0,322618021	-0,439210689	X	1670486	1681413	1
ASMT	210551_s_at	0,621085906	-0,093863011	X	1674348	1721974	1
DHRX	203043_at	0,170868709	-0,619360785	X	2147547	2428975	-1
ZBED1	NA	NA	NA	X	2414455	2429008	-1
XG	NA	NA	NA	X	2680115	2743968	1
GYG2	210964_s_at	0,098351185	0,335551922	X	2756863	2810861	1
ARSD	207784_at	0,307021765	0,213717091	X	2832011	2857392	-1
ARSH	NA	NA	NA	X	2934654	2961426	1
ARSF	214490_at	0,869213727	-0,022114159	X	2994853	3040747	1
MXRA5	209596_at	0,289293836	0,132712174	X	3236606	3274681	-1
VCX3A	211403_x_at	0,351646483	0,243608221	X	6461659	6463159	-1
HDHD1A	203974_at	0,560492799	-0,400784703	X	6976961	7076189	-1
STS	203768_s_at	0,343349957	0,585729777	X	7147472	7282682	1
VCX2	NA	NA	NA	X	8097985	8099308	-1
VCX3B	207281_x_at	0,38489304	0,134657416	X	8392871	8394551	1
FAM9A	NA	NA	NA	X	8718836	8729424	-1
FAM9B	NA	NA	NA	X	8953036	8962168	-1
SHROOM2	204967_at	0,327488634	0,193481624	X	9714496	9877481	1
WWC3	219520_s_at	0,998004233	0,002296962	X	9943795	10072518	1
CLCN4	205149_s_at	0,552584798	0,109539487	X	10084985	10165700	1
HCCS	203745_at	0,227129384	-0,349278976	X	11039373	11051122	1
ARHGAP6	208085_s_at	0,379623684	0,147978145	X	11065584	11593742	-1
FRMPD4	215052_at	0,019210219	0,54348824	X	12066506	12650450	1
PRPS2	203401_at	0,340122724	0,213961855	X	12719414	12752264	1
TLR8	220832_at	0,700208182	0,053302923	X	12834679	12851209	1
EGFL6	219454_at	0,527375109	0,100287346	X	13497662	13561615	1
TCEANC	NA	NA	NA	X	13581228	13592168	1
GPM6B	209170_s_at	0,62726718	-0,052653614	X	13698983	13745235	-1
GLRA2	207462_at	0,959048406	-0,012923767	X	14457571	14659855	1
CA5B	207129_at	0,283430997	0,20871444	X	15666333	15715669	1

S100G	207885_at	0,155868395	0,2871542	X	16578202	16582712	1
REPS2	205645_at	0,615209728	0,061233513	X	16874735	17081324	1
NHS	NA	NA	NA	X	17303464	17664035	1
RAI2	219440_at	0,580826659	0,058158569	X	17728092	17730428	-1
BEND2	NA	NA	NA	X	18090972	18148924	-1
SCML2	206147_x_at	0,99564452	-0,006923268	X	18167355	18282699	-1
CDKL5	206575_at	0,640106727	0,076326942	X	18353646	18581670	1
RS1	207363_at	0,100211933	0,259947411	X	18567729	18600150	-1
PPEF1	206547_s_at	0,545173067	0,085098193	X	18618966	18755956	1
GPR64	206002_at	0,743365117	0,04662347	X	18917346	19050598	-1
PDHA1	200980_s_at	0,172233543	-0,204912222	X	19271972	19287886	1
MAP3K15	NA	NA	NA	X	19288095	19410315	-1
CXorf23	NA	NA	NA	X	19844039	19898303	-1
SMPX	219772_s_at	0,314088285	0,1297052	X	21634012	21686151	-1
MBTPS2	206473_at	0,110202172	0,518560575	X	21767675	21810794	1
YY2	216531_at	0,982893241	-0,003694674	X	21784524	21785642	1
SMS	202043_s_at	0,003276225	-1,500475771	X	21868763	21922876	1
PHEX	210617_at	0,967618909	0,006570317	X	21960842	22176399	1
ZNF645	NA	NA	NA	X	22200981	22202495	1
DDX53	NA	NA	NA	X	22928008	22930127	1
KLHL15	NA	NA	NA	X	23915884	23955224	-1
PCYT1B	210456_at	0,155868395	0,32796342	X	24486125	24575274	-1
ARX	NA	NA	NA	X	24932213	24943775	-1
MAGEB6	NA	NA	NA	X	26120478	26123684	1
MAGEB10	NA	NA	NA	X	27736046	27750684	1
IL1RAPL1	220663_at	0,92381222	0,0110339	X	28515480	29884761	1
MAGEB2	206218_at	0,065469555	1,25831802	X	30143601	30148127	1
MAGEB3	207579_at	0,843745985	0,021490273	X	30158474	30165528	1
NROB1	206645_s_at	0,644929985	0,088235774	X	30232506	30237413	-1
MAP3K7IP3	NA	NA	NA	X	30755480	30817432	-1
FTHL17	NA	NA	NA	X	30999279	31000091	-1
TMEM47	209655_s_at	0,225516004	0,184231203	X	34555102	34585326	-1
MAGEB16	NA	NA	NA	X	35726380	35731773	1

CXorf22	NA	NA	NA	X	35847779	35918190	1
CXorf59	NA	NA	NA	X	35974974	36073108	1
FAM47C	NA	NA	NA	X	36936391	36939660	1
PRRG1	205618_at	0,738887951	0,031966481	X	37130773	37201463	1
CYBB	203923_s_at	0,015506615	-0,777132992	X	37524264	37557658	1
DYNLT3	203303_at	0,341974935	-0,517357047	X	37583033	37591775	-1
CXorf27	215142_at	0,511346658	0,12524613	X	37735014	37735514	1
SYTL5	NA	NA	NA	X	37778087	37870927	1
SRPX	204955_at	0,396644975	0,093985308	X	37893536	37965075	-1
CXorf38	NA	NA	NA	X	40373984	40391721	-1
USP9X	201100_s_at	0,012130736	-0,80213723	X	40829832	40980776	1
GPR34	NA	NA	NA	X	41433170	41441474	1
MAOA	204389_at	0,569318003	0,088179758	X	43400353	43491012	1
MAOB	204041_at	0,183108991	0,221512587	X	43510801	43626665	-1
EFHC2	220591_s_at	0,596850782	0,07292317	X	43892072	44087867	-1
FUNDC1	NA	NA	NA	X	44267847	44287160	-1
DUSP21	220515_at	0,244398219	0,190840987	X	44588194	44589078	1
CXorf36	219652_s_at	0,762448787	0,060119102	X	44906511	44945090	-1
ZNF673	206583_at	0,827478241	-0,081139959	X	46191703	46219018	1
ZNF674	215309_at	0,861961071	-0,016837015	X	46243490	46289820	-1
CHST7	206756_at	0,129638837	0,664391438	X	46318136	46342782	1
RGN	210751_s_at	0,324792127	0,105454315	X	46822719	46837656	1
USP11	208723_at	0,005412359	-1,224996731	X	46977258	46992671	1
ZNF157	208019_at	0,853110774	0,023932688	X	47114943	47158042	1
SYN1	221914_at	0,671640977	0,07446925	X	47316244	47364200	-1
TIMP1	201666_at	0,009986764	1,605924841	X	47326634	47331134	1
CFP	206380_s_at	0,971300021	0,005972557	X	47368569	47374648	-1
UXT	218495_at	0,60588362	-0,157975841	X	47396139	47403460	-1
WASF4	NA	NA	NA	X	47541297	47549521	1
ZNF81	215901_at	0,977565598	0,004406834	X	47581245	47666554	1
SSX6	211425_x_at	0,17281185	0,244168822	X	47852032	47865013	1
SPACA5B	NA	NA	NA	X	47871547	47876943	1
SSX5	208528_x_at	0,752604939	0,028556733	X	47930600	47941143	-1

SSX1	206627_s_at	0,77414583	0,027123236	X	47999741	48011823	1
SSX3	210497_x_at	0,126658456	0,259582377	X	48090807	48101086	-1
SSX4	208586_s_at	0,694736031	0,048016796	X	48127912	48137729	1
SSX4B	NA	NA	NA	X	48146472	48156288	-1
GLOD5	NA	NA	NA	X	48508985	48516795	1
GATA1	210446_at	0,987282236	-0,003555412	X	48529906	48537662	1
HDAC6	216224_s_at	0,322618021	0,233121599	X	48545431	48568324	1
ERAS	NA	NA	NA	X	48572227	48573492	1
PCSK1N	218952_at	0,836991961	0,089539521	X	48574450	48578904	-1
KCND1	206842_at	0,768839133	0,05932904	X	48703583	48713195	-1
GRIPAP1	NA	NA	NA	X	48715078	48743619	-1
CCDC120	NA	NA	NA	X	48803460	48814454	1
MAGIX	219965_s_at	0,643420227	0,053999096	X	48906125	48910780	1
PLP2	201136_at	0,006921946	1,067484439	X	48915217	48918382	1
PRICKLE3	217349_s_at	0,680793727	-0,077701317	X	48918850	48929720	-1
SYP	213200_at	0,285741649	0,305299917	X	48931209	48943605	-1
CACNA1F	208377_s_at	0,272366214	0,201902239	X	48948467	48976777	-1
CCDC22	206016_at	0,084838073	-0,812481645	X	48978885	48994341	1
GAGE10	207739_s_at	0,233337903	0,293753949	X	49047069	49063255	1
GAGE12J	208235_x_at	0,554004564	0,07914155	X	49065460	49072810	1
GAGE2E	NA	NA	NA	X	49084551	49091867	1
GAGE2D	NA	NA	NA	X	49094060	49101364	1
GAGE12I	207663_x_at	0,795212585	0,05795431	X	49103621	49110887	1
GAGE2C	NA	NA	NA	X	49113115	49120435	1
GAGE2B	NA	NA	NA	X	49122652	49129941	1
GAGE12C	NA	NA	NA	X	49183724	49191088	1
GAGE12E	NA	NA	NA	X	49202825	49210206	1
GAGE12F	NA	NA	NA	X	49212424	49219752	1
GAGE12G	NA	NA	NA	X	49221936	49229314	1
GAGE12H	NA	NA	NA	X	49231496	49238851	1
GAGE1	208283_at	0,314961889	0,126115727	X	49250567	49257905	1
PAGE4	205564_at	0,571787411	0,083177687	X	49480644	49485308	1
PYY3	NA	NA	NA	X	49807454	49807987	1

CCNB3	NA	NA	NA	X	50044280	50111653	1
DGKK	NA	NA	NA	X	50128637	50230477	-1
SHROOM4	NA	NA	NA	X	50351387	50573784	-1
BMP15	221332_at	0,572227027	0,086263291	X	50670524	50676347	1
NUDT10	NA	NA	NA	X	51091823	51097117	1
CXorf67	NA	NA	NA	X	51166507	51168430	1
NUDT11	219855_at	0,760649429	0,349390181	X	51249603	51256199	-1
XAGE2B	NA	NA	NA	X	52128793	52135541	1
XAGE1E	220057_at	0,490220065	0,149835833	X	52255543	52260679	1
XAGE2	NA	NA	NA	X	52397076	52403821	-1
XAGE1C	NA	NA	NA	X	52528494	52533630	1
XAGE1D	NA	NA	NA	X	52544884	52550020	-1
XAGE1B	NA	NA	NA	X	52557778	52562914	-1
SSX7	216471_x_at	0,238332362	0,157881288	X	52689836	52700675	-1
SSX2	NA	NA	NA	X	52742671	52752974	-1
XAGE3	NA	NA	NA	X	52908282	52913824	-1
GPR173	221299_at	0,969282421	-0,009858949	X	53095231	53123968	1
IQSEC2	214819_at	0,448877024	0,131441715	X	53278783	53327521	-1
HSD17B10	202282_at	0,962650763	-0,016135698	X	53474931	53478048	-1
HUWE1	208598_s_at	0,050755935	-0,652046587	X	53576476	53697776	-1
WNK3	NA	NA	NA	X	54239580	54401163	-1
FGD1	204819_at	0,190706168	0,239178147	X	54488612	54539324	-1
ITIH5L	NA	NA	NA	X	54792341	54841398	-1
MAGED2	208682_s_at	0,822216075	0,10905087	X	54850896	54859170	1
TRO	205028_at	0,325083823	0,263138916	X	54963974	54974589	1
ALAS2	211560_s_at	0,119984121	0,294700936	X	55052213	55074136	-1
PAGE2B	NA	NA	NA	X	55118229	55122061	1
PAGE2	NA	NA	NA	X	55132222	55135985	1
FAM104B	NA	NA	NA	X	55186260	55204334	-1
PAGE5	NA	NA	NA	X	55263516	55267266	1
PAGE3	NA	NA	NA	X	55301573	55308004	-1
FOXR2	NA	NA	NA	X	55666558	55668483	1
KLF8	NA	NA	NA	X	56275632	56328255	1

SPIN3	NA	NA	NA	X	57033989	57038713	-1
SPIN2B	211704_s_at	0,037971854	0,705367949	X	57162840	57164704	-1
FAAH2	NA	NA	NA	X	57329864	57532351	1
ZXDB	216013_at	0,147307844	0,193622387	X	57634994	57640635	1
ASB12	221390_s_at	0,733509557	0,065270833	X	63360801	63362228	-1
MTMR8	NA	NA	NA	X	63404686	63532036	-1
ZC3H12B	NA	NA	NA	X	64625431	64644492	1
VSIG4	204787_at	0,590880261	0,079829835	X	65158305	65176692	-1
EDA2R	221399_at	0,89510564	-0,017421473	X	65732204	65752598	-1
AR	211110_s_at	0,847884073	-0,022233605	X	66680599	66860844	1
OPHN1	NA	NA	NA	X	67179440	67570372	-1
STARD8	206868_at	0,158238374	0,18728702	X	67784236	67862403	1
EFNB1	202711_at	0,132192041	0,204190192	X	67965556	67978728	1
FAM155B	206299_at	0,507394448	0,155173872	X	68641803	68669076	1
EDA	211129_x_at	0,65798141	-0,066164758	X	68752636	69176047	1
AWAT2	NA	NA	NA	X	69177117	69186513	-1
OTUD6A	NA	NA	NA	X	69199066	69200754	1
DGAT2L6	NA	NA	NA	X	69314061	69342278	1
AWAT1	NA	NA	NA	X	69371271	69376865	1
P2RY4	221466_at	0,802760935	-0,043749895	X	69394741	69396379	-1
ARR3	207136_at	0,248250465	0,157189763	X	69404910	69418415	1
RAB41	NA	NA	NA	X	69418793	69421577	1
GDPD2	220291_at	0,117665081	0,283294131	X	69559716	69569956	1
DLG3	212729_at	0,016921879	0,877106946	X	69581449	69642062	1
TEX11	221259_s_at	0,390477883	-0,103600436	X	69665515	70045292	-1
SLC7A3	NA	NA	NA	X	70062154	70067684	-1
SNX12	NA	NA	NA	X	70197513	70204956	-1
NLGN3	219726_at	0,980170535	0,004658855	X	70281436	70307776	1
GJB1	204973_at	0,283152036	0,201817669	X	70351787	70361777	1
ZMYM3	207559_s_at	0,478525122	-0,210301672	X	70376199	70391148	-1
ITGB1BP2	219829_at	0,862918526	-0,027171235	X	70438353	70441929	1
ACRC	NA	NA	NA	X	70714986	70750158	1
CXCR3	207681_at	0,423435624	0,114887283	X	70752491	70755092	-1

RGAG4	NA	NA	NA	X	71263688	71268476	-1
NHSL2	NA	NA	NA	X	71270224	71277937	1
FLJ44635	NA	NA	NA	X	71280759	71298324	1
ERCC6L	219650_at	0,054315054	-0,332883293	X	71341232	71375583	-1
CITED1	207144_s_at	0,347128712	0,157780394	X	71438225	71443515	-1
PHKA1	205450_at	0,00790548	0,568919752	X	71717203	71850612	-1
DMRTC1	NA	NA	NA	X	72008584	72012347	-1
PABPC1L2B	NA	NA	NA	X	72140077	72142276	1
PABPC1L2A	NA	NA	NA	X	72213840	72216076	-1
NAP1L2	219368_at	0,258464507	1,026259944	X	72348879	72351409	-1
CDX4	221340_at	0,225407934	0,210347508	X	72583815	72591146	1
CHIC1	NA	NA	NA	X	72699709	72823662	1
FXD8	NA	NA	NA	X	73011598	73013524	1
ZCCHC13	NA	NA	NA	X	73440750	73441594	1
KIAA2022	NA	NA	NA	X	73870137	74061709	-1
ABC7	209620_s_at	0,032819217	-0,758484881	X	74189830	74292857	-1
ZDHC15	NA	NA	NA	X	74508786	74659600	-1
MAGEE2	NA	NA	NA	X	74919548	74921796	-1
CXorf26	NA	NA	NA	X	75309173	75314436	1
MAGEE1	NA	NA	NA	X	75564521	75568148	1
FGF16	NA	NA	NA	X	76596304	76598669	1
PGAM4	200886_s_at	0,304350379	-0,140181153	X	77110114	77111791	-1
TAF9B	221618_s_at	0,21883538	0,801310356	X	77271901	77281835	-1
ZCCHC5	NA	NA	NA	X	77798222	77801481	-1
P2RY10	214615_at	0,934579271	-0,020126105	X	78087485	78104094	1
GPR174	NA	NA	NA	X	78313125	78314382	1
ITM2A	202746_at	5,04E-06	5,089421784	X	78502537	78509703	-1
FAM46D	NA	NA	NA	X	79562621	79587466	1
NSBP1	221238_at	0,565005328	0,093000883	X	80255856	80263772	-1
POU3F4	207694_at	0,176474031	0,196668668	X	82649941	82651431	1
CYLC1	216779_at	0,492224314	0,09143746	X	83002826	83028282	1
RPS6KA6	220738_s_at	0,786869653	0,059300185	X	83205640	84362350	-1
HDX	NA	NA	NA	X	83462861	83644114	-1

APOOL	222269_at	0,202655251	0,163874885	X	84145561	84231643	1
SATL1	NA	NA	NA	X	84233956	84250102	-1
POF1B	219756_s_at	0,458828408	0,074206763	X	84419058	84521404	-1
DACH2	NA	NA	NA	X	85290281	85974246	1
NAP1L3	204749_at	0,281148957	0,375172902	X	92812585	92815264	-1
FAM133A	NA	NA	NA	X	92815861	92853917	1
DIAPH2	205603_s_at	0,103036889	-0,812602703	X	95826365	96746652	1
PCDH19	NA	NA	NA	X	99433298	99551927	-1
TSPAN6	209108_at	0,423899787	0,142563776	X	99770451	99778450	-1
SRPX2	205499_at	0,236674245	0,194254067	X	99785819	99812952	1
SYTL4	NA	NA	NA	X	99816144	99873154	-1
CSTF2	204459_at	0,456403048	-0,12792919	X	99962004	99982580	1
NOX1	207380_x_at	0,261646782	0,172462364	X	99984969	100015990	-1
XKRX	NA	NA	NA	X	100055092	100070554	-1
ARL13A	NA	NA	NA	X	100111356	100132476	1
TRMT2B	205238_at	0,039482974	0,282150245	X	100151187	100193726	-1
CENPI	207590_s_at	0,249138244	-0,29600525	X	100241454	100304634	1
DRP2	207648_at	0,066244574	0,406810288	X	100361589	100406141	1
TAF7L	220325_at	0,343458258	0,105994933	X	100409897	100434701	-1
ARMCX1	218694_at	0,426278627	0,071472153	X	100692170	100696339	1
ARMCX2	203404_at	0,624039148	0,071049339	X	100796923	100801519	-1
NXF5	NA	NA	NA	X	100973741	100999205	-1
TCEAL2	211276_at	0,786409429	0,031522598	X	101267316	101269340	1
TCEAL6	NA	NA	NA	X	101281589	101284044	-1
NXF2	220981_x_at	0,523043349	0,100854917	X	101356936	101468287	1
NXF2B	NA	NA	NA	X	101501972	101613388	-1
TMSB15A	205347_s_at	0,272851344	1,496351513	X	101655266	101658355	-1
GPRASP1	204793_at	0,589906166	0,086542259	X	101792950	101800667	1
GPRASP2	NA	NA	NA	X	101853996	101859317	1
BHLHB9	213709_at	0,510231503	0,156384157	X	101862310	101894024	1
BEX1	218332_at	0,192470068	0,284344072	X	102204237	102205824	-1
NXF3	220110_s_at	0,528230805	-0,082063348	X	102217405	102234678	-1
BEX4	215440_s_at	0,357440147	0,420712228	X	102356708	102358779	1

TCEAL5	NA	NA	NA	X	102415275	102418456	-1
BEX2	NA	NA	NA	X	102450930	102452601	-1
TCEAL7	NA	NA	NA	X	102471821	102473910	1
WBP5	217975_at	0,882548853	0,148606628	X	102498036	102500053	1
RAB40A	217589_at	0,289874627	0,168046802	X	102641337	102661073	-1
TCEAL4	202371_at	0,020235298	2,345940809	X	102727075	102729313	1
TMEM31	NA	NA	NA	X	102852493	102855616	1
PLP1	210198_s_at	0,307021765	-0,132014417	X	102918410	102934204	1
RAB9B	NA	NA	NA	X	102966607	102973814	-1
H2BFWT	NA	NA	NA	X	103152376	103154912	-1
ESX1	NA	NA	NA	X	103381375	103386244	-1
SERPINA7	206386_at	0,506090462	0,090867949	X	105163853	105167722	-1
MUM1L1	NA	NA	NA	X	105307975	105339604	1
RNF128	219263_at	0,636607311	0,047831392	X	105823724	105926902	1
RIPPLY1	NA	NA	NA	X	106030104	106033217	-1
CLDN2	NA	NA	NA	X	106050290	106060747	1
MORC4	219038_at	0,224888155	0,334162463	X	106070620	106130098	-1
NUP62CL	220520_s_at	0,191922602	0,369009233	X	106253358	106336200	-1
CXorf41	NA	NA	NA	X	106336518	106374129	1
TEX13B	221034_s_at	0,445812319	0,096283933	X	107110750	107112256	-1
VSIG1	NA	NA	NA	X	107174856	107209070	1
KCNE1L	220010_at	0,935706532	0,020720466	X	108753585	108755049	-1
TMEM164	220486_x_at	0,026332433	0,781636209	X	109133018	109303430	1
RGAG1	NA	NA	NA	X	109548941	109586217	1
CAPN6	202965_s_at	0,716732545	0,060859393	X	110374987	110400407	-1
DCX	204850_s_at	0,443389723	0,125140001	X	110423663	110542062	-1
	NA	NA	NA	X	110811069	110818680	1
AMOT	209521_s_at	0,242078424	0,20032779	X	111904761	111970699	-1
HTR2C	207307_at	0,062697528	0,852040992	X	113724807	114050880	1
IL13RA2	206172_at	0,608148455	0,120225126	X	114144794	114158463	-1
LRCH2	NA	NA	NA	X	114251435	114374891	-1
LUZP4	220665_at	0,119009576	0,207214237	X	114430548	114448377	1
AGTR2	207294_at	0,110841582	0,221374836	X	115215986	115220253	1

SLC6A14	219795_at	0,602990581	0,04865621	X	115481818	115506651	1
KLHL13	NA	NA	NA	X	116915804	116990881	-1
IL13RA1	211612_s_at	0,34967377	0,171487029	X	117745587	117812524	1
ZCCHC12	NA	NA	NA	X	117841815	117844959	1
LONRF3	220009_at	0,219651601	0,262033023	X	117992741	118035978	1
KIAA1210	NA	NA	NA	X	118096626	118168570	-1
AKAP14	NA	NA	NA	X	118913964	118938707	1
RHOXF2B	NA	NA	NA	X	119090257	119095735	-1
RHOXF1	NA	NA	NA	X	119127053	119133875	-1
RHOXF2	NA	NA	NA	X	119176495	119181961	1
ATP1B4	220556_at	0,782396873	0,029230328	X	119379995	119400254	1
C1GALT1C1	219283_at	0,051854835	0,819924037	X	119643559	119647969	-1
CT47A11	NA	NA	NA	X	119895357	119898701	-1
CT47A10	NA	NA	NA	X	119900218	119903562	-1
CT47A9	NA	NA	NA	X	119905078	119908422	-1
CT47A8	NA	NA	NA	X	119909939	119913283	-1
CT47A7	NA	NA	NA	X	119914817	119918135	-1
CT47A6	NA	NA	NA	X	119919700	119923018	-1
CT47A5	NA	NA	NA	X	119924543	119927887	-1
CT47A4	NA	NA	NA	X	119929403	119932747	-1
CT47A3	NA	NA	NA	X	119934263	119937607	-1
CT47A2	NA	NA	NA	X	119939141	119942459	-1
CT47A1	NA	NA	NA	X	119944001	119947319	-1
GLUD2	215794_x_at	0,140944437	-0,849339035	X	120009143	120011477	1
GRIA3	208032_s_at	0,202655251	0,180617537	X	122145777	122452447	1
THOC2	222122_s_at	0,343016963	-0,367573776	X	122562093	122694585	-1
SH2D1A	210116_at	0,196406825	0,157261584	X	123307831	123334686	1
ODZ1	205728_at	0,593483789	0,055450557	X	123339504	123925347	-1
WDR40B	NA	NA	NA	X	125511050	125514515	-1
ACTRT1	NA	NA	NA	X	127012622	127014058	-1
SMARCA1	203874_s_at	0,206170668	0,118504804	X	128408159	128485122	-1
OCRL	208316_s_at	0,062699255	0,481113394	X	128501933	128554214	1
APLN	NA	NA	NA	X	128607006	128616595	-1

XPNPEP2	206484_s_at	0,10681417	0,221202067	X	128700627	128731206	1
SLC25A14	211855_s_at	0,00079484	0,861836579	X	129301728	129335016	1
GPR119	NA	NA	NA	X	129346095	129347102	-1
FAM45B	NA	NA	NA	X	129456620	129458243	1
RP13-102H20	NA	NA	NA	X	130019897	130051534	1
IGSF1	207695_s_at	0,514115529	0,096333389	X	130235161	130250936	-1
OR13H1	NA	NA	NA	X	130505729	130506655	1
FRMD7	NA	NA	NA	X	131038704	131089731	-1
USP26	NA	NA	NA	X	131987173	131989966	-1
GPC4	204983_s_at	0,428783905	0,128917069	X	132262730	132376871	-1
GPC3	209220_at	0,112801061	0,21394864	X	132497439	132947332	-1
LOC347475	NA	NA	NA	X	133198743	133207474	1
PLAC1	219702_at	0,515789893	0,129121762	X	133527539	133620179	-1
FAM122B	NA	NA	NA	X	133731262	133758378	-1
MOSPD1	218853_s_at	0,140617614	0,638968358	X	133849328	133876963	-1
CXorf48	221121_at	0,118380564	0,270696732	X	134118127	134133417	-1
CT45A1	NA	NA	NA	X	134674851	134684654	1
CT45A2	NA	NA	NA	X	134693880	134701914	1
CT45A3	NA	NA	NA	X	134711154	134719185	1
CT45A4	NA	NA	NA	X	134756363	134764401	-1
CT45A5	NA	NA	NA	X	134773630	134781660	-1
GPR112	NA	NA	NA	X	135210788	135326713	1
BRS3	207369_at	0,112438073	0,251247131	X	135397791	135402264	1
VGLL1	205487_s_at	0,254680073	0,171410626	X	135441977	135466629	1
GPR101	NA	NA	NA	X	135939973	135941499	-1
ZIC3	207197_at	0,760217581	0,027511435	X	136476012	136481925	1
F9	207218_at	0,601300033	-0,065505182	X	138440561	138473283	1
MCF2	217004_s_at	0,279181462	0,165777267	X	138491596	138618047	-1
ATP11C	NA	NA	NA	X	138636171	138742113	-1
CXorf66	NA	NA	NA	X	138865550	138875345	-1
SOX3	214633_at	0,449969394	0,091612181	X	139412818	139414891	-1
SPANXB1	220922_s_at	0,20899003	0,167279065	X	139924427	139925545	1
LDOC1	204454_at	0,088350015	0,221154419	X	140097596	140098976	-1

SPANXC	220217_x_at	0,368813038	0,108730344	X	140163262	140164312	-1
SPANXA1	NA	NA	NA	X	140499472	140500502	-1
SPANXA2	NA	NA	NA	X	140505498	140506567	1
SPANXD	NA	NA	NA	X	140613234	140614264	-1
MAGEC1	206609_at	0,068251541	1,429230453	X	140819346	140824849	1
MAGEC2	220062_s_at	0,076651294	1,494074465	X	141117796	141120742	-1
SPANXN3	NA	NA	NA	X	142424230	142432973	-1
SPANXN2	NA	NA	NA	X	142622721	142632182	-1
UBE2NL	217393_x_at	0,881343738	-0,028392342	X	142794839	142796028	1
SPANXN1	NA	NA	NA	X	144136799	144145420	1
SLITRK2	NA	NA	NA	X	144707042	144715052	1
FMR1NB	NA	NA	NA	X	146870541	146915877	1
MAGEA9B	210437_at	0,101513649	0,386278894	X	148471105	148476911	-1
TMEM185A	NA	NA	NA	X	148486015	148521375	-1
MAGEA11	210503_at	0,686514117	0,049178462	X	148575477	148604507	-1
HSFX1	220314_at	0,249585959	0,293593226	X	148663576	148666336	1
MAGEA9	NA	NA	NA	X	148671402	148677206	1
MAGEA8	210274_at	0,618328907	0,062655833	X	148770654	148775266	1
CXorf40B	214112_s_at	0,016322857	0,605210351	X	148851073	148857374	-1
MAMLD1	205088_at	0,788194376	0,02760319	X	149364378	149433104	1
MTM1	36920_at	0,621085906	0,088512317	X	149487727	149592272	1
GPR50	208311_at	0,11002088	0,254494858	X	150095717	150100588	1
PASD1	NA	NA	NA	X	150482663	150595867	1
PRRG3	220433_at	0,542241449	0,080534601	X	150617435	150620669	1
FATE1	NA	NA	NA	X	150635164	150642322	1
CNGA2	NA	NA	NA	X	150653874	150664692	1
MAGEA4	214254_at	0,295111531	0,132450854	X	150832017	150844298	1
GABRE	204537_s_at	0,179645258	0,228681171	X	150872252	150893807	-1
MAGEA5	NA	NA	NA	X	151033182	151037100	-1
MAGEA10	210295_at	0,200379137	0,255143455	X	151053547	151057681	-1
GABRA3	207210_at	0,184117896	0,25407511	X	151086290	151370487	-1
GABRQ	220886_at	0,922945592	0,01192236	X	151557293	151572481	1
MAGEA2	NA	NA	NA	X	151669044	151673020	-1

CSAG2	220445_s_at	0,165749246	0,689592162	X	151678543	151679391	1
MAGEA3	NA	NA	NA	X	151685308	151688896	-1
ZNF185	203585_at	0,601300033	0,104675823	X	151833653	151892678	1
PNMA5	NA	NA	NA	X	151908024	151911417	-1
PNMA3	220923_s_at	0,81008643	0,035741614	X	151975422	151979483	1
PNMA6A	NA	NA	NA	X	151991521	151994057	1
ZNF275	NA	NA	NA	X	152262060	152270249	1
TREX2	211788_s_at	0,870004298	-0,026337891	X	152363372	152365139	-1
HAUS7	NA	NA	NA	X	152366318	152389283	-1
BGN	201261_x_at	0,051713286	0,365224555	X	152413605	152428198	1
ATP2B3	207026_s_at	0,583497608	0,070232846	X	152454774	152501581	1
FAM58A	NA	NA	NA	X	152506577	152517775	-1
DUSP9	205777_at	0,238257702	0,387843582	X	152561182	152569971	1
PNCK	NA	NA	NA	X	152588417	152592974	-1
SLC6A8	210854_x_at	0,170805641	0,226875411	X	152606586	152615234	1
BCAP31	200837_at	0,018336604	1,258525055	X	152619146	152643081	-1
ABCD1	205142_x_at	0,103692566	0,24481486	X	152643530	152663375	1
PLXNB3	205957_at	0,255898126	0,200009446	X	152682905	152697989	1
SRPK3	206216_at	0,124735747	0,224450438	X	152699704	152704381	1
PDZD4	NA	NA	NA	X	152720817	152749197	-1
L1CAM	204585_s_at	0,19774846	0,224912913	X	152780581	152794505	-1
LCAP	NA	NA	NA	X	152799321	152807638	1
AVPR2	208111_at	0,387534562	0,228811531	X	152823564	152825834	1
RENBP	206617_s_at	0,518488677	0,240844049	X	152853917	152863426	-1
OPN1LW	221327_s_at	0,675065351	0,087735171	X	153062939	153077701	1
OPN1MW	NA	NA	NA	X	153101361	153114725	1
OPN1MW2	NA	NA	NA	X	153138461	153151953	1
TEX28	207364_at	0,352693393	0,122113994	X	153152126	153176632	-1
TKTL1	214183_s_at	0,333988039	0,162976925	X	153177345	153211894	1
PLXNA3	203623_at	0,905249815	0,059511827	X	153339817	153355179	1
CTAG1B	NA	NA	NA	X	153499059	153500714	-1
CTAG2	207337_at	0,069207677	1,81613688	X	153533445	153535036	-1
GAB3	NA	NA	NA	X	153556720	153632542	-1

MPP1	202974_at	0,971073222	0,029150524	X	153660162	153686957	-1
FUNDC2	NA	NA	NA	X	153908258	153938385	1
CLIC2	213415_at	1,13E-05	3,130155434	X	154158694	154217180	-1
SPRY3	NA	NA	NA	X	154650645	154665311	1
IL9R	208164_s_at	0,612865635	0,092325456	X	154880440	154893676	1
SRY	207893_at	0,530429796	0,157171197	Y	2714896	2715792	-1
RPS4Y1	201909_at	0,459445613	-1,524006673	Y	2769623	2794997	1
TGIF2LY	NA	NA	NA	Y	3507126	3508082	1
PCDH11Y	NA	NA	NA	Y	4928267	5033485	1
AMELY	208220_x_at	0,363771481	0,119224116	Y	6793959	6802068	-1
TBL1Y	211462_s_at	0,389699222	0,082561314	Y	6838727	7019724	1
TSPY1	NA	NA	NA	Y	9914564	9917358	1
TSPY3	NA	NA	NA	Y	9975508	9978122	1
USP9Y	206624_at	0,437923351	-0,321509947	Y	13322554	13482162	1
TMSB4Y	206769_at	0,65777263	0,040753806	Y	14324841	14327298	1
VCY	NA	NA	NA	Y	14677492	14678234	1
NLGN4Y	207703_at	0,576866173	0,057888703	Y	15145848	15464921	1
CDY2B	207646_s_at	0,28084781	0,198479548	Y	18499534	18501493	-1
CDY2A	NA	NA	NA	Y	18647061	18649020	1
HSFY1	NA	NA	NA	Y	19167962	19169866	1
CYorf15B	214131_at	0,796263229	-0,059042694	Y	20213724	20225769	1
KDM5D	206700_s_at	0,476612268	-0,272467191	Y	20326689	20366212	-1
RPS4Y2	NA	NA	NA	Y	21327342	21352306	1
RBM1Y1B	208307_at	0,540991953	0,0871015	Y	22082646	22097060	1
RBM1Y1A1	NA	NA	NA	Y	22106178	22120600	1
RBM1Y1D	NA	NA	NA	Y	22435611	22450021	-1
RBM1Y1E	NA	NA	NA	Y	22459153	22473562	-1
PRY2	208332_at	0,394100628	0,098925074	Y	22627291	22651542	-1
RBM1Y1F	NA	NA	NA	Y	22724077	22738477	-1
RBM1Y1J	NA	NA	NA	Y	22959011	22973416	1
PRY	NA	NA	NA	Y	23045932	23070172	1
BPY2	208331_at	0,704346337	0,095512197	Y	23539798	23561000	1
DAZ2	NA	NA	NA	Y	23775010	23846885	1

CDY1B	207647_at	0,855279411	0,021086214	Y	24600764	24603549	-1
BPY2B	NA	NA	NA	Y	25173539	25194742	1
DAZ4	NA	NA	NA	Y	25389452	25462571	1
BPY2C	NA	NA	NA	Y	25586436	25607639	-1
CDY1	NA	NA	NA	Y	26177652	26180437	1

|