

MUC_00553	AML with monosomy 7 sole	123,1 P	59,4 P	296,3 P	2005,7 P	1,9 A	18,2 M	3,7 A	21 A	16,5 A	0,7 A
MUC_00025	AML with monosomy 7 sole	63,1 P	0,7 A	1403,9 P	9,6 A	8,2 A	8,2 A	2 A	10,9 A	0,6 A	16,2 A
MUC_00030	AML with monosomy 7 sole	38,9 P	30 P	16,9 A	1224,6 P	3,4 A	4,9 A	2,3 A	4,6 A	6,6 A	4,4 A
MUC_00049	AML with monosomy 7, trisomy 11	271,7 P	105,6 P	55,7 P	815,7 P	3,7 A	7,7 A	0,3 A	30,6 A	43,4 A	3,1 A
MUC_00042	AML with normal karyotype	112,2 P	71,3 P	1902,1 P	3,9 A	24,4 A	1902,1 P	1,2 A	6,2 A	0,5 A	5,1 A
MUC_00047	AML with normal karyotype	264,9 P	65,8 P	12,7 A	1754,5 P	33 A	3,5 A	1 A	11,4 A	17,4 A	4,3 A
MUC_00053	AML with normal karyotype	207 P	93,9 P	117,1 P	1699,7 P	33,3 A	1,9 A	3 A	41,1 A	0,5 A	2,3 A
MUC_00056	AML with normal karyotype	192,6 P	48,1 P	64,5 P	1620,1 P	40 P	17,8 A	1,2 A	1,6 A	1 A	5,9 A
MUC_00058	AML with normal karyotype	79,5 P	79,5 P	76,5 A	1947,1 P	2,6 A	6,5 A	2,5 A	30,6 A	1,2 A	16,8 A
MUC_00061	AML with normal karyotype	180,3 P	129,4 P	53 P	2197,6 P	1,1 A	26,8 A	0,5 A	5 A	18,5 A	19,7 A
MUC_00062	AML with normal karyotype	259,5 P	78,2 P	139,7 P	58,9 P	58,9 P	13,5 A	12,5 A	32,8 A	1,6 A	16,8 A
MUC_00114	AML with normal karyotype	390,2 P	114,4 P	95,1 P	1546,7 P	21,2 A	7,2 A	12,4 A	25 A	6,5 A	25,2 A
MUC_00162	AML with normal karyotype	246,4 P	152,3 P	91,3 P	1278,4 P	55 P	6 A	0,5 A	7,2 A	0,5 A	16 A
MUC_00172	AML with normal karyotype	308 P	270,3 P	152,5 P	1521,5 P	44,3 P	5,8 A	0,6 A	71,8 A	0,6 A	1,6 A
MUC_00207	AML with normal karyotype	210,3 P	81,7 P	47,5 P	573,8 P	13,7 A	1,2 A	2,3 A	12,5 A	0,5 A	4,5 A
MUC_00212	AML with normal karyotype	323,9 P	211,4 P	127,9 P	1397,4 P	97,8 P	24,7 A	0,8 A	13,9 A	0,3 A	11,4 A
MUC_00223	AML with normal karyotype	74,7 P	48,6 P	55 P	740,9 P	8 A	20,2 A	10,1 A	10,6 A	0,7 A	15 A
MUC_00232	AML with normal karyotype	678,6 P	567 P	305,2 P	2007,2 P	19,1 A	10,1 A	5,3 A	2,9 A	9,6 A	12,4 A
MUC_00420	AML with normal karyotype	164 P	85,2 P	126 P	1206,4 P	48,7 P	8,2 A	0,3 A	1 A	10,2 A	3 A
MUC_00427	AML with normal karyotype	108,5 P	55,9 P	115,4 P	149,5 P	6,1 A	12,8 A	6,2 A	17,7 A	2,3 A	1,1 A
MUC_00473	AML with normal karyotype	232,9 P	158 P	40,9 P	1200,2 P	22,4 A	13,5 A	0,5 A	0,9 A	1,3 A	2,4 A
MUC_00475	AML with normal karyotype	252,2 P	214,2 P	70 P	1593,3 P	159,3 P	4,9 A	0,3 A	19,8 A	1,2 A	3,2 A
MUC_00580	AML with normal karyotype	35,6 P	17,3 M	28,4 P	1353,1 P	1 A	21,9 A	0,5 A	3,2 A	7,3 A	1,9 A
MUC_00586	AML with normal karyotype	36,8 P	38,8 P	0,5 A	898,5 P	0,5 A	0,4 A	0,3 A	0,7 A	6,3 A	0,3 A
MUC_00588	AML with normal karyotype	108,4 P	108,4 P	87,6 P	149,5 P	2,7 A	13,3 A	7,5 A	2,1 A	4,8 A	1,4 A
MUC_00677	AML with normal karyotype	229,9 P	154,5 P	161,6 P	3306,8 P	35,1 P	9,1 A	5,5 A	1,9 A	0,9 A	11 A
MUC_00724	AML with normal karyotype	497,1 P	448 P	153,7 P	1535,4 P	56,8 P	0,4 A	0,2 A	71,4 A	0,4 A	3,6 A
MUC_00728	AML with normal karyotype	186,5 P	127,4 P	39 A	1451,3 P	21 A	9,6 A	0,6 A	27,7 A	9,2 A	1,3 A
MUC_00140	AML with normal karyotype	362,4 P	126,4 P	112,4 P	1582,2 P	42,8 A	28,6 P	3,7 A	9,8 A	1,3 A	8 A
MUC_00404	AML with normal karyotype	329,9 P	182,9 P	82,3 P	132,9 P	132,9 P	2,8 A	0,7 A	0,7 A	0,7 A	1,9 A
MUC_00144	AML with normal karyotype	383,7 P	246,7 P	242,8 P	1888 P	9,6 A	16,5 P	9,5 A	1,9 A	7,5 A	9 A
MUC_00155	AML with normal karyotype	509,3 P	313,2 P	41 P	2014 P	16 M	4,8 A	0,8 A	9,2 A	6,2 A	0,6 A
MUC_00173	AML with normal karyotype	151 P	98,1 P	25 P	406,8 P	14,6 A	8,6 A	4,8 A	2,9 A	2,3 A	1,1 A
MUC_00349	AML with normal karyotype	185,3 P	145,5 P	78,1 P	722,3 P	32,9 P	2,7 A	0,4 A	4 A	1,5 A	6,2 A
MUC_00198	AML with normal karyotype	299,2 P	229,2 P	132,1 P	2284,1 P	7,6 A	16,8 A	1,1 A	3,2 A	0,8 A	1,1 A
MUC_00039	AML with normal karyotype	218,2 P	118,4 P	23,4 P	1373,3 P	1,1 A	0,4 A	0,5 A	1,1 A	0,3 A	3,3 A
MUC_00710	AML with normal karyotype	102,1 P	90,8 P	16,9 A	2642,4 P	2,3 A	2,1 A	0,2 A	1,4 A	1,1 A	1,8 A
MUC_00713	AML with normal karyotype	55,2 P	27,9 P	1 A	2129,1 P	15,5 A	8,7 A	0,7 A	1,2 A	0,9 A	2,6 A
MUC_00178	AML with normal karyotype	193,9 P	164,1 P	24,8 A	1397 P	14,1 A	11,2 A	0,7 A	5,1 A	8,8 A	0,5 A
MUC_00185	AML with normal karyotype	743,3 P	614,1 P	1,2 A	3573 P	1,2 A	4,5 A	0,7 A	3,7 A	9 A	4 A
MUC_00413	AML with normal karyotype	97,1 P	23,1 P	72,1 P	1532,4 P	9,2 A	1,2 A	1 A	1,7 A	1,7 A	2,4 A
MUC_00723	AML with normal karyotype	97,1 P	81,5 P	15,4 A	2856,4 P	57,6 P	8,2 A	0,3 A	8,5 A	8,5 A	2 A
MUC_00601	AML with normal karyotype	237,3 P	229 P	27,6 A	1988,4 P	37 P	0,9 A	0,2 A	11,8 A	12,1 P	2,2 A
MUC_00700	AML with normal karyotype	116,6 P	37,3 P	27,1 P	2006,9 P	36 P	1,5 A	0,2 A	1,8 A	0,4 A	0,7 A
MUC_00097	AML with normal karyotype	257,9 P	123,4 P	73,3 A	2389,6 P	25,3 A	11,3 A	0,4 A	12,4 A	2,4 A	3,7 A
MUC_00191	AML with normal karyotype	401,2 P	414,1 P	96,1 P	1770,1 P	22,5 P	6,4 A	0,8 A	3,5 A	1,3 A	14,1 A
MUC_00353	AML with normal karyotype	340 P	295,1 P	36,1 P	1406,2 P	113,4 P	0,4 A	4,6 A	9,3 A	0,8 A	1,6 A
MUC_00355	AML with normal karyotype	233,5 P	113,5 P	34,4 P	1392,4 P	47,7 A	3,5 A	0,5 A	2,6 A	1 A	8,4 A
MUC_00109	AML with normal karyotype	70,1 P	28,5 P	36,6 A	1093,7 P	5 A	18,8 A	8,9 A	3,9 A	1,8 A	5,9 A
MUC_00145	AML with normal karyotype	150,9 P	241,1 P	60,6 P	938 P	79 P	1,2 A	0,9 A	0,9 A	5 A	14,3 A
MUC_00248	AML with normal karyotype	127,4 P	82,5 P	41,5 P	1310,6 P	19,5 A	1,6 A	4,4 A	2,5 A	0,6 A	1,8 A
MUC_00341	AML with normal karyotype	396,2 P	368,3 P	133,4 P	1558,3 P	109,6 P	1 A	9,9 A	2,7 A	4,4 A	4,4 A
MUC_00584	AML with normal karyotype	59,8 P	38,7 P	10 A	2109,1 P	19,1 A	8,1 A	0,3 A	3,3 A	0,5 A	1,5 A
MUC_00648	AML with normal karyotype	364,4 P	305,7 P	283 P	2276,7 P	20,2 M	12,2 A	7,5 A	3,7 A	2,7 A	4,9 A
MUC_00575	AML with normal karyotype	130,7 P	105,1 P	44 A	1527,5 P	36,8 P	9,5 A	8,2 A	1 A	0,7 A	18,9 A
MUC_00187	AML with normal karyotype	226,7 P	150,1 P	69,2 P	1265,9 P	27,6 P	10,6 A	0,5 A	17 A	1 A	3 A
MUC_00202	AML with normal karyotype	395,7 P	267,4 P	81,3 P	1533,6 P	46 P	5,5 A	1,4 A	1,8 A	0,5 A	0,9 A
MUC_00573	AML with normal karyotype	501,8 P	309,7 P	199,8 P	2066,9 P	31,2 P	15,1 A	2,1 A	10 A	0,4 A	1,6 A
MUC_00483	AML with normal karyotype	319,3 P	231,8 P	23,6 A	3052,2 P	45,5 P	1,9 A	0,1 A	16,8 A	10 A	7,6 A
MUC_00583	AML with normal karyotype	54,2 P	36,4 P	29 A	1099,9 P	5,1 A	2,7 A	0,8 A	3,7 A	10,5 A	5,8 A
MUC_00732	AML with normal karyotype	461,3 P	402,8 P	15,5 A	1886,6 P	14,1 A	8,1 A	1,2 A	19,2 A	0,7 A	0,6 A
MUC_00484	AML with normal karyotype	162 P	87,4 P	6,8 A	657,6 P	19,2 A	5,8 A	5,1 A	1,4 A	1,5 A	3,2 A
MUC_00457	AML with normal karyotype	82,2 P	42,6 P	47,7 P	736,1 P	16 P	2,1 A	5,9 A	1,2 A	2,8 A	12,6 A
MUC_00472	AML with normal karyotype	156,1 P	141,2 P	12,8 P	2331,6 P	22,6 P	3,6 A	0,7 A	3,6 A	0,7 A	0,7 A
MUC_00474	AML with normal karyotype	199,5 P	213,2 P	43,5 P	2043,1 P	18,9 P	6,3 A	0,2 A	8,6 A	0,4 A	0,9 A
MUC_00402	AML with normal karyotype	245 P	101,1 P	31,7 P	1056,5 P	16,4 A	12,5 A	5,2 A	1,2 A	1,3 A	10 A
MUC_00510	AML with normal karyotype	385,6 P	368,2 P	172,8 P	1271,4 P	41,4 P	1,4 A	0,4 A	3,9 A	1,4 A	1,6 A
MUC_00622	AML with normal karyotype	120,5 P	74 P	39,3 P	2085,9 P	28,1 A	0,7 A	0,3 A	3,3 A	15,1 A	3,4 A
MUC_00065	AML with normal karyotype	206,7 P	86,4 P	51 P	1956,9 P	1,5 A	15,1 A	14 A	15 A	1,8 A	2,9 A
MUC_00183	AML with normal karyotype	389,2 P	272,8 P	216,1 P	2976,8 P	41,4 P	12,1 A	0,5 A	0,9 A	3,5 A	2,8 A
MUC_00351	AML with normal karyotype	206,7 P	105,8 P	91,4 A	1174,1 P	105,8 P	7,1 A	2,4 A	17,1 A	0,9 A	3,9 A
MUC_00417	AML with normal karyotype	305,2 P	259,6 P	28,2 M	841,4 P	64,7 P	7,9 A	0,3 A	2,8 A	2,2 A	12,5 A
MUC_00463	AML with normal karyotype	200,6 P	111,2 P	53,5 A	1604,9 P	20,9 P	11,4 A	0,1 A	2,9 A	1,3 A	1,3 A
MUC_00479	AML with normal karyotype	230,7 P	106,3 P	37,7 A	2896,7 P	36 M	19,6 A	0,5 A	14,9 A	0,6 A	2,2 A
MUC_00482	AML with normal karyotype	156,4 P	138,7 P	12,4 A	1354,2 P	17,3 A	0,3 A	0,3 A	12,2 A	7 A	1,3 A
MUC_00571	AML with normal karyotype	452,9 P	447,7 P	280,6 P	2708 P	102,6 P	0,2 A	0,2 A	13,8 A	3,2 A	1 A
MUC_00576	AML with normal karyotype	102,5 P	53,8 P	6,9 A	1534,6 P	8,7 A	0,4 A	0,4 A	14,4 A	0,7 A	0,7 A
MUC_00578	AML with normal karyotype	123,7 P	77 P	36,2 A	1632,5 P	1,2 A	4,7 A	16,2 A	5,4 A	1,2 A	1,1 A
MUC_00620	AML with normal karyotype	266,4 P	195,5 P	70,1 M	1851 P	20 P	2,1 A	7,5 A	3,3 A	10,8 A	0,6 A
MUC_00621	AML with normal karyotype	411,9 P	509,6 P	79,6 P	1932,4 P	22,1 A	0,8 A	5,7 A	2,7 A	0,7 A	19,6 A
MUC_00721	AML with normal karyotype	150,4 P	154,3 P	40,7 M	2893,2 P	8,6 A	0,9 A	0,4 A	0,9 A	1,5 A	0,6 A
MUC_00725	AML with normal karyotype	223,5 P	140,5 P	57,5 P	1320,5 P	32,1 P	2,2 A	0,6 A	3,4 A	0,6 A	0,6 A
MUC_00026	AML with normal karyotype	166,7 P	82 P	44,6 P	1508,6 P	14 A	31,2 P	0,6 A	2,5 A	9,4 A	5 A
MUC_00071	AML with normal karyotype	334,5 P	243,3 P	76,3 P	2310,5 P	33,5 A	2,6 A	1,1 A	2,5 A	2,3 A	8,1 A
MUC_00111	AML with normal karyotype	472,9 P	375,6 P	90,8 P	2484,2 P	16,5 A	8,1 A	0,7 A	30,9 A	1,6 A	3,1 A
MUC_00141	AML with normal karyotype	185,6 P	75,6 P	92,1 P	2053,3 P	14,8 A	13,3 A	0,3 A	5,7 A	11,4 A	4,3 A
MUC_00146	AML with normal karyotype	111,9 P	120,9 P	7,5 P	639,9 P	7,5 P	5,7 A	0,2 A	11,5 A	7,2 A	1,2 A
MUC_00163	AML with normal karyotype	253,7 P	91,7 P	30,5 P	1702,2 P	5,4 A	3,1 A	7,6 A	4,9 A	1 A	4,6 A
MUC_00168	AML with normal karyotype	196,4 P	153,7 P	87,8 P	1445,2 P	19,6 A	6 A	0,2 A	3,1 A	7,4 A	2,5 A
MUC_00174	AML with normal karyotype	208,3 P	270 P	183,8 P	1698,8 P	42,6 P	7,5 A	11,3 A	1,7 A	0,4 A	2 A
MUC_00247	AML with normal karyotype	296,5 P	191,8 P	125,6 P	1742,8 P	17,9 A	4,5 A	0,4 A	1,9 A	5,5 A	7,9 A
MUC_00339	AML with normal karyotype	123,1 P	42,2 P	123,1 P	1346,9 P	4,6 P	0,8 A	0,8 A	12,3 A	2,3 A	1,2 A
MUC_00345	AML with normal karyotype	541,6 P	498 P	59,6 P	1982,6 P	65,1 P	6,6 A	2,8 A	22,1 A	13 A	8,2 A

MUC_00350	AML with normal karyotype	325,4 P	223,6 P	56,5 P	1726,6 P	8,7 A	12,4 A	1,1 A	3 A	0,5 A	14,5 A
MUC_00352	AML with normal karyotype	94,4 P	68,4 P	39,7 P	1059,4 P	21 A	5,6 A	0,2 A	1,9 A	0,7 A	6,6 A
MUC_00397	AML with normal karyotype	371,9 P	275,1 P	93,7 P	1047,2 P	14,7 A	9 P	0,7 A	11,9 A	1,1 A	3,4 A
MUC_00398	AML with normal karyotype	457,9 P	351,2 P	106,7 P	134,6 P	8,5 A	8,5 A	4,9 A	8,5 A	0,5 A	15,4 A
MUC_00423	AML with normal karyotype	251,1 P	163,2 P	50,7 P	1982,2 P	17,2 A	13,5 A	7,7 A	2,1 A	1,6 A	3 A
MUC_00432	AML with normal karyotype	246,1 P	239,7 P	163,3 P	3004,6 P	7,8 A	1,7 A	0,2 A	3,9 A	9,3 A	2,3 A
MUC_00685	AML with normal karyotype	98,7 P	21,3 P	20,7 P	1570 P	0,8 A	0,8 A	1 A	1 A	5,5 A	0,8 A
MUC_00088	AML with normal karyotype	174,3 P	59,1 P	137 P	1759,8 P	28,2 A	35,9 P	0,6 A	4,3 A	1,2 A	7,6 A
MUC_00139	AML with normal karyotype	32,5 P	30,2 P	35,3 A	2748,2 P	3 A	23,2 A	0,4 A	45,5 A	0,7 A	4,1 A
MUC_00596	AML with normal karyotype	188,6 P	178 P	12,3 A	900,4 P	16,1 A	10,0 A	0,5 A	4,3 A	10,2 A	6,6 A
MUC_00050	AML with other chromosomal aberrations	435,6 P	152,9 P	155 P	1142,6 P	90,2 P	14,9 A	8,7 A	3,9 A	3 A	1,7 A
MUC_00051	AML with other chromosomal aberrations	90,8 P	28,4 P	38,4 P	555,6 P	16,5 A	9,5 A	1,1 A	4,6 A	9,8 A	3,4 A
MUC_00077	AML with other chromosomal aberrations	522,7 P	150,6 P	183,7 P	2516,5 P	45,9 A	15,3 A	1,6 A	1,9 A	7,1 A	2,5 A
MUC_00313	AML with other chromosomal aberrations	94 P	94,3 P	55,5 P	1296,6 P	17,1 A	10,6 A	0,4 A	2,3 A	0,6 A	3 A
MUC_00395	AML with other chromosomal aberrations	203,7 P	84,3 P	38,7 P	1700,1 P	38,7 P	27,6 P	2,9 A	18,1 A	88,9 P	3,9 A
MUC_00403	AML with other chromosomal aberrations	208,3 P	143,5 P	107,4 P	870,7 P	32,7 P	2,5 A	0,7 A	3,9 A	0,3 A	1,9 A
MUC_00414	AML with other chromosomal aberrations	75,9 P	29,4 P	89,8 P	1306,2 P	4,6 A	12,8 A	0,4 A	3,6 A	0,6 A	18,7 A
MUC_00416	AML with other chromosomal aberrations	326,8 P	227,1 P	324 P	1543,1 P	41,8 P	9,2 A	9,3 A	31,4 A	19,8 A	16,9 A
MUC_00674	AML with other chromosomal aberrations	357,8 P	272,1 P	318,7 P	2100,2 P	54,9 P	0,6 A	0,9 A	1,7 A	7,2 A	3,2 A
MUC_00717	AML with other chromosomal aberrations	303 P	140,8 P	153,5 P	2424 P	10,9 A	15,4 A	3,7 A	16,4 A	0,7 A	1,5 A
MLL_00026	AML with other chromosomal aberrations	249,3 P	138,9 P	361 P	1760,1 P	22,8 A	20,4 A	0,5 A	2,8 A	1,4 A	10,6 A
MUC_00075	AML with other chromosomal aberrations	81,2 P	941,1 P	25,5 P	941,1 P	11,5 A	1,1 A	1,9 A	60,6 A	0,8 A	2,4 A
MUC_00240	AML with other chromosomal aberrations	241,9 P	249,3 P	32,5 P	985 P	57,3 P	5,3 A	0,6 A	6 A	0,6 A	2,1 A
MUC_00659	AML with other chromosomal aberrations	344,8 P	65,3 P	205,6 P	2056,6 P	20,4 P	4,5 A	4,5 A	1,3 A	5,4 A	1,5 A
MUC_00154	AML with other chromosomal aberrations	105,6 P	105,6 P	40,1 A	1561,2 P	3 P	14,1 A	0,7 A	4,6 A	4,8 A	18,1 A
MUC_00477	AML with other chromosomal aberrations	418,3 P	175,1 P	190 P	1239,1 P	71,1 P	0,7 A	1,6 A	40,8 A	1,7 A	1,3 A
MUC_00241	AML with other chromosomal aberrations	151,8 P	2027 P	42 P	2027 P	2,7 A	3,2 A	2,6 A	47,5 A	4,4 A	4,2 A
MUC_00101	AML with other chromosomal aberrations	90 P	79,4 P	52,3 P	970,7 P	12,9 A	1,9 A	3,6 A	11,6 A	0,4 A	1,8 A
MUC_00117	AML with other chromosomal aberrations	296,5 P	122,7 P	62,5 P	2092,4 P	8,8 A	4,4 A	1 A	10,2 A	0,6 A	8,1 A
MUC_00248	AML with other chromosomal aberrations	154 P	127,3 P	164,5 P	187,5 P	18,4 A	18,4 A	0,3 A	18,4 A	13,6 A	2,1 A
MUC_00298	AML with other chromosomal aberrations	289,2 P	91,3 P	88,3 P	2438 P	74,2 P	10,3 A	0,4 A	8,8 A	4,2 A	9,9 A
MUC_00486	AML with other chromosomal aberrations	301,5 P	322,2 P	301,5 P	2306,1 P	77,2 P	3,4 A	0,9 A	3,3 A	10,3 A	1,1 A
MUC_00726	AML with other chromosomal aberrations	429,4 P	387,9 P	55,8 P	1031,1 P	37 P	22,9 P	0,6 A	3,5 A	0,3 A	0,9 A
MUC_00181	AML with other chromosomal aberrations	368,7 P	200,2 P	78,4 P	993,1 P	20 A	7 A	13 A	11,4 A	1 A	3,8 A
MUC_00328	AML with other chromosomal aberrations	159,1 P	90,8 P	134,5 P	132,9 P	12,6 A	50,8 A	0,3 A	2,7 A	0,6 A	1,6 A
MUC_00104	AML with other chromosomal aberrations	358,5 P	219,6 P	137,9 P	1433,5 P	14,8 A	6,2 A	3,2 A	4,1 A	0,7 A	4,3 A
MUC_00408	AML with other chromosomal aberrations	170,4 P	56,8 P	43,7 P	1888,6 P	18,2 A	8,1 A	9 A	18,6 A	1,9 A	10,1 A
MLL_00036	AML with other chromosomal aberrations	87,2 P	56,2 P	59,1 P	816,1 P	10,1 A	7,9 A	14 A	4 A	6,5 A	3,9 A
MLL_00032	AML with other chromosomal aberrations	254,4 P	117,6 P	66 P	1915,4 P	53,2 P	1,2 A	5,6 A	126,3 P	13,1 A	0,7 A
MUC_00138	AML with other chromosomal aberrations	277,1 P	131,9 P	150,6 P	1505,8 P	35,1 A	4,3 A	10,2 A	5 A	1,3 A	4,5 A
MUC_00164	AML with other chromosomal aberrations	228,9 P	125,3 P	8,4 A	959,1 P	18,3 P	6,4 A	0,3 A	7,8 A	0,3 A	8,9 A
MUC_00260	AML with other chromosomal aberrations	114,9 P	43,2 P	73,7 P	3188 P	0,7 A	4,5 A	5,2 A	0,9 A	0,5 A	10,7 A
MUC_00480	AML with other chromosomal aberrations	457,9 P	475,5 P	255,9 P	3006,8 P	25,3 P	0,4 A	3,2 A	3,2 A	0,6 A	1,6 A
MUC_00512	AML with other chromosomal aberrations	581,1 P	679,8 P	28,9 A	1229,1 P	14,1 A	4,3 A	7,8 A	1,9 A	6,8 A	5,1 A
MUC_00597	AML with other chromosomal aberrations	176,8 P	238,9 P	75,8 P	1250,1 P	19,1 P	1,9 A	9 A	2,3 A	8,3 A	2,7 A
MLL_00040	AML with other chromosomal aberrations	143,7 P	56,4 P	25,8 A	2462,2 P	30,7 A	8,5 A	0,2 A	19,5 A	1,5 A	1,7 A
MUC_00166	AML with other chromosomal aberrations	100,3 P	225,2 P	66,4 P	1438,8 P	16,7 A	16,7 A	1 A	1,9 A	0,5 A	1,9 A
MLL_00037	AML with other chromosomal aberrations	288,7 P	74,3 P	74,3 P	934,9 P	57,2 A	33,1 A	0,2 A	17,9 A	0,7 A	18,7 A
MUC_00326	AML with t(1;3)	236,6 P	187 P	52,3 P	1053,4 P	1,5 A	6,2 A	0,5 A	13,7 A	0,7 A	2,2 A
MUC_00195	AML with t(6;9)	129,6 P	32,6 P	39,2 P	397,2 P	32,6 P	0,5 A	1,1 A	13,5 A	1,6 A	3,5 A
MUC_00219	AML with t(6;9)	119,8 P	119,8 P	73,7 P	1174,1 P	3,6 A	2,3 A	0,3 A	13,4 A	2 A	10,6 A
MUC_00506	AML with t(6;9)	251,2 P	211,6 P	164,1 P	1291,6 P	38,6 P	0,6 A	0,6 A	3,7 A	1,7 A	2,2 A
MLL_00008	AML with t(8;16)	385,6 P	248,1 P	96,4 P	2579,4 P	3,7 A	16,6 A	0,3 A	1,4 A	1,3 A	4,8 A
MLL_00061	AML with t(8;16), MOZ-CBP negative, therapy-related	297,4 P	284,6 P	164,2 P	2627,1 P	65,8 P	2,4 A	2,4 A	1,6 A	5,6 A	1,3 A
MLL_00028	AML with t(8;16)	347,4 P	227,8 P	130,4 P	1883,1 P	97,6 P	0,9 A	1,5 A	2,1 A	0,3 A	3 A
MUC_00110	AML with trisomy 11	337,8 P	142,4 P	141,1 P	1289,2 P	5 A	14,1 A	0,8 A	2,9 A	11,4 A	6 A
MLL_00030	AML with trisomy 13 sole	233,6 P	173,6 P	53,2 P	896,6 P	44,6 P	4,3 A	16 A	148,7 P	0,6 A	1,3 A
MLL_00038	AML with trisomy 13 sole	143,5 P	49,3 P	37,4 P	1612,1 P	33,2 M	6,7 A	0,3 A	2,9 A	0,8 A	2,7 A
MLL_00039	AML with trisomy 13 sole	95,8 P	74,8 P	3,4 A	2910 P	38,4 P	1,4 A	0,4 A	134,5 P	7,9 A	10,4 A
MUC_00186	AML with trisomy 13 sole	276 P	221,8 P	82,2 P	1656,6 P	67,2 P	9,1 A	0,9 A	122,7 P	2,7 A	7,3 A
MUC_00242	AML with trisomy 13 sole	186,2 P	70,9 P	46,8 P	744,3 P	70,9 P	1,7 A	0,5 A	36,5 A	1 A	2,7 A
MUC_00250	AML with trisomy 13 sole	101 P	69,2 P	27,1 P	1559,4 P	22,7 A	15,7 A	0,8 A	98,1 P	14,7 A	11,7 A
MUC_00314	AML with trisomy 13 sole	202,5 P	55,3 P	55,3 P	1848,9 P	10,1 A	24,4 P	5,8 A	6,6 A	6,7 A	3,7 A
MUC_00400	AML with trisomy 13 sole	75,7 P	46,7 P	33,4 P	1697,1 P	13,5 A	2 A	1,6 A	2,2 A	1,8 A	6,8 A
MUC_00657	AML with trisomy 13 sole	302,7 P	273,2 P	87,7 P	1174,1 P	21,5 A	3,8 A	0,3 A	15,6 A	1,3 A	2 A
MLL_00031	AML with trisomy 13 sole	125,5 P	54,5 P	2,6 A	1210,8 P	22,1 A	22,8 A	0,6 A	98,2 M	22,7 A	1,4 A
MUC_00096	AML with trisomy 8 sole	234 P	74,4 P	114,8 P	1866,7 P	31 A	3 A	0,6 A	4,3 A	0,4 A	2 A
MUC_00106	AML with trisomy 8 sole	285,5 P	107,2 P	53,2 P	1632,6 P	1,5 A	2,9 A	1,7 A	3,3 A	3,2 A	22,8 A
MUC_00040	AML with trisomy 8 sole	184,1 P	43,2 P	38,6 M	1786,3 P	3,5 A	11,9 M	1,4 A	8,1 A	2,8 A	15,5 A
MUC_00059	AML with trisomy 8 sole	300 P	168,1 P	143 P	1702,8 P	106,7 P	2,7 A	0,3 A	1,9 A	0,7 A	1,7 A
MUC_00193	AML with trisomy 8 sole	476,4 P	217,2 P	132,8 A	381,6 P	29,8 A	24,9 A	0,5 A	3,1 A	17,8 P	7,7 A
MUC_00196	AML with trisomy 8 sole	475,1 P	102,5 P	151,7 P	2146,1 P	21,6 A	21,7 A	1,4 A	1,6 A	2,3 A	1,9 A
MUC_00696	AML with trisomy 8 sole	221,9 P	96,3 P	31,5 P	2120,5 P	1,8 A	1,9 A	2,7 A	16,5 A	2,9 A	1,2 A
MUC_00156	AML with trisomy 8 sole	299,9 P	174,4 P	100,1 P	520,3 P	45,2 P	2,3 A	0,8 A	1,6 A	1,2 A	4,2 A
MUC_00082	AML with trisomy 8 sole	78,9 P	33,5 P	14,4 A	1534 P	3,7 A	16,6 A	0,4 A	5,1 A	0,5 A	1,3 A
MUC_00465	AML with trisomy 8 sole	309,1 P	92,7 P	65,3 P	4498,2 P	32,7 P	27,2 A	0,4 A	2,1 A	9,9 A	14,8 A
MUC_00131	AML with trisomy 8 sole	186,2 P	89,4 P	116,2 P	88,9 P	10,9 A	8,9 P	6,1 A	11,7 A	4,1 A	4,1 A
MUC_00199	AML with trisomy 8 sole	316 P	80,7 P	56,7 P	1484,6 P	8,4 A	19,7 A	1,9 A	47,8 A	1,7 A	8,6 A
MUC_00098	AML with complex aberrant karyotype	335 P	160,7 P	203,7 P	2212,4 P	36,3 A	0,6 A	6,7 A	14,3 A	1,1 A	8,2 A
MUC_00415	AML with complex aberrant karyotype	102,5 P	58,2 P	67 P	1373,3 P	21 P	7,6 A	0,5 A	1,3 A	2,5 A	1,8 A
MLL_00022	AML with complex aberrant karyotype	137,4 P	46 P	263,3 P	1595,5 P	6,4 A	6,6 A	0,4 A	10 A	6,8 A	3,1 A
MLL_00025	AML with complex aberrant karyotype	64,6 P	140,7 P	74,4 P	2120,6 P	140,7 P	19,1 P	0,52 A	19,1 P	0,4 A	15,1 A
MUC_00031	AML with complex aberrant karyotype	224,2 P	96,5 P	306,2 P	1868,1 P	53,7 P	14,7 A	0,9 A	2,1 A	0,9 A	2,1 A
MUC_00038	AML with complex aberrant karyotype	234,6 P	140,9 P	114 P	1299,4 P	57,9 P	1,6 A	0,4 A	2,8 A	1,3 A	6 A
MUC_00046	AML with complex aberrant karyotype	95 P	45,8 P	159,8 P	1336,7 P	3,8 A	19,2 A	0,8 A	18,5 A	1,5 A	19,5 A
MUC_00052	AML with complex aberrant karyotype	108,4 P	108,4 P	33,3 P	67,8 P	19,8 A	3,5 A	2,9 A	2,1 A	0,4 A	13,5 A
MUC_00060	AML with complex aberrant karyotype	439,9 P	1,6 P	1,6 P	136,1 P	1,6 P	1,4 A	0,8 A	16,1 A	4,9 A	3,6 A
MUC_00063	AML with complex aberrant karyotype	234,4 P	89,7 P	160,5 P	1669,9 P	22,3 A	14 A	0,6 A	2 A	1,7 A	4,1 A
MUC_00069	AML with complex aberrant karyotype	107,2 P	62,3 P	126,2 P	1262,4 P	6,5 A	4,7 A	12,1 A	7,2 A	2,3 A	5 A
MUC_00100	AML with complex aberrant karyotype	59,3 P	66,5 P	796,8 P	25,6 P	15,3 A	4,7 A	0,3 A	2,5 A	0,7 A	26,7 A
MUC_00133	AML with complex aberrant karyotype	185,5 P	128,7 P	140,7 P	129,8 P	5,9 A	14,8 A	2,5 A	9,3 A	1,9 A	2 A
MUC_00219	AML with complex aberrant karyotype	228,2 P	121,1 P	109,6 P	1092,6 P	22,5 P	121,1 P	0,5 A	1,8 A	0,5 A	4,6 A
MUC_00245	AML with complex aberrant karyotype	408,4 P	293,5 P	301 P	1863,7 P	49,8 A	4,3 A	0,3 A	31,4 A	1,7 A	4,7 A

MUC_00249	AML with complex aberrant karyotype	50,5 P	21,7 P	17,5 A	184 P	1,7 A	10,9 A	1 A	4,1 A	0,3 A	16,7 A
MUC_00251	AML with complex aberrant karyotype	170 P	123,7 P	1793 P	1793 P	21,9 P	4,6 B	8,9 A	21,1 A	4,6 A	23,5 A
MUC_00252	AML with complex aberrant karyotype	291,3 P	112,6 P	242,1 P	1343,8 P	30,2 M	3 A	0,4 A	45,5 A	0,3 A	4,6 A
MUC_00256	AML with complex aberrant karyotype	171,2 P	7,5 P	1828,9 P	181,4 P	81 A	1,5 A	1,1 A	55,5 A	1,5 A	1,1 A
MUC_00309	AML with complex aberrant karyotype	182,3 P	75,6 P	1842,3 P	77,5 P	13,4 A	31,2 P	0,5 A	36,1 A	0,8 A	43,4 A
MUC_00312	AML with complex aberrant karyotype	108,9 P	45,4 P	94,6 P	3528,7 P	8,2 A	2,3 A	0,8 A	16,5 A	0,8 A	1 A
MUC_00324	AML with complex aberrant karyotype	65,7 P	53 P	135 P	1274,2 P	29,7 A	0,8 A	7,6 A	2,2 A	0,5 A	1,9 A
MUC_00327	AML with complex aberrant karyotype	124,2 P	111,7 P	41 P	1539,8 P	30,3 P	0,8 A	0,4 A	28 A	14,5 A	13,9 A
MUC_00346	AML with complex aberrant karyotype	44,1 P	237,9 P	137 A	1600,1 P	13,7 A	13,2 A	1,8 A	10,3 A	1,3 A	1,8 A
MUC_00354	AML with complex aberrant karyotype	119,7 P	41,3 P	86,2 P	990,4 P	38,4 A	15,9 M	0,5 A	44,3 A	0,8 A	2,1 A
MUC_00401	AML with complex aberrant karyotype	193 P	64 P	105,2 P	2304,7 P	33 P	10,1 A	13,9 A	3,1 A	2,4 A	3,6 A
MUC_00407	AML with complex aberrant karyotype	113,7 P	40,4 P	7,8 A	3563,1 P	44 A	14,9 A	1,1 A	5,5 A	0,6 A	2,4 A
MUC_00503	AML with complex aberrant karyotype	202,9 P	84,7 P	224,3 P	1110,5 P	35,1 M	4,9 A	17,3 A	13,3 A	7,3 A	1 A
MUC_00536	AML with complex aberrant karyotype	171,2 P	117,1 P	94,9 P	1960,7 P	14,4 A	10,2 A	2,6 A	2,2 A	2,2 A	2,2 A
MUC_00544	AML with complex aberrant karyotype	260,1 P	119,9 P	2496 P	108,6 P	3,4 A	1,7 A	2,8 A	22,9 A	9,3 A	2 A
MUC_00563	AML with complex aberrant karyotype	163,9 P	111,1 P	105,2 P	2786,6 P	15,9 A	10,8 A	0,2 A	3,7 A	16,2 A	2,1 A
MUC_00587	AML with complex aberrant karyotype	124,5 P	33 A	1230,2 P	11,6 A	73 A	23,3 A	1,5 A	3,6 A	8,4 A	0,7 A
MUC_00673	AML with complex aberrant karyotype	355,5 P	328,2 P	335,2 P	1601,4 P	58,4 P	5,7 A	3,4 A	2,4 A	0,8 A	0,6 A
MUC_00703	AML with complex aberrant karyotype	111,5 P	77,2 P	118,1 P	1545,9 P	1,6 A	1,7 A	0,2 A	2,6 A	3,4 A	4,7 A
MUC_00253	AML with complex aberrant karyotype	241,7 P	126,5 P	88,7 P	1140,5 P	99,9 P	14,7 P	0,8 A	4,4 A	4,4 A	4 A
MUC_00167	AML with complex aberrant karyotype	287,7 P	111,2 P	62,9 P	2124,7 P	39,6 A	17,2 M	1,8 A	4,6 A	3,6 A	3,6 A
MLL_00023	AML with complex aberrant karyotype	84,5 P	57,3 P	104,8 P	1779,4 P	17,9 A	0,5 A	10,7 A	7,7 A	7,5 A	7,5 A
MUC_00206	AML with complex aberrant karyotype	139,1 P	52,7 P	167,9 P	1084,2 P	33,2 M	25,5 P	1,8 A	1,8 A	0,7 A	6,5 A
MUC_00462	AML with complex aberrant karyotype	87,6 P	58,2 P	70,9 A	2067,8 P	12,1 A	3,5 A	3,6 A	3,2 A	1,4 A	0,5 A
MUC_00478	AML with complex aberrant karyotype	230,8 P	190,5 P	190,5 P	230,8 P	38 P	0,6 A	0,2 A	0,9 A	2,5 A	2,5 A
MUC_00623	AML with complex aberrant karyotype	140,5 P	105,3 P	197,8 P	1185,8 P	15,8 A	1,4 A	6,2 A	10 A	3,4 A	0,6 A
MUC_00567	AML with complex aberrant karyotype	451 P	85,6 P	104,4 P	2344 P	11,5 A	14,9 A	0,7 A	8 A	0,8 A	17,5 A
MUC_00054	AML with complex aberrant karyotype	201 P	100,2 P	30,5 P	1563,8 P	20,5 A	2,6 A	1,1 A	1,5 A	0,9 A	19,2 A
MUC_00095	AML with complex aberrant karyotype	359,9 P	94,5 P	65,9 P	1623,7 P	17,3 A	7,1 A	1,4 A	3,8 A	0,6 A	6,1 A
MUC_00103	AML with complex aberrant karyotype	113,5 P	112,6 P	20 A	1247,2 P	89,3 P	5,4 A	0,2 A	6,2 A	3,7 A	2,2 A
MUC_00705	AML with complex aberrant karyotype	75,1 P	83,7 P	93,6 P	2792,1 P	16,8 P	4,7 A	7,5 A	6 A	3,8 A	0,3 A
MUC_00254	AML with complex aberrant karyotype	52,9 P	41,1 P	17,8 A	706,3 P	21,7 P	5,1 A	0,3 A	0,6 A	3,7 A	11,9 A
MUC_00256	AML with complex aberrant karyotype	24,7 P	18,4 P	14 P	1275,2 P	3,5 A	4,9 A	0,2 A	11,6 A	1,2 A	2,2 A
MUC_00264	AML with complex aberrant karyotype	185 P	121,1 P	71,4 P	1216,1 P	11,8 A	4,9 A	4,3 A	6,7 A	0,4 A	1,3 A
MUC_00244	AML with complex aberrant karyotype	161,5 P	101,9 P	80,9 P	523,5 P	28,4 A	5,2 A	0,8 A	3,5 A	1,4 A	17,3 A
MUC_00320	AML with complex aberrant karyotype	134,9 P	81,4 P	22,5 P	1398,8 P	5,1 A	6 A	0,6 A	4,8 A	1,1 A	2,2 A
MUC_00396	AML with complex aberrant karyotype	339 P	186,9 P	108,5 P	1509,8 P	33,7 A	14,2 A	0,3 A	4,4 A	13,1 A	4,2 A
MUC_00229	CLL no C and F available	671,3 P	625,3 P	1,3 A	1664,3 P	18,8 A	1,6 A	11,1 A	4,5 A	14,2 A	1,8 A
MUC_00586	CLL no C available, F normal, IgVH unmutated	70,9 P	65,3 P	19,6 A	2450,6 P	11,3 A	7,6 A	0,4 A	1,8 A	0,5 A	0,8 A
MUC_00434	CLL normal, IgVH mutated	200,9 P	157,6 P	10,1 P	1974,1 P	11,5 A	10,9 A	0,5 A	11,9 A	1,4 A	1,3 A
MUC_00844	CLL normal, IgVH mutated	154,4 P	237,3 P	6,9 A	3747,8 P	7,4 A	4,4 A	0,8 A	8,1 A	0,8 A	1,5 A
MUC_00846	CLL normal, IgVH mutated	442,4 P	514,9 P	145,3 P	1479,6 P	2,4 A	3,3 A	5,1 A	24,3 A	10,2 A	1,4 A
MUC_00847	CLL normal, IgVH mutated	88,1 P	66,8 P	1,6 A	2315,7 P	5,9 A	13,9 A	0,7 A	1,1 A	5,9 A	6,1 A
MUC_00848	CLL normal, IgVH mutated	106 P	102,5 P	12,6 A	2861,3 P	32,6 A	2,5 A	0,2 A	3,1 A	7,6 A	2,1 A
MUC_00851	CLL normal, IgVH mutated	134,5 P	112,2 P	3,6 A	3022,2 P	10,9 A	112,2 P	5,5 A	24,1 A	0,6 A	1,6 A
MUC_00883	CLL normal, IgVH mutated	137,9 P	153,6 P	1,7 A	4108,8 P	11,1 A	2,1 A	4,2 A	11,9 A	5 A	9 A
MUC_00855	CLL normal, IgVH mutated	99,5 P	46,4 P	6,8 A	1466,1 P	1,7 A	1,8 A	0,5 A	18 A	14,2 A	3 A
MUC_00856	CLL normal, IgVH mutated	86,1 P	63,7 P	36,7 M	3048,4 P	14,6 A	1,4 A	0,4 A	1,4 A	1,6 A	3,5 A
MUC_00858	CLL normal, IgVH mutated	153,1 P	103,8 P	14,2 A	3057,7 P	3,3 A	1 A	2 A	5,1 A	12,2 A	2 A
MUC_00859	CLL normal, IgVH mutated	92,1 P	52,6 P	1,1 A	2980 P	1,1 A	7,8 A	1,2 A	1 A	0,7 A	1 A
MUC_00860	CLL normal, IgVH mutated	120,7 P	94,2 P	7,2 A	3846,4 P	1,2 A	0,9 A	0,3 A	7,3 A	9,3 A	1,8 A
MUC_00861	CLL normal, IgVH mutated	284,8 P	423,6 P	12,5 A	3070,7 P	8 A	3,3 A	0,2 A	1,4 A	3,3 A	0,7 A
MUC_00863	CLL normal, IgVH mutated	58,5 P	53,2 P	16,8 A	1753,6 P	1,1 A	0,6 A	0,3 A	1,3 A	2,2 A	1,7 A
MUC_00864	CLL normal, IgVH mutated	181,3 P	232,8 P	47,1 A	1948,1 P	16,1 A	8,4 A	3,4 A	8,4 A	1,3 A	21,2 A
MUC_00865	CLL normal, IgVH mutated	168,6 P	154,6 P	1,2 A	3752,3 P	23,4 M	10,2 A	1,2 A	2,5 A	1 A	0,7 A
MUC_00866	CLL normal, IgVH mutated	479,4 P	795,4 P	15 A	3835,7 P	5,5 A	1,1 A	0,6 A	2,2 A	0,6 A	1,9 A
MUC_00867	CLL normal, IgVH mutated	530,6 P	971,2 P	30,7 P	2543,4 P	20,4 A	2,4 A	0,6 A	3,7 A	21,6 A	15,6 A
MUC_00868	CLL normal, IgVH mutated	122,5 P	77,9 P	1,9 A	3365,2 P	8,5 A	2,4 A	0,8 A	13 A	1,1 A	11,5 A
MUC_00214	CLL normal, IgVH mutated	405,3 P	503,3 P	21,6 P	1698,4 P	2 A	4,3 A	0,8 A	2,2 A	7,4 A	3,4 A
MUC_00358	CLL normal, IgVH mutated	179,4 P	172,5 P	20,1 P	2301 P	16,8 P	15,1 A	0,5 A	3,8 A	6,9 A	1,4 A
MUC_00552	CLL normal, IgVH unmutated	388,8 P	593,8 P	30,9 A	3645,1 P	10,6 A	14,7 A	0,2 A	1,4 A	1,7 A	7,2 A
MUC_00845	CLL normal, IgVH unmutated	336,1 P	344,7 P	12,4 A	3093,2 P	11,6 A	17 A	0,6 A	33,8 A	5,9 A	1,2 A
MUC_00849	CLL normal, IgVH unmutated	155,4 P	180,6 P	5,4 A	3405,6 P	7,5 A	10,4 A	0,2 A	1,7 A	2,4 A	2,7 A
MUC_00850	CLL normal, IgVH unmutated	120,8 P	73,9 P	22,8 A	2411,6 P	5,9 A	2,4 A	8,7 A	2,4 A	2,4 A	3,7 A
MUC_00852	CLL normal, IgVH unmutated	61,1 P	41,4 P	12,2 A	3096,4 P	21,2 A	12,4 A	0,4 A	32,1 A	23,6 A	18,7 A
MUC_00854	CLL normal, IgVH unmutated	166,9 P	115,6 P	21,8 A	3357,3 P	8,8 A	11,8 A	4,6 A	1,3 A	0,6 A	1,9 A
MUC_00857	CLL normal, IgVH unmutated	34,9 P	16,9 P	4 A	2675,8 P	2,2 A	17,7 A	4,2 A	3,6 A	0,9 A	3,1 A
MUC_00862	CLL normal, IgVH unmutated	121,6 P	101,8 P	13,6 A	2291 P	1,5 A	11,4 A	0,8 A	8,5 A	1,8 A	2,1 A
MUC_00869	CLL normal, IgVH unmutated	148,6 P	97,6 P	9,5 A	4048 P	3,4 A	15,1 A	1,5 A	3,1 A	8,4 A	1,1 A
MUC_00374	CLL normal, IgVH3-21 mutated	232,1 P	171 P	22,2 A	3584,9 P	15,7 A	1,7 A	0,2 A	6,7 A	0,5 A	6,5 A
MUC_00499	CLL with del(11q) and del(13q), IgVH unmutated	114,1 P	19,8 P	16,5 A	2416,3 P	1,2 A	110,8 P	4,9 A	3 A	12,1 A	1,8 A
MUC_00500	CLL with del(11q) and del(13q), IgVH unmutated	77,4 P	51,6 P	0,6 A	1220 P	1,7 A	4,1 A	0,4 A	24,1 A	0,5 A	0,9 A
MUC_00505	CLL with del(11q) and del(13q), IgVH unmutated	65,8 P	84,2 P	26,1 A	2473,7 P	36,3 P	5,8 A	0,4 A	3,3 A	13,6 A	0,8 A
MUC_00419	CLL with del(11q) and other chromosomal aberrations, IgVH3-21 mutate	103,9 P	81,9 P	14 P	2019,7 P	20,7 P	6,2 A	0,6 A	12,1 A	0,2 A	1 A
MUC_00372	CLL with del(11q), del(13q) and other chromosomal aberrations, IgVH ur	263,1 P	185,4 P	23,2 A	2440,4 P	1,4 A	18,7 A	0,3 A	11,7 A	0,6 A	1,8 A
MLL_00013	CLL with del(11q), del(13q) and other chromosomal aberrations, trisomy	154,1 P	154,1 P	13,3 A	192,4 P	3,3 A	4,2 A	0,2 A	9,6 A	1,1 A	1 A
MLL_00010	CLL with del(11q), del(13q) bi-allelic, complex aberrant karyotype, trisom	28,7 P	79,4 P	28,7 P	4408,5 P	4,2 A	12,6 A	0,2 A	4,4 A	8,3 A	9,4 A
MLL_00051	CLL with del(11q), del(13q) bi-allelic, complex aberrant karyotype, trisom	239 P	334,1 P	18,6 A	2158,2 P	17,5 A	2,2 A	0,2 A	0,8 A	5,1 A	0,9 A
MUC_00431	CLL with del(11q), del(13q), IgVH unmutated	62,1 P	38,9 P	32,9 P	2640,6 P	12,2 A	1,5 A	0,6 A	20,9 A	8,5 A	1,1 A
MUC_00272	CLL with del(11q), del(13q), complex aberrant karyotype, IgVH unmutate	169,9 P	121,1 P	5,7 A	1681,7 P	27,6 A	10 A	9,3 A	6,2 A	0,9 A	20 A
MUC_00276	CLL with del(11q), del(13q), complex aberrant karyotype, IgVH unmutate	233,9 P	167 A	23,7 A	943,5 P	38,5 A	10,3 A	1,6 A	21,9 A	36,3 A	6,9 A
MLL_00012	CLL with del(11q), del(13q), complex aberrant karyotype, trisomy 2p, IgV	45,2 P	103,5 P	17,1 A	108,2 P	17,1 A	20,4 A	4,6 A	4,8 A	14,7 A	14,7 A
MLL_00055	CLL with del(11q), del(13q), complex aberrant karyotype, trisomy 2p, IgV	139,7 P	130,3 P	34,2 A	1804,1 P	13,1 A	11,4 A	0,3 A	4 A	0,7 A	18,5 A
MLL_00056	CLL with del(11q), del(13q), complex aberrant karyotype, trisomy 2p, IgV	421,4 P	122,2 P	37,6 A	2341,7 P	1,6 A	18,9 A	0,6 A	8,2 A	6,9 A	9,9 A
MUC_00281	CLL with del(11q), del(17p), complex aberrant karyotype, IgVH unmutate	410 P	545,8 P	4,8 A	2391 P	4,8 A	3,7 A	14,2 A	4,6 A	0,7 A	14,2 A
MUC_00379	CLL with del(11q), IgVH mutated, TP53 wt	125,5 P	86 P	18,4 P	3117,7 P	2,9 A	6,3 A	0,4 A	2,6 A	2,3 A	2,3 A
MUC_00421	CLL with del(11q), IgVH unmutated, TP53 wt	98,8 P	13,9 P	3159,4 P	163,9 P	1,2 A	189,4 P	1,2 A	1,2 A	1,2 A	0,9 A
MUC_00034	CLL with del(11q), IgVH unmutated, TP53 wt	159,6 P	177 P	9 A	3853 P	15 P	2,1 A	1,5 A	0,7 A	5,9 A	5,2 A
MUC_00080	CLL with del(11q), IgVH unmutated, TP53 wt	117,2 P	111,4 P	2,5 A	3124,9 P	2,7 A	4,9 A	1,2 A	14,5 A	1,6 A	12,5 A
MUC_00221	CLL with del(11q), IgVH unmutated, TP53 wt	87,7 P	30,3 P	14,5 A	1578,3 P	0,7 A	7,7 A	0,8 A	1,2 A	0,6 A	1,8 A
MUC_00369	CLL with del(11q), IgVH unmutated, TP53 wt	110,1 P	107 P	1,7 A	2056,7 P	27,3 P	8,4 A	0,3 A	1,2 A	2 A	5,5 A
MUC_00367	CLL with del(11q), TP53 wt	239,3 P	121,3 P	1,9 A	1215,3 P	1,9 A	1,9 A	6,3 A	1,9 A	4,6 A	3,9 A
MUC_00271	CLL with del(11q), trisomy 12, del(17p), complex aberrant karyotype, IgV	276,9 P	234,5 P	3,7 A	3714,4 P	1,7 A	10,9 A	0,4 A	2 A	0,2 A	1,9 A

MUC_00067	CLL with del(11q), complex aberrant karyotype, IgVH unmutated, TP53	360,8 P	236,2 P	24,3 P	1980,5 P	16,5 A	5 A	1,1 A	8,7 A	1,2 A	3,6 A
MUC_00278	CLL with del(11q), untypical complex aberrant karyotype, IgVH unmutated	158,3 P	125,9 P	106,9 P	2182,7 P	12,6 A	2182,7 P	5,9 A	2,2 A	2,1 A	6,6 A
MUC_00235	CLL with del(13q)	592 P	613,8 P	18,7 A	2148,8 P	15,3 A	13,9 P	0,7 A	3,5 A	1,9 A	1,2 A
MUC_00040	CLL with del(13q)	49 P	86,1 P	14 P	1707,4 P	8,4 A	9,6 A	1,0 A	1,4 A	1,9 A	2,2 A
MUC_00296	CLL with del(13q) and other chromosomal aberrations, IgVH mutated	93,7 P	80,5 P	17,2 A	2541 P	8,5 A	2541 P	0,9 A	2,8 A	8,5 A	1,2 A
MUC_00303	CLL with del(13q) and other chromosomal aberrations, IgVH mutated	449,9 P	550,5 P	8,3 A	2407,4 P	9,1 A	6,3 A	0,6 A	3,2 A	0,2 A	0,7 A
MUC_00304	CLL with del(13q) and other chromosomal aberrations, IgVH mutated	204,3 P	187,4 P	9,6 P	2548,7 P	24,5 P	2548,7 P	1 A	1,9 A	0,9 A	0,8 A
MUC_00319	CLL with del(13q) and other chromosomal aberrations, IgVH mutated	76,1 P	33,8 P	8,7 A	2282,5 P	14,9 A	1,4 A	0,3 A	3,8 A	1,2 A	9,2 A
MUC_00295	CLL with del(13q) and other chromosomal aberrations, IgVH unmutated	234,1 P	210,6 P	40,7 A	1915,1 P	13,8 A	0,7 A	0,7 A	1,9 A	0,9 A	4 A
MUC_00308	CLL with del(13q) and other chromosomal aberrations, IgVH unmutated	181,6 P	200,7 P	2,1 A	2801,8 P	1,4 A	2801,8 P	0,3 A	8,1 A	5,8 A	2,3 A
MUC_00371	CLL with del(13q) and other chromosomal aberrations, IgVH3-21 IgVH n	301,2 P	291,2 P	13,9 A	3355,4 P	2,7 A	10,8 A	0,4 A	3 A	0,7 A	4,2 A
MUC_00534	CLL with del(13q) and other chromosomal aberrations, IgVH3-21 mutate	224,5 P	242,7 P	31,9 A	2210 P	15,7 P	0,5 A	0,1 A	9,6 A	0,2 A	1,6 A
MLL_00014	CLL with del(13q) and other chromosomal aberrations, trisomy 2p, IgVH	276,8 P	236 P	14,9 P	1888 P	13,6 A	2,9 A	0,4 A	9,2 A	1,4 A	1,8 A
MLL_00020	CLL with del(13q) and other chromosomal aberrations, trisomy 2p, IgVH	272,4 P	169,7 P	29 P	2654,7 P	15,5 A	14,3 A	0,3 A	2,8 A	1,5 A	3,2 A
MUC_00322	CLL with del(13q) and other chromosomal aberrations, trisomy 2p, IgVH	82,6 P	52,8 P	2,7 A	1903,6 P	18,4 A	5,9 A	1,4 A	24,3 A	4,4 A	4,4 A
MUC_00295	CLL with del(13q) bi-allelic and other chromosomal aberrations, IgVH m	359,4 P	376,7 P	11 A	1888,4 P	14 A	7,6 A	1,2 A	2,8 A	2,2 A	2,7 A
MUC_00300	CLL with del(13q) bi-allelic and other chromosomal aberrations, IgVH m	82,9 P	35,1 P	19 P	2542 P	24,8 A	9,4 A	0,6 A	30,3 A	6,7 A	23,6 A
MUC_00301	CLL with del(13q) bi-allelic and other chromosomal aberrations, IgVH m	104 P	107,6 P	4,4 A	2421,8 P	4 A	6,2 A	0,5 A	1,2 A	0,3 A	1,6 A
MUC_00311	CLL with del(13q) bi-allelic and other chromosomal aberrations, IgVH m	423,8 P	578,4 P	0,3 A	2270,9 P	25,1 P	14,3 P	0,6 A	2,1 A	0,6 A	7,3 A
MLL_00015	CLL with del(13q) bi-allelic and other chromosomal aberrations, trisomy	193,3 P	57,8 P	25,1 P	1858,5 P	7,8 A	20,8 A	0,8 A	3,5 A	18,6 A	18,6 A
MLL_00058	CLL with del(13q) bi-allelic, del(17p), complex aberrant karyotype, trisom	203,9 P	252,5 P	99,4 P	1221,1 P	24,2 A	22 A	0,4 A	3,4 A	7,7 A	12,7 A
MUC_00439	CLL with del(13q) bi-allelic, IgVH mutated	110 P	167,2 P	5,7 A	2237,6 P	28,7 A	0,7 A	1,2 A	3,2 A	0,8 A	4,1 A
MUC_00294	CLL with del(13q) bi-allelic, IgVH mutated, TP53 wt	129,1 P	83,8 P	10,1 A	1844,9 P	12,9 A	12,9 A	3,1 A	19 A	10,7 A	5,8 A
MUC_00363	CLL with del(13q) bi-allelic, IgVH mutated, TP53 wt	97,9 P	67,9 P	23,4 M	1034,6 P	1,5 A	11,1 A	0,2 A	18,8 A	0,5 A	1,4 A
MUC_00364	CLL with del(13q) bi-allelic, IgVH mutated, TP53 wt	142,8 P	115,4 P	10,5 P	1858 P	14,2 P	6,8 P	0,3 A	20,2 A	0,6 A	5,5 A
MUC_00370	CLL with del(13q) bi-allelic, IgVH mutated, TP53 wt	90 P	64,9 P	12,5 A	2369,9 P	8,2 A	1,9 A	4,9 A	4,3 A	0,4 A	2,8 A
MUC_00378	CLL with del(13q) bi-allelic, IgVH mutated, TP53 wt	52,8 P	42,4 P	4,9 A	2915,6 P	1,1 A	0,5 A	0,5 A	18,4 A	3,2 A	1,2 A
MUC_00380	CLL with del(13q) bi-allelic, IgVH mutated, TP53 wt	165,4 P	162,5 P	18,1 A	2321,4 P	6,2 A	22,6 P	3,2 A	6 A	10 A	13,3 A
MUC_00373	CLL with del(13q) bi-allelic, no C available, IgVH mutated, TP53 wt	120,2 P	90,1 P	1,1 A	3150,1 P	13,9 A	7,4 A	0,3 A	5,1 A	0,7 A	3,9 A
MUC_00375	CLL with del(13q) bi-allelic, no C available, IgVH3-21 mutated, TP53 wt	127,8 P	93,2 P	17,8 A	227,8 P	2,7 A	7,5 A	0,3 A	3,9 A	7,3 A	7,3 A
MUC_00282	CLL with del(13q) bi-allelic, complex aberrant karyotype	210,8 P	236,6 P	11,8 A	2270,4 P	12,1 A	2,6 A	0,3 A	20,6 A	2,1 A	21,1 A
MUC_00274	CLL with del(13q) bi-allelic, complex aberrant karyotype	71,5 P	42,8 P	17,9 A	2844,9 P	0,5 A	1,9 A	0,4 A	21,5 A	0,6 A	1,4 A
MUC_00288	CLL with del(13q) bi-allelic, complex aberrant karyotype	145 P	205,5 P	20,2 P	2791,1 P	12,9 A	0,6 A	1 A	10,8 A	0,2 A	1,3 A
MUC_00273	CLL with del(13q), del(17p), typical complex aberrant karyotype, IgVH m	220,2 P	248,9 P	8,5 A	2337,2 P	10,2 A	1,3 A	0,2 A	6,5 A	1,1 A	6,6 A
MLL_00011	CLL with del(13q), del(17p), complex aberrant karyotype, trisomy 2p, Ig	125,6 P	115,4 P	7,1 A	2170,8 P	3,2 A	10,3 A	8,7 A	40,9 A	0,9 A	2,8 A
MUC_00037	CLL with del(13q), IgVH mutated	185,7 P	172,2 P	13,4 A	3199,1 P	1,6 A	17,5 A	2,4 A	1,4 A	1,6 A	4,3 A
MUC_00564	CLL with del(13q), IgVH mutated	57,9 P	58,9 P	8,7 A	2777 P	16,9 A	10,6 A	0,8 A	47,4 A	22,6 A	16,7 A
MUC_00359	CLL with del(13q), IgVH mutated, TP53 wt	329 P	367,8 P	41,2 P	2371,4 P	9,2 A	3 A	5,6 A	3,3 A	12,4 A	10,1 A
MUC_00360	CLL with del(13q), IgVH mutated, TP53 wt	269,4 P	260,8 P	5,1 A	2201,5 P	7,9 A	4,1 A	5,3 A	3,9 A	1,1 A	2,6 A
MUC_00361	CLL with del(13q), IgVH mutated, TP53 wt	312,9 P	325,1 P	64,9 P	1642,6 P	6,1 A	12,1 A	0,3 A	1,2 A	15,7 A	12,3 A
MUC_00362	CLL with del(13q), IgVH mutated, TP53 wt	147,5 P	129,7 P	2,4 A	2700,5 P	2,6 A	13,4 A	6,1 A	1,5 A	8 A	1,6 A
MUC_00368	CLL with del(13q), IgVH mutated, TP53 wt	535,8 P	516,7 P	16,6 A	1700,1 P	3 A	19 A	4,3 A	5,8 A	1,5 A	2,8 A
MUC_00376	CLL with del(13q), IgVH mutated, TP53 wt	142,3 P	68,1 P	24,5 P	2748 P	3,5 A	16,2 M	0,4 A	1,4 A	0,9 A	2,9 A
MUC_00382	CLL with del(13q), IgVH mutated, TP53 wt	155,4 P	126 P	17,8 P	2145,5 P	8,7 A	0,7 A	0,4 A	4 A	9,5 A	1,6 A
MUC_00498	CLL with del(13q), IgVH unmutated	228,7 P	219,2 P	0,6 P	3905 P	0,7 A	49,9 P	0,4 A	0,7 A	1,5 A	3,1 A
MUC_00537	CLL with del(13q), IgVH unmutated	338,8 P	473,5 P	59,1 P	2554,2 P	3,3 A	12,7 A	1,2 A	19,7 A	1,9 A	7,3 A
MUC_00357	CLL with del(13q), IgVH unmutated, TP53 wt	289,8 P	255,4 P	26,1 P	2083,7 P	9,7 A	11,4 A	0,4 A	4,1 A	1,3 A	2,8 A
MUC_00218	CLL with del(13q), no C available, IgVH mutated	590,8 P	574,1 P	20,8 P	2648,3 P	31,1 P	0,2 A	1,8 A	1,3 A	12,7 A	12,3 A
MUC_00124	CLL with del(13q), no C available, IgVH mutated	223,4 P	207,3 P	35,6 P	2082,5 P	2,4 A	15,2 A	0,2 A	1,9 A	1 A	3,7 A
MUC_00535	CLL with del(13q), trisomy 12 independent clone, IgVH unmutated	103,7 P	60,8 P	13 A	3010,5 P	11,2 A	7,5 A	1,2 A	1,3 A	1,3 A	1,1 A
MUC_00280	CLL with del(13q), complex aberrant karyotype, IgVH mutated	91 P	8,8 P	8,8 P	2617,2 P	0,4 A	8,4 A	0,4 A	1,4 A	0,7 A	2,4 A
MUC_00568	CLL with del(13q), complex aberrant karyotype, IgVH mutated	220,1 P	237,2 P	10,9 A	2879,2 P	1,4 A	1,4 A	0,4 A	2,3 A	1 A	0,9 A
MUC_00226	CLL with del(13q), complex aberrant karyotype, IgVH3-21 mutated, TP5	308,8 P	275,9 P	27,5 P	1667,1 P	2,3 A	8,1 A	0,6 A	19,1 A	1,9 A	2,1 A
MLL_00053	CLL with del(13q), complex aberrant karyotype, trisomy 2p, IgVH mutat	124,8 P	178 P	7,9 A	3810,1 P	14,2 A	3,5 A	1,2 A	2,4 A	1,5 A	2,1 A
MLL_00016	CLL with del(13q), complex aberrant karyotype, trisomy 2p, IgVH unmut	474 P	490,2 P	71,8 P	1831,1 P	41 P	16,9 A	0,6 A	3,1 A	0,4 A	3,2 A
MLL_00018	CLL with del(13q), complex aberrant karyotype, trisomy 2p, IgVH unmut	76,3 P	57 P	5,8 A	2360,7 P	10,8 A	4,7 A	0,4 A	7,9 A	14,7 A	6,4 A
MLL_00019	CLL with del(13q), complex aberrant karyotype, trisomy 2p, IgVH unmut	78,4 P	30,8 P	13,1 A	2147,7 P	19 A	9,7 P	0,9 A	1,6 A	0,3 A	2,7 A
MLL_00054	CLL with del(13q), complex aberrant karyotype, trisomy 2p, IgVH unmut	300,4 P	255,2 P	98,1 P	2817,9 P	3,8 A	18 A	9 A	5 A	7,7 A	10,3 A
MUC_00356	CLL with del(17p), IgVH unmutated, TP53 mut	413,7 P	322,9 P	20,7 P	2977,6 P	15,5 M	17 P	1,5 A	10,7 A	1,8 A	2,6 A
MUC_00228	CLL with del(17p), complex aberrant karyotype, IgVH mutated, TP53 m	150,9 P	144,7 P	12,9 P	2560,5 P	2 A	9,9 A	0,2 A	2,9 A	0,9 A	2,3 A
MUC_00270	CLL with del(17p), complex aberrant karyotype, IgVH unmutated, TP53	491,4 P	383,9 P	92,4 P	1434,9 P	4,1 A	4,3 A	0,2 A	3 A	0,4 A	0,7 A
MUC_00377	CLL with del(6q), del(11q), del(13q) and other chromosomal aberrations,	189,7 P	140,7 P	16 A	2020,5 P	2,9 A	2,2 A	0,3 A	29,9 A	4,5 A	1,4 A
MLL_00059	CLL with del(6q), del(13q) and other chromosomal aberrations, trisomy 2	116,6 P	82 P	12,9 A	2021,4 P	15,5 A	1,1 A	1,6 A	1,6 A	0,6 A	6,2 A
MUC_00381	CLL with del(6q), IgVH mutated, TP53 wt	610,9 P	546,5 P	15,5 A	2077,4 P	24,3 A	2,4 A	0,8 A	5,7 A	0,4 A	6,7 A
MUC_00307	CLL with other chromosomal aberrations	557,9 P	637,2 P	4,8 A	2305,8 P	5,1 A	9,1 M	0,2 A	3,1 A	1,5 A	14,8 A
MUC_00438	CLL with other chromosomal aberrations, IgVH mutated	144 P	105 P	9 A	2338,1 P	1,3 A	15,2 A	1,7 A	12,3 A	0,4 A	4,9 A
MUC_00366	CLL with other chromosomal aberrations, IgVH mutated, TP53 wt	76,9 P	36,5 P	0,4 A	1177,4 P	12 A	15,5 A	2,6 A	2,9 A	3,1 A	19,9 A
MLL_00017	CLL with other chromosomal aberrations, trisomy 2p	150,8 P	70,5 P	122,3 P	1853,4 P	9,5 A	8,1 A	0,7 A	13,9 A	1,7 A	3,5 A
MLL_00050	CLL with other chromosomal aberrations, trisomy 2p	107,3 P	74,2 P	1,2 A	2238,9 P	1,2 A	13,9 A	0,6 A	2 A	1,3 A	7,8 A
MUC_00275	CLL with other chromosomal aberrations, trisomy 2p, IgVH mutated	164 P	135,3 P	11,8 A	2650,7 P	33 A	21,8 P	7,2 A	7,1 A	2 A	3,2 A
MUC_00293	CLL with other chromosomal aberrations, trisomy 2p, IgVH unmutated	269,9 P	189,9 P	10 A	2819,9 P	6,7 A	6,5 A	0,7 A	10,4 A	8,1 A	8,2 A
MUC_00813	CLL with t(11;14) sole, IgVH mutated	134,4 P	130,5 P	6,6 A	1847,9 P	6,6 A	3,7 A	3,5 A	1,8 A	8,2 A	7,6 A
MUC_00812	CLL with t(14;18) and del(13q), IgVH mutated	123,5 P	55 P	7,9 A	1734,8 P	4,5 A	2,7 A	0,9 A	3,8 A	0,8 A	1,1 A
MUC_00822	CLL with t(14;18) and other chromosomal aberrations, IgVH mutated	243,5 P	242,2 P	7,1 A	4695,6 P	2,7 A	3,7 A	6,2 A	3,9 A	0,4 A	8,5 A
MUC_00425	CLL with t(14;18) and trisomy 12, IgVH mutated	48,9 P	32,6 P	28,1 P	2290 P	5,2 A	1,8 A	7,7 A	2,5 A	6,8 A	14,2 A
MUC_00334	CLL with t(14;18) and trisomy 12, independent clone with del(13q) sole,	107,1 P	53,4 P	10,8 A	2680,5 P	10,5 A	2,4 A	0,2 A	40,4 A	3,7 A	1,2 A
MUC_00830	CLL with t(14;18) sole, IgVH mutated	303,8 P	378,7 P	40,7 A	4454,4 P	17,7 A	4,5 A	6,5 A	2,4 A	1 A	2,2 A
MUC_00288	CLL with t(14;19), IgVH unmutated	273,1 P	265,1 P	16,4 A	2916,3 P	25,6 M	2 A	3,7 A	9,8 A	1,2 A	7,5 A
MUC_00286	CLL with t(14;19), trisomy 12, IGH, del(17p), complex aberrant karyotyp	199,4 P	140,2 P	9 A	1636,2 P	19,8 A	21,6 P	0,5 A	3,8 A	2,2 A	22,3 A
MLL_00045	CLL with t(14;19), trisomy 12, IgVH unmutated	188,6 P	186,6 P	0,9 A	3047,7 P	0,9 A	0,9 A	0,4 A	2 A	3,7 A	0,9 A
MLL_00048	CLL with t(14;19), trisomy 12, IgVH unmutated	107,1 P	94,4 P	4,6 A	4015,1 P	4,3 A	11,7 A	1,1 A	1,1 A	5,3 A	1,1 A
MLL_00042	CLL with t(14;19), trisomy 12, complex aberrant karyotype, IgVH unmut	288,8 P	291,4 P	21,6 A	288,8 P	0,5 A	0,9 A	0,5 A	0,9 A	1,9 A	0,5 A
MLL_00043	CLL with t(14;19), complex aberrant karyotype, IgVH unmutated	184,3 P	180,4 P	19,8 M	2056,6 P	1 A	11,1 A	0,4 A	1 A	0,4 A	4,9 A
MLL_00044	CLL with t(14;19), complex aberrant karyotype, IgVH unmutated	276 P	286,2 P	9,4 A	3452,7 P	6,8 A	7 A	0,5 A	1,4 A	1,9 A	0,8 A
MUC_00429	CLL with trisomy 12 and other chromosomal aberrations, IgVH unmutate	91,6 P	37,3 P	7,8 A	2198,2 P	1,3 A	9 A	2,5 A	20,5 A	0,5 A	10 A
MUC_00559	CLL with trisomy 12 and other chromosomal aberrations, IgVH unmutate	532,2 P	462,6 P	9 A	1488,6 P	1,3 A	3,8 A	0,3 A	1,5 A	1 A	4,1 A
MUC_00283	CLL with trisomy 12 and other chromosomal aberrations, IgVH unmutate	224,6 P	209,2 P	20,9 P	2190,2 P	1,5 A	1,5 A	0,5 A	2,9 A	1,4 A	2,8 A
MUC_00269	CLL with trisomy 12, del(13q), del(17p) small subclone, complex aberrar	341,1 P	391,1 P	17,1 A	3002,8 P	9,5 A	3,9 A				

MUC_00182	MDS with other chromosomal aberrations, RA	524,1 P	310,3 P	702,7 P	1443,6 P	59,8 A	10,3 A	0,7 A	10,2 A	1,8 A	2,5 A
MUC_00289	MDS with other chromosomal aberrations, RAEB-1	309,1 P	179,4 P	122,3 P	2589,7 P	4,4 A	10,9 A	1,1 A	4,6 A	1,5 A	3,5 A
MUC_00338	MDS with other chromosomal aberrations, RAEB-1	247,8 P	59,6 P	83,4 P	1471,3 P	1 A	5,3 A	0,3 A	11,6 A	0,6 A	3,1 A
MUC_00333	MDS with other chromosomal aberrations, RAEB-2	236,4 P	188,4 P	236,4 P	1329,2 P	10,2 A	10,4 A	0,3 A	11,6 A	1,1 A	2,3 A
MUC_00334	MDS with other chromosomal aberrations, RAEB-2	247,9 P	97,5 P	1081,7 P	135 P	1,6 A	16 P	0,7 A	1,6 A	1,4 A	8,6 A
MUC_00489	MDS with other chromosomal aberrations, RAEB-2	286,1 P	214,8 P	72,6 P	1805,7 P	7,2 A	1,4 A	0,3 A	2,9 A	0,8 A	5,9 A
MUC_00495	MDS with other chromosomal aberrations, RAEB-2	325,1 P	267,9 P	155,1 P	2240,2 P	17,9 A	2,7 A	0,8 A	1,5 A	2,2 A	2,2 A
MUC_00631	MDS with other chromosomal aberrations, RAEB-2	350,5 P	134,8 P	178,8 P	1637 P	1 A	23,6 A	0,3 A	1,1 A	11,7 A	5,7 A
MUC_00135	MDS with other chromosomal aberrations, RARS	203,2 P	151,3 P	174,6 P	149,9 P	14,9 A	1,1 A	0,5 A	6,7 A	1,1 A	23,1 A
MUC_00197	MDS with other chromosomal aberrations, RARS	495,2 P	169 P	436,3 P	1809,6 P	19,3 A	6,1 A	0,5 A	3,8 A	0,7 A	7,7 A
MUC_00335	MDS with other chromosomal aberrations, RCMD	101,1 P	38,6 P	139,4 P	2011,3 P	2,7 A	1 A	2,6 A	18,7 A	1,8 A	4 A
MLL_00062	MDS with t(6;9), RAEB-2	193,1 P	214,5 P	191,2 P	1734,1 P	14,9 A	10,6 A	1,3 A	23,8 A	15,1 A	2 A
MUC_00299	MDS with trisomy 11 sole, RAEB-2	112,6 P	40,3 P	27,6 A	1210,3 P	130,1 P	33,7 A	12,4 A	4,4 A	16,9 A	2,6 A
MUC_00734	MDS with trisomy 8 sole, CMML-1	123,4 P	54,2 P	709 P	130,1 P	5,3 A	14,2 A	0,5 A	2,4 A	1,2 A	8,8 A
MUC_00736	MDS with trisomy 8 sole, CMML-2	410,2 P	348,8 P	338,7 P	783,3 P	41,6 P	24,6 A	1,5 A	1,1 A	12,4 A	19,8 A
MUC_00740	MDS with trisomy 8 sole, CMML-2	795,5 P	399,6 P	126 P	1688,2 P	18,4 A	2,5 A	1 A	3,5 A	1,4 A	15,3 A
MUC_00742	MDS with trisomy 8 sole, CMML-2	329,5 P	225,2 P	170,1 P	1447,8 P	6,8 A	17,1 A	2,4 A	2,9 A	1,3 A	2,1 A
MUC_00119	MDS with trisomy 8 sole, RAEB-1	429,1 P	129 P	116,8 P	1843,3 P	16,2 A	9,5 A	0,4 A	17,4 A	2 A	4,9 A
MUC_00190	MDS with trisomy 8 sole, RAEB-2	571 P	266,9 P	372,6 P	1257,9 P	125,1 P	15,7 A	0,5 A	3,4 A	0,4 A	4 A
MUC_00579	MDS with trisomy 8 sole, RAEB-2	327,7 P	162,3 P	132,4 A	2244,1 P	15,7 A	7,3 A	1,1 A	2 A	1,5 A	11,6 A
MUC_00645	MDS/MPS overlap with normal karyotype	377,7 P	248,3 P	138,5 P	1628,7 P	14,9 A	10,5 A	7 A	1,3 A	0,7 A	1,1 A
MUC_00394	MDS/MPS with del(5q)	144,3 P	8,9 A	109,3 P	1116,6 P	55,3 A	55,1 A	30 A	47,6 A	42,2 A	16,6 A
MUC_00708	non leukemia	858,3 P	416,7 P	519,7 P	2287,7 P	5,2 A	11,8 A	4,5 A	53,7 A	11,6 A	13,2 A
MUC_00192	non leukemia	258,9 P	109,7 P	206,7 P	2066,7 P	30,3 A	4,9 A	2,6 A	3,1 A	5,9 A	3,2 A
MUC_00562	non leukemia	258,9 P	167 P	150,4 P	315,6 P	158,4 P	8,3 A	0,8 A	1,9 A	1,5 A	1,5 A
MLL_00027	non leukemia, haemolysis	192,6 P	108,2 P	163,2 P	1447,5 P	34,3 P	42,6 P	1,5 A	45,3 A	2,8 A	13,3 A
MUC_00517	non leukemia, haemolysis	244,8 P	97,3 P	272,6 P	2464,7 P	6,7 A	1,3 A	0,2 A	2,3 A	2,3 A	6 A
MUC_00540	non leukemia, haemolysis	638,2 P	259,1 P	165,2 P	2950,1 P	3,2 A	1,8 A	5,9 A	2,4 A	4,8 A	8,7 A
MUC_00745	non leukemia, haemolysis	1202,6 P	304,6 P	200,6 P	1776,2 P	41,7 A	19,2 A	2,8 A	9,7 A	0,5 A	2,6 A
MUC_00748	non leukemia, haemolysis	1393,9 P	329,3 P	390,9 P	4050,9 P	42,9 P	19,1 A	14,7 A	20,2 A	23,6 A	2,6 A
MUC_00747	non leukemia, haemolysis	541,4 P	362,5 P	339,3 P	2541,8 P	6,9 A	13,4 A	5,2 A	9,3 A	0,4 A	12,7 A
MUC_00748	non leukemia, haemolysis	606,5 P	253,5 P	158,9 P	2139 P	61 A	3 A	1,8 A	8,9 A	6,6 A	22,7 A
MUC_00749	non leukemia, haemolysis	430,1 P	164,3 P	106,5 P	2204,1 P	14,6 A	21 A	1,6 A	28,2 A	16,6 A	15,7 A
MUC_00750	non leukemia, haemolysis	374,2 P	77,1 P	68,2 P	2206,1 P	4,6 A	44,8 A	10,9 A	19,2 A	2,9 A	2,6 A
MUC_00751	non leukemia, haemolysis	191,51	329,4 P	77,6 P	1900,7 P	77,6 P	20,1 A	19,3 P	10,1 A	1,6 A	1,6 A
MUC_00689	non leukemia, hemolysis	559,3 P	250,5 P	356,4 P	3395,2 P	10,4 A	3,3 A	0,3 A	13,3 A	1 A	2,9 A
MUC_00730	non leukemia, iron deficiency	313,3 P	119,1 P	158,5 P	2599,8 P	42,7 A	26 A	0,6 A	15,8 A	15,4 A	17,7 A
MUC_00781	non leukemia, iron deficiency	413,3 P	111,5 P	97,5 P	1907,2 P	37,6 A	0,8 A	0,9 A	2 A	8,2 A	3,3 A
MUC_00774	non leukemia, iron deficiency	332,3 P	254,2 P	68,7 A	1117 P	3,9 A	5,4 A	0,7 A	2 A	1,6 A	2,2 A
MUC_00112	non leukemia, ITP	211,1 P	30,6 P	75 P	3007,2 P	3,2 A	1,8 A	4,4 A	3,1 A	0,6 A	5,5 A
MUC_00469	non leukemia, ITP	231,1 P	119,1 P	209,6 P	3389,9 P	8,7 A	1,7 A	0,4 A	19,1 A	1,4 A	1,1 A
MUC_00602	non leukemia, ITP	273 P	223,2 P	319 P	1546,8 P	5,1 A	15,7 A	0,3 A	14,5 A	0,5 A	3,5 A
MUC_00762	non leukemia, ITP	282,8 P	221,7 P	174,7 P	1949,6 P	6 A	29,3 A	1 A	2,2 A	0,8 A	18,1 A
MUC_00763	non leukemia, ITP	190,4 P	126,4 P	63,6 M	2080,1 P	2 A	18,6 A	7,9 A	2,2 A	0,4 A	1 A
MUC_00764	non leukemia, ITP	161,5 P	103 P	94,4 A	2103,9 P	37,2 A	12,4 A	5,5 A	16 A	1,6 A	7,4 A
MUC_00765	non leukemia, ITP	287,7 P	84 P	130,2 P	2346,5 P	5,7 A	13,8 A	0,2 A	3,2 A	0,5 A	0,9 A
MUC_00766	non leukemia, ITP	190,1 P	108,7 P	1713,5 P	102,2 P	3,5 A	10,9 A	12,3 A	1,6 A	14,4 A	1,1 A
MUC_00767	non leukemia, ITP	373,6 P	373,5 P	485,4 P	1310,7 P	14,3 A	39,9 A	0,3 A	7,6 A	2,4 A	16,5 A
MUC_00768	non leukemia, ITP	415,2 P	290,4 P	224,8 P	1660,6 P	11,3 A	5 A	2 A	6,8 A	2,7 A	3,1 A
MUC_00769	non leukemia, ITP	167,7 P	72,4 P	9 A	1455,7 P	9 A	0,8 A	1,2 A	4,4 A	0,4 A	0,8 A
MUC_00076	non leukemia, megaloblastic anemia	258,5 P	258,5 P	354,7 P	2316,6 P	103,5 P	0,6 A	0,6 A	26,3 A	0,5 A	2,5 A
MUC_00598	non leukemia, megaloblastic anemia	420,8 P	289,1 P	421,2 P	2528 P	41,3 M	3,8 A	0,5 A	1,1 A	4,5 A	0,8 A
MUC_00617	non leukemia, megaloblastic anemia	344,3 P	173,6 P	290,6 P	1802,2 P	49,1 P	1,2 A	0,2 A	1,7 A	11,1 A	2,2 A
MUC_00775	non leukemia, megaloblastic anemia	225,9 P	225,9 P	69,8 P	1550,6 P	104,5 P	16,1 A	1,4 A	1,4 A	4,6 A	3 A
MUC_00776	non leukemia, megaloblastic anemia	424,5 P	249,3 P	103,2 A	2197,3 P	29,2 A	15,7 A	1,1 A	2 A	2 A	6,8 A
MUC_00777	non leukemia, megaloblastic anemia	750,6 P	202,9 P	86,7 P	1436,6 P	112,1 M	7,8 A	49 P	12,1 A	24,8 A	2 A
MUC_00778	non leukemia, megaloblastic anemia	417,4 P	221,9 P	392,1 A	1849,1 P	52,1 A	4,3 A	4,3 A	5,2 A	16,9 A	2,5 A
MUC_00779	non leukemia, megaloblastic anemia	404,3 P	227,2 P	202,3 P	2167,7 P	45,2 A	41,1 A	0,4 A	7,6 A	3,8 A	2 A
MUC_00780	non leukemia, megaloblastic anemia	280,2 P	169,5 P	49,6 P	862,1 P	199,2 P	11,4 A	11,4 A	4 A	2,3 A	11,4 A
MUC_00781	non leukemia, megaloblastic anemia	441,9 P	285 P	325 P	2814 P	31 A	5,3 A	1,6 A	15,7 A	22,2 A	3,2 A
MUC_00782	non leukemia, megaloblastic anemia	469,8 P	227,4 P	239,8 P	2349,7 P	108,8 P	6,3 A	8,6 A	4,3 A	2,7 A	14 A
MUC_00105	non leukemia, normal bone marrow	245,8 P	121 P	183,6 P	2652 P	30,5 P	4,2 A	0,8 A	2,1 A	0,6 A	5,7 A
MUC_00152	non leukemia, normal bone marrow	590,2 P	308,8 P	333,8 P	1673,5 P	58,8 P	14,8 A	9 A	6,3 A	2,2 A	3,1 A
MUC_00179	non leukemia, normal bone marrow	405,8 P	358 P	41,7 P	1650,8 P	12,4 A	4,5 A	6,2 A	18,5 A	1 A	6 A
MUC_00215	non leukemia, normal bone marrow	709,7 P	253,5 P	215,5 P	1563,9 P	58,4 A	14,2 A	5,2 A	6,1 A	1,3 A	4,5 A
MUC_00528	non leukemia, normal bone marrow	324,9 P	234,7 P	131,2 P	2555,5 P	10,2 A	5,2 A	0,5 A	12,4 A	7,1 A	1,1 A
MUC_00532	non leukemia, normal bone marrow	269 P	228,8 P	36,7 A	990,7 P	2,2 A	14,9 A	1,1 A	11,6 A	0,3 A	2,2 A
MUC_00548	non leukemia, normal bone marrow	314,6 P	186,7 P	95,7 P	2482,8 P	24,7 A	9 A	4,9 A	2,1 A	5,3 A	1,5 A
MUC_00549	non leukemia, normal bone marrow	183,2 P	81,2 P	80,5 P	2772,8 P	1,8 A	11,7 A	0,7 A	2,5 A	1 A	0,9 A
MUC_00581	non leukemia, normal bone marrow	175,6 P	87,3 P	54,3 P	1992,7 P	0,8 A	1,4 A	0,6 A	18,8 A	1,1 A	11,2 A
MUC_00600	non leukemia, normal bone marrow	150 P	43,3 P	72,5 P	2351,4 P	2 A	4,3 A	0,3 A	8,7 A	0,5 A	3,6 A
MUC_00636	non leukemia, normal bone marrow	264,6 P	264,5 P	70,1 A	1428,2 P	29,2 A	22,6 P	1,3 A	10,2 A	1 A	4,7 A
MUC_00653	non leukemia, normal bone marrow	56,3 P	41,7 P	132,8 P	1789,9 P	0,8 A	4,1 A	2,1 A	7,8 A	0,8 A	0,5 A
MUC_00683	non leukemia, normal bone marrow	133,1 P	51,7 P	111,9 P	1812,6 P	10,7 A	5,2 A	0,8 A	1,5 A	4,4 A	2,6 A
MUC_00729	non leukemia, normal bone marrow	529,9 P	312,4 P	566 P	1667 P	18,9 A	0,6 A	0,3 A	10,9 A	9,2 A	0,9 A
MUC_00744	non leukemia, reactive conditions	862,3 P	301,8 P	274,3 P	2031,5 P	51 A	14,5 A	6,9 A	6,9 A	14,4 A	30,7 A
MUC_00081	non leukemia, reactive conditions	94,2 P	56,9 P	126,6 P	1561,1 P	7,6 A	1,4 A	4,7 A	4,7 A	1,1 A	15,8 A
MUC_00115	non leukemia, reactive conditions	222,9 P	81,2 P	257,3 P	2048,7 P	4,2 A	22,4 A	0,5 A	21,1 A	1,6 A	4,7 A
MUC_00150	non leukemia, reactive conditions	386 P	160 P	300,8 P	1648,2 P	3,5 A	17 A	1,5 A	4,2 A	2,2 A	9,9 A
MUC_00180	non leukemia, reactive conditions	285,8 P	133,1 P	116,1 P	1512,8 P	20,9 A	9,8 A	2 A	4,9 A	2,6 A	3,4 A
MUC_00184	non leukemia, reactive conditions	198,9 P	126,8 P	144,8 P	1596,3 P	12,3 A	7,8 A	0,7 A	13,4 A	6 A	7,2 A
MUC_00198	non leukemia, reactive conditions	348,4 P	126,2 P	145,6 P	1457,5 P	8,3 A	19,5 A	1,3 A	19,5 A	1,3 A	11,7 A
MUC_00203	non leukemia, reactive conditions	346,6 P	223,4 P	99 P	1493,3 P	1,4 A	14,6 M	6,4 A	4,2 A	1 A	7,8 A
MUC_00211	non leukemia, reactive conditions	597,6 P	806 P	1032,7 P	3 A	3 A	41,6 A	0,4 A	30,4 A	1,9 A	2,1 A
MUC_00230	non leukemia, reactive conditions	213,4 P	116 P	2018,5 P	142,2 P	12,9 A	16,2 P	0,7 A	2,5 A	0,6 A	1,1 A
MUC_00515	non leukemia, reactive conditions	557 P	625,4 P	160,8 P	1883,5 P	22,9 A	0,6 A	0,7 A	7,9 A	8,9 A	1,7 A
MUC_00516	non leukemia, reactive conditions	133,4 P	235,6 P	2186,6 P	115,6 P	23,2 A	4,4 A	2,3 A	24,3 A	14,8 A	2,3 A
MUC_00518	non leukemia, reactive conditions	190,9 P	126,5 P	147,9 P	1164 P	3,9 A	1,7 A	0,5 A	12,5 A	2,4 A	1,7 A
MUC_00519	non leukemia, reactive conditions	349,3 P	225,5 P	229,1 P	3129,3 P	32,6 P	13,2 A	10,5 A	1,5 A	0,4 A	1,1 A
MUC_00520	non leukemia, reactive conditions	349,2 P	219,5 P	51,7 P	1891,2 P	17,3 A	2,1 A	0,7 A	1,3 A	1,7 A	1 A
MUC_00521	non leukemia, reactive conditions	211,3 P	79,9 P	144,4 P	2052,6 P	1,8 A	12,5 A	0,9 A	0,8 A	1,9 A	3,5 A
MUC_00522	non leukemia, reactive conditions	302,9 P	181 P	1861 P	3 A	3 A	0,8 A	3,4 A	2,7 A	3 A	3 A
MUC_00523	non leukemia, reactive conditions	543,1 P	430,6 P	196,7 P	1687,2 P	21,5 P	16,2 A	8,3 A	3,7 A	6,7 A	0,9 A

MUC_00524	non leukemia, reactive conditions	284,3 P	252 P	177,7 P	1692,7 P	24,5 P	10,6 A	0,6 A	2,5 A	10,5 A	1,3 A
MUC_00525	non leukemia, reactive conditions	566,1 P	672,9 P	116,5 P	2539,7 P	15,8 A	11 A	0,4 A	3,1 A	1,9 A	2,2 A
MUC_00526	non leukemia, reactive conditions	358,9 P	273,7 P	210 P	2109 P	19,2 A	0,9 A	4,6 A	5,3 A	3,7 A	2,3 A
MUC_00527	non leukemia, reactive conditions	335,9 P	197,5 P	117,4 P	2686,1 P	6,8 A	7,7 A	1,5 A	3 A	0,7 A	1,6 A
MUC_00529	non leukemia, reactive conditions	179,1 P	179,1 P	84,7 P	1409,6 P	18,7 A	18,7 A	0,9 A	2,3 A	1 A	4,1 A
MUC_00530	non leukemia, reactive conditions	184,7 P	123,7 P	266,3 P	1924,8 P	5,3 A	0,9 A	0,3 A	30,2 A	1,5 A	3,5 A
MUC_00531	non leukemia, reactive conditions	307,4 P	187,8 P	116,7 P	1367,2 P	6,3 A	1 A	3,9 A	2,1 A	1,1 A	1,1 A
MUC_00533	non leukemia, reactive conditions	435 P	305,8 P	206 P	1768,7 P	12,5 A	13,7 A	1 A	3,7 A	5,7 A	16,3 A
MUC_00538	non leukemia, reactive conditions	453,2 P	494 P	162,3 P	2634 P	18,1 A	8,1 A	6,9 A	11,6 A	0,8 A	0,7 A
MUC_00541	non leukemia, reactive conditions	452,8 P	117 P	167,4 P	2867,6 P	12,6 A	10,6 A	0,3 A	2,5 A	0,8 A	8,7 A
MUC_00542	non leukemia, reactive conditions	359,5 P	97,8 P	90,7 P	1488,1 P	9,7 A	11,5 A	0,3 A	3,8 A	0,4 A	21,2 A
MUC_00546	non leukemia, reactive conditions	162,6 P	92,6 P	104,1 A	1731 P	2,9 A	1,4 A	7,1 A	21,3 A	7 A	0,9 A
MUC_00547	non leukemia, reactive conditions	185,8 P	126,3 P	165,8 P	1641,1 P	2,8 A	10,3 A	6,7 A	4,5 A	1,7 A	0,9 A
MUC_00550	non leukemia, reactive conditions	413,1 P	432,4 P	133,7 P	2175,7 P	24,8 P	12,7 A	0,9 A	1,4 A	1,1 A	1,1 A
MUC_00551	non leukemia, reactive conditions	636,4 P	508,5 P	282,6 P	2219,3 P	28,3 A	28,3 A	0,7 A	1,3 A	2,1 A	10,8 A
MUC_00556	non leukemia, reactive conditions	194,2 P	205,1 P	175,2 P	2668,1 P	18,1 A	18,1 A	0,2 A	12,9 A	17,4 A	1,2 A
MUC_00560	non leukemia, reactive conditions	373,6 P	3143,6 P	110,1 P	3143,6 P	15,9 A	0,8 A	8,3 A	8,2 A	10,2 A	1,1 A
MUC_00561	non leukemia, reactive conditions	430,6 P	164,8 P	172,8 P	3015,9 P	18 A	23,4 A	12,6 A	4,6 A	12,9 A	10,7 A
MUC_00565	non leukemia, reactive conditions	141,3 P	85,2 P	148,7 P	2899,3 P	9,1 A	11,6 A	5,6 A	18,6 A	4,7 A	1,5 A
MUC_00577	non leukemia, reactive conditions	290,7 P	131,7 P	327,5 P	2842 P	18 A	1,7 A	1,1 A	3,1 A	2,1 A	2,3 A
MUC_00582	non leukemia, reactive conditions	448,9 P	382,5 P	493,2 P	4011,9 P	57,8 P	5 A	0,2 A	30,5 A	5,6 A	1,3 A
MUC_00608	non leukemia, reactive conditions	368,7 P	228,6 P	227 P	1800,1 P	13,9 A	1,3 A	10 A	16,3 A	11,9 A	0,7 A
MUC_00612	non leukemia, reactive conditions	237,5 P	247 P	156,3 P	1814,3 P	19,4 A	3,3 A	0,7 A	2,4 A	0,9 A	0,8 A
MUC_00627	non leukemia, reactive conditions	327,6 P	179,7 P	100,3 P	2333,3 P	30,9 P	6,8 A	2,9 A	6,8 A	2,2 A	0,9 A
MUC_00635	non leukemia, reactive conditions	437,9 P	259 P	264,7 P	1310,5 P	26,6 A	14 A	3,2 A	3,2 A	11,9 A	1,4 A
MUC_00637	non leukemia, reactive conditions	475,9 P	124,9 P	122,9 P	2250 P	22,2 A	2,2 A	0,6 A	2,5 A	0,5 A	2 A
MUC_00638	non leukemia, reactive conditions	304 P	200,4 P	97,9 P	1242,3 P	10 A	24,4 A	0,5 A	1,8 A	8,1 A	14,1 A
MUC_00666	non leukemia, reactive conditions	385,8 P	72,4 P	108,1 P	2907 P	61,4 A	1,5 A	17 A	3,2 A	3,1 A	4,3 A
MUC_00770	non leukemia, SAA	634,7 P	514,5 P	119,2 P	1486,7 P	6,8 A	29,5 A	1,2 A	36,3 A	2 A	12,2 A
MUC_00771	non leukemia, SAA	371,6 P	139 P	20,9 A	2384,2 P	32,8 A	17,6 A	0,3 A	6,3 A	1,3 A	2,1 A
MUC_00772	non leukemia, SAA	230 P	70,5 P	134,3 P	1856,1 P	30,3 A	5,1 A	1,7 A	3,1 A	1,1 A	6,8 A
MUC_00773	non leukemia, SAA	555,2 P	147,7 P	46,4 P	2608,2 P	2 A	5,5 A	4,4 A	19,1 A	2,4 A	3,7 A
MUC_00752	non leukemia, toxic bone marrow damage	197,9 P	149,2 P	41,3 P	1031,4 P	26,6 A	4,3 A	1,6 A	33,5 A	3,7 A	3,3 A
MUC_00753	non leukemia, toxic bone marrow damage	187,8 P	96,6 P	63,3 P	3426,1 P	1,5 A	56 A	1,2 A	23,8 A	1,3 A	1,8 A
MUC_00754	non leukemia, toxic bone marrow damage	302,2 P	240,9 P	156,2 P	1366,4 P	2,6 A	4,6 A	1,2 A	37,4 A	2,1 A	0,8 A
MUC_00755	non leukemia, toxic bone marrow damage	273,6 P	205,4 P	136,1 P	1615,4 P	7,4 A	5,7 A	0,4 A	4,2 A	9,9 A	23,4 A
MUC_00756	non leukemia, toxic bone marrow damage	567,2 P	560,6 P	186,4 P	193,2 P	14,5 A	17,7 A	1,2 A	6,8 A	2,3 A	3,8 A
MUC_00757	non leukemia, toxic bone marrow damage	304,5 P	120,5 P	180,6 P	1619,6 P	0,6 A	4,3 A	11,5 A	3,9 A	2 A	1,5 A
MUC_00758	non leukemia, toxic bone marrow damage	506,2 P	203,2 P	28,8 A	1986,2 P	9,4 A	15 A	7,5 A	34 A	6,7 A	6,4 A
MUC_00759	non leukemia, toxic bone marrow damage	301,9 P	97,8 P	32,1 A	1577,2 P	34,4 A	18,9 A	0,3 A	4,1 A	1,8 A	7,2 A
MUC_00760	non leukemia, toxic bone marrow damage	515,7 P	126,5 P	103,3 P	2513,1 P	7,9 A	9,1 A	16,5 A	11,7 A	1,1 A	2,2 A
MUC_00789	non leukemia, toxic bone marrow damage	157,3 P	157,9 P	124,4 P	1136,6 P	15,4 A	15,4 A	0,4 A	2,9 A	1,9 A	1,1 A
MUC_00225	normal oder MDS	1012,1 P	333,7 P	295,3 P	1865,7 P	70,9 A	22,5 P	0,5 A	54,5 A	1,2 A	18,3 A
MUC_00200	normal oder MPS	644,1 P	499,8 P	118,9 P	1591,6 P	7,7 A	15,5 A	7,8 A	11,4 A	5,1 A	5,4 A

1,7 A	20 A	16,9 A	11 A	17,7 A	1 A	69 A	30,3 A	23,3 A	36,1 A
20,9 A	26 A	32,9 A	7,1 A	2,3 A	5,3 A	5,4 A	2,2 A	0,7 A	14,1 A
2 A	24,2 A	4,4 A	2,6 A	4,2 A	4,8 A	34,7 A	3,5 A	55,7 P	1,8 A
5,5 A	47,9 A	39,4 A	11,7 A	11,7 A	24,4 A	10,7 A	4,4 A	11,2 A	13,4 A
2,3 A	32 A	3,2 A	30,6 A	12,1 A	1,3 A	17,7 A	4,5 A	3,9 A	1,1 A
13,9 A	5,1 A	7,3 A	7,4 A	18,2 A	9,4 A	25,4 A	6,5 A	3,5 A	2,2 A
5,7 A	16,1 A	6,4 A	71,3 A	10,1 A	8,5 A	13,2 A	14 A	23,9 A	3,3 A
4,4 A	8,6 A	2,9 A	8,2 A	3,8 A	8,3 A	31,2 A	29,4 A	11,7 A	7,9 A
4 A	36,9 A	5,9 A	27,2 A	89,8 A	21,7 A	61,8 A	4,3 A	12,5 A	8,8 A
6,3 A	26 A	32,8 A	98,5 A	96,7 A	10,3 A	38,7 A	6,9 A	39,6 A	4,8 A
4,9 A	61,8 A	21,1 A	11,5 A	32,8 A	8,8 A	69,9 A	12 A	19,5 A	27,8 A
4,2 A	18,1 A	6,2 A	61,1 A	54 A	5,9 A	18,6 A	25,4 A	1,2 A	18,1 P
1,7 A	10,8 A	14,1 A	13,7 A	11 A	12,3 A	67,2 P	13,3 A	80,6 P	9,9 A
26,3 A	31,6 A	17,7 A	4 A	5,6 A	22,2 A	73,9 P	3,4 A	7 A	1,1 A
17,7 A	17,3 A	1,7 A	9,2 A	2,2 A	2,2 A	23,2 A	12,6 A	0,3 A	11,1 A
5,1 A	39,7 A	3,5 A	19 A	18,3 A	2,7 A	53,9 A	54,5 A	80,9 P	12,9 A
3,9 A	9,2 A	2,6 A	28,1 A	49,2 A	4,3 A	34,6 A	15,4 A	16,1 A	3,7 A
24,2 A	19,4 A	11,1 A	25,8 A	21 A	1,5 A	90,6 M	1,9 A	2,3 A	4,7 A
3,2 A	25,8 A	3,4 A	42,3 A	43,3 A	19,1 A	42,9 A	3,8 A	22,5 A	10,6 A
12,1 A	20,1 A	2,3 A	67,9 M	79,8 M	2,2 A	116,8 P	37,2 A	99,1 P	14,8 A
1,7 A	19,7 A	23 A	6,4 A	5,9 A	5 A	5,5 A	49,7 P	173,6 P	44,5 P
9,4 A	2,9 A	4,7 A	19,7 A	2,4 A	22,3 A	38,4 A	14,5 A	25,1 A	24,5 A
8,2 A	9,9 A	3,1 A	14,4 A	3 A	3,3 A	14,1 A	11,8 A	65,7 P	23,4 P
1,6 A	12,4 A	2,5 A	12,1 A	0,4 A	0,4 A	3,4 A	1,1 A	12,2 A	12,7 P
8,5 A	19,9 A	22,9 A	16,9 P	5,1 A	16,9 P	25,1 A	4,4 A	32,5 A	20,9 A
14 A	5,2 A	14,5 A	5,9 A	2,5 A	0,7 A	55,8 M	15,9 A	43,9 A	15,2 A
15,3 A	2,2 A	10,6 A	10,5 A	17,7 A	2,7 A	21,8 A	27,4 A	183,2 P	39,6 P
5 A	4,7 A	2,4 A	0,8 A	4,6 A	1 A	28,6 P	32,1 M	88,8 P	35,1 P
12,3 A	19,4 A	14,5 A	34,9 A	5,5 A	12,1 A	15,8 A	23,2 A	54,5 A	28,4 A
11,6 A	41,8 A	20,7 A	2,6 A	2,6 A	2,6 A	53,6 A	16,3 A	23,9 A	13 A
4,8 A	43,4 A	5 A	77,1 A	13,2 A	25,7 A	38,7 A	34 P	1,2 A	20,4 A
8,1 A	26,7 A	1,8 A	41,5 A	37,6 A	15,1 A	57,2 M	3,8 A	1,5 A	3,2 A
0,8 A	17,5 A	2,5 A	14,2 A	3,9 A	8,3 A	38,9 M	1,5 A	14,3 A	5,1 A
5 A	12,3 A	3,1 A	3,6 A	20,6 A	4,1 A	54,4 A	6 A	5,4 A	1,9 A
4,8 A	2,3 A	15,1 A	5,7 A	2,9 A	5,7 A	75,8 A	7,6 A	1,2 A	8,8 A
0,8 A	9,6 A	3 A	18,5 A	2 A	1,3 A	46 A	1 A	0,4 A	1,9 A
2,6 A	4,5 A	3,4 A	11 A	6,3 A	5,9 A	19,3 A	19,3 A	8,6 A	15,2 A
3,1 A	1,8 A	1,2 A	3,8 A	1,7 A	1,7 A	13,4 A	6,1 A	1,8 A	1,8 A
4,3 A	30,2 A	2,7 A	23,5 A	10,5 A	2,2 A	75,7 A	1 A	14,5 A	2,1 A
8,9 A	27 A	6 A	7,2 A	25,6 A	4,2 A	140,5 P	2,4 A	1,2 A	20 A
12 A	36,5 A	17,2 A	3,8 A	5,4 A	4,5 A	47,6 A	12,7 A	1 A	14,8 A
6,7 A	6,3 A	2,4 A	8,6 A	2,6 A	8,3 A	50,9 A	17,6 A	18,9 A	2,9 A
2,7 A	5,6 A	3 A	2,4 A	6,4 A	1,1 A	7,9 A	13,3 A	3,1 A	12,3 A
4,5 A	5,5 A	2,4 A	11,9 A	17,5 A	5,4 A	14,9 A	13,5 A	0,5 A	5,1 A
17,9 A	8,8 A	3,4 A	21,1 A	2,5 A	5,2 A	66,4 A	3,9 A	1,4 A	5,5 A
14,4 A	27,8 A	8,1 A	6,4 A	4,7 A	5,9 A	48,8 A	4,8 A	0,7 A	2,5 A
2,7 A	26 A	13,3 A	6,3 A	2,7 A	2,7 A	47,2 A	26 A	10,4 A	16,4 A
5,4 A	34,1 A	7,8 A	18,2 A	19,9 A	18 A	52,7 A	14,6 A	2 A	25,1 A
2,8 A	47,7 A	4,7 A	39,9 A	5,1 A	1,9 A	9,6 A	2,1 A	1,9 A	16,5 A
2 A	3,4 A	3,7 A	3,7 A	2,7 A	2 A	42,6 A	3,6 A	1,4 A	10,8 A
14,2 A	6,1 A	3,4 A	16,6 A	18,2 A	3,4 A	45,9 P	2,1 A	9,3 A	3 A
3,6 A	7,7 A	12 A	23,8 A	7,8 A	1,1 A	55 A	6 A	1,6 A	1,6 A
3,4 A	1 A	11,7 A	19,1 A	32,4 A	3,6 A	10,4 A	12,5 A	15,8 A	7,5 A
1,5 A	1,7 A	1 A	17,4 P	3,4 A	9,4 A	12,2 A	31,1 A	31,6 P	8 A
4,6 A	11,7 A	16,9 A	11,8 A	5,8 A	2,8 A	8,8 A	16,9 A	5,7 A	2,7 A
5,4 A	8 A	12,2 A	10,6 A	11,3 A	7,1 A	59,6 A	11,3 A	5 A	1,1 A
3,6 A	19,8 A	20,5 A	12,9 A	6,7 A	16,9 A	29,9 A	6,7 A	0,6 A	1,8 A
2,6 A	4,3 A	2,6 A	4 A	4,4 A	1 A	58,5 P	8,3 A	16,5 A	2 A
17,8 A	3,2 A	3,6 A	1,4 A	1,9 A	11 A	8,3 A	8,8 A	8 A	14,3 A
1,7 A	7,4 A	0,7 A	11,6 A	8,2 A	17,7 A	24,8 A	12,8 A	8,6 A	3,8 A
3 A	5,6 A	2,3 A	4,2 A	6,6 A	1,7 A	39,2 A	1,9 A	7 A	6,7 A
13,4 A	4,9 A	25 A	25,1 A	5,8 A	0,9 A	3 A	10,6 A	2,8 A	7 A
6,8 A	12,7 A	2,6 A	13,8 A	5,7 A	11,3 A	40,8 A	2,6 A	5 A	10,5 A
10,4 A	2,3 A	1,9 A	28,6 A	1,3 A	2,1 A	10 A	1,9 A	0,8 A	0,5 A
1,4 A	2,8 A	9,2 A	12,6 A	1,9 A	1,1 A	19 A	6,1 A	0,5 A	3,3 A
3,8 A	15,9 A	7,2 A	12,6 A	2,4 A	2,4 A	44,8 P	5,9 A	0,8 A	2,2 A
4,8 A	6 A	4,7 A	8,3 A	5,4 A	1,9 A	40,5 M	0,8 A	1,6 A	5,9 A
0,9 A	5 A	2,7 A	1,9 A	15,7 A	28 A	33,6 A	20,2 A	9,5 A	11,1 A
5,9 A	18,4 A	19,2 A	10,2 A	2 A	3,2 A	43,5 A	9,8 A	10,7 A	5 A
18,8 A	26,6 A	6,4 A	11,3 A	5,3 A	7,1 A	70,9 P	20,8 A	1,6 A	1,6 A
15,7 A	42,6 A	6,8 A	11,8 A	4 A	12 A	29,5 M	2,2 A	9,9 A	13,5 A
2,5 A	3 A	11,8 A	8,5 A	15,6 A	7,1 A	31,3 A	17 A	6,2 A	2,7 A
2,7 A	2,5 A	14,4 A	33,5 P	51,7 A	0,6 A	49,3 A	11,4 A	10,6 A	7,2 A
26,9 A	17,2 A	12 A	26,1 P	11,1 A	22,3 A	31,7 A	8,8 A	5,4 A	0,6 A
12,1 A	6,2 A	5,2 A	3,7 A	18,7 A	1,6 A	37,4 A	2,9 A	6,6 A	1,1 A
2,6 A	3,7 A	1,3 A	20 A	5,3 A	22,4 A	36,2 A	0,7 A	1,8 A	1,6 A
22,4 A	23,1 A	3,8 A	9,5 A	21,7 A	4,1 A	25,4 A	4,4 A	16,5 A	6,9 A
3,3 A	14,1 A	9,8 A	6 A	2,1 A	4,5 A	4,1 A	1,4 A	13,3 A	5,8 A
1,8 A	2,1 A	12,7 A	26,1 A	2,1 A	1,5 A	60 A	1,6 A	11,7 A	0,9 A
1,1 A	3,3 A	3,5 A	15,9 A	10 A	0,6 A	31,8 A	4 A	5,8 A	1,6 A
2,3 A	2,3 A	2,2 A	19,5 A	3,1 A	1,6 A	11,4 A	0,6 A	2,1 A	1,4 A
11,6 A	17,4 A	15,2 A	15,2 A	8,7 A	22,4 A	11,1 A	11,1 A	7,2 A	1,6 A
2,4 A	21,2 A	5,1 A	38 A	6,6 A	2,1 A	62,5 A	7,4 A	2,4 A	8,4 A
2,9 A	10,7 A	2,2 A	6,1 A	15,1 A	2,7 A	63,2 A	4,5 A	18,6 A	6,7 A
3,8 A	12,8 A	1,7 A	4,4 A	3,5 A	5,2 A	40,2 A	12,7 A	1,1 A	10,4 A
19,5 A	33,6 A	14,5 A	30,5 A	5,6 A	7,4 A	35,2 A	4,7 A	2,6 A	24,1 A
2,9 A	13,6 A	3,8 A	13,6 A	11 A	13,6 A	41,7 A	32,5 A	5,5 A	14,1 A
12,5 A	8,1 A	33,1 A	7 A	8,2 A	4,6 A	37,5 A	4,4 A	5,6 A	12,3 A
19,5 A	24,2 A	10,1 A	3,9 A	20,6 A	2,7 A	49,5 A	1,4 A	4,9 A	1,3 A
2,7 A	15,8 A	2,5 A	4,5 A	7,1 A	10,4 A	66,9 P	1,6 A	3 A	1,7 A
12,8 A	9,9 A	3,7 A	23,7 A	4,5 A	7,1 A	68,8 P	2,3 A	4,7 A	6,7 A
3,5 A	17,1 A	33,3 A	70,4 P	76,7 A	2,7 A	66,9 P	1,6 A	0,5 A	1,9 A
4,2 A	23,9 A	4,8 A	17,9 A	7,3 A	2,6 A	64,8 M	9,7 A	1,5 A	6,4 A

4,1 A	17,4 A	7,6 A	10 A	10,9 A	12,9 A	76,7 A	2,8 A	15,1 A	14,4 A
2,7 A	26,2 A	3,4 A	27,2 A	7,8 A	6,8 A	4,2 A	22,6 A	4,5 A	2,3 A
2,4 A	11,9 A	18,2 A	30,9 A	47,1 A	2,2 A	59,2 A	2,2 A	1,3 A	1,8 A
17,2 A	9,7 A	29,6 A	23,7 A	8,1 A	7,5 A	91,9 P	13,1 A	6,9 A	1,6 A
18,9 A	24,2 A	2,9 A	42,6 A	53,8 A	2 A	88 M	34,9 A	13,5 A	1,2 A
2,9 A	11,6 A	4,2 A	24,3 A	8,2 A	9,4 A	52,4 M	1,5 A	1,8 A	3,2 A
1,5 A	18,4 A	26 A	17,2 A	1,8 A	9,9 A	19,1 A	2,9 A	0,6 A	7,2 A
18,6 A	27,4 A	5,2 A	61,3 A	16,1 A	7,1 A	69,4 A	54 A	73,1 P	2,4 A
33,4 A	53,3 A	24,4 A	73,9 A	122,3 P	5 A	29,8 A	28,4 A	29,8 A	38,6 A
1,1 A	2,1 A	19,1 A	1,4 A	22,4 A	1 A	3,8 A	4,1 A	0,8 A	9,4 A
5,3 A	41,9 P	4,2 A	28,5 A	6,1 A	7,5 A	78,6 A	5,5 A	23,3 A	10,7 A
18,8 A	35,2 A	2,9 A	31,1 A	20 A	1,6 A	45,8 A	2,5 A	21,7 A	6,7 A
5,4 A	21,7 A	4,3 A	3,3 A	2,3 A	20,9 A	115 A	29,6 A	45,8 A	29 A
3,8 A	12,7 A	6,7 A	50,1 P	7,1 A	36,6 A	48,6 A	9,9 A	199,6 P	36,1 P
7,7 A	33,9 A	4 A	14,3 A	41,8 P	5,1 A	508,7 P	9,9 A	25,4 A	2,3 A
1,7 A	5,6 A	4,1 A	11,7 A	16,5 A	1,1 A	17,9 A	45,5 A	225,8 P	33,5 P
2,8 A	8,9 A	10,6 A	4,7 A	11,3 A	11,3 A	71,3 A	3,2 A	5,9 A	2,7 A
7,2 A	21,7 A	6,7 A	81,5 A	40,9 A	32,6 A	105,3 A	15,1 A	42,4 P	24,7 A
2,1 A	22,5 A	2,6 A	14,6 A	2,3 A	12,6 A	32,6 A	13,5 A	12,3 A	30,4 A
0,7 A	1,8 A	6,6 A	20,1 A	9,2 A	21,3 A	34,4 A	7,1 A	0,5 A	1,5 A
9,4 A	24,8 A	2,5 A	21,4 A	3,3 A	25 A	66,9 A	12,8 A	41,2 P	15,3 A
17,8 A	13,7 A	4 A	3,1 A	2,6 A	2,9 A	12,4 A	2,1 A	1,4 A	8,7 A
15,1 A	17,9 A	1,9 A	11,4 A	19,7 A	5,1 A	49,1 A	2,9 A	1 A	1,9 A
2,3 A	3,4 A	1,1 A	2,8 A	1,4 A	8,9 A	11,7 A	6,3 A	1,5 A	11,6 A
3,6 A	40,6 A	10,3 A	13,5 A	28,9 A	3,5 A	46,6 A	13,6 A	1,6 A	2,8 A
4,6 A	35 A	3,4 A	53,5 A	26 A	37 A	53,2 A	41,9 A	37,8 A	14,4 A
4,6 A	17,6 A	3,8 A	28,4 A	7,4 A	15,6 A	41,9 A	11,6 A	75,4 P	18,6 A
2,7 A	20 A	8,9 A	5 A	3 A	7,7 A	33,4 P	14,7 A	59,6 P	6,8 A
15 A	36,1 A	7,9 A	7,1 A	4,4 A	18,6 A	44,1 A	3,1 A	1,2 A	4 A
6,3 A	21,4 A	21,1 A	16,8 A	34,7 A	16,8 A	30 A	21,9 A	35,8 P	10,9 A
4 A	23,5 A	3,5 A	19,7 A	19 A	47,1 A	29,8 P	11 A	85,3 P	25,9 P
9,2 A	4,8 A	16,7 A	8,8 A	2,8 A	18,6 A	35,3 A	1,6 A	10,8 A	15 A
1,2 A	4,6 A	2,1 A	11,4 A	2,4 A	13,7 A	17,5 A	6,6 A	0,5 A	10,2 A
3,8 A	6 A	15,6 A	5,3 A	2,9 A	1,6 A	62,6 A	4,5 A	4,4 A	2,3 A
10,7 A	5,5 A	7,6 A	20,6 A	7,6 A	100,2 A	57,1 A	21,9 A	8,3 A	8,3 A
5,1 A	46,1 A	3,4 A	16,5 A	5,2 A	2,5 A	21,9 A	21,8 A	20,4 A	6,7 A
9 A	31 A	23,6 A	48,9 A	43,7 A	14,2 A	28,7 A	4,4 A	11,3 A	5,1 A
8 A	3,2 A	37,9 A	5,3 A	7,5 A	13,2 A	13,2 A	23,3 A	4,9 A	37,6 A
26,5 A	3,1 A	4,1 A	4 A	1,9 A	34,1 A	4,1 A	32,5 A	92,7 P	40 A
3,7 A	14,2 A	5,8 A	2,5 A	15,8 A	23,1 A	44,7 A	6,9 A	8 A	12,5 A
3,9 A	29,6 A	12,8 A	10,9 A	4,3 A	7,8 A	17,8 A	2,6 A	0,8 A	0,7 A
2,4 A	23,4 A	2,8 A	9,2 A	4,8 A	1,7 A	64,2 P	11,6 A	0,4 A	11,4 A
2,1 A	1 A	0,6 A	15 A	19,7 A	2,7 A	25,8 A	0,9 A	6,3 A	6,1 A
7,1 A	2,2 A	2,1 A	26 P	1,6 A	1,4 A	26,2 A	6,3 A	0,7 A	4,8 A
1,3 A	11,3 A	2,9 A	1,5 A	0,7 A	18,8 A	0,6 A	1,2 A	12,9 A	12,9 A
3,6 A	3,3 A	2,8 A	18,4 A	17,3 A	1,5 A	36,4 A	40,6 A	36,5 P	24,3 A
4 A	26,1 A	7,4 A	35,3 A	14,1 A	1,3 A	59,5 P	6,2 A	38,7 M	10,2 A
8,1 A	4,5 A	3,4 A	3,9 A	30,1 A	6,2 A	61,6 A	26,5 A	21,3 A	20,2 A
16,1 A	12,4 A	3,4 A	9,8 A	14,4 A	4,3 A	62,3 P	0,9 A	7,6 A	4,3 A
12 A	26,9 A	0,9 A	60,5 P	52,7 A	2 A	66,8 A	5 A	7 A	2,3 A
6,5 A	34,9 A	17,5 A	2,1 A	8,8 A	8 A	25,2 A	2,9 A	10,7 A	7,9 A
3,1 A	13,5 A	8,6 A	27 A	0,8 A	6,7 A	39,7 A	8,8 A	8 A	8,3 A
5 A	18,4 A	19,2 A	2 A	2,8 A	21,5 A	87,8 P	6,1 A	10,7 A	4,5 A
2,2 A	2,6 A	3,8 A	1,7 A	2,3 A	6,9 A	75,6 A	4,4 A	2,3 A	1,9 A
6,6 A	6,1 A	1,5 A	15,6 A	2,7 A	30 A	70,1 P	2,7 A	1 A	9,2 A
7,9 A	42,9 A	6,5 A	58,7 A	64,9 A	2 A	54,9 A	6,3 A	29,9 A	10,9 A
5 A	5 A	8,3 A	15,2 A	6,9 A	6,9 A	41,3 M	11,6 A	82,4 P	36,6 P
1,3 A	3,2 A	36,6 A	9,4 A	5,3 A	10,4 A	32,2 A	6 A	18,4 M	4,1 A
3,1 A	22,9 A	12,4 A	4 A	2,2 A	21 A	31 A	58,4 A	77,4 P	48,1 A
20,8 A	20,1 A	18,4 A	3,4 A	16,3 A	34,8 A	42,8 A	55,6 A	178 P	47,9 P
16,9 A	36,9 A	27,1 A	6,9 A	4,2 A	7 A	56,5 A	71,9 A	49,8 A	42,7 M
3,5 A	15 A	4,5 A	4,1 A	20,8 A	20,8 A	37,2 A	4,2 A	220,4 P	28,6 P
6,1 A	14,4 A	6 A	27,3 A	4,4 A	3,5 A	55,4 A	1,2 A	6,7 A	2,8 A
3,1 A	28,2 A	1 A	2 A	11,5 A	1,3 A	25,9 A	46 A	172,1 P	32,7 P
16,5 A	19,3 A	12,6 A	1,5 A	1,5 A	2,5 A	24,3 A	26,8 A	37,9 P	16,8 A
3 A	28,7 A	3,2 A	24,9 A	2,9 A	8,9 A	6,1 A	40,1 A	5,6 A	18,6 A
7,8 A	15,7 A	4,3 A	2,8 A	9,5 A	26,1 A	56,2 M	1,6 A	36,1 P	12,1 A
5,5 A	23,6 A	8 A	6,6 A	4,7 A	21,5 A	2,8 A	7,4 A	9,4 A	23,5 P
18,5 A	52,6 A	7,2 A	8,9 A	35,9 A	23,3 A	26,6 A	27,5 A	3,5 A	10,4 A
3,8 A	34,7 A	4,1 A	13,2 A	2,3 A	3 A	55 A	7,3 A	14,5 A	20,2 A
10,4 A	10,3 A	6,4 A	39,8 A	7,4 A	13,4 A	90,2 A	33,6 A	16,2 A	22,2 A
8,7 A	19,5 A	7,9 A	35,8 A	29,9 A	3,4 A	97,9 A	15 A	15,3 A	15,6 A
3,9 A	24,6 A	10,6 A	31,7 A	3 A	6,4 A	76,5 A	1,6 A	1,9 A	13,4 A
3,4 A	14,1 A	3,2 A	5,3 A	5,7 A	12,4 A	62,8 A	6,4 A	1,8 A	24 A
2,5 A	9,3 A	7,6 A	35,7 A	6,5 A	6 A	66,6 A	2,4 A	2,2 A	10,5 A
11 A	6,2 A	39,6 A	59,7 M	42,1 A	47,1 A	47,5 A	11,9 A	43,4 A	26,5 P
5,4 A	44,3 A	2,9 A	4,3 A	5,2 A	7,4 A	46,2 A	3 A	7,8 A	9,1 A
35 A	86,2 A	10,4 A	60,5 A	5,9 A	9,6 A	30,6 A	2 A	7,6 A	14,7 A
3 A	20,6 A	5,7 A	49,6 A	65,5 P	13 A	67,8 P	9,7 A	9,6 A	12,8 A
5,5 A	13,4 A	9,5 A	64,7 P	81,4 P	18,9 A	81,5 P	2,4 A	111,9 P	20,8 A
3,1 A	25,8 A	4,5 A	72,6 A	35,1 A	7 A	148,9 P	12,4 A	13 A	23,4 A
12,7 A	7,6 A	14,9 A	65,6 A	11,1 A	15,6 A	88,8 A	4,2 A	13,3 A	19,5 P
6 A	37,7 A	47,1 A	40,7 A	62,4 A	13,4 A	122,8 A	17,3 A	30,7 A	17,9 A
3,1 A	14,5 A	4,2 A	49 M	79,1 P	2,1 A	51,2 A	6,2 A	76,6 P	9,3 A
9,4 A	22,1 A	7,4 A	46,1 A	28,6 A	2,1 A	84,4 A	9,5 A	24,5 A	15,5 A
27,6 A	7,5 A	39,3 A	15,1 A	7,5 A	5,5 A	37,9 A	9,1 A	9,2 A	4,8 A
20,3 A	10,6 A	10,6 A	19,6 A	3,9 A	3,7 A	50,5 A	3,7 A	12,7 A	12,7 A
9,2 A	17,7 A	15,4 A	73,5 A	38,2 A	2,1 A	54 A	5,5 A	4,7 A	14,9 A
5,3 A	32,7 A	25,8 A	53,8 A	10 A	3,7 A	18,3 A	5,1 A	24,3 A	11,8 A
12,6 A	4,3 A	2,6 A	19,8 A	9,3 A	1,7 A	44 A	5,4 A	48,4 P	2,5 A
4,7 A	13 A	5,5 A	22 A	6,9 A	27 A	53,4 A	3,7 A	41 P	34,3 P
24,2 A	29,2 A	20,3 A	23 A	4,1 A	1,9 A	13 A	18 A	46,4 P	9,9 A
12,3 A	23,7 A	31,7 A	52,1 A	106,4 A	23,8 A	78,2 A	20,3 A	61,7 P	23,5 P

3,4 A	13,2 A	4,1 A	5,6 A	9,7 A	11,2 A	22,6 A	13 A	20,9 A	10,6 A
2,2 A	19,2 A	33,2 A	71,1 P	116 A	17,5 A	79,1 A	20,4 A	34,6 P	19,2 A
4 A	28,6 A	4,4 A	39,2 A	45,3 A	24,5 A	78,3 P	14,3 A	58,9 P	33,2 P
14,7 A	18,3 A	4,2 A	42,9 M	82 A	66,5 P	22,9 A	22,9 A	101,7 P	20,3 A
19,2 A	21,7 A	10,7 A	86,6 A	86,6 A	23,3 A	77,8 A	16,9 A	1,3 A	21,4 A
2,9 A	39,2 A	9,9 A	63,2 A	47,8 A	3,9 A	67,5 P	51,1 A	249,7 P	27,3 P
10,1 A	12,2 A	23,3 A	162,1 P	149,9 A	14,9 A	94,7 P	18,1 A	25,2 P	13,7 A
21,4 A	4,2 A	4,3 A	65,4 P	206 P	7,3 A	55,6 A	2,6 A	25,8 P	12,2 A
5,2 A	44,2 A	11,3 A	107,8 P	41 A	107,8 P	39 A	21 A	36,7 P	12,4 A
8,3 A	11,7 A	6,4 A	23,6 A	29 A	2 A	34,4 A	4,3 A	42,9 P	24,2 P
15,4 A	11,2 A	12,2 A	56,4 A	61,6 A	2,2 A	70,3 A	26,9 A	49,7 P	13,3 A
4,9 A	43,7 A	7,7 A	27,4 A	34,9 A	7,5 A	33,8 A	3,9 A	17,5 A	17,2 A
2 A	1,6 A	22 A	32,8 A	4,4 A	11,5 A	23,7 A	14,5 A	16 A	13,4 A
3,2 A	19,3 A	3,4 A	8 A	61 A	25,7 A	41,3 A	35,2 A	72,1 P	20,9 A
2 A	5,4 A	7,9 A	65,3 P	37,7 A	19,7 A	38,1 A	13,4 M	11 A	22,3 A
6 A	3,8 A	7 A	48,7 P	56,5 A	3 A	23,8 A	12,1 A	46,9 P	24 M
12,4 A	14,4 A	22,9 A	14,5 A	3,4 A	2,7 A	23,1 A	14,4 A	14,6 A	8 A
0,7 A	11,2 A	2,5 A	13,5 A	30,4 A	16,5 A	44 P	40,2 P	135,6 P	35,1 P
8,8 A	20,5 A	3,3 A	23,7 A	31,8 A	23,8 A	50 A	46,1 A	47,3 P	21,5 P
3,8 A	7,4 A	35,1 A	25,1 A	31,8 A	2,1 A	12,4 A	8,5 A	39,9 P	8,8 A
5,4 A	24,4 A	10,1 A	2,6 A	1,8 A	26,2 A	80,6 A	6,8 A	1 A	6,2 A
3,4 A	20,9 A	15,4 A	16,4 A	3,3 A	3,1 A	61,3 P	15,4 A	54,1 P	13,7 A
17,3 A	15,5 A	18,9 A	60,9 A	64,1 A	28,1 A	76 M	2,8 A	18,7 A	11,4 A
1,4 A	1,9 A	1,1 A	6,8 A	17,6 A	5,3 A	26,1 A	17,4 A	18,2 P	13 A
0,9 A	17,4 A	17,4 P	38,4 A	20,5 A	15,1 A	4,7 A	15,1 A	33,8 P	19,8 A
2,9 A	19 A	1,6 A	16,2 A	15,1 A	3,8 A	6,2 A	3,8 A	15,5 A	21,1 P
5,3 A	4,1 A	12 A	55,8 A	9,1 A	45,1 A	40 A	12,1 A	3,5 A	1 A
3,1 A	36 A	3,5 A	19,2 A	2,1 A	18,9 A	54,4 M	4,1 A	1 A	8 A
3,3 A	12,2 A	10,9 A	33,1 A	6 A	33,6 A	43,8 A	4,4 A	8,2 A	16,1 P
9,6 A	5,9 A	3,9 A	3,9 A	3,9 A	29,9 A	29,9 A	6,2 A	40,8 P	12,1 A
0,8 A	3,9 A	10,5 A	24,2 A	11,4 A	2,5 A	4 A	28,5 P	79,8 P	28,1 P
8,5 A	7,4 A	16 A	4,6 A	4,1 A	1,4 A	32,1 A	6,7 A	88,6 P	16,7 A
12,4 A	9,8 A	1,6 A	6,4 A	11,8 A	5,5 A	37,4 A	7,1 A	3,2 A	2,1 A
16,3 A	6,4 A	3,9 A	15,1 A	21,5 A	10,7 A	40,6 A	2,8 A	0,9 A	15,1 P
5,1 A	9,8 A	4,4 A	40,2 A	17,7 A	17,7 A	50 A	1,6 A	11,3 A	11,3 A
2,3 A	23,4 A	23,9 A	29,5 A	66,5 A	11,9 A	43 A	7,3 A	15,2 A	12,7 A
3,7 A	39 A	20,4 A	32,6 A	13,6 A	13,5 A	55,5 A	6 A	45 P	3,6 A
2,7 A	5,4 A	3,9 A	4,2 A	24,4 A	14,2 A	99,4 A	1,7 A	0,8 A	3,4 A
1,4 A	4,4 A	18,7 A	11,7 A	6,7 A	7,5 A	48,1 A	0,9 A	3,6 A	18,6 A
3,5 A	12,6 A	10,4 A	10,9 A	38,9 A	1,5 A	30,9 A	2,5 A	11,3 A	15,1 A
2,3 A	3,9 A	54,9 A	20,7 A	19,7 A	14,8 A	19,1 A	19,5 A	8,3 A	4 A
10,1 A	17,3 A	21,7 A	17,7 A	24,4 A	4,3 A	54,3 A	22,8 A	14,1 A	15,1 A
5,9 A	1,4 A	12,7 A	33,8 P	4,9 A	4,9 A	32,7 A	2,5 A	14,6 A	20,8 P
3,9 A	19 A	19,4 A	45 P	29,4 A	6,6 A	22,3 A	22,3 A	11,6 A	2,4 A
10,3 A	7,2 A	3,5 A	21,8 P	47,8 A	12,6 A	36,1 A	17,6 A	2,9 A	13,5 A
8,8 A	37,6 A	21,5 A	2,7 A	19,2 A	4,6 A	58,5 A	20,1 A	0,7 A	13,2 A
3,7 A	4,3 A	7,8 A	3,3 A	11,6 A	11,6 A	38,7 A	1,3 A	19,8 A	3,9 A
2,3 A	4,3 A	3 A	32,3 A	20,4 A	5,5 A	23,7 A	2,4 A	22,4 A	3 A
3,1 A	4,4 A	8,4 A	0,9 A	14,1 A	5,3 A	28,6 A	4,8 A	1,2 A	7,9 A
2,4 A	2,4 A	11,9 A	14,2 A	2,6 A	37,1 A	75,6 A	15,5 A	4 A	0,6 A
2,3 A	12,8 A	3,3 A	12,6 A	25,8 A	9,6 A	20,9 A	3,3 A	3,8 A	11,4 A
1,7 A	8,2 A	3,6 A	0,8 A	1,1 A	1,1 A	8,4 A	6,7 A	4,8 A	15,7 A
7,4 A	4,1 A	20,7 A	21,1 A	15,6 A	5,5 A	32,2 A	2,4 A	3,2 A	4,2 A
11,8 A	3,7 A	2,9 A	25,7 A	18,3 A	2,8 A	33,7 A	5,1 A	5,8 A	15,6 A
15 A	2,7 A	2,8 A	12,6 A	6,3 A	12,9 A	34,6 A	1,4 A	3,2 A	5,2 A
5,6 A	13,4 A	11,9 A	3,4 A	12,7 A	0,7 A	19,3 A	1,3 A	1,2 A	12,2 A
3,3 A	4,9 A	3 A	28,3 A	36,9 A	1,8 A	32,2 A	12,9 A	13,5 A	11,4 A
1,5 A	2,5 A	17 A	44,8 P	34 A	4,3 A	42,4 A	27,5 P	6,6 A	15,2 A
14,4 A	6,6 A	3,3 A	24,5 A	16 A	0,6 A	15 A	4,1 A	2 A	10,4 A
3,7 A	22,8 A	2,8 A	2,3 A	55,5 A	9,3 A	30 A	6,8 A	1,3 A	12,8 A
1,3 A	7,6 A	8,9 A	21,4 A	2 A	3,1 A	8,3 A	39,8 M	9,1 A	11,7 A
12,6 A	1,5 A	19,7 A	2,8 A	2,9 A	20,9 A	53,6 A	12,6 A	18,8 A	14,3 A
3 A	17,4 A	5,8 A	39,8 A	16,7 A	12,4 A	39,6 A	18,1 P	2 A	2,2 A
28,1 A	3,7 A	42,1 A	23,6 A	5,7 A	1,6 A	43,8 A	7,9 A	4,1 A	9,2 A
2,8 A	3,3 A	29,9 A	32,6 P	23,2 A	0,8 A	35,1 A	18,8 A	15,2 A	12,5 A
1,2 A	2,9 A	22,3 A	24,9 A	26,6 A	2,4 A	66,1 A	4 A	1,7 A	8,3 A
6,2 A	7,6 A	3,7 A	20,3 A	23,6 A	20,1 A	25,8 A	2 A	0,6 A	2,5 A
3,3 A	28,9 A	4,6 A	12,3 A	8,1 A	2,5 A	8,8 A	2,9 A	2,5 A	5,3 A
2,2 A	6 A	34,1 A	17,4 A	1,6 A	2,6 A	8,1 A	3,4 A	3,2 A	19,6 A
3,7 A	21,3 A	3 A	5,8 A	4,8 A	1,6 A	198,4 P	2,2 A	12,3 A	0,7 A
14,2 A	6,1 A	41 A	31,6 P	37,5 A	0,5 A	3,9 A	5,7 A	0,9 A	16,8 M
1,8 A	13 A	17,9 A	26,7 A	2,1 A	4,5 A	11,1 A	11,1 A	8 A	15,2 A
2,1 A	13,3 A	22,9 A	47,1 P	43,9 A	1,1 A	18,4 A	2,1 A	0,9 A	5,6 A
5 A	2,4 A	20,4 A	12,8 A	28 A	15,8 A	20 A	3,7 A	0,3 A	2 A
3,8 A	24,6 A	17,7 A	19,7 A	43,6 A	11,9 A	54,8 A	3,2 A	14,4 A	8 A
20,7 A	18 A	11 A	47,6 P	94,8 A	1,8 A	56,7 P	3,9 A	0,5 A	15,2 A
9,4 A	65,3 A	31,2 A	61,2 A	17,5 A	61,2 A	7,9 A	6,4 A	1,8 A	18,4 A
1,1 A	13,1 A	2,1 A	12,3 A	1,9 A	6,9 A	29,4 A	6,2 A	7,6 A	3,3 A
9,4 A	29,1 A	20,9 A	31,1 A	37,6 A	1 A	29,5 A	7,4 A	5,9 A	2,3 A
8,6 A	31,2 A	5,9 A	38,2 A	12,4 A	24,5 A	13,2 A	1,5 A	6,3 A	14,8 A
8,6 A	15,6 A	117,6 A	53,9 A	75,5 A	28,6 A	87,9 A	31,4 A	37,9 A	13 A
9,4 A	31,5 A	37,3 A	61,2 A	17,5 A	61,2 A	7,9 A	19,8 A	7,2 A	8,2 A
4,8 A	13,6 A	6,9 A	20,6 A	3,8 A	0,9 A	9,1 A	40,8 P	19 A	14 A
9,7 A	21,8 A	69,8 A	30,9 P	3,1 A	3,8 A	48 A	37,4 A	1,2 A	18,9 A
4,3 A	15,3 A	6,9 A	25 A	17 A	13,1 A	39,1 A	9,7 A	0,7 A	3,9 A
10,9 A	8,8 A	19,5 A	54 P	82,5 A	20,4 A	42,3 A	3,7 A	12,2 A	2,3 A
3,8 A	5,2 A	6,4 A	37,8 A	64 A	14,1 A	40,5 A	11,5 A	3,7 A	6,5 A
6,9 A	26 A	2,5 A	21,3 A	17,6 A	10,1 A	27,4 A	2,2 A	6,5 A	7 A
9,3 A	49,2 A	5,6 A	59,1 A	67,4 A	5,5 A	21,3 A	8,4 A	1,4 A	15,8 A
30,1 A	7,5 A	22,9 A	36,2 A	41,2 A	3,7 A	25,7 A	7,2 A	3,1 A	9,4 A
2,4 A	29,9 A	25,2 A	24,8 A	32,5 A	3,3 A	33,5 A	22,4 A	1,2 A	6,2 A
13,1 A	2,2 A	23,1 A	25,1 A	10,1 A	10,1 A	31,4 A	13,6 A	16,1 A	16,2 A
18,3 A	3,3 A	12,3 A	15,8 A	2 A	3,2 A	41,6 P	3,4 A	12,3 A	4,8 A

17,9 A	3,7 A	15,5 A	5 A	18,9 A	4,2 A	62,8 A	3 A	1,1 A	1,8 A
8,1 A	29,9 A	2,1 A	34,9 P	2,1 A	3,3 A	45,8 A	11 A	7,1 A	8,5 A
9,4 A	16,6 A	2,8 A	12 A	70,4 A	1,5 A	36,1 A	2,5 A	12,2 A	15,8 A
11,7 A	6,9 A	58,4 A	4,7 A	54,6 A	4,7 A	40,6 M	0,9 A	41,7 P	25,1 P
3,6 A	21,6 A	2,6 A	39,9 A	10,9 P	3,2 A	53,6 A	2,2 A	9,7 A	1,2 A
5,8 A	37,4 A	2,3 A	11,9 A	26,3 A	4,3 A	23,4 A	2,3 A	1,6 A	1,8 A
2,6 A	7,6 A	4,9 A	35,6 A	92,5 A	3,8 A	62 A	6,3 A	9,3 A	3 A
15,2 A	19,7 A	3,4 A	7 A	10,1 A	4,1 A	61,6 P	2,3 A	3,2 A	2,5 A
13,9 A	20,3 A	6,4 A	34,4 A	18,2 A	4,8 A	38,9 A	7,9 A	15,1 A	14,4 A
8,4 A	21,5 A	1,2 A	27,9 A	8,5 A	18,4 A	23,6 A	1,3 A	1,4 A	10,5 A
3,5 A	6,2 A	5 A	5,6 A	3,8 A	3,1 A	85,1 A	6,8 A	16,6 A	16,1 A
8,4 A	1,1 A	0,9 A	5,7 A	9,9 A	1,1 A	4,5 A	9,3 A	10,3 A	2,6 A
4,7 A	3,2 A	3,1 A	23,7 A	4,7 A	4,6 A	63,2 P	9,7 A	3,7 A	3,6 A
4,2 A	20,1 A	30,7 A	28,8 A	18,8 A	3,6 A	69,8 A	17,1 A	3,4 A	1,2 A
2,2 A	22,4 A	5,6 A	57,3 P	56,6 A	5,3 A	26,3 A	4,6 A	10,7 A	8 A
17,7 A	34,9 A	3,4 A	4,7 A	3,9 A	7,1 A	17,5 A	7,9 A	4,4 A	11,2 A
25,6 A	36,1 A	4,5 A	49 A	68,1 A	5 A	57,5 A	3,6 A	1,9 A	6,6 A
1,9 A	21,8 A	4,8 A	28,2 A	42,5 A	3,5 A	81,9 P	1,6 A	6 A	11,8 A
3 A	23,3 A	2 A	4,1 A	5,8 A	2,3 A	34,3 A	1,5 A	14,1 M	5,7 A
3,8 A	16,7 A	3,3 A	91,9 P	7,4 A	6,9 A	84,7 P	2,4 A	2,5 A	1,9 A
7,4 A	2,2 A	5,5 A	15,4 A	4,9 A	21,9 A	33,1 A	21,5 A	1,5 A	5,8 A
4,1 A	6,7 A	39,6 A	55,5 A	55,5 A	18,7 A	70,7 A	2,6 A	11,4 A	2,5 A
3,9 A	25,1 A	41,8 A	56,7 P	30,7 A	98,2 A	41,1 M	2,4 A	14,5 A	3,4 A
4,7 A	6,9 A	23,3 A	29,7 A	50,8 A	14,8 A	58,7 M	3,2 A	12,5 A	16,1 A
17 A	6,5 A	3,4 A	4,4 A	21,1 A	4,4 A	6,8 A	2,9 A	10,4 A	11,8 A
2,7 A	4,2 A	11,8 A	34,7 A	11,4 A	6,4 A	57,5 A	4,1 A	1 A	9 A
17 A	36,4 A	2,8 A	5,9 A	16,2 A	1,2 A	8,3 A	8,9 A	6,6 A	1 A
23,4 A	4,4 A	11,9 A	11,8 A	27 A	4,2 A	20,5 A	5,7 A	4,9 A	2,6 A
18,2 A	17,5 A	15,5 A	9,7 A	19 A	4,8 A	26 A	16,4 A	1,3 A	2,7 A
3 A	14,3 A	5,2 A	3,4 A	4,7 A	3,4 A	4,7 A	2,9 A	7,4 A	1,7 A
4,4 A	23,2 A	25,2 A	84,1 P	129,9 A	1,9 A	26,5 A	3,2 A	7,2 A	4,3 A
2,9 A	29,1 A	3,9 A	45,2 A	34,5 A	8,8 A	116,8 P	21,9 A	0,4 A	3,1 A
3,9 A	3,9 A	5,7 A	20,2 A	7,4 A	1,9 A	64,3 P	3,7 A	0,6 A	8,3 A
4,1 A	26,4 A	4,9 A	30,3 A	27,6 A	8,7 A	76,1 P	11,7 A	13,1 A	16 A
2,8 A	7,2 A	3,7 A	18,3 A	6,9 A	0,9 A	24,2 A	1,6 A	7,4 A	4,6 A
1,1 A	46,8 A	6,2 A	36,3 A	52,5 A	15 A	40,4 A	14,8 A	3,5 A	2,6 A
4,7 A	7,6 A	17,5 A	16,6 A	49,5 A	1,4 A	18,4 A	2 A	6,6 A	2,9 A
3 A	6,8 A	1,7 A	3,5 A	18,1 A	10,4 A	39,4 A	1,6 A	1,3 A	6,8 A
3,5 A	21,6 A	8 A	1,9 A	10,9 A	2,6 A	30,8 A	6,9 A	10,5 A	11,8 A
11,4 A	4,9 A	35,9 A	3,8 A	3,2 A	4,4 A	17,8 A	16,8 A	11,1 A	1,4 A
9,4 A	25,6 A	2,9 A	3,1 A	5,2 A	2,2 A	41,2 A	4,7 A	9,8 A	0,6 A
17,1 A	3,7 A	2,4 A	15,8 A	5 A	3,8 A	30,8 A	8 A	0,8 A	16,4 A
3,1 A	19,8 A	16,7 A	19,6 A	6 A	4,7 A	146,6 P	9,7 A	2,6 A	2,3 A
26,7 A	10,7 A	16,6 A	5,1 A	37,9 A	1,1 A	32,3 A	6 A	2 A	6,8 A
3,2 A	4,1 A	52,5 A	39,2 A	4,4 A	4,7 A	24,6 A	15,5 A	3 A	21,1 A
6,9 A	3,2 A	5,1 A	24,4 A	22,8 A	1,8 A	2,2 A	2,2 A	1,4 A	2,9 A
14 A	25,2 A	6,8 A	24,5 A	19,8 A	11,4 A	23,6 A	19,2 A	12,5 A	10,5 A
6,3 A	30,2 A	6,7 A	21,3 A	89 A	1,5 A	41,1 M	2,4 A	21,4 A	6,1 A
10 A	4,8 A	6,7 A	32,4 A	42,8 A	3,8 A	60,7 A	2,6 A	6,6 A	7,8 A
2,1 A	1,1 A	5,4 A	9,2 A	1,9 A	1,8 A	12 A	2,9 A	10,2 A	3,4 A
7,1 A	24,5 A	1,8 A	11,6 A	22,9 A	8 A	36,4 A	3,3 A	6,9 A	4,6 A
6,2 A	2,8 A	27,9 A	2,1 A	2,5 A	1,8 A	5,2 A	6,2 A	2,7 A	5,4 A
4,2 A	44,7 P	5,2 A	23,6 A	14,7 A	0,8 A	55,6 A	1,9 A	15,1 A	19,4 A
1,2 A	1,6 A	2 A	8,3 A	9,6 A	1,7 A	4,7 A	4,8 A	0,5 A	1,8 A
16,5 A	25,1 A	6,3 A	37,7 A	5,2 A	31,7 A	14,5 A	12,4 A	12,9 A	3 A
9,4 A	24,9 A	15,3 A	30,9 A	2,9 A	5,2 A	86,1 P	6,5 A	0,7 A	2,7 A
9,7 A	35 A	0,8 A	8,1 A	8,8 A	14 A	51,7 P	2,7 A	5,6 A	11,5 A
2,4 A	17,6 A	8,5 A	7,4 A	41,9 A	23,4 A	13 A	5,1 A	1 A	20,3 A
3,9 A	19,6 A	6,2 A	32,6 P	64 A	23,7 A	58,2 A	4,1 A	13,2 A	1,7 A
4 A	3,6 A	2,7 A	26,8 A	35,7 A	1,8 A	65 A	1 A	8,1 A	7,3 A
16,2 A	2,7 A	33,7 A	34,9 M	72,1 P	11,3 A	85,5 P	4,4 A	2,2 A	1 A
5,1 A	24,5 A	4,4 A	5,3 A	5,1 A	3,7 A	41,6 P	5,4 A	13,6 A	13,1 A
6,3 A	16,9 A	4,1 A	35,5 A	28,3 A	8,2 A	7,3 A	16,1 A	10,5 A	16,5 A
8,8 A	34,2 A	20,1 A	21 A	44,2 A	14,1 A	75,6 P	1 A	0,7 A	1,3 A
3,3 A	41,5 M	2,8 A	36,9 A	47,7 A	1,9 A	62,4 P	2,2 A	7,1 A	9 A
3,4 A	32,7 A	25,9 A	82 P	107,6 P	7,3 A	58,8 P	10,9 A	2,1 A	9,4 A
7,3 A	26,9 A	30,2 A	43,1 A	5,1 A	6,6 A	45,4 A	5 A	12,3 A	12,5 A
2,4 A	42,8 A	3,8 A	32,5 A	29,6 A	5,6 A	83,8 P	1 A	1,7 A	10,4 A
3,4 A	3,8 A	4,9 A	22,1 A	22,9 A	5,4 A	30,7 A	28,1 A	2,1 A	12,9 A
1,6 A	2 A	19 A	18,2 A	42,3 A	3 A	40 A	1,5 A	0,5 A	3,9 A
0,7 A	17,1 A	1,1 A	19,9 A	7,5 A	12,9 A	36,4 A	1,8 A	1,4 A	17 A
2 A	1,6 A	2,6 A	34,7 A	29,4 A	4,2 A	32,5 A	12,2 A	4,8 A	7,8 A
2,2 A	9 A	27,6 A	19,7 A	24,2 A	2,5 A	49,8 A	24,3 A	2,4 A	11,1 A
3,9 A	4,8 A	9,4 A	11,6 A	22 A	4,7 A	31,1 A	22,7 A	31,7 A	7,6 A
2,9 A	29,4 A	2,1 A	44,8 A	41,9 A	18,7 A	34,6 A	8,8 A	10,1 A	11,7 A
6,3 A	7,7 A	30,1 A	23,8 P	21,5 A	1,9 A	43,1 A	0,8 A	9,6 A	1,1 A
4,2 A	22,3 A	1,8 A	22,6 A	9,3 A	3 A	17,6 A	9,5 A	0,8 A	0,8 A
1,4 A	33,2 A	3 A	10,9 A	2,6 A	2,2 A	41,5 A	1,2 A	1 A	15 P
18,2 A	32,4 A	12,3 A	5,9 A	7,5 A	5,9 A	91,3 M	4,3 A	8 A	2,3 A
3,7 A	2,5 A	11,9 A	24,8 A	1,6 A	1,6 A	3,6 A	4 A	0,7 A	1,9 A
3,8 A	1,3 A	1,7 A	15,1 A	33,4 A	13,2 A	44,3 A	23,3 A	1,1 A	5,3 A
9 A	9,1 A	21,2 A	0,9 M	2,8 A	0,9 M	28,7 A	9,9 A	0,5 A	10,9 A
0,7 A	9 A	19,9 A	22,2 A	2,2 A	23,2 A	47,4 P	17,1 A	9,4 A	3,1 A
1,8 A	29,6 A	14,6 A	15,5 A	30,1 A	5,2 A	46,3 M	15,2 A	2,2 A	7,1 A
3,3 A	10,7 A	5,2 A	3,9 A	32,3 A	12,3 A	71,7 A	13 A	4,7 A	2,3 A
1,9 A	2,6 A	2,7 A	18,6 A	4,4 A	1,6 A	16,3 A	3,4 A	1,3 A	3,7 A
3,5 A	36,1 A	5,6 A	14,6 A	5,6 A	2,4 A	50,5 A	5,6 A	1,6 A	2,7 A
2,8 A	18,8 A	2,8 A	34,2 A	24,2 A	2,9 A	45,9 P	2,3 A	4,5 A	2,8 A
9,3 A	25,8 A	27,4 A	70,3 M	77 A	0,8 A	37,6 A	1,6 A	6,1 A	11,4 A
16,3 A	8,3 A	1,9 A	16,2 A	46,8 A	3,4 A	113,6 P	2,6 A	8 A	5,1 A
1,7 A	4,1 A	4,9 A	37,3 A	27,2 A	7,4 A	41,3 A	4,5 A	23,8 P	3,2 A
13,1 A	16,4 A	44,9 A	16,4 A	1,9 A	23,5 A	19,1 A	46,5 A	37,6 A	15,3 A
3 A	12,9 A	1,3 A	24,9 A	6,9 A	19 A	29,8 A	0,7 A	2,8 A	3,4 A

2,1 A	9,7 A	24,7 A	21,1 A	55 A	15,2 A	65,4 A	1,8 A	0,7 A	3 A
2,7 A	4,3 A	35,5 A	28,2 A	2,5 A	28,1 A	7,5 A	2,3 A	9,1 A	4,1 A
2,5 A	4,1 A	54,2 A	34 M	13,8 A	13,5 A	28,9 A	2,7 A	2,4 A	17,2 A
9,8 A	14,4 A	13,8 A	3,2 A	13,8 A	3,2 A	97,9 A	11,3 A	1 A	12,2 A
17,2 A	3,5 A	2,4 A	22,2 M	3,4 A	3,4 A	50,9 A	16,8 A	16,4 A	11,2 A
2,3 A	10,9 A	10 A	20,8 A	42,3 A	0,5 A	73,9 P	10,1 A	85,9 P	6,4 A
18 A	4,5 A	10,1 A	10,1 A	3,5 A	1,5 A	61,2 A	4,4 A	1,2 A	14,1 A
4,3 A	13,8 A	4,4 A	12,6 A	3,2 A	5,4 A	27,7 A	9,4 A	6,8 A	14,5 A
3,6 A	6,8 A	4,1 A	32,6 A	6,5 A	75,5 P	6,9 A	9,9 A	0,7 A	16,5 A
16,1 A	5 A	16,2 A	7,7 A	16,3 A	5,3 A	6,4 A	6,9 A	16,8 A	2,2 A
3,1 A	2,7 A	8,1 A	33,3 A	31 A	3,5 A	31,3 A	20,7 A	1 A	4,6 A
9,3 A	2,9 A	6,4 A	45 P	62,6 A	4,5 A	63,8 A	22,8 P	4,8 A	6,5 A
11,2 A	21,6 A	3,4 A	36,3 A	68,1 A	3,4 A	49,3 A	12,8 A	5,4 A	13,1 A
34,7 A	48,2 A	22,8 A	61,3 A	19,4 A	22 A	65,6 A	2,9 A	7,7 A	10,7 A
4,6 A	4,1 A	10,4 A	21,4 A	6,9 A	7 A	96 A	9,5 A	1,3 A	1,7 A
32,4 A	30,1 A	40,5 A	61,3 A	97,8 A	30,5 A	45,9 A	2,7 A	6,5 A	3,6 A
4,3 A	16,8 A	3,6 A	85,9 P	67,7 A	6,3 A	106,1 P	1,9 A	20,3 A	10,3 A
5,3 A	34,9 A	5 A	64,6 A	36,8 A	5,2 A	66,7 A	2,8 A	2,6 A	6,1 A
3,9 A	22,7 A	11,3 A	47 A	26,6 A	19 A	126,6 A	4 A	1,5 A	22,8 A
5,8 A	41 A	19,4 A	67,3 A	66,4 A	9 A	72,7 A	15,5 A	10,7 A	5,2 A
3,6 A	26,1 A	25,2 A	39,3 A	31,4 A	9,9 A	99,4 M	1 A	9,5 A	1,3 A
2,3 A	10,9 A	33,8 A	60,6 A	60,3 A	19,6 A	99,5 A	11,7 A	29,5 P	20,4 A
20,9 A	20,4 A	20,1 A	73,6 A	90,9 M	27,1 A	58,5 P	2,5 A	17,7 A	1,8 A
10,6 A	41 A	4,5 A	67,3 A	73,1 P	17,3 A	26,1 A	7,7 A	2,1 A	14,9 A
5,4 A	9,5 A	5,1 A	117,4 P	106,1 A	106,1 A	75,1 A	6,6 A	2,4 A	13,2 A
6,3 A	60,7 A	28,9 A	116,8 A	69,3 A	17,4 A	46,1 A	8,1 A	20,2 A	26,5 A
5,8 A	26,3 A	2,9 A	48,2 A	6,5 A	19,2 A	76,5 A	9,9 A	16,3 A	12,5 A
6 A	29 A	25,5 A	66,1 A	30,2 A	70 A	69,1 A	9,9 A	3,6 A	23,6 A
5,4 A	29,6 P	30 A	71,4 A	53,9 A	117,8 A	15,6 A	15,6 A	6,4 A	2,9 A
3,1 A	50,9 A	12 A	18,6 A	54,2 A	80,1 A	5,4 A	54,2 A	22,1 A	21,6 A
5,4 A	46 A	24,3 A	80,3 A	68,1 A	4,6 A	67,2 A	10,4 A	20,3 A	32,6 A
22,5 A	37,4 A	16,3 A	68,7 A	95,9 A	2,7 A	113,5 A	8 A	1,8 A	14 A
4,1 A	42,1 A	9,4 A	75,8 A	76,3 A	28 A	45,4 A	12,8 A	1,6 A	2,4 A
5,2 A	34,5 A	2,2 A	62,9 A	44,2 A	3,3 A	88,1 A	3,3 A	10,1 A	12,2 P
7,4 A	43,4 A	16,2 A	84,6 A	44,4 A	99,2 A	2,9 A	99,2 A	19,3 A	13,6 A
5,3 A	66,1 A	23,9 A	72,1 A	57,3 A	41,7 A	130 P	50,5 A	11,5 A	9,7 A
3,2 A	27,4 A	9,1 A	26,2 A	48,8 A	15,3 A	126,3 A	36,1 A	15,4 A	14,1 A
8,6 A	40,9 A	15,7 A	58,2 A	99,8 A	14,5 A	150,4 P	8,6 A	11,4 A	8,2 A
5,2 A	39 A	61,6 A	131,2 P	162,1 A	4,7 A	329,6 P	9,6 A	33,5 A	4 A
6,1 A	2,5 A	37,5 A	96,9 P	88,1 A	2,5 A	79,6 M	7,1 A	0,8 A	7,4 A
5 A	36 A	2 A	50 A	31,5 A	5,9 A	70,6 A	7,4 A	8,4 A	0,8 A
11,7 A	31,5 A	25,5 A	75,2 A	43,1 A	2,7 A	50,1 A	16,4 A	6,6 A	13,4 A
12,6 A	53,3 A	26,3 A	82 P	88,8 A	10,7 A	124,7 A	2,8 A	17,5 A	11,2 A
2,1 A	20 A	79 A	65,7 A	18,3 A	17,9 A	215,5 P	101,3 A	58,5 P	65,2 A
9,6 A	86,3 A	12,7 A	64,2 A	10,3 A	17 A	155,4 A	22,7 A	69,2 A	67,6 A
2,9 A	9,1 A	9,5 A	28 A	60,9 A	25,1 A	85 P	9,5 A	15,2 A	7,5 A
8,2 A	71,1 A	61,1 A	135,1 A	77,7 A	18,7 A	24 A	29,2 A	27 A	28,8 A
1,4 A	28,8 A	31,1 A	111,8 P	30,5 A	21,5 A	143,2 P	3,7 A	2,4 A	4,3 A
0,9 A	7,8 A	1,2 A	43,6 A	8,5 A	1,3 A	150 A	18,3 A	21,9 A	21,4 A
3 A	40,4 A	6,2 A	31,5 A	8,5 A	41,9 A	45,6 A	21,4 A	17,5 A	8,5 A
23,6 A	10,9 A	5,4 A	43,6 A	13,8 A	71,2 A	0,8 A	0,8 A	22,4 A	13,9 A
4,7 A	9,4 A	6,1 A	19 A	11,5 A	1,1 A	70,7 P	12,3 A	14,5 A	23,9 P
13,4 A	30 A	20,5 A	40,8 P	56,1 A	30,1 A	79,8 A	3,2 A	16,7 A	11,6 A
2,1 A	12 A	12,6 A	36,5 P	10,2 A	20,1 A	27,2 A	5,9 A	25,9 A	7,5 A
5,5 A	31,2 A	19,2 A	32,2 P	49,6 A	6,5 A	22,1 A	5,8 A	10,9 A	10,5 A
10,3 A	7,8 A	4,4 A	56 M	40,4 A	4,6 A	29,5 A	12,2 A	8,4 A	15,9 A
2,2 A	59,1 A	11,9 A	27,8 P	7,5 A	13,7 A	38,6 A	13,7 A	1,3 A	5,7 A
2,2 A	14,7 A	4,7 A	29,7 P	71,2 A	15,3 A	43,6 P	0,6 A	12,2 A	17,6 A
0,5 A	25 A	18,6 A	38,2 P	41,8 A	12,1 A	69,5 A	0,7 A	1,3 A	13,9 A
2,2 A	1,7 A	2,2 A	24 A	34,6 A	2,4 A	27 A	3,4 A	12,4 A	1,8 A
12,5 A	23,1 A	15,7 A	38,2 P	41,8 A	3,1 A	47,6 A	5,3 A	14,5 A	9,3 A
2,8 A	4,4 A	5,3 A	23,2 A	39 A	8,8 A	51,7 A	3,8 A	17,2 A	5,5 A
2,8 A	21,9 A	20,9 A	36 A	6,4 A	25,2 A	31,2 A	13,1 A	13,1 A	1,4 A
2,5 A	4,5 A	18,2 A	31,4 P	18,8 A	21,2 A	39,1 A	41,3 A	64,2 P	24,3 M
3,5 A	2 A	5 A	3,2 A	25,1 A	17,1 A	9,2 A	11,2 A	20,2 A	2,4 A
3,1 A	13,6 A	25,7 A	56 P	18,6 A	4,8 A	34,1 A	25,2 A	13,3 A	8,7 A
1,4 A	3,6 A	3,3 A	30,1 A	45,2 A	5,7 A	70,5 A	13,9 A	16,4 A	14,3 P
1,4 A	15 A	1,4 A	18,7 P	18,7 P	10,4 A	37,4 A	12,7 A	1,7 A	2 A
2,5 A	21,6 A	6,3 A	14,1 A	30,2 A	14,4 A	24,4 A	4,5 A	13,1 A	20,9 M
3,7 A	2,2 A	3 A	21 A	3,2 A	57,1 P	51,9 P	13,9 A	1,9 A	6,4 A
17,7 A	2,3 A	31,3 A	18,3 A	0,8 A	16,2 A	41,8 A	9,3 A	1,2 A	8,8 A
1,3 A	29 A	2,8 A	38,7 P	25,6 A	2 A	37,8 A	11,1 A	1,7 A	0,7 A
2,9 A	10,1 A	11,6 A	27,6 A	62,8 A	3,9 A	38,8 A	7,6 A	5,5 A	15,5 A
6 A	1,9 A	26,6 A	19,4 A	23,5 A	28,3 A	75 A	19,8 A	8,2 A	18,8 A
12,1 A	19,5 A	4,3 A	24,8 A	1,4 A	1,4 A	74,6 A	1,5 A	24,4 A	6,9 A
2,3 A	4,9 A	7,4 A	35,4 A	3,5 A	11,3 A	75,8 M	7,9 A	13,1 A	13,1 A
3,2 A	20,2 A	12,9 A	62,6 P	33,7 A	11,3 A	75,8 P	0,8 A	3,6 A	12,4 P
4,4 A	7,2 A	30 A	49,5 A	28,5 A	8,3 A	34,3 A	5,5 A	8,2 A	10,4 A
7,7 A	10,1 A	23,5 A	39,9 A	53,4 A	7 A	77,6 A	13,5 A	25,2 A	1,1 A
6,1 A	44,7 A	6,2 A	54,1 A	18,9 A	18,9 A	76,2 A	5,1 A	3,1 A	7,5 A
4,2 A	25,3 A	4,7 A	65,6 A	72,1 A	6,5 A	91,4 A	11,5 A	43,1 P	30,5 A
3,9 A	21,9 A	24 A	54,2 A	42,7 A	2,7 A	114,7 P	5,1 A	0,9 A	20,9 A
21,2 A	40,1 A	5,1 A	54,5 A	55,3 A	26,9 A	90,2 P	7,4 A	14 A	11,1 A
8,6 A	24,8 A	6,5 A	6,8 A	9,5 A	5,1 A	65 A	13 A	16,6 A	19 A
6,7 A	6,4 A	30,4 A	57,5 P	36,9 A	6,7 A	83,9 A	33 A	12,7 A	14,3 A
5,5 A	5,3 A	10,1 A	28,2 A	21,5 A	21,5 A	41,3 A	21,1 A	0,4 A	18 A
0,9 A	18,6 A	76,2 A	97,7 A	17,2 A	6,6 A	110,5 A	8,7 A	23,5 A	6,7 A
1,9 A	43,6 A	9,9 A	60,1 A	91,8 A	9,8 A	72,3 A	22,6 A	18,3 A	14,5 A
22,6 A	33 A	2,4 A	30,8 A	40,3 A	2,2 A	73,5 A	6,3 A	1,7 A	1,3 A
	22,1 A	4,6 A	59,3 P	23,5 A	8,5 A	52,1 A	34,7 A	11,8 A	2,8 A
	10,6 A	10,6 A	40,4 A	19,9 A	8,5 A	47,3 A	31,2 A	9,9 A	20,1 A
	6 A	54 A	64 A	7,5 A	25,4 A	54,5 A	2,8 A	4,8 A	18,1 P

2,8 A	15,2 A	3,2 A	3,6 A	6 A	6,7 A	54,4 A	14,1 A	1,1 A	6,9 A
3,5 A	13,2 A	22,2 A	17,2 A	32,8 A	15,4 A	72,9 A	4,8 A	21,2 A	12,5 A
7,4 A	27 A	8,1 A	53,9 A	23,2 A	10 A	54,3 A	7,6 A	3,2 A	3,3 A
5,8 A	10,3 A	9,6 A	126,2 P	2,7 A	27,2 A	84,7 A	17,2 A	39,6 P	34,5 P
12,5 A	3,7 A	29,5 A	36 A	32,8 A	2,9 A	74 M	20,5 A	38,1 P	14 A
2 A	5,2 A	28,1 A	52,4 A	34,5 A	30,3 A	29,4 A	29 A	23,5 M	19,6 A
5,2 A	10,6 A	3,4 A	11,2 A	8,4 A	9,6 A	4,9 A	5,9 A	1,9 A	1,6 A
15,6 A	41,1 A	7,3 A	61,6 A	11,2 A	4,1 A	62,2 A	5,7 A	19,8 A	3,2 A
5,5 A	19,6 A	19,5 A	92,8 P	169,7 P	55,3 P	3 A	15,5 A	15 A	13 A
1,3 A	6,5 A	4,4 A	30,9 A	25,1 A	15,3 A	68,3 A	13,5 A	15,8 A	10,2 A
2,5 A	7,2 A	8,3 A	80,2 A	74,9 A	2,9 A	140,8 M	36,4 A	69,4 P	2,6 A
5,4 A	57,5 A	31,3 A	62,2 A	126,8 P	40,1 A	77,7 M	12,6 A	97,4 P	35,5 P
7,8 A	52,1 A	27,4 A	55,5 A	39,7 A	12,4 A	52,7 A	7,2 A	4,1 A	9 A
6,6 A	23,8 A	16,6 A	101,1 A	91,3 A	9,3 A	78,7 A	3,5 A	20,5 A	13,7 A
7,2 A	42,6 A	12,8 A	122,2 A	17,2 A	8,5 A	32,8 A	40,5 A	2,1 A	3,3 A
10,5 A	4,4 A	3,2 A	14,3 A	25,7 A	12,9 A	28,2 A	24,9 A	3,7 A	16,3 A
3,6 A	3,2 A	20,1 A	5,6 A	58,6 A	3,2 A	38,5 A	18 A	9,8 A	1,8 A
12,6 A	10,2 A	17 A	55,3 A	5,2 A	43,4 P	86,5 A	2,2 A	2,1 A	7,9 A
4 A	12,8 A	5,7 A	44,7 A	37 A	26,6 A	81,8 A	29,1 A	1,1 A	14,3 A
31,4 A	36,1 A	28,6 A	29,4 A	50,9 A	4,3 A	54,9 P	5,9 A	44,2 A	9,8 A
4 A	42,7 A	18,4 A	91,5 A	71,6 M	10,8 A	121,3 P	9 A	23,8 M	2 A
26,1 A	67,2 A	7,3 A	96,3 A	67 A	4,6 A	70,8 A	8,6 A	10,1 A	37,1 A
4,5 A	60 P	9,1 A	10,7 A	8,8 A	7,5 A	34,5 A	3,9 A	6,8 A	6,2 A
5,8 A	49,3 A	6,7 A	58,7 A	4,8 A	39,1 A	53,2 A	7,1 A	10,1 A	4,7 A
4,7 A	44,4 A	29,6 A	61,2 P	45,2 A	6 A	87 P	16,2 A	25,5 A	22,2 A
19,9 A	10,3 A	30,5 A	89,8 P	24,2 A	1,3 A	91,4 P	9,8 A	21,8 P	0,9 A
4,6 A	65 A	20,5 A	47,5 A	50,9 P	50,9 P	54,5 A	34,3 A	2,9 A	21,6 A
3,6 A	6,8 A	2,4 A	75,5 P	31,9 A	33,1 A	11,7 A	15 A	1,7 A	20,7 A
4 A	19 A	2,9 A	26,4 A	14,7 A	3,4 A	65,5 A	39,5 A	4,2 A	16,7 A
3,7 A	20,8 A	46,6 A	30,5 P	31,1 A	4,6 A	17,8 A	2,7 A	1,8 A	15,9 A
0,8 A	12,4 A	3 A	13,9 A	18,6 A	11,8 A	68 A	11,8 A	5,4 A	3,9 A
3,3 A	6,5 A	5,9 A	57,5 P	40,6 A	28,4 A	44,3 A	4,2 A	3,7 A	5 A
29,8 A	6,6 A	13,1 A	29,5 A	47,4 A	13,8 A	89,6 P	91,1 P	59,2 P	23,4 A
22,6 A	31,9 A	27,8 A	61,5 A	64,7 A	25,9 A	115 A	5,8 A	3,9 A	6,5 A
0,6 A	16,9 A	4,1 A	21,3 A	47,7 A	1,1 A	25,1 A	6,9 A	2 A	13,2 A
3,6 A	48,7 A	7,8 A	38,4 A	13,1 A	10,8 A	53,7 A	4,2 A	46,2 P	2,6 A
2,8 A	3,3 A	19,7 A	29,7 A	5 A	21,5 A	58,2 A	18,6 A	1,4 A	3,5 A
7,2 A	5,2 A	43,7 A	42,3 P	8,4 A	5,4 A	46,6 A	2,2 A	12,2 A	25,5 A
4,3 A	14,1 A	7 A	34,1 A	4,9 A	7,2 A	111 P	51,2 A	46,3 P	22,5 M
7,3 A	36,7 A	7 A	39,8 A	67 A	19,6 A	66,6 A	11,4 A	2,3 A	25,7 A
3,5 A	6,5 A	24,1 A	33,6 P	35,9 A	14,1 A	75 A	29,5 A	46,9 P	13,9 M
16,5 A	8 A	3 A	7 A	2,4 A	15,1 A	51,8 A	16,4 A	17,5 A	4,2 A
11 A	1,8 A	6,7 A	35,6 A	21,3 A	5,1 A	19,3 A	16,8 A	25,9 A	20,9 P
3,2 A	23,6 A	24,6 A	28,9 P	35,3 A	14,7 A	31,6 A	13,4 A	24,5 A	14,5 P
3,4 A	25,1 A	3,3 A	25,4 A	23,9 A	51 A	45,9 A	10,6 A	7 A	10,5 A
3,8 A	30,5 A	7,2 A	24,9 A	35,4 A	11,9 A	115,2 P	2,5 A	2,7 A	9 A
13,7 A	11,3 A	5,8 A	29,8 A	1,2 A	21,9 A	63,6 P	3,5 A	2 A	14 A
39,5 A	42,1 A	6,9 A	72 A	72,6 A	34,9 A	78,3 P	7,7 A	83,3 P	21,4 A
4,1 A	32,5 A	6,6 A	32,3 A	22,1 A	25,8 A	101,8 P	8 A	32,4 A	3,3 A
3,9 A	30 A	3,7 A	49,8 A	13,2 A	30,8 A	87,5 M	25,4 A	39,3 P	24,7 P
2,7 A	1,2 A	6,1 A	37,3 A	3,1 A	3,1 A	38,6 A	36,3 A	18,6 A	6,8 A
4,5 A	23,6 A	31,4 A	35,5 A	58,5 A	4 A	71,8 A	22,8 A	1,5 A	3,5 A
8,9 A	13 A	4,7 A	52,7 P	23 A	4,5 A	68,1 A	47,1 A	7,1 A	2,8 A
4,5 A	37,7 A	5 A	5,1 A	12,8 A	8,1 A	136,5 A	17 A	16,6 A	8,3 A
4,6 A	31,3 A	11,5 A	48,1 A	48,3 A	14,5 A	12,7 A	8,2 A	39,5 A	6,3 A
5 A	5,2 A	27,8 A	23,5 A	8,3 A	4,3 A	106,5 M	11,7 A	21,4 P	13,2 A
3,7 A	53,9 A	4,2 A	24,7 A	27,4 A	4,2 A	63,6 M	28,6 A	39,6 A	8,9 A
5,5 A	19,8 A	5 A	29,5 A	19,5 A	1,9 A	51,4 A	4,7 A	1,5 A	7,3 A
24,7 A	31,5 A	6,4 A	49,6 A	44,9 A	10,6 A	64,2 A	2 A	11,5 A	11,8 M
6,5 A	20,4 A	20,8 A	31,9 A	7,1 A	17,1 A	109,1 A	2,6 A	1,7 A	19,4 P
8,2 A	53,1 A	3,5 A	48 A	36,9 A	4,9 A	52,1 P	4,5 A	2,3 A	12,6 A
11,3 A	41,4 A	4 A	44,3 A	33,4 A	6,6 A	45,9 A	2,4 A	8,2 A	3 A
11,5 A	37,5 A	25 A	33,7 A	6,2 A	2,8 A	43,5 A	7,6 A	9,5 A	3,8 A
10,6 A	24 A	3,9 A	26,1 A	22 A	14,9 A	73,3 M	2 A	14,1 A	4,7 A
3,2 A	32,3 A	2,9 A	33,8 A	28,1 A	0,8 A	21,8 A	2,3 A	19 A	3 A
1,9 A	8 A	14,4 A	32,1 A	43,8 A	18,8 A	30,5 A	33,1 A	61,2 P	23,6 M
10,9 A	3,2 A	29,8 A	36,9 P	44 A	20,5 A	31,6 A	1,4 A	2,9 A	9,4 A
0,9 A	35,7 A	3,6 A	25,7 A	25,7 A	14,8 A	15,7 A	41,7 A	24,2 A	24,3 P
1,9 A	14,1 A	14,8 A	9,4 A	5,4 A	11,1 A	75,9 P	9,1 A	12,9 A	1,4 A
2,1 A	24,5 A	9,6 A	20,7 A	3,5 A	4 A	84,6 M	12,1 A	24,7 P	8,1 A
4,6 A	7,3 A	16,7 A	41,7 A	16,2 A	2,3 A	48,6 A	13,4 A	25,4 A	12,1 A
5,4 A	34,7 A	8,9 A	70,5 A	48,7 A	7,4 A	146,6 P	8,8 A	70,8 P	18 A
6,9 A	61,2 M	11,9 A	68,3 A	14,1 A	3,4 A	50,2 A	2,7 A	30,4 P	15,3 A
3,6 A	49,8 A	20,4 A	20,7 A	8,9 A	16,2 A	96 M	1,8 A	19,3 A	7,2 A
12,6 A	3 A	19,5 A	40,3 A	57,4 A	3,2 A	39,4 A	7,8 A	8,1 A	2,3 A
2,4 A	34,6 A	4,5 A	17,5 A	13,2 A	4,5 A	19,2 A	16,1 A	6,1 A	2,5 A
7,8 A	42,7 A	18,2 A	60,5 A	14,4 A	16,8 A	70,2 A	9,8 A	41,1 A	5,8 A
9,7 A	28,3 A	32,9 A	37,9 A	77,2 P	35,6 A	94,7 P	20,8 A	14 A	11,4 A
0,3 A	0,8 A	2,8 A	2,5 A	31,3 A	19,1 A	21 A	11,7 A	0,6 A	7,1 A
3 A	23,8 A	10,3 A	3 A	1,9 A	4,4 A	72,1 P	34,8 A	18,5 A	23,2 P
19 A	21,8 A	2,1 A	28 A	6,7 A	51 A	45,4 A	7,1 A	15,8 A	9,5 A
11,1 A	28,8 A	29,2 A	24,7 A	34,3 A	3,2 A	74,8 A	3,2 A	18,7 A	18,7 A
2 A	15,3 A	3,8 A	7,6 A	21,1 A	4,2 A	41,6 A	27,9 A	27,3 A	13 A
8,3 A	21 A	32,8 A	26,5 A	54,2 A	14,6 A	48,5 A	17,8 A	14,1 P	15,1 A
4,6 A	21,5 A	4,3 A	25,7 A	2,9 A	0,4 A	41,7 A	1,4 A	11 A	10,7 A
3,9 A	17,4 A	10 A	85,1 A	127,2 P	38,9 A	92,6 P	1,9 A	18,4 A	2,9 A
19,7 A	60,9 A	37,6 A	23,1 A	26,8 A	23,1 A	126,3 P	9,6 A	126,3 P	13 A
9,9 A	9,1 A	3,8 A	25,7 A	25,2 A	5,7 A	92,8 A	12,8 A	10 A	10,3 A
1,6 A	48 A	29,3 A	29,9 A	3,8 A	24,2 A	69 A	6,1 A	1,3 A	19,1 A
1,4 A	3,5 A	4,7 A	30,8 A	21,7 A	26,2 A	27,8 A	29,2 A	3,9 A	17,3 A
13,3 A	56,7 A	44,7 A	62,5 A	51,8 A	5,7 A	28,9 A	14,5 A	5,7 A	28,8 A
13,8 A	57,4 A	2,1 A	69 A	71 A	2,3 A	78,5 M	2,3 A	5,6 A	8,3 A
1,5 A	1,8 A	42,2 M	9,5 A	5,8 A	6 A	62,6 M	0,9 A	1,8 A	26,5 A

5,8 A	53,2 A	3,5 A	62,4 A	91,5 A	23,6 A	58,9 A	8,3 A	13,2 A	2,7 A
34,8 A	32,6 A	5,4 A	74,7 A	53,5 A	6,5 A	108,4 P	5,6 A	17,2 A	27,6 P
6,8 A	8,9 A	35 A	48,1 A	48,7 A	7,6 A	89,1 A	2,9 A	8,4 A	5 A
7,4 A	23,9 A	5,4 A	37,4 A	36 A	12,4 A	58,8 P	3,7 A	38,1 P	11,9 A
1,9 A	22,3 A	14,5 A	35,9 A	19 A	20,6 A	23,3 A	8 A	22,3 A	24,6 P
2,3 A	6,3 A	22,3 A	50 A	18,1 A	17,1 A	29,4 A	54,8 P	16,9 P	21,3 P
8,9 A	27,6 A	19,4 A	27,5 P	29,6 A	8,2 A	11,3 A	1,9 A	3,6 A	1,3 A
28,1 A	18,5 A	4,2 A	27,2 A	1,6 A	3,1 A	71,7 A	1,2 A	2,3 A	5,1 A
2,2 A	27,4 A	5 A	20,4 A	11,1 A	11,1 A	37,2 A	3,7 A	7,6 A	7,5 A
3,3 A	47 A	11,7 A	35,8 A	54,2 A	72,1 A	157,8 P	4,3 A	11,4 A	13,8 A
3 A	26,1 A	30,3 A	60 A	38,6 A	4,5 A	52,4 P	7,2 A	33,8 M	17 A
13 A	6,9 A	5,1 A	28,1 A	26,8 A	6,8 A	32,9 A	15,9 A	3,2 A	12 A
8,3 A	39,7 A	8,3 A	59,8 A	51,8 A	28,4 A	52,6 A	3,5 A	4 A	29,1 P
1,1 A	5,5 A	16,7 A	2,4 A	4,3 A	3,4 A	68,9 A	7,5 A	1,5 A	1 A
5,5 A	21,1 A	16,7 A	40,8 A	11,7 A	2,1 A	55,1 A	65,4 P	41,7 A	38,3 P
3,3 A	3,7 A	2,9 A	24,7 A	3,5 A	23,6 A	42,6 A	35,5 P	59 P	15,4 A
5,7 A	23,2 A	4,3 A	21,9 P	2,1 A	2,1 A	66,5 A	39,9 A	2,9 A	3,4 A
26,3 A	24,9 A	3,3 A	32,4 A	16,7 A	13,5 A	78,7 A	15,4 A	46,2 P	6,4 A
3,4 A	16,8 A	20,3 A	26 A	34,6 A	1,6 A	89,2 A	39,9 A	120,2 P	15,3 A
1,8 A	3,8 A	17,6 A	15,4 A	4,6 A	15,9 A	33,7 A	50,8 P	43,4 P	14,2 A
20,6 A	14,8 A	0,9 A	23,6 A	2,7 A	17,9 A	29,8 A	14,2 A	56 P	9,9 A
29,7 A	95,2 A	27,3 A	122,6 A	95,3 A	151,4 A	34,9 A	14,6 A	14,3 A	89,6 P
3,3 A	13,3 A	30 A	55,2 A	48,7 A	40,5 A	24,9 A	43,3 A	21,5 A	17,1 A
4,8 A	20,7 A	19,3 A	17,4 A	9,8 A	7 A	82,4 A	6,6 A	12,2 A	3,7 A
12,9 A	8 A	12,7 A	52,3 P	80,8 A	16,2 P	32 A	25,6 A	16,6 A	12,7 A
4,7 A	106,5 A	112,7 A	138,2 A	80,2 A	26,9 A	201,5 P	29,8 A	45 A	45,7 A
9,3 A	10,6 A	29,2 A	40,9 P	19 A	19 A	25,7 A	41,3 A	24 A	2,9 A
7,3 A	4,9 A	8,1 A	13,2 A	8 A	25,9 A	90,6 A	10,5 A	1,6 A	10,1 A
2,4 A	6,1 A	13,4 A	14,5 A	11,7 A	12,5 A	39,7 A	53,9 A	20,8 A	15,7 A
90,8 A	73 A	100,4 A	24,1 A	11,6 A	80,4 A	264,1 A	19,2 A	62,3 A	88,6 P
6,2 A	34,1 A	16,2 A	21,2 A	3 A	39,8 A	92 M	9,9 A	2,7 A	4,7 A
15,3 A	6,2 A	34,3 A	19,1 A	5,2 A	45,5 A	59,2 A	58,7 A	28,3 A	24,8 P
8,8 A	4,3 A	3,4 A	38 A	13,8 A	7,7 A	103,8 A	16 A	1,1 A	17,9 A
10,4 A	10,1 A	7,6 A	37,5 A	4,6 A	54,2 A	86,7 A	25,5 A	14,1 A	6,1 A
0,8 A	16,7 A	5,4 A	11,5 A	9,2 A	3,1 A	59,1 A	17,6 A	1 A	14,3 A
14,9 A	5,6 A	10,5 A	19,7 A	2,1 A	14,3 A	42,9 P	13,2 A	1,1 A	4,4 A
4,7 A	5,2 A	19,4 A	25,1 A	10,6 A	18,2 A	48,4 A	1,6 A	4,6 A	2,1 A
4,2 A	5,8 A	1,4 A	2,9 A	3,7 A	6 A	67 M	1,6 A	2,2 A	21,4 A
3,6 A	11,8 A	29,1 A	33,1 A	8,7 A	3,5 A	34,7 A	40,1 A	24,5 A	23,1 A
4,3 A	36,6 A	40 A	38,6 A	23,5 A	7,6 A	49 A	9,3 A	15,9 A	12,3 A
2,7 A	21,5 A	23 A	25 A	89,4 A	22,3 A	46,7 A	3,2 A	19,8 M	9,1 A
1,5 A	22,7 A	3,7 A	28,5 A	46,1 A	35,4 A	14,1 A	24,9 A	9,4 A	8,4 A
1 A	30,7 A	8,1 A	71,5 A	55,8 A	12 A	150,1 P	28,4 A	22,3 A	2,9 A
21,4 A	30,4 A	33,4 A	48,4 P	56,1 A	26,8 A	29,4 A	32,1 A	4,2 A	1,7 A
1,3 A	20,3 A	49,3 M	23,5 A	68,7 A	5,6 A	9,5 A	20,2 A	14,7 A	9,9 A
4,9 A	15,7 A	7,3 A	32,2 A	3,3 A	4,9 A	118,5 A	5,4 A	18,4 A	16,2 P
10 A	9,4 A	18,8 A	56,2 P	24,9 A	36,2 A	128 M	10 A	3,6 A	4,3 A
28,1 A	9,6 A	13 A	50,8 A	47,8 A	7,5 A	85,1 A	38,7 A	13,9 A	2,7 A
41,2 A	4,9 A	11,2 A	33,4 A	21,5 A	28,4 A	30,1 A	2,3 A	5,4 A	19,4 A
31,5 A	1,4 A	23,7 A	31,6 A	4,4 A	43,2 A	69,1 A	13,6 M	2,5 A	15 A
16,8 A	36,7 A	8,2 A	13,7 A	4,4 A	43,8 A	81,8 P	11,2 A	18,5 A	7,9 A
1,5 A	4,4 A	2,8 A	13,8 A	15,4 A	58,6 P	50,1 A	7,5 A	42,8 P	16,7 P
2 A	3,1 A	3,1 A	17 A	18,1 A	40,6 P	63,9 P	24 A	11,8 A	12,5 A
3,3 A	14,1 A	15,4 A	3,4 A	4 A	43,9 A	66,3 A	41,9 A	27,6 A	11 A
10,5 A	4,3 A	4,6 A	25,5 A	4,7 A	46,1 A	121,5 A	27,3 A	3,5 A	17,9 A
6,2 A	10,6 A	64,7 A	7,3 A	34,5 A	5,5 A	51,9 A	108,2 A	25,6 A	25,4 A
2 A	1,7 A	3,2 A	25,1 A	34,7 A	30,6 A	93,8 A	23,7 A	3,4 A	25,2 A
11 A	7 A	3,1 A	33,5 A	2,7 A	39,5 A	96,3 A	25,7 A	27,6 A	2,1 A
17,7 A	1,8 A	14,5 A	18 A	15,3 A	113,1 P	76 A	32,6 A	31,3 A	15,4 A
24,4 A	11,6 A	3,6 A	37,3 A	33,6 A	23 A	62,6 A	52,4 A	3,3 A	26,2 A
7,1 A	2,2 A	17,6 A	33,3 A	25,9 A	59,4 A	59,4 A	2,7 A	24,3 A	11 A
1,4 A	13,9 A	15 A	59 A	17,2 A	5,6 A	89,3 A	8,6 A	24,3 A	7,1 A
3,3 A	39,8 A	8,2 A	73,1 A	93,5 P	23,6 A	106 A	20,1 A	2,4 A	6 A
3,7 A	17,5 A	32,9 A	38,6 A	60,3 A	2,4 A	42,8 A	9,3 A	29,9 A	11,2 A
7 A	28,1 A	7,2 A	37,8 A	36,1 A	10 A	70,3 A	19,4 A	33,6 A	1 A
0,9 A	21,4 A	11 A	28,2 A	19,6 A	12,8 A	5,5 A	16,7 A	10 A	9,7 A
2,6 A	17,5 A	3 A	21,1 A	21,3 A	12,7 A	9 A	21,1 A	21,7 A	8,6 A
9,9 A	4,4 A	1,6 A	37,1 M	11,4 A	7,4 A	33,4 A	11,1 A	10,5 A	6,9 A
2,2 A	2,7 A	4,5 A	21,4 A	14,6 A	26,1 A	47,9 A	5,6 A	1,2 A	3,4 A
1,7 A	39,4 A	24,7 A	21,3 A	26,5 A	1 A	66,4 A	10,3 A	6,8 A	13,6 A
4,8 A	4 A	5,7 A	12,3 A	5,2 A	12,4 A	5,5 A	24,4 A	2,8 A	6,4 A
2,6 A	7,1 A	2,3 A	15,6 A	16,6 A	13,3 A	36,7 A	4,8 A	4 A	15,6 A
6,5 A	13,4 A	26,2 A	16,6 A	23,1 A	4,9 A	32,3 A	0,7 A	2 A	12,4 A
1,8 A	26,5 A	19,6 A	27,6 A	26,5 A	3,7 A	53 A	19,5 A	1 A	0,6 A
10,9 A	19,9 A	2,7 A	57,7 P	78,8 A	4,3 A	62 A	18,7 A	18,5 A	19 A
5,4 A	15,9 A	5,7 A	7,4 A	13,5 A	23,4 A	96,1 A	73,1 A	18,3 A	27,6 A
7,3 A	43,1 A	19,8 A	84,9 A	53,4 A	4,2 A	36,6 A	13,8 A	8,1 A	19,5 A
3,7 A	20,8 A	5,1 A	41,4 A	47,9 A	4,5 A	169,9 P	4,7 A	29,4 A	11 A
6,7 A	56,1 A	7,5 A	38,8 A	5,2 A	6,6 A	44,4 A	3,7 A	13,9 A	13,5 A
12,9 A	15,6 A	3 A	9,1 A	11,9 A	5,6 A	56,8 A	6,3 A	5,8 A	1,3 A
6,6 A	38 A	24,1 A	57,2 A	50,6 A	3,6 A	53,9 M	4,3 A	10 A	6,9 A
7,5 A	59,9 A	9,3 A	15,7 A	9,1 A	4,8 A	104 A	6,2 A	2,4 A	15,7 A
1,9 A	24,9 A	2,3 A	51,6 A	5,3 A	19 A	42,4 A	1,7 A	14 A	4,2 A
4,7 A	64,7 A	9,7 A	116,4 A	99,3 A	22,1 A	125,6 A	3,9 A	25,2 A	22,4 A
3,2 A	19,4 A	3,2 A	56,8 A	56,2 A	3,4 A	54,8 A	1,6 A	14,7 A	12,4 A
3,1 A	2,7 A	2,7 A	15,2 P	41,3 A	21,5 A	23,9 A	3 A	15,1 A	17,9 A
6,6 A	6,5 A	15,1 A	60,8 P	14,7 A	14,7 A	30,4 A	1 A	16,1 A	17,6 M
2,9 A	4,2 A	2,9 A	25,6 A	4,7 A	3,5 A	11 A	13 A	7,3 A	12,3 A
4 A	2,5 A	3,7 A	22,3 A	13,9 A	21,5 A	27,9 A	17,4 A	3,6 A	9,2 A
1 A	24,1 A	1,6 A	30,4 A	16,3 A	20,2 A	19,8 A	21,6 A	5,7 A	14,4 A
11,5 A	4,3 A	3,4 A	41,9 P	10,6 A	19,7 A	28,2 A	29,2 P	17,9 A	11 A
2,2 A	4,1 A	14,1 A	15,5 A	26,1 A	26,1 A	41,6 A	15,9 A	9,8 A	15,1 A
1,8 A	6,9 A	15,8 A	39,4 P	39,2 A	17,2 A	25,8 A	7,1 A	23,1 A	11,3 A

3,1 A	1,7 A	14,9 A	20,2 A	20,8 A	2,6 A	28,9 A	4,4 A	15,1 A	2,8 A
0,7 A	4,8 A	27,7 A	39,2 A	5,3 A	21,8 A	42,3 A	35,2 A	16,1 P	21,4 M
0,8 A	14,3 A	2,4 A	32 P	20,2 A	1,9 A	37,1 A	1,3 A	14,5 A	14 A
4,1 A	4,1 A	3,4 A	23,6 A	43,9 A	21,1 A	57,4 A	1,1 A	17,6 A	5,3 A
3,6 A	15,5 A	22,2 A	17,1 A	54 A	11,1 A	31,9 P	10,5 A	2,2 A	1,1 A
1,1 A	2,1 A	17,6 A	31 P	41,2 A	1,4 A	16,3 A	1,6 A	3,9 A	14,7 A
7,4 A	3,6 A	13,9 A	21,2 A	2,9 A	17 A	40,7 A	5,1 A	4,5 A	2 A
1,3 A	23,3 A	14,8 A	27,9 A	41,3 A	28,9 A	50,8 A	2 A	2,2 A	5,6 A
3,2 A	6,2 A	22,5 A	44,5 A	50,5 A	20,3 A	34,5 P	28,9 A	11,7 A	19 A
2,4 A	15,7 A	5,8 A	26 A	21,8 A	4,2 A	62,1 A	7 A	4,1 A	3,9 A
1,6 A	7,3 A	26,3 A	60,9 M	10,3 A	14,2 A	34,7 A	8,4 A	2,1 A	8,4 A
3,1 A	2,6 A	5,2 A	42,1 P	46,7 A	14 A	26,9 A	20,2 P	0,8 A	2,2 A
4 A	24,2 A	23,9 A	46 P	22,7 A	19,6 A	23,9 A	23,6 A	2,3 A	10,3 A
4,8 A	4 A	3,4 A	51,4 P	28,7 A	25,9 A	38,3 A	22,2 A	2,2 A	25 A
2 A	32,2 A	21,2 A	49,1 P	60,9 A	23,8 A	13,3 A	26 M	11,4 A	26,1 P
11,5 A	4,5 A	2,9 A	47,6 P	65,6 A	24,7 A	29,5 A	27,1 A	9,2 A	2,5 A
1,2 A	10,3 A	6,6 A	35,9 P	72,4 A	31,7 P	42,5 P	5,7 A	15,1 A	16,1 A
2,6 A	20,7 A	5,4 A	9,1 A	3,7 A	7,7 A	7 A	2,8 A	3,4 A	2,4 A
12,9 A	20,6 A	2,3 A	48 P	36,9 A	3,9 A	14,7 A	21,9 A	1,7 A	16,3 A
2,7 A	2,2 A	14,8 A	37,3 A	5,2 A	11,4 A	40,2 A	19,6 A	26,2 A	9,1 A
1,4 A	1,9 A	26,8 A	60,2 A	8,8 A	14,7 A	68,2 P	8,9 A	23,1 A	10,7 A
7,6 A	33,1 A	20,2 A	37,8 P	24,5 A	24,5 A	8,8 A	15 A	11,7 A	3,2 A
5,1 A	1,8 A	38,6 A	33,3 A	27,9 A	27,5 A	41,5 A	4 A	3,6 A	5,1 A
4,2 A	13,8 A	31,4 A	23,2 A	10,4 A	1,5 A	33 A	10,2 A	5,5 A	10,5 A
0,9 A	1,9 A	3,7 A	8,4 A	39,2 A	6,3 A	39,2 A	31,7 A	6,8 A	44,4 P
3,7 A	10,6 A	2,2 A	32,8 A	20,2 A	20 A	13,3 A	20,5 A	0,6 A	11,7 A
17,1 A	9,6 A	5,5 A	33,7 P	28,6 A	26,9 A	62,1 A	12,8 A	13,5 A	2,6 A
7,2 A	31 A	13,5 A	26,4 A	3,9 A	1,8 A	9,1 A	45,4 A	12,4 A	24,1 A
5,9 A	62,7 A	15,5 A	60,2 P	27 A	6,5 A	9 A	37,4 A	4,1 A	17,9 A
1,3 A	5 A	4,5 A	80,8 P	131,5 P	12 A	34 A	3,2 A	12,8 A	15 A
0,9 A	7,6 A	27,4 A	23,7 A	8 A	2,3 A	115,6 A	4,7 A	11,9 A	8,4 A
8,7 A	9,2 A	21,8 A	51,7 A	47,1 A	16 A	112,8 A	50,6 P	21,3 A	13 A
5,5 A	3,4 A	10,2 A	44,2 P	34,7 A	6,6 A	47,9 A	15,8 A	34,5 A	5,2 A
30,9 A	26,5 A	22,4 A	4,9 A	6,5 A	26,1 A	60,2 P	9,5 A	14,8 A	3,7 A
5,6 A	8 A	17,4 A	12,6 A	34,1 A	23 A	27,7 A	24,9 A	13,8 A	4,5 A
3,6 A	17,7 A	4,3 A	29,4 A	6,8 A	12,9 A	59,9 A	14 A	3,7 A	9,6 A
3,8 A	4,3 A	2,1 A	31,4 A	53,1 A	1,7 A	117,4 P	1,5 A	22 A	29,1 P
14,1 A	8,3 A	42,1 A	21,7 A	2,7 A	1,6 A	76 A	6,8 A	10 A	4,7 A
20,2 A	2,4 A	5,5 A	3,4 A	4,5 A	23,7 A	90,2 A	17,7 A	10,4 A	10 A
5,3 A	9,9 A	12,1 A	37,5 A	6,7 A	25,9 A	27,9 A	33,3 A	1,4 A	3,4 A
5,1 A	9,3 A	11,7 A	35,1 A	4,5 A	34,1 A	10,4 A	5,2 A	6,2 A	12,3 A
6,7 A	16,4 A	14,7 A	19,1 P	44,4 A	8 A	35,5 P	3,9 A	2,2 A	3,1 A
9,8 A	14,1 A	54,6 A	8,8 A	47,9 A	14,9 A	144,7 A	6,7 A	5,8 A	3,3 A
7,9 A	60,7 P	3,3 A	65,4 A	150,6 P	19,7 A	68 A	8,8 A	32,9 A	24,8 A